

بررسی تنوع فلوریستیک-اکولوژیک و الگوی الکتروفورزی پرتوئین‌های ذخیره‌ای بذر *Artemisia spicigera* L. در شمال غرب ایران با استفاده از روش D.S.S.

مرتضی عطّری^۱، عبدالکریم چهرگانی‌راد^{*}* و سمیه یوسفی^۲

^۱ گروه زیست‌شناسی، دانشکده علوم، دانشگاه بوعلی سینا، همدان، ایران

^۲ گروه محیط‌زیست، دانشکده علوم، دانشگاه آزاد اسلامی واحد همدان، همدان، ایران

چکیده

جنس *A. L.* (Asteraceae) با حدود ۲۰۰ گونه، یکی از بزرگ‌ترین و گسترده‌ترین جنس‌های قبیله *Anthemideae* است. برای بررسی وجود تنوع درون‌گونه‌ای *Artemisia spicigera* در شمال غرب ایران از روش تعیین زیستگاه ویژه (D.S.S.) استفاده شد. با استفاده از این روش برای گونه *A. spicigera* ۸ زیستگاه ویژه تعیین و داده‌های فلوریستیک-اکولوژیک مورد نظر از هر زیستگاه ویژه جمع‌آوری گردید. در بررسی زیستگاه‌های ویژه مناطق مورد مطالعه، ۷۵ گونه گیاهی برای *A. spicigera* به عنوان گونه‌های همباش (associated species) شناسایی شد. تحلیل داده‌های فلوریستیک (به عنوان نشانگر فلوریستیک) زیستگاه‌های ویژه، به تشخیص ۶ گروه منجر شد. این گروه‌بندی وجود تنوع درون‌گونه‌ای را در این گیاه تعیین و مشخص نمود. تحلیل داده‌های اکولوژیک نیز گروه‌بندی‌های فوق را تأیید نمود. برای نشان دادن وجود تنوع، از بررسی پرتوئین‌های ذخیره‌ای بذر به روش الکتروفورز استفاده شد که نتایج آن با گروه‌بندی‌های فلوریستیک و اکولوژیک همخوانی داشت. وجود تفاوت در تعداد و شدت باندهای پرتوئینی در جمعیت‌های مورد بررسی گونه *A. spicigera* نشان‌دهنده وجود تنوع درون‌گونه‌ای در این گونه است. بنابراین، در این گونه، گروه‌بندی با استفاده از نشانگر فلوریستیک توسط نشانگرهای اکولوژیک (بوم‌شناختی) و الگوی الکتروفورزی پرتوئین‌های ذخیره‌ای بذر نیز تأیید گردید. به این معنا که گروه‌بندی فلوریستیک در مواردی به تنها یکی می‌تواند به عنوان روشی کم‌هزینه و کارآمد برای بررسی تنوع درون‌گونه‌ای به کار رود.

واژه‌های کلیدی: اکولوژی (بوم‌شناختی)، الکتروفورز، تنوع درون‌گونه‌ای، داده‌های فلوریستیک،
تعیین زیستگاه ویژه (D.S.S.)، *Artemisia spicigera*

مقدمه

گیاه‌شناسی، استفاده از ترکیب فلوریستیک یک محیط به عنوان معرفه‌ای اکولوژیک، به ارایه نتایج با ثبات و پایداری در مورد تنوع درون‌گونه‌ای و جایگاه تاکسونومیک نمونه‌های مورد مطالعه منتهی می‌گردد (Fanelli *et al.*, 2006). بنابراین، در بررسی‌های مبتنی بر داده‌های فلوریستیک، باید همه گونه‌های گیاهی جوامع شناسایی شوند (مصطفاقی، ۱۳۸۰). بر همین اساس، روش Determination of Special D.S.S. (Determination of Special D.S.S.) (عطری، ۱۳۸۶؛ عسگری و همکاران، ۱۳۸۹) در بررسی‌های اکولوژیک پیشنهاد شده است که هر دو معیار فلوریستیک و اکولوژیک را در مرحله جمع‌آوری داده‌ها مد نظر قرار می‌دهد.

تنوع در الگوی باندهای الکتروفورزی پروتئین‌های ذخیره‌ای بذر در مطالعات سیستماتیک و تکاملی گونه‌های گیاهی مفید بوده است (Ladizinsky and Mohammad .Hymowitz, 1979)، از این پروتئین‌ها به عنوان منبعی معتبر برای نشان دادن خویشاوندی‌های سیستماتیک در سطح گونه، در جنس *Artemisia* و همکاران Watson است. *Artemisia* نشان دادند که الکتروفوروز پروتئین‌های ذخیره‌ای بذر در کنار مطالعات سیتوژنتیک شواهد کافی و خوبی برای خاستگاه آلوپلوبیتدی برخی از افراد تیره Asteraceae فراهم می‌نماید. Olivieri (۱۹۸۵) در مطالعات خود در گونه‌های تیره Asteraceae کارآیی روش الکتروفورز را در تشخیص تنوع درون‌گونه‌ای و شناسایی نمونه‌های هیبرید بین گونه‌های مختلف نشان داد.

در این پژوهش، به منظور تأیید صحت و دقت نتایج حاصل از تحلیل داده‌های فلوریستیک-اکولوژیک و

Asteraceae (درمنه) از خانواده *Artemisia* جنس است و حدود ۲۰۰ تا ۵۰۰ گونه یا زیر‌گونه (McArthur, 1979; Mabberley, 1990; Bremer and Humphries, 1993; Ling, 1995) را شامل می‌شود (Torrell *et al.*, 1999a). بیشتر گونه‌های این جنس چندساله‌اند و فقط ۱۰ گونه یک یا دوساله را شامل می‌شود. گسترش این جنس در نیمکره شمالی است و در نیمکره جنوبی کمیاب است (Ling, 1991a, 1991b; Torrell and Valles, 2001). بسیاری از گونه‌های این جنس ارزش اقتصادی (دارویی، خوراکی و زیستی) دارند (Torrell *et al.*, 1999b; Wright, 2002) و برخی دیگر مانند *A. vulgaris* (A. sieberi) علف هرز شناخته می‌شوند (ساعده‌ی و همکاران، ۱۳۸۴).

A. spicigera کروموزومی و مورفو‌لولژی کروموزوم‌ها نشان می‌دهد (Chehregani *et al.*, 2010). آنالیز شیمیایی انسانس تهیه شده از آن نشان می‌دهد که جمیعت‌های مختلف آن تنوع شیمیایی بالایی را دارند و علاوه بر این، انسانس تهیه شده از آنها غنی از ۱ و ۸ سینئول و ترپین است، به علت داشتن این ترکیبات، اثرات بازدارندگی در رشد باکتری‌ها، مخمرها و قارچ‌ها را دارد (Kordali *et al.*, 2006; Lopes-Lutz *et al.*, 2008)

وجود اقلیم‌های متنوع در کشور پهناور ایران از یک طرف و انتشار گونه‌های مختلف جنس درمنه در زیستگاه‌های متفاوت کشور از طرف دیگر سبب شده است تا ایران به عنوان یکی از مراکز تنوع درمنه به شمار آید (منظفریان ۱۳۶۸). در مطالعات اکولوژیک و

Castro و Cain (۱۹۵۹)، زیستگاه ویژه فرد یا افراد گونه مورد بررسی تعیین شد. لازم به ذکر است در روش D.S.S، زیستگاه ویژه عبارت است از سطحی از پوشش گیاهی که با محور قرار دادن حضور فرد گونه مورد بررسی و با استفاده از روش سطح حدائق تعیین می‌شود و از نظر فلوریستیک-اکولوژیک یکنواخت است. در این بررسی پس از تعیین محل‌های پراکنش گونه *A. spicigera* در شمال غرب کشور، به زیستگاه‌های عمومی آن در استان‌های آذربایجان غربی و آذربایجان شرقی مراجعه، ۸ زیستگاه ویژه برای این گونه تعیین گردید (جدول ۱).

جمع‌آوری داده‌های فلوریستیک-اکولوژیک از زیستگاه‌های ویژه

در این مرحله همه گونه‌های همباش با فرد گونه مورد بررسی، هر یک از زیستگاه‌های ویژه جمع‌آوری و کدگذاری شد. در این راستا، علاوه بر ذکر گونه مورد بررسی و گونه‌های همبash در فرم مخصوص، اطلاعاتی پیرامون گونه‌های جمع‌آوری شده (از جمله نوع پوشش، درجه پوشش، سطح حدائق، شکل رویشی، ضریب فراوانی-چیرگی، جامعه‌پذیری و شکل زیستی) به همراه داده‌های اکولوژیک مورد نظر (از جمله ارتفاع، درصد شیب، جهت شیب، نوع بستر و موقعیت جغرافیایی) به همراه نمونه‌ای از خاک زیستگاه ویژه جمع‌آوری شد.

شناسایی نمونه‌های گیاهی و آنالیز خاک

در این مرحله، همه گونه‌های گیاهی همبash با گونه مورد بررسی، با استفاده از منابع و فلورهای موجود (قهرمان، ۱۳۵۷؛ ۱۳۸۲؛ اسدی و همکاران، ۱۳۶۷-۱۳۸۰؛ Rechinger، ۱۹۶۳-۱۹۹۹) شناسایی شد و نمونه‌های خاک به منظور تعیین و تشخیص برخی از

تعیین نوع و سطح تنوع درون گونه‌ای، از بررسی پروتئین‌های ذخیره‌ای بذر به روش الکتروفورز استفاده و نتایج این بررسی با گروه‌بندی‌های مبتنی بر نشانگر فلوریستیک مقایسه شد.

مواد و روش‌ها

برای بررسی وجود تنوع درون گونه‌ای در *A. spicigera*، جمع‌آوری داده‌های فلوریستیک-اکولوژیک با روش D.S.S (عطری، ۱۳۸۶) انجام شد. در این روش، جمع‌آوری داده‌ها بر اساس مراحل زیر انجام می‌گیرد:

انتخاب گونه چند زیستگاهه (Ubiquiste)
در این مرحله باید گونه‌ای را انتخاب نمود که افراد آن در زیستگاه‌های مختلف و تحت شرایط اکولوژیک متفاوت حضور دارد. در این پژوهش گونه *A. spicigera* انتخاب شد.

تعیین محل‌های پراکنش (Localities) گونه مورد بررسی

در این مرحله، با مراجعه به فلورهای منابع و متخصصان محل‌های پراکنش گونه مورد بررسی در منطقه مورد مطالعه تعیین شد (جدول ۱).

تعیین زیستگاه‌های عمومی گونه مورد بررسی
در این مرحله با مراجعه به هر یک از محل‌های پراکنش تعیین شده، زیستگاه یا زیستگاه‌های عمومی گونه مورد بررسی مشخص شد (عسگری و همکاران، ۱۳۸۹).

تعیین زیستگاه ویژه

در هر یک از زیستگاه‌های عمومی، با محور قراردادن حضور فرد گونه مورد بررسی و با استفاده از روش سطح حدائق مبتنی بر روش سطح-گونه یا روش

Components Analysis) و ضریب فاصله اقلیدسی تحلیل شد.

گروه‌بندی زیستگاه‌های ویژه بر اساس نشانگر فلوریستیک

بررسی و مقایسه نتایج حاصل از تحلیل داده‌ها به روش FCA روی محورهای مختصات چندگانه، به تعیین گروه‌های حاصل از تحلیل، بر اساس نشانگر فلوریستیک، منجر شد. وجود گروه‌بندی حاصل از این تحلیل، میین وجود تنوع درون‌گونه‌ای در گونه مورد بررسی خواهد بود.

تعیین گونه یا گونه‌های تشخیصی (Distinguished) در این مرحله، با تهیه جدول مربوط به زیستگاه‌های ویژه مورد بررسی و گونه‌های حاضر در هر یک از آنها می‌توان گونه‌هایی که تنها در یک زیستگاه یا یک گروه از زیستگاه‌های معین حضور دارند را به عنوان گونه‌های تشخیصی هر یک از آنها معرفی نمود.

خصوصیات فیزیکی و شیمیایی آن، از نظر نوع بافت، هدایت الکتریکی، کربن آلی و اسیدیته به آزمایشگاه خاک‌شناسی مرجع خاک‌پی واقع در شهرستان ملایر ارسال گردید.

کدگذاری و تحلیل داده‌های فلوریستیک-اکولوژیک

در این مرحله، گونه مورد بررسی و گونه‌های همباش کدگذاری، تحلیل داده‌ها بر اساس ترکیب گونه‌ای (به عنوان نشانگر فلوریستیک) هر یک از زیستگاه‌های ویژه با استفاده از نرم‌افزارهای فلوریستیک FCA (Anaphyto نسخه ۹۵ به روش FCA) و HAC (Factorial Correspondence Analysis) (Hierachic Ascendant Classification) انجام شد. در این بررسی، تحلیل داده‌های فلوریستیک با نرم‌افزار Anaphyto نسخه ۹۵ به روش HAC (Multi Variety Statistical MVSP Package) (Principal PCA نسخه ۳/۱ به روش PCA) همچنین، عوامل اکولوژیک مورد بررسی زیستگاه‌های ویژه با نرم‌افزار MVSP (Principal PCA Package) (Multi Variety Statistical MVSP Package) (Principal PCA نسخه ۳/۱ به روش PCA) انجام شد.

جدول ۱- مشخصات محل‌های جمع‌آوری *A. spicigera*

مختصات جغرافیایی	کد زیستگاه	تاریخ جمع‌آوری	محل جمع‌آوری	شماره هرباریومی
N: ۳۷° ۴۱' ۱۵" E: ۴۵° ۵۲' ۲۹"	۲۰	۱۳۸۷/۵/۲۶	آذربایجان شرقی: مرند به صوفیان، پایین تر از کارخانه سیمان	۱۷۸۱۹
N: ۳۸° ۱۸' ۴۷" E: ۴۵° ۵۷' ۱۵"	۲۱	۱۳۸۷/۵/۲۶	آذربایجان شرقی: صوفیان به مرند، ۳۰۰ متری سه راهی روستای قره‌آقاج	۱۷۸۲۰
N: ۳۸° ۰۷' ۵۶.۷" E: ۴۶° ۳۰' ۱.۶"	۲۲	۱۳۸۷/۵/۲۸	آذربایجان شرقی: ونیار، رویروی رودخانه	۱۷۸۲۱
N: ۳۸° ۱۰' ۲۲.۸" E: ۴۶° ۲۸' ۵۲.۹"	۲۳	۱۳۸۷/۵/۲۸	آذربایجان شرقی: سولچه به نهند، ۸ کیلومتری نهند، رویروی رودخانه	۱۷۸۲۲
N: ۳۸° ۰۹' ۲۴.۹" E: ۴۶° ۳۹' ۱۰.۲"	۲۴	۱۳۸۷/۵/۲۸	آذربایجان شرقی: منطقه آبخیزداری شهر خواجه، ناحیه تحقیقاتی خواجه	۱۷۸۲۳
N: ۳۸° ۰۱' ۰۱" E: ۴۵° ۰۶' ۴۵"	۲۵	۱۳۸۷/۵/۳۱	آذربایجان غربی: جاده ارومیه به سلماس، رویروی دریاچه	۱۷۸۲۴
N: ۳۸° ۱۶' ۴۴.۳" E: ۴۵° ۰۰' ۲۹"	۲۶	۱۳۸۷/۵/۳۱	آذربایجان غربی: ارومیه، زیر پل راه آهن	۱۷۸۲۵
N: ۳۸° ۰۱' ۷.۴" E: ۴۵° ۰۱' ۲۹"	۲۷	۱۳۸۷/۵/۳۱	آذربایجان غربی: سلماس، بین روستای قره آشلاق و روستای خان‌تختی	۱۷۸۲۶

۱: به یک با بافر نمونه مخلوط شد. مخلوط حاصل در حمام آب گرم (۹۵ درجه سانتیگراد) به مدت ۳ دقیقه حرارت داده شد. ژل اکریل آمید ۱۲ درصد تهیه و مقدار ۱۰ میکرولیتر از هر نمونه در چاهک‌ها و در یکی از چاهک‌ها نشانگر پروتئینی تزریق شد. برای انجام الکتروفورز از دستگاه الکتروفورز شرکت Bio-Rad (USA) استفاده شد. الکتروفورز با ولتاژ ثابت ۱۰۰ ولت انجام گرفت. پس از اتمام الکتروفورز، ژل با مخلوط استیک اسید و اتانول تثبیت گردید. پس از تثبیت پروتئین‌ها، ژل با آب مقطر شسته، رنگ آمیزی با کوماسی بریلیانت بلو R₂₅₀ انجام گرفت.

پس از الکتروفورز، موقعیت هر نوار (باند) روی ژل به شکل کدهای یک و صفر که نشان‌دهنده وجود و عدم وجود باند مربوط است، مشخص گردید. کدهای به دست آمده با نرم‌افزار NTSYS (Numerical Taxonomy System) روش Complete Linkage و ضریب RT و همچنین PCA نرم‌افزار MVSP نسخه ۳/۱ به روش Principal Coordinates Analysis (PCA) و ضریب فاصله اقلیدسی تحلیل شد.

نتایج

نتایج بررسی‌های فلوریستیک

در مجموع، از ۸ زیستگاه ویژه بررسی شده برای *A. spicigera* در مناطق مورد بررسی، تعداد ۷۵ گونه گیاهی به عنوان گونه‌های همباش شناسایی گردید. فهرست ترکیب گونه‌های همبash *A. spicigera* در هر یک از این زیستگاه‌های در زیر آمده است (زیستگاه‌ها با کد معرفی شده‌اند، جدول ۱).

تعیین نوع و سطح تنوع درون‌گونه‌ای

پس از تعیین و اثبات وجود تنوع درون‌گونه‌ای با استفاده از نشانگرهای فلوریستیک، به تعیین و تشخیص سطح و نوع تنوع درون‌گونه‌ای پرداخته شد. در این بررسی برای تعیین سطح و نوع تنوع درون‌گونه‌ای گونه *A. spicigera* از الکتروفورز پروتئین‌های ذخیره‌ای بذر استفاده شد. سپس الگوی نیم‌رخ پروتئین‌های استخراج شده از جمعیت‌های مختلف *A. spicigera* با یکدیگر مقایسه شد. تنوع درون‌گونه‌ای جمعیت‌های گیاه *A. spicigera* از طریق الکتروفورز پروتئین‌های ذخیره‌ای بذر آنها روی ژل پلی اکریلامید در حضور سدیم دودسیل سولفات (SDS-PAGE) بررسی شد. برای استخراج پروتئین از بذرهای گیاهان جمعیت‌های مورد مطالعه، یک گرم از بذر گیاهان فوق خرد گردید تا پودر یکنواختی به دست آید. پودر بذر به دست آمده از هر گروه تیماری به شکل جداگانه با نسبت ۱:۶ با بافر فسفات سدیم، با اسیدیته ۷، مخلوط شد. به منظور جلوگیری از فعالیت آنزیم فل اکسیداز و اثرات سوء آن در سنجش پروتئین و در نتیجه پایدار کردن پروتئین‌ها از حدود ۰/۰۱ گرم پلی وینیل پیرولیدن (PVP) استفاده شد. سپس، مخلوط حاصل به مدت ۲۴ ساعت در یخچال قرار داده شد تا انحلال و آزادسازی پروتئین‌ها صورت گیرد. مخلوط‌های یاد شده در سانتریفیوژ یخچال دار به مدت ۲۵ دقیقه با ۱۳۰۰۰ دور در دقیقه و در دمای ۴ درجه سانتیگراد سانتریفیوژ شدند. با پایان یافتن عمل سانتریفیوژ، محلول شفاف رویی جدا، در ویال‌های کوچک استریل در دمای -۲۰ درجه سانتیگراد نگهداری شد تا در الکتروفورز استفاده شود. عصاره پروتئینی استخراج شده به نسبت مساوی

crupinastrum, *Echium italicum*, *Puccinella distans*, *Cynodon dactylon*, *Artemisia fragrans*.

فهرست گونه‌های همباش در زیستگاه ویژه شماره ۲۶:
Stipa barbata, *Noaea mucronata*, *Atriplex leucoclada*, *Euphorbia macroclada*, *Salsola gemmascens*, *Reaumuria fruticosa*, *Cynodon dactylon*, *Kochia prostrata*, *Aellenia glauca*, *Petrosimonia* sp., *Halimocnemis azerbaijansis*.

فهرست گونه‌های همباش در زیستگاه ویژه شماره ۲۷:
Noaea mucronata, *Centaurea virgata*, *Rhamnus pallasii*, *Camphorosma monspeliacum*, *Ceratocarpus orientalis*, *Teucrium polium*, *Malva neglecta*, *Achillea tenuifolia*, *Scutellaria pinnatifida*, *Euphorbia marschalliana*, *Kochia prostrata*, *Thymus pubescens*, *Salsola tomentosa*, *Verbascum speciosum*.

برای تعیین وجود تنوع درون گونه‌ای *A. spicigera* در زیستگاه‌های مورد بررسی، ترکیب گونه‌ای (به عنوان نشانگر فلوریستیک) زیستگاه‌های ویژه با استفاده از نرم‌افزار Anaphyto به دو روش FCA و HAC تحلیل شد. بررسی و مقایسه نتایج به دست آمده روی محورهای مختصات چند گانه حاصل از FCA و نتایج حاصل از HAC، به گروه‌بندی زیستگاه‌های ویژه گونه مورد بررسی بر اساس ترکیب گونه‌ای (به عنوان نشانگر فلوریستیک) منجر شد. بر اساس نتایج به دست آمده، زیستگاه‌های ویژه گونه *A. spicigera* در ۶ گروه قرار گرفتند (شکل ۱) که عبارتند از: گروه A شامل زیستگاه ویژه ۲۰، گروه B شامل زیستگاه ویژه ۲۳، گروه C شامل زیستگاه‌های ویژه ۲۱ و ۲۲، گروه D شامل زیستگاه ویژه ۲۴، گروه E شامل زیستگاه‌های ویژه ۲۵ و گروه F شامل زیستگاه ویژه ۲۶.

نتایج بررسی‌های اکولوژیک

با توجه به اینکه تنوع شرایط اکولوژیک در یک منطقه به ایجاد زیستگاه‌های متفاوت در آن منطقه منجر می‌شود، به بررسی عوامل اکولوژیک حاکم بر هر

فهرست گونه‌های همباش در زیستگاه ویژه شماره ۲۰:

Tragopogon sp., *Atriplex leucoclada*, *Convolvulus arvensis*, *Cichorium intybus*, *Bromus tectorum*, *Puccinella distans*, *Agropyrum repens*, *Medicago sativa*, *Limonium meyeri*, *Salsola dendroides*, *Eremopyrum* sp., *Trigonella* sp.

فهرست گونه‌های همباش در زیستگاه ویژه شماره ۲۱:

Lactuca orientalis, *Centaurea virgata*, *Cichorium intybus*, *Agropyrum repens*, *Atriplex verruciferum*, *Alhaji camelorum*, *Noaea mucronata*, *Reaumuria alternifolia*, *Achillea wilhelmsii*, *Stachys fruticulosa*, *Atraphaxis spinosa*, *Galium* sp., *Puccinella distans*, *Polygonum aviculare*, *Atriplex leucoclada*, *Stipa barbata*, *Carthamus lanatus*, *Carthamus oxyacantha*.

فهرست گونه‌های همباش در زیستگاه ویژه شماره ۲۲:

Alhaji camelorum, *Aeluropus littoralis*, *Puccinella distans*, *Atriplex leucoclada*, *Juncus inflexus*, *Centaurea virgata*, *Agropyrum repens*, *Cichorium intybus*, *Cynodon dactylon*, *Poa bulbosa*, *Kochia prostrata*.

فهرست گونه‌های همباش در زیستگاه ویژه شماره ۲۳:

Puccinella distans, *Carthamus lanatus*, *Frankenia hirsuta*, *Astragalus chrysostachys*, *Stachys inflata*, *Salicornia europaea*, *Stachys fruticulosa*, *Centaurea virgata*, *Limonium carnosum*.

فهرست گونه‌های همباش در زیستگاه ویژه شماره ۲۴:

Centaurea virgata, *Artemisia fragrans*, *Salsola glauca*, *Helichrysum armenium*, *Johrenia paucijuga*, *Asparagus verticillatus*, *Noaea mucronata*, *Tanacetum chiliophyllum*, *Salsola dendroides*, *Raphanus raphanistrum*, *Teucrium polium*, *Achillea wilhelmsii*.

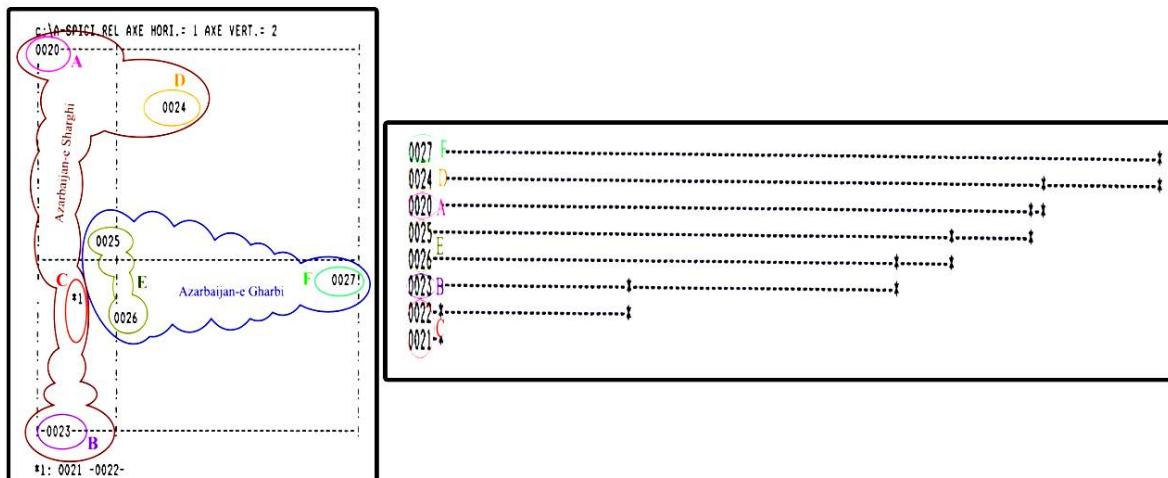
فهرست گونه‌های همباش در زیستگاه ویژه شماره ۲۵:

Centaurea virgata, *Achillea wilhelmsii*, *Euphorbia macroclada*, *Acanthophyllum microcephalum*, *Chondrilla juncea*, *Xeranthemum longipapposum*, *Bromus tectorum*, *Noaea mucronata*, *Carthamus oxyacantha*, *Chidinia orientalis*, *Taeniatherum crinitum*, *Atraphaxis spinosa*, *Acantholepis orientalis*, *Acanthus* sp., *Crupina*

زیستگاه ویژه ۲۰، گروه B شامل زیستگاه ویژه ۲۳، گروه C شامل زیستگاه‌های ویژه ۲۱ و ۲۲، گروه D شامل زیستگاه ویژه ۲۴، گروه E شامل زیستگاه‌های ویژه ۲۵ و ۲۶ و گروه F شامل زیستگاه ویژه ۲۷. همچنین بر اساس این گروه‌بندی، تفکیک کامل زیستگاه‌های ویژه مورد بررسی این گونه در دو استان آذربایجان شرقی و آذربایجان غربی کاملاً مشهود است.

زیستگاه ویژه پرداخته شد. جدول ۲ نشان‌دهنده عوامل اکولوژیک زیستگاه‌های ویژه مورد بررسی است. برخی از خصوصیات فیزیکی و شیمیایی خاک زیستگاه‌های ویژه این گونه نیز در جدول ۳ ارائه شده است.

تحلیل داده‌های اکولوژیک زیستگاه‌های ویژه گیاه *A. spicigera* با نرم‌افزار MVSP به روش PCA (شکل ۲)، زیستگاه‌های ویژه این گیاه را در ۶ گروه قرار داد که عبارتند از: گروه A شامل



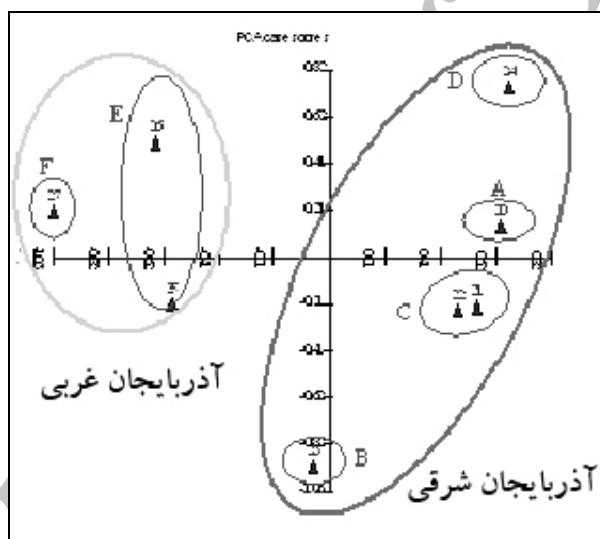
شکل ۱- نتایج حاصل از تحلیل ۸ زیستگاه ویژه *A. spicigera* بر اساس ترکیب رُستنی‌ها به روشن FCA (چپ) و HAC (راست) و گروه‌بندی زیستگاه‌های ویژه. اعداد بیانگر کد‌های نمونه‌ها (محل‌های جمع‌آوری) است.

جدول ۲- عوامل اکولوژیک مورد بررسی در زیستگاه‌های ویژه *A. spicigera*

ردیف	کد زیستگاه ویژه	ارتفاع (m)	درصد شیب	جهت شیب	نوع بستر	جهت شیب	درصد شیب	نوع بستر
۱	۲۰	۱۳۷۰	۰	مسطح	خاک رس	جنوبی	۲۰	خاک رس
۲	۲۱	۱۴۷۶	۲۰	جنوبی	خاک رس	شوره‌زار	۰	مسطح
۳	۲۲	۱۴۵۳	۰	مسطح	رسی	رسی	۰	مسطح
۴	۲۳	۱۶۲۰	۰	مسطح	خاک تا حدی رسی	خاکی	۰	مسطح
۵	۲۴	۱۵۲۴	۰	مسطح	خاک و سنگ	شمالی	۶۰	شمالی
۶	۲۵	۱۷۷۴	۰	مسطح	خاک و سنگ	غربی	۱۵	غربی
۷	۲۶	۱۷۵۹	۰	مسطح	خاک رس			
۸	۲۷	۱۸۲۴	۰	مسطح	خاک رس			

جدول ۳- داده‌های خاک‌شناسی مورد بررسی در زیستگاه‌های ویژه *A. spicigera*

ردیف	کد زیستگاه ویژه	نام	هدایت الکتریکی (EC)	اسیدیت pH	درصد کربن آلی (OC%)	درصد کرین آلی (OC%)	بافت خاک			ردیف
							بافت	بافت خاک (Clay%)	درصد رس (Sand%)	
۱	۲۰	لومی-شنبی	۰/۹	۷/۹۷	۶	۲۶	۶۸	۲۶	۴۰	۰/۹
۲	۲۱	لومی-رسی	۳/۰۸	۸/۹۸	۳۸	۲۲	۴۰	۴۰	۵۲	۰/۴۵
۳	۲۲	شنبی-لومی	۱/۰۱	۷/۸۳	۸	۵۲	۴۰	۴۰	۶	۰/۴۵
۴	۲۳	شنبی	۰/۳۳	۷/۴۱	۲	۹۲	۶	۰/۰۱	۹۲	۰/۰۱
۵	۲۴	شنبی-لومی	۲/۳	۸/۸۷	۲	۴۸	۵۰	۰/۷۱	۴۸	۰/۷۱
۶	۲۵	شنبی-لومی	۰/۱۶	۷/۵	۸	۷۲	۲۰	۰/۳۵	۷۲	۰/۳۵
۷	۲۶	شنبی-لومی	۰/۱۳	۷/۷۱	۲	۸۴	۱۴	۰/۰۷	۸۴	۰/۰۷
۸	۲۷	شنبی-لومی	۰/۲۹	۷/۱۴	۲	۶۶	۳۲	۱/۶۶	۶۶	۰/۲۹

شکل ۲- گروه‌بندی زیستگاه‌های ویژه *A. spicigera* بر اساس عوامل اکولوژیک با نرم‌افزار MVSP به روش PCA

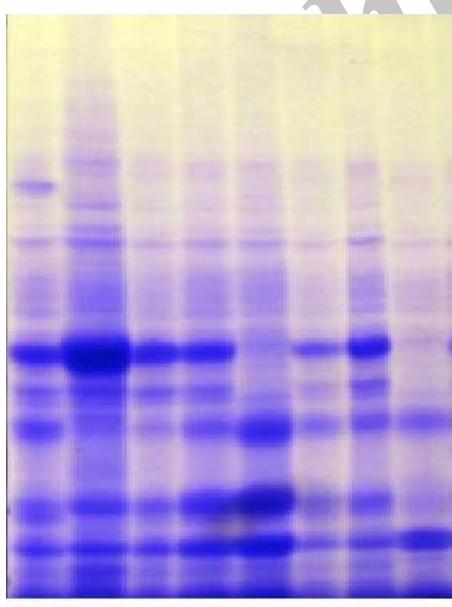
یک باند با کد ۱ و فدان آن با کد صفر کدگذاری شده، سپس آنالیز گردید. دندروگرام حاصل از آنالیز خوش‌های داده‌های الکتروفورزی گیاه *A. spicigera* در مناطق مورد بررسی با نرم‌افزار NTSYS به روش Complete (شکل ۴) نشان داد که جمعیت‌های (زیستگاه‌های ویژه) این گیاه بر اساس نتایج داده‌های الکتروفورزی دارای تنوع ژنتیکی بوده، در ۵ گروه قرار

نتایج بررسی‌های الکتروفورزی پروتئین‌های ذخیره‌ای بذر

با توجه به اینکه بررسی‌های فلوریستیک و اکولوژیک وجود تنوع درون‌گونه‌ای را در گیاه *A. spicigera* مشخص نمود، به منظور تعیین سطح و نوع تنوع درون‌گونه‌ای، از بررسی پروتئین‌های ذخیره‌ای بذر با روش الکتروفورز استفاده شد. وجود

تشخیص نوع و سطح تنوع آشکار می‌شود. در واقع این امر از دو مرحله جمع‌آوری داده‌ها و نیز تحلیل آنها با استفاده از نشانگر فلوریستیک (ترکیب رستنی‌های زیستگاه‌های ویژه) منتج می‌شود.

تجزیه و تحلیل داده‌های فلوریستیکی با استفاده از نرم‌افزار Anaphyto به دو روش FCA و HAC برای *A. spicigera* در مناطق مورد بررسی، ۶ گروه اصلی (شامل گروه‌های A، B، C، D، E و F) بر اساس نشانگر فلوریستیک را نشان داد. همچنین، زیستگاه‌های ویژه مورد بررسی این گونه گیاهی در دو استان آذربایجان شرقی (شامل گروه‌های A، B، C و D) و آذربایجان غربی (شامل گروه‌های E و F) از هم جدا شدند. پس از بررسی این گروه‌های اصلی مشخص شد که هر یک از گروه‌ها دارای شرایط اکولوژیک خاص خود هستند و ترکیب فلوریستیکی هر یک از این گروه‌ها به علت تفاوت در شرایط اکولوژیک زیستگاه‌های ویژه مربوط به آنها، متفاوت است.

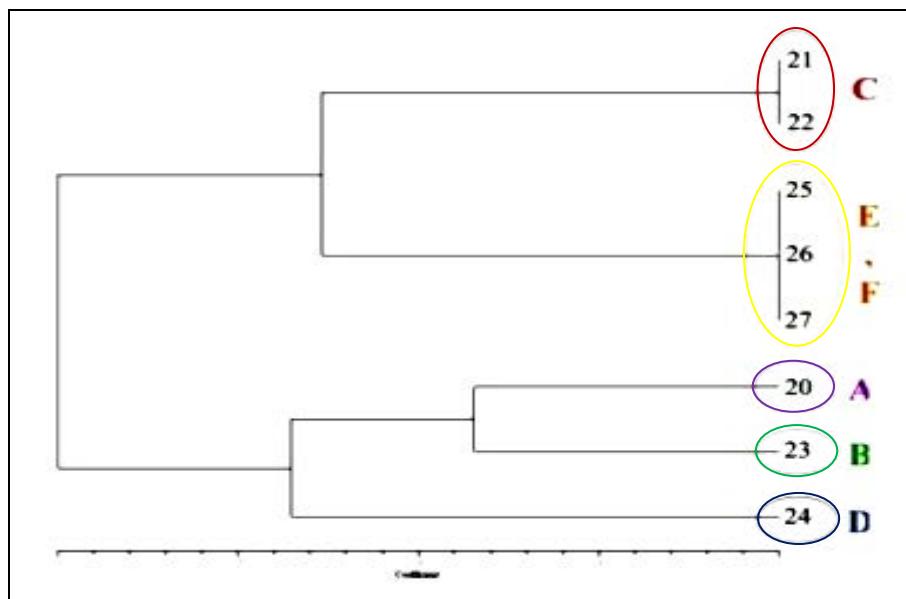


شکل ۳- الگوی الکتروفورزی پروتئین‌های بذر در جمعیت‌های مورد بررسی *A. spicigera*

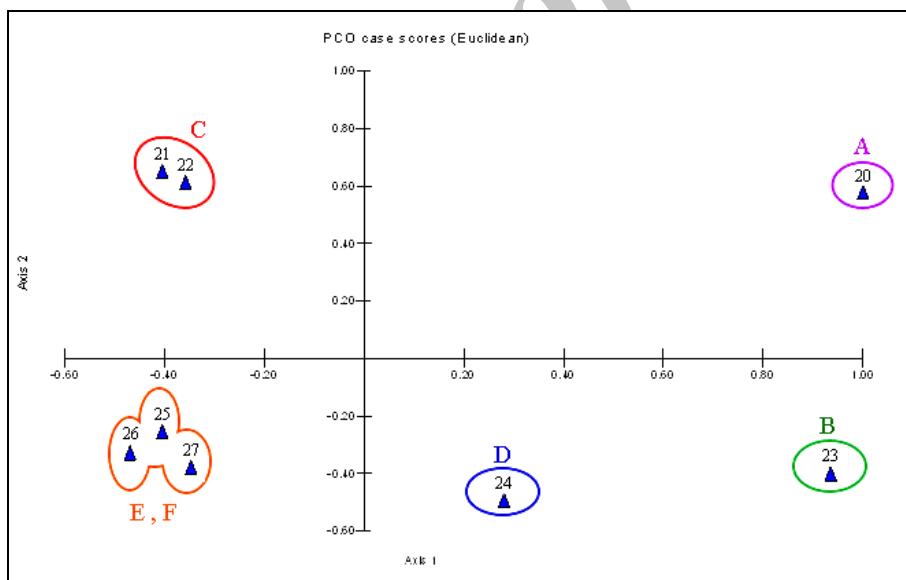
می‌گیرند که عبارتند از: گروه A شامل زیستگاه ویژه ۲۰، گروه B شامل زیستگاه ویژه ۲۳، گروه C شامل زیستگاه‌های ویژه ۲۱ و ۲۲، گروه D شامل زیستگاه ۲۶، گروه E و F شامل زیستگاه‌های ویژه ۲۵، ۲۷. همچنین، از نتایج حاصل از تحلیل داده‌های الکتروفورزی این گیاه با نرم‌افزار MVSP به روش PCA (شکل ۵)، نیز همان ۵ گروه به دست آمده از تحلیل NTSYS به روش Complete را نشان داده، آن را تأیید کرد.

بحث

در این بررسی برای تعیین تنوع درون گونه‌ای در *A. spicigera* از روش D.S.S. مبتنی بر نشانگر فلوریستیک استفاده شد. سپس تحلیل داده‌های اکولوژیک و بررسی و مقایسه آنها با گروه‌بندی‌های حاصل از تحلیل بر اساس نشانگر فلوریستیک صورت گرفت. در نهایت تحلیل و بررسی الگوی الکتروفورزی پروتئین‌های ذخیره بذر، وجود تنوع در سطح باندهای گروهی هر یک از گروه‌های تعیین شده را مشخص نمود. هر ۳ نشانگر مورد استفاده وجود تنوع در جمعیت‌های مورد مطالعه را نشان دادند. به بیان دقیق‌تر، گروه‌های جمعیتی معرفی شده با نشانگر فلوریستیکی توسط نشانگرهای اکولوژیک و الگوی باندهای پروتئین‌های ذخیره‌ای بذر نیز تأیید گردید. این تأیید به معنای آن است که گروه‌بندی فلوریستیک در مواردی به تنها یک می‌تواند به عنوان روشی کم‌هزینه و کارآمد برای بررسی وجود تنوع جمعیت‌ها (تنوع درون گونه‌ای) به کار رود. بنابراین، درستی و میزان دقیقت روش D.S.S. برای تعیین وجود تنوع و نیز



شکل ۴- دندروگرام حاصل از تجزیه خوشای داده‌های الکتروفورزی جمعیت‌های گیاه *A. spicigera* در مناطق بررسی شده با نرم‌افزار NTSYS به روش Complete



شکل ۵- نتایج تحلیل داده‌های الکتروفورز زیستگاه‌های ویژه گیاه *A. spicigera* در مناطق بررسی شده با نرم‌افزار MVSP به روش PCA

(۱۳۷۸)، گروه‌بندی قطعات نمونه (زیستگاه‌های ویژه) بر اساس عوامل اکولوژیک با نرم‌افزار MVSP به روش PCA نیز صورت گرفت و با گروه‌بندی زیستگاه‌های ویژه بر اساس ترکیب رستنی‌ها به روش FCA مقایسه شد. طبق نتایج به دست آمده،

با توجه به اینکه روش D.S.S. بر این منطق استوار است که ترکیب گونه‌ای در یک سطح معین، بهترین و بارزترین نشانگر برای ترکیب عوامل اکولوژیک آن سطح است و به طور مسلم، گیاهان بارزترین شاخص برای همه عواملی هستند که تحمل می‌کنند (گینوشه،

گیاه در آذربایجان شرقی جدا گردید. پژوهش‌های متعددی در دسترس است که نشان داده‌اند مطالعه نیم‌رخ باندهای پروتئین‌های ذخیره بذر ابزار مناسبی برای شناسایی تنوع و اختلافات بین تاکسون‌های گیاهی به شمار می‌رود.

بررسی جمعیت‌های ۳ گونه از جنس *Solanum* گونه از جنس *S. Solanum* و *S. americanum* و *S. villosum* توسط Crawford (۱۹۹۰) نشان داد که جمعیت‌های هر گونه با وجود شباهت زیاد ریخت‌شناسی، از نظر باندهای پروتئینی تفاوت داشته، ضریب تشابه پایینی را نشان می‌دهند. چنین نتیجه گیری شد که الگوی باندهای پروتئینی در جدایی جمعیت‌های یک گونه می‌تواند ارزش داشته باشد. همچنین، بررسی تنوعات درون‌گونه‌ای از نظر پروتئین‌های ذخیره‌ای بذر در گونه *Chenopodium fremontii* نشان داد که لازم است تنوع درون‌گونه‌ای پیش از مقایسه بین گونه‌ها بررسی شود (Quicke, 1993). Crawford, (1990) نشان داد که مطالعه الگوی نیم‌رخ پروتئینی می‌تواند ابزار قدرتمندی برای جدا نمودن تاکسون‌ها در سطوح پایین تر از گونه باشد. Vural و همکاران (۲۰۰۹)، از پروتئین‌های ذخیره‌ای بذر به روش الکتروفورز و مطالعات مورفولوژیک برای مشخص کردن سطح رده‌بندی در *V. erciyasdagi* و *Veronica pusilla* در سطح گونه یا واریته استفاده و *V. erciyasdagi* را به عنوان یک گونه مستقل معرفی کردند، در صورتی که قبله هر دو به عنوان واریته‌های *Veronica pusilla* در نظر گرفته شده بودند.

با توجه به مجموع مطالعات فلوریستیک و الکتروفورزی، می‌توان نتیجه گرفت، ۸ زیستگاه ویژه که بر اساس نشانگر فلوریستیک در

گروه‌بندی قطعات نمونه (زیستگاه‌های ویژه) A. *spicigera* (شکل ۲)، با گروه‌بندی زیستگاه‌های ویژه بر اساس ترکیب رستنی‌ها به روش FCA (شکل ۱)، کاملاً منطبق است. همچنین، زیستگاه‌های ویژه *A. spicigera* بر اساس عوامل اکولوژیک در دو استان آذربایجان شرقی و آذربایجان غربی از هم جدا شد که با نتایج حاصل از مطالعات فلوریستیک کاملاً منطبق بوده، آن را تأیید می‌کند. اگرچه روش D.S.S. روشهای است که به تازگی معرفی شده (عطیری، ۱۳۸۶)، اما کارآیی آن در تشخیص تنوع درون‌گونه‌ای به خوبی نشان داده شده است (عسگری و همکاران، ۱۳۸۹؛ سرمدی و همکاران، ۱۳۹۰؛ مؤذن و همکاران، ۱۳۹۰).

بررسی پروتئین‌های ذخیره‌ای بذر در گونه *A. spicigera* نیز به تعیین گروه‌هایی منجر شد که این گروه‌بندی میان وجود تنوع ژنتیکی در جمعیت‌های مختلف این گونه بوده، با گروه‌بندی‌های مبتنی بر نشانگر فلوریستیک و اکولوژیک مطابقت و هم خوانی دارد. بنابراین، بر اساس این نتایج، همه گروه‌های به دست آمده از تحلیل داده‌های الکتروفورز در استان آذربایجان شرقی (شامل گروه‌های A، B، C و D) با گروه‌های حاصل از تحلیل داده‌های فلوریستیک و اکولوژیک مطابقت کامل داشته، آن را تأیید می‌کند. ۳ زیستگاه ویژه مورد بررسی این گونه در استان آذربایجان غربی (شامل زیستگاه‌های ویژه ۲۵، ۲۶ و ۲۷) که بر اساس تحلیل داده‌های فلوریستیک و اکولوژیک در دو گروه (E و F) قرار گرفتند، بر اساس تحلیل داده‌های الکتروفورز پروتئین‌های ذخیره بذر در یک گروه، گروه‌بندی شد و از زیستگاه‌های ویژه این

مجموع در دو منطقه جغرافیایