

## کاربرد روش معکوس انتقال حرارت در شناسایی حفره درون مواد

سید محمد مهدی میزان عدل<sup>۱</sup>، محسن دشتی اردکانی<sup>۲</sup> و محمود خداداد<sup>۳</sup>

Mehdi\_mizanadl@yahoo.com

### چکیده

در تحقیق حاضر مساله معکوس در شناسایی حفره درون یک جسم الاستیک دو بعدی با انجام انتقال حرارت مورد بررسی قرار گرفته شده است. بدین منظور از تلفیق روش‌های المان مرزی، الگوریتم ژنتیک و گرادیان مزدوج استفاده شده است. اساس روش بر مبنای مینیمم سازی تابع هدفی است که به صورت مجموع مربuat تفاضل دماهای محاسبه شده و دماهای اندازه گیری شده از آزمایش انتقال حرارت بر روی مرز خارجی جسم تعریف می‌گردد. مینیمم سازی تابع هدف با استفاده از روش گرادیان مزدوج صورت می‌گیرد. با توجه به بد وضع بودن مساله معکوس و نیاز به حدس اولیه مناسب در روش‌های بهینه سازی محلی، در این مقاله مدلی ابتکاری بر پایه الگوریتم ژنتیک برای تعیین حدس اولیه مناسب ارائه می‌شود. با تعیین حدس اولیه مناسب، ادامه کار به روش گرادیان مزدوج واگذار شده، موقعیت و هندسه حفره بدستی مشخص می‌شود. از عدمه موارد کاربرد این تحقیق در صنایع ریخته گری است.

### کلیدواژه:

روش المان‌های مرزی - الگوریتم ژنتیک - روش گرادیان مزدوج - حفره

۱- عضو هیات علمی دانشگاه آزاد اسلامی واحد بافق

۲- کارشناس ارشد طراحی کاربردی، نیروگاه حرارتی خورشیدی یزد

۳- استادیار، دانشکده مهندسی مکانیک، دانشگاه یزد

هر کدام از این روش‌ها دارای مزایایی است، ولی هیچ یک به طور قطعی موثر واقع نشده است.

روش گرادیان مزدوج در زمرة روش‌های بهینه سازی محلی است که می‌توان برای تخمین پارامترها، هم برای مسائل خطي و هم برای مسائل غیر خطی بکار برد. روش گرادیان مزدوج همراه با استفاده از از معیار همگرایی در رده روش‌های تنظیم تکرار پذیر قرار می‌گیرد که این قابلیت در مسائل غیر خطی بدوضع امتیاز ویژه‌ای به شمار آمدده، از نوسانات شدید و واگرایی مقادیر جلوگیری می‌کند. همچنین این قابلیت، مساله را از نیاز به توابع تنظیم مستثنی می‌دارد. این روش دارای نسخه است که تفاوت آنها در نوع محاسبه جهت‌های مزدوج است<sup>[۶]</sup>. در کارهای مشابه، مقالات زیادی در زمینه روش‌های معکوس برای یافتن اندازه مناسب، شکل و محل مسیرهای خنک کاری داخلی پره‌های توربین به چاپ رسیده است. در [۷] از توابع بیضی گون برای تعریف هندسه مسیرهای خنک کاری و محاسبات حرارتی معکوس استفاده شده است. در [۸] تخمین مرز مسیرهای خنک کاری در پره توربین گاز بر مبنای نسخه فلچر-ریوز روش گرادیان مزدوج و استفاده از معادله الحاقی برای محاسبه گرادیان انجام گرفته است.

از دیگر روش‌های بهینه سازی روش‌های همگانی هستند که معمولاً تصادفی بوده و با مقدار مستقیم تابع هدف سرو کار دارند. الگوریتم ژنتیک در زمرة روش‌های همگانی و تصادفی بوده که برای تخمین پارامترهای مجھول چه برای مسائل خطي و چه برای مسائل غیر خطی به کار می‌رود. در [۹] هندسه و موقعیت حفره درون یک قاب دوبعدی بوسیله تلفیق سه روش المان مرزی، الگوریتم ژنتیک و گرادیان مزدوج، با آزمایش کشش بررسی شده است. در این تحقیق سازگاری روش‌های الگوریتم ژنتیک و گرادیان مزدوج با روش المان‌های مرزی کاملاً مشهود است. مقاله حاضر یک جسم دو بعدی با یک حفره را مورد بررسی قرار داده، ولی روش بطور کلی محدودیتی ندارد. بسط به مسایل سه بعدی و سازه‌های داخلی پیچیده تر قابل بررسی می‌باشد. همچنین روش مطرح شده می‌تواند در زمینه انجام آزمایشات غیر مخرب<sup>۱</sup> کاربردی موثر داشته باشد.

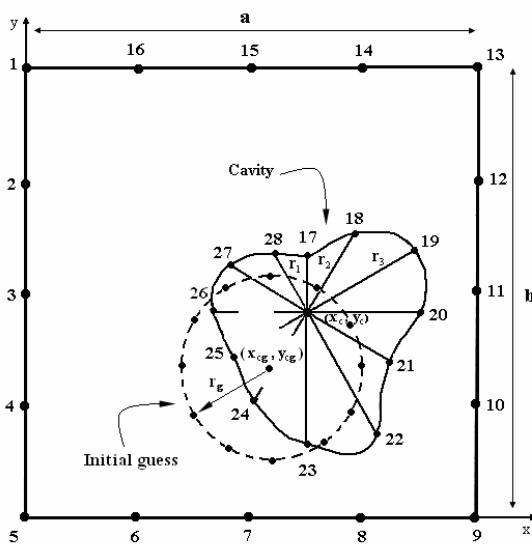
## ۲- مساله مستقیم

معادله دیفرانسیل حاکم بر مساله انتقال حرارت دائم در یک ماده همگن دوبعدی عبارت است از:

$$k \nabla^2 T = 0 \quad \text{in } \Omega \quad (1)$$

## ۱- مقدمه

در این مقاله تخمین پارامترهای مربوط به حفره درون مواد جامد با استفاده از اندازه گیری‌های سطحی مورد بررسی قرار گرفته است. تخمین این پارامترها را می‌توان به عنوان یک مساله معکوس مورد مطالعه قرار داد. در مسایل مستقیم، معادلات دیفرانسیل حاکم همراه با شرایط مرزی و اولیه و مقادیر ثابت موجود در معادلات حاکم، یا شرایط مرزی و اولیه مشخص می‌باشند و پس از حل مساله معکوس یک یا چند پارامتر که مربوط به مقادیر ثابت در شرایط مرزی یا اولیه و یا فیزیک مساله است، مجھول هستند و در عوض متغیر وابسته دما در نقاط مشخصی روی مرزهای خارجی دامنه مساله که شار حرارتی به عنوان شرط مشخص گردیده، اندازه گیری شده، با استفاده از آنها مقادیر پارامترهای مجھول تخمین زده می‌شود. از کاربردهای روش معکوس حرارتی می‌توان به تخمین شار حرارتی<sup>[۱]</sup> و تخمین هندسه<sup>[۲]</sup> اشاره نمود. در این مساله غیر خطی که متغیر وابسته دما رابطه غیر خطی با پارامترهای مجھول هندسه حفره دارد، روش تکرار برای تخمین پارامترهای موجود، نیاز است. بنابراین روش المانهای مرزی به دلیل اینکه فقط به شبکه بندهی مرزهای خارجی دامنه مساله نیاز دارد، می‌تواند بسیار موثر واقع شود. قطعاً در این مقاله که حفره موجود دارای اندازه و مکان مشخص نبوده و بعد از حدس اولیه این پارامترها با هر تکرار مکان و اندازه آن عوض می‌شود، در صورت استفاده از دیگر روش‌های عددی همچون اجزاء محدود باید در هر تکرار کل دامنه مساله دوباره شبکه بندهی شود. شبکه بندهی دوباره دامنه مساله بسیار زمانی و مشکل می‌باشد. در نتیجه می‌توان از روش المان‌های مرزی به عنوان تنها روش موثر نام برد<sup>[۳]</sup>. روش‌های بهینه سازی متعددی برای حل مسایل معکوس وجود دارد. از رایج ترین و قدیمی ترین روش‌های بهینه سازی، روش‌های محلی است که عمدتاً بر مبنای گرادیان تابع هدف کار می‌کنند. با توجه به سرعت همگرایی بالا و تخمین خوب مقادیر مجھول عیب اصلی این روش‌ها گیر افتادن در نقاط بهینه محلی و عدم حرکت این الگوریتم هاست. معمولاً حدس اولیه مناسب و نزدیک به جواب راهکار مناسبی برای حل این مشکل می‌باشد. علاوه بر این در مسایل معکوس طراحی که به منظور تخمین هندسه انجام می‌شود، بد وضع<sup>۲</sup> بوده و به شدت به خطاهای ورودی حساس می‌باشند که برای رفع این مشکل از توابع تنظیم استفاده می‌شود. روش‌های تنظیم متعددی برای حل مسایل معکوس وجود دارد که از مهم ترین آنها می‌توان روش تنظیم تیخونوف<sup>[۴]</sup> و روش تنظیم بک<sup>[۵]</sup> را نام برد. گرچه



شکل (۱): نحوه المان بندی و مدل کردن حفره درون جسم

[x]: ماتریس ستونی شامل N پارامتر مجهول که باید در مساله معکوس تخمین زده شوند.

$$[x] = [x_c, y_c, r_1, \dots, r_n] \quad (5)$$

مختصه اول مختصات x مرکز هندسه حفره، مختصه دوم مختصات y مرکز هندسه حفره و بقیه متغیرها تعداد n شاعع تخمینی تا مرز حفره تحت زاویه  $\theta = \frac{2\pi i}{n}$  است. به این ترتیب می‌توان مساله معکوس را تخمین مقادیر [x] با داشتن دمای  $Y_m$  تعیین کرد. برای این منظور تابع هدفی به صورت مجموع مربعات تفاضل دماهای مطلوب اندازه گیری شده و دماهای محاسبه شده با استفاده از حل مساله مستقیم تعریف می‌شود:

$$f(\hat{x}) = \sum_{m=1}^M [T_m - Y_m]^2 \quad (6)$$

M تعداد نقاط اندازه گیری است. از علامت «۸» برای مقادیر محاسبه شده از الگوریتم معکوس استفاده می‌شود.

#### ۴- الگوریتم ژنتیک

الگوریتم های ژنتیکی [۱۱] روش های عملی حل مسایل تحقیقی تصادفی بر مبنای اصول انتخاب و ژنتیک طبیعی هستند که برای فضاهای بزرگ، غیر خطی، گستته و کمتر شناخته شده طراحی می‌شوند و جایی که اطلاعات کافی در اختیار نباشد یا مدل سازی مشکل باشد و همچنین در جاهایی که روش های بهینه سازی سنتی جوابگو نیستند، بکار می‌روند. عیب اصلی روش الگوریتم ژنتیک عدم قطعیت آن در رسیدن به جواب صحیح و زمان بر بودن

که  $\nabla^2 = \frac{\partial^2}{\partial x^2} + \frac{\partial^2}{\partial y^2}$  عملگر لابلاس است. شرایط مرزی برای معادلات بالا بدین صورت است که همواره بر روی قسمتی از مرز شارها و بر روی قسمت دیگر دماها معلوم می‌باشد.

$$\begin{aligned} T &= T_0(s) && \text{on } \Gamma_q \\ q &= k \frac{\partial T}{\partial n} = q_0(s) && \text{on } \Gamma_T \end{aligned} \quad (2)$$

$\Gamma_q$  قسمتی از مرز که دما و  $\Gamma_T$  قسمتی از مرز که شار حرارتی روی آن مشخص است. جداسازی و حل معادلات فوق با روش المان های مرزی خطی انجام می‌گیرد. با انتگرال گیری از (۱) بدون وجود ترم حرارتی بر روی ناحیه  $\Omega$  و روابط انتگرال گیری حول نقاط تکین می‌توان نوشت:

$$\omega^i T^i - \int_{\Gamma} T \frac{\rho_1 n_1 + \rho_2 n_2}{r} ds = \frac{1}{k} \int_{\Gamma} q_n \ln\left(\frac{1}{r}\right) ds \quad (3)$$

هنگامی که حفره‌ای در درون جسم وجود داشته باشد، شارها بر روی مرز حفره صفر در نظر گرفته می‌شود. در فرم ماتریسی، با اعمال شرایط در مرز خارجی و داخلی و آوردن مجهولات در یک طرف تساوی می‌توان رابطه (۳) را به صورت زیر نوشت:

$$[A][X] = [B] \quad (4)$$

ماتریس مجهولات {X} شامل مقادیر مجهول دماها و شارها بر روی مرز خارجی و کلیه دماها بر روی مرز داخلی است. حل دستگاه معادلات فوق با روش تجزیه مقادیر منفرد<sup>۳</sup> (SVD) انجام می‌گیرد. چگونگی بدست آمدن این معادلات به طور کامل در [۱۰] آمده است.

#### ۳- مساله معکوس

در مساله معکوس هندسه و موقعیت حفره مجهول بوده و در عوض سایر شرایط مرزی در مرازهای خارجی معلوم است. برای آنکه پیوستگی هندسه حفره حفظ شود، مطابق شکل (۱) حفره با یک مرکز و شاععهایی با زوایای مساوی از مرکز تخمین زده می‌شوند. یافتن مختصات المان های مرزی مجهول بر مبنای دماهایی صورت می‌گیرد که بر اساس شرایط مساله مستقیم تعیین می‌شود. بنابراین در مساله معکوس مورد بحث ماتریس های زیر تعریف می‌شود:

[Y<sub>m</sub>]: ماتریس ستونی شامل M دمای اندازه گیری شده روی مرز خارجی

[T<sub>m</sub>]: ماتریس ستونی شامل M دما در همان نقاط مرز خارجی که به وسیله روش المان مرزی محاسبه شده اند.

نظر به صورت قاب مستطیلی با ابعاد  $a$  و  $b$  در نظر گرفته شود، بزرگی شعاع را بایستی به صورت زیر تعیین کرد:

$$\begin{cases} 0 < x_{cg} + r_g \sin \theta_i < a \\ 0 < y_{cg} + r_g \cos \theta_i < b \end{cases} \quad (8)$$

بنابراین در تعیین جمعیت اولیه اگر شعاع تخمین زده شده این شرایط را داشته باشد، به عنوان یک شعاع مناسب برگزیده می‌شود. در غیر این صورت مقدار تصادفی دیگری انتخاب شده مراحل تکرار می‌شود. بدین ترتیب کروموزومی با صلاحیت یک جواب موجه بدست می‌آید.

#### ۲-۴ عملگر تقاطع

عملگر تقاطع یکی از مهم ترین ابزارهای الگوریتم ژنتیک برای تولید جواب‌های جدید می‌باشد. این عملگر از ترکیب یا اعمال تغییراتی بر روی دو والد، دو فرزند جدید پدید می‌آورد. در این مساله اگر فرزندان تولید شده شرایط مربوط به هندسه حفره را در بازه خواسته شده نداشته باشند، به عنوان یک جواب نامربوط تلقی شده از دور محاسبات خارج می‌شوند. بنابراین برای پرهیز از این کار عملگر تقاطع بصورت زیر انتخاب شده است:

$$\text{Child} = \text{parent1} + \mathbf{R} \times (\text{parent2} - \text{parent1})$$

$$\text{for } numGen = 3 \Rightarrow \begin{cases} 0 < x_{cg} + r_g \sin \theta_i < a \\ 0 < y_{cg} + r_g \cos \theta_i < b \end{cases} \quad (9)$$

مقصود از این عملگر این است که برای تولید فرزند، از دو کروموزم والد با حدس یک بردار تصادفی ( $R$ ) ژن ها به طور تک تک تولید می‌شوند. برای تولید دو ژن اول محدودیتی در ایجاد این اعداد تصادفی در بازه  $[0, 1]$  وجود ندارد. اما برای ژن سوم یعنی تخمین شعاع، این عدد تصادفی به گونه‌ای انتخاب می‌شود که شرایط را ارضاء کند، یعنی شعاع مورد نظر در گستره خواسته شده باشد، در غیر این صورت عدد تصادفی دیگری انتخاب و مراحل تکرار می‌شود. نرخ تقاطعی ( $p_C$ ) مقدار ثابت  $1/8$  را بر می‌گزیند.

#### ۳-۴ عملگر جهش

عملگر جهش یک فرآیند تصادفی برای تولید ساختار جدید ژنتیک است. این عملگر به عنوان یکی از موثرترین عملگرهای در پیدا کردن نقطه بهینه مطلق و فرار از نقاط بهینه محلی بایستی درست سازماندهی شود. با انتخاب یک عملگر جهش خوب می‌توان روند محاسبات را بهبود بخشید. با توجه به شرایط مساله عملگر جهش به صورت عملگر جهش یکنواخت در نظر گرفته شده است. با این تفاوت که برای ژن سوم بایستی شرایط زیر ارضا شود:

آنست [۱۲]. اما این روش می‌تواند به عنوان تعیین بهترین موقعیت حضور جواب مناسب بکار رود.

در این تحقیق با توجه به بد وضع بودن مساله معکوس روشی فرالبتکاری بر پایه الگوریتم ژنتیک در تعیین حدس اولیه ارائه می‌شود. روش کار بدین صورت است که با توجه بهتابع هدف و دمایهای اندازه گیری شده، حفره به شکل دایره در نظر گرفته می‌شود. چون می‌توان دایره را حداقل با سه پارامتر به صورت مختصات مرکز و شعاع تعریف کرد بطوریکه تمام المان‌های داخلی را در بر بگیرد. بنابراین کار الگوریتم ژنتیک پیدا کردن حفره دایره‌ای شکلی است که بتواند تابع هدف (۶) را حداقل کند. اما نکته جالب اینکه نتایج تجربی نشان داد که با اضافه کردن  $50\%$  به شعاع دایره تخمین زده با ژنتیک، این حفره دایره‌ای شکل جدید، می‌تواند به عنوان بهترین حدس اولیه در شروع روش گرادیان مزدوج بکار می‌رود. بنابراین ماتریس  $[x_G]^T$  تخمین زده شده توسط الگوریتم ژنتیک به صورت زیر تعریف می‌شود:

$$[x_G] = [x_{cg}, y_{cg}, r_g]^T \quad (7)$$

مطابق شکل (۱) مختصه اول مختصات  $x$  مرکز هندسه حفره دایره‌ای شکل، مختصه دوم مختصات  $y$  مرکز هندسه حفره دایره ای شکل و  $r_g$  شعاع حفره دایره‌ای شکل می‌باشد. گره‌های داخلی بر روی مرز دایره تحت زوایای مساوی  $\theta$  از مرکز تخمین زده می‌شوند. در این تحقیق بنا به ماهیت مساله تعیین شکل جواب‌ها (کروموزم‌ها) برای الگوریتم ژنتیک به صورت بردار (۷) اما نرمال شده در نظر گرفته می‌شود. با توجه به نحوه انتخاب هندسه حفره نمی‌توان کروموزم‌های مربوطه و فرزندان حاصل از آنها را بطور کاملاً تصادفی تولید کرد. چرا که در این صورت هیچ تضمینی وجود ندارد که جواب‌ها موجه باشند. منظور از جواب موجه این است که هندسه مربوطه شرایط یک حفره داخلی را داشته باشد و مرزهای جسم را قطع نکند. این کار علاوه بر زمان زیاد، همگرایی نتایج را نیز مختل می‌کند. بنابراین عملگرهایی که نقش تولید را به عهده دارند، متناسب با شرایط مساله شبیه سازی می‌شوند.

#### ۴- جمعیت اولیه

در تعیین جمعیت اولیه با استفاده از رابطه (۷) کروموزم‌های شامل مختصات  $x$  و  $y$  مرکز حفره به همراه شعاع مورد نیاز جهت تخمین شکل حفره در نظر گرفته می‌شود. دو ژن اول محدودیتی در انتخاب ندارند و با نرمال سازی به طور تصادفی عددی بین صفر و یک اختیار می‌کنند. اما شعاع تخمینی بنا به موقعیت مرکز، بزرگی‌های متفاوتی را شامل می‌شود. این بزرگی در امتداد شعاع مربوطه از مرکز تا مرز جسم است. مانند شکل (۱) هرگاه جسم مورد

با بسط دادن جایه جایی  $T_m(\hat{x}^n + \beta^n p^n)$  با استفاده از چند جمله ای درجه اول تیلور:

$$f(\hat{x}^{n+1}) = \sum_{m=1}^M \left[ T_m(\hat{x}^n) - \beta^n \Delta T_m(p^n) - Y_m \right]^2 \quad (15)$$

که  $(\hat{x}^n)$ ها از حل مساله مستقیم براساس متغیرهای تخمینی بدست می آیند. براساس این رابطه می توان  $(\hat{x}^{n+1})$  را بر حسب  $\beta^n$  مینیمم کرد. با این کار مقدار زیر برای گام بهینه بدست می آید.

$$\beta^n = \frac{\sum_{m=1}^M (T_m - Y_m) \Delta T_m}{\sum_{m=1}^M (\Delta T_m)^2} \quad (16)$$

های مورد نیاز برای محاسبه طول گام را می توان به ازای  $\Delta T_m$  از حل مستقیم برنامه بدست آورد.

### ۲-۵-شرط توقف

در این مساله با دانایی نسبت به مشخصات حفره شرط توقف برای هر مرحله به صورت زیر تعریف می شود. با اجرای مخالفة از الگوریتم ژنتیک، به علت تعداد کم پارامترها، جمعیت اولیه نسبتاً زیاد و هندسه دایره‌ای شکل، شرط توقف تعداد نسل ۱۰۰ انتخاب شده است. یعنی اینکه برنامه برای داده های بی خطأ و خطدار بعد از ۱۰۰ نسل تقریباً به کمترین مقدار خود دست می یابد و متوقف می شود. اما در روش گرادیان مزدوج با توجه به بزرگی دماهای اندازه گیری شده، می توان معیار همگرایی را یکی از شروط زیر قرار

داد:

$$(17)$$

$$1 \quad |f(\hat{x}^{n+1})| \leq \varepsilon_1 \\ 2 \quad |g(\hat{x}^{n+1})| \leq \varepsilon_2$$

$\varepsilon_1$  و  $\varepsilon_2$  به ترتیب  $10^{-10}$  و  $10^{-7}$  هستند. در صورت برقراری شرط اول تابع به مقدار حقیقی خود همگرا شده است و در صورت برقراری شرط دوم نشانه گیر افتادن تابع در بهینه محلی و صفر شدن تقریبی گرادیان تابع می باشد، که در هر دو صورت با تکرار الگوریتم امید بهبود چشمگیری در محاسبات نیست. جزئیات کامل در مورد نحوه انتخاب، مراحل عملکرد و چگونگی تطبیق عملگرهای ژنتیکی و گرادیان مزدوج با معادلات المان مرزی به تفصیل در [۱۳] آمده است.

$$\text{if } \text{rand} < p_m \text{ then } \text{mutationChildren} = \text{rand} \\ \text{for } \text{numGen} = 3 \Rightarrow \begin{cases} 0 < x_{cg} + r_g \sin \theta_i < a \\ 0 < y_{cg} + r_g \cos \theta_i < b \end{cases} \quad (10)$$

شرایط مطرح شده در معادله (۱۰) به این منظور است که هرگاه احتمال انتخاب ژن والدی از نرخ جهش کمتر شد، آن ژن به عنوان یک ژن جهش یافته پذیرفته می شود و عددی تصادفی به آن تعلق می گیرد. حال اگر این ژن انتخابی جزو شاع تخمینی باشد، این عدد تصادفی بایستی شرایط شاع مناسب را دارد. نرخ جهش ( $p_m$ ) مقدار ثابت ۰/۰۱ را دارد.

### ۵-روش گرادیان مزدوج

اساس کار در روش معکوس حرارتی مینیمم کردن تابع هدف تعریف شده (۶) می باشد. حدس اولیه به صورت حفره‌ای دایره‌ای شکل توسط الگوریتم ژنتیک بدست می آید. در این مرحله هر شاع به عنوان پارامتری مستقل عمل می کند. برای مینیمم کردن تابع هدف به محاسبه مسیر جستجوی ( $\hat{x}^n$ ) و طول گام  $\beta^n$  نیاز است تا با استفاده از رابطه تکرار پذیر زیر بتوان مقادیر مینیمم کننده تابع هدف را یافت:

$$\hat{x}^{n+1} = \hat{x}^n + \beta^n p^n(\hat{x}) \quad (11)$$

که در آن:

$$p^n(\hat{x}) = -g^n(\hat{x}) + \gamma^n p^{n-1}(\hat{x}) \quad (12)$$

بر طبق نسخه پولاک-ربییر ضرب مزدوج  $\gamma^n$ ، از رابطه زیر بدست می آید:

$$\gamma^n = \frac{(g^{n+1} - g^n) g^{n+1}}{(g^n)^T g^n} \quad (13)$$

که  $\gamma^0 = 0$  و همچنین در شروع مجدد، یعنی در مواردی که الگوریتم در  $N$  مرحله پایان نمی پذیرد، مقدار صفر را به خود می گیرد. برای محاسبه گرادیان تابع از روش تفاضلات متناهی استفاده شده است.

### ۱-۵-طول گام بهینه

در محاسبه طول گام بهینه با استفاده از (۱۱) می توان تابع هدف را در تکرار  $n+1$  م بصورت زیر نوشت:

$$f(\hat{x}^{n+1}) = \sum_{m=1}^M \left[ T_m(\hat{x}^n + \beta^n p^n) - Y_m \right]^2 \quad (14)$$

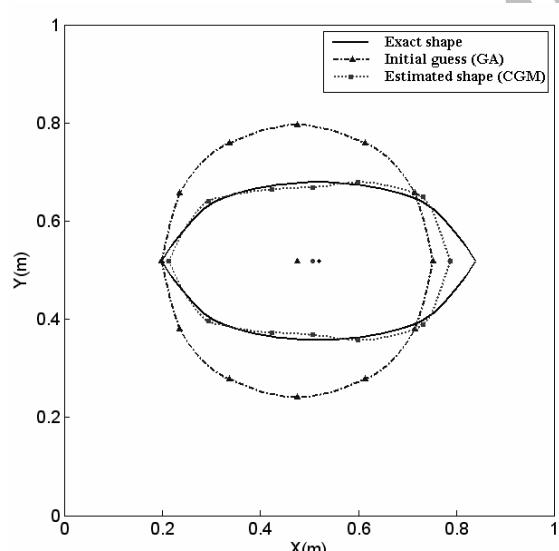
همراه عملگرهای ژنتیکی شبیه سازی شده با عملگر انتخاب چرخ گردان و تابع مقیاس رتبه استفاده می شود. این شرایط در کل بررسی های انجام شده ثابت است. در بررسی روند همگرایی با مشخصات واقعی ضریب خطایی به صورت زیر تعریف می شود:

$$err = \frac{\sum_{n=1}^N \left| \frac{x_{act}^n - x_{est}^n}{x_{act}^n} \right|}{N} \times 100 \quad (18)$$

در این ضریب خطای،  $x_{act}$  نمایانگر مقدار واقعی پارامترهای مجھول و  $x_{est}$  مشخصه مقدار تخمین زده شده نهایی در الگوریتم معکوس است.  $N$  تعداد پارامترهای مجھول در مساله معکوس است.

#### ۶-۲-شناختی حفره بیضی شکل

در اولین مرحله تخمین موقعیت و هندسه حفره بیضی شکل مورد بررسی قرار می گیرد. حفره بیضی شکل به معادله  $9x^2 + 36y^2 = 1$  و موقعیتی به مرکز  $(0/5, 0/5)$  در نظر گرفته شده است. در این مساله ۱۴ پارامتر تخمین زده می شود. با استفاده از رابطه (۱۸) و ۱۰ اجرای مختلف، میانگین درستی محاسبات تا ۹۴٪ قابل قبول است. نمونه ای از روند همگرایی در شکل (۳) مشاهده می شود.



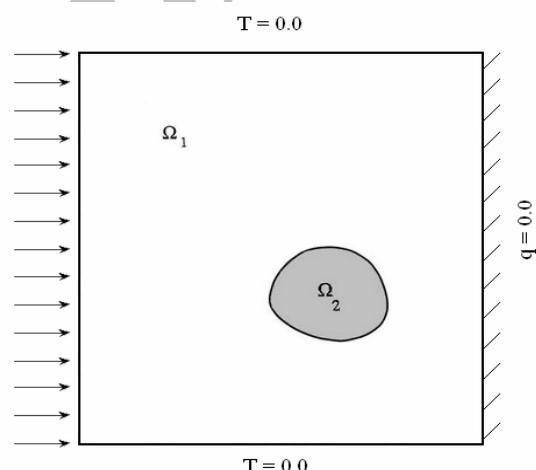
شکل (۳): تخمین هندسه و موقعیت حفره بیضی شکل در مرکز

#### ۶-۳-تأثیر اندازه حفره در روند همگرایی

در بررسی این موضوع مساله معکوس به ازای ابعاد مختلف حفره بیضی شکل و شرایط اعمالی مورد تحلیل قرار گرفته است. معادله بیضی های مربوطه به صورت  $Ax^2 + By^2 = 1$  و مرکز  $(0/5, 0/5)$  به

#### ۶-بررسی نتایج

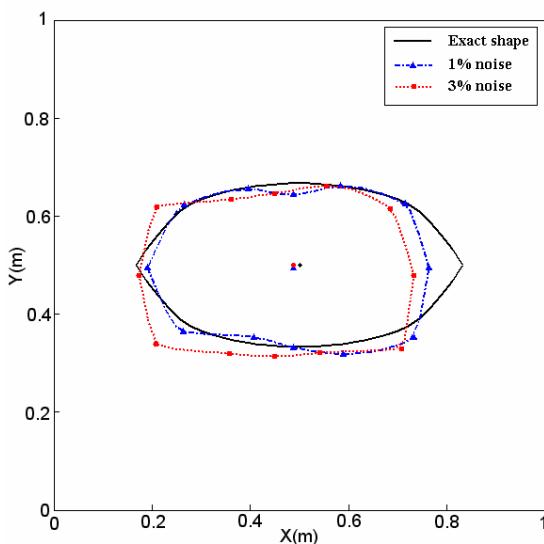
برنامه رایانه‌ای به منظور شبیه سازی عددی تخمین مشخصات حفره درون جسم بر اساس دماهای اندازه گیری شده بر روی مرز خارجی جسم، بدون داشتن هیچ گونه اطلاعاتی از مشخصات حفره درون آن تهیه شده است. اساس این برنامه مینیمیم کردن تابع هدف تعریف شده با الگوریتم معکوس است. نتایج در دو قسمت ارائه می گردد. در قسمت اول بهترین حدس اولیه متناسب با دماهای اطراف به صورت دایره توسط الگوریتم ژنتیک بدست می آید. در قسمت دوم، روش گرادیان مزدوج با شروع از حدس اولیه مناسب به تخمین موقعیت و هندسه حفره می پردازد.



شکل (۲): مشخصات و شرایط مرزی

#### ۶-۱-تحلیل مدل

بررسی اعتبار برنامه عددی به این ترتیب انجام می گیرد که در ابتدا با استفاده از مقدار دقیق هندسه، موقعیت حفره و شرایط مرزی، مساله مستقیم حل شده و مقدار دماها در نقاط اطراف مرز خارجی محاسبه می شود. این مقدار به عنوان دماهای مطلوب همراه با شرایط مرزی اعمالی ورودی های برنامه معکوس خواهد بود. دماهای مطلوب تنها از روی وجود کناری برداشته می شود. بررسی های انجام شده بر روی جسم دو بعدی مربع شکل فولولادی ( $K_s = 73W/m.^{\circ}C$ ) به ابعاد  $1 \times 1 m^2$  و شرایط مرزی مطابق شکل (۲) صورت می گیرد، یعنی شار حرارتی بر وجهین کناری به مقدار  $30^{\circ}C$  و بر وجود بالا و پایین دمای ثابت  $0^{\circ}C$  اعمال می شود. حفره به شکل یک منحنی هموار در نظر گرفته می شود. مطابق شکل (۱) جسم به ۱۶ و حفره به ۱۲ المان خطی تقسیم می شود. در الگوریتم ژنتیک از تعداد جمعیت اولیه ۵۰، تعداد نسل ۱۰۰ به



شکل (۴): روند همگرایی حفره بیضی شکل با داده های خطدار

## ۷- نتیجه گیری

حل مساله معکوس حرارتی با استفاده از روش المان های مرزی خطی بر پایه روش الگوریتم ژنتیک ابتکاری ارائه شده با روش گرادیان مزدوج به خوبی می تواند برای شناسایی حفره درون جسم الاستیک دو بعدی مورد استفاده قرار گیرد. از مجموع بحث های بیان شده می توان به مزایای زیر اشاره کرد:

- تعیین حدس اولیه دقیق برای مقادیر مجھول
- تخمین دقیق موقعیت و هندسه حفره با سرعت همگرایی بالا و زمان کم محاسبات
- تاثیرناپذیری و واگرایی الگوریتم در خطاهای غیر قابل اجتناب
- عدم نیاز به محاسبات پیچیده و توابع تنظیم

## ۸- مراجع

- [1] C. H Huang, S. P. Wang, , "A Three-dimensional inverse heat conduction problem in estimating surface heat flux by conjugate gradient method", International Journal of Heat and Mass Transfer, Vol. 42, pp. 3387-3403, 1999.
- [2] A. Ellabib, A. Nachaoui, "On the numerical solution of a free boundary identification problem", Inverse Problems, Vol. 9(3), pp. 235-260, 2001.
- [3] D. Lesnic, L. Elliott, and B. Ingham, , "Application of boundary element method to inverse heat conduction problems", International Journal of Heat and Mass Transfer, Vol. 39, No. 7, pp. 1503-1517, 1996.
- [4] H. W. Engl, J. Zou, "A new approach to convergence rate analysis of Tikhonov regularization for parameter

است. ملاحظه می شود که با استفاده از این الگوریتم همگرایی حفره های مختلف در داخل جسم، به صورت قابل قبولی انجام می گیرد. اما نکته قابل توجه این که برای حفره های خیلی بزرگ و خیلی کوچک همگرایی به شکل واقعی کاهش می یابد. علت این پدیده حساسیت دمای های سطحی نسبت به حفره و جستجوی فضای غیر موثر با الگوریتم ژنتیک است که باعث همگرایی دیررس الگوریتم معکوس می شود. نتایج حاصله در جدول (۱) آمده است. مقادیر خطأ، میانگین ۱۰ اجرای مختلف می باشد.

جدول (۱): تاثیر اندازه حفره در روند همگرایی

میانگین خطأ (err)	مساحت حفره	B	A	وارد
% ۹/۰۱	% ۲۳/۴	۲۵	۶	۱
% ۵/۳۴	% ۱۷/۴۶	۳۶	۹	۲
% ۴/۳۶	% ۱۱/۲۲	۴۹	۱۶	۳
% ۵/۷۴	% ۷/۸۶	۶۴	۲۵	۴
% ۷/۷۶	% ۴/۸۴	۸۱	۳۶	۵

## ۴-۴- اثر خطأ بر همگرایی

برای اعمال خطاهای غیر قابل اجتناب مقداری خطأ به مقادیر اندازه گیری شده اضافه می شود:

$$[Y_m]_{err} = [Y_m]_{real} (1 \pm \mu) \quad (19)$$

$\mu$  درصد خطای اعمالی با توزیع نرمال را نشان می دهد. بررسی های انجام شده با خطاهای ۱٪، ۲٪ و ۳٪ صورت گرفته است. خوشبختانه چون الگوریتم ژنتیک جستجوی مستقیم است و با مقدار خود تابع رابطه دارد اعمال خطاهای ناجیز تاثیر چندانی در روند همگرایی به وجود نمی آورد و حدس های دایره ای شکل اولیه در داده های خطدار تفاوت چندانی با داده های بدون خط ندارند. اما اعمال خطأ به شدت بر روش گرادیان مزدوج تاثیر گذار است. مطابق شکل (۴) ملاحظه می شود که با افزایش خطأ همگرایی پارامترها به مقادیر واقعی اشان کاهش می یابد. این پدیده امری طبیعی محسوب می شود، زیرا خطاهای غیر قابل اجتناب مدلی غیر واقعی از مساله ارائه می دهد که مسلماً موجب بروز خطأ در نتایج بدست آمده خواهد شد بطوریکه با اعمال خطای ۳٪ هندسه حفره به شکلی غیر واقعی همگرا شده است.

- [10] M. Khodadad-Saryazdi, "Characterization of the Interior of an Inhomogeneous Body Using Surface Measurements", Ph.D. Thesis, Michigan State University, East Lancing, Michigan, USA, 1990.
- [11] R. L. Haupt, S. E. Haupt, "Practical Genetic Algorithms", Second Edition, John Wiley and Sons, Inc, 2004.
- [12] G. Rudolph, "Convergence Analysis of Canonical Genetic Algorithms", IEEE Transaction on Neural Network Vol. 5, No. 1, pp. 96-101, 1994.
- [۱۳] م. دشتی اردکانی، "حل مساله معکوس در شناسایی ناهمگنی درون مواد با استفاده از تلفیق روش المان مرزی با الگوریتم ژنتیک"، پایان نامه کارشناسی ارشد، دانشکده مهندسی مکانیک، دانشگاه یزد، ۱۳۸۵.
- [5] W. Ring, "A First-order sequential predictor-corrector regularization method for ill-posed Volterra equations", SIAM J. Number. Anal., Vol. 38(6), pp.2079-2102, 2001.
- [6] D. G. Luenberger, "Linear and Nonlinear Programming", Second Edition, Addison Wesley, 1989.
- [7] G. S. Dulikravich, T. J. Martin, "Inverse design of super elliptic cooling passages in coated turbine blade airfoil", Journal of Thermophysics and Heat Transfer, Vol. 8, pp. 288-294, 1992.
- [8] C. H. Huang, T. Y. Suing, "An inverse design problem of estimating optimal shape of cooling passages in turbine blades", International Journal of Heat and Mass Transfer, Vol. 42, pp. 4307-4319, 1999.
- [9] M. Dashti-Ardakan, "Nondestructive test for cavity identification inside materials", 2nd Tehran International Congress on Manufacturing Engineering, TICME2007, Iran University of Science and Technology, Tehran, Iran, December 10-13, 2007.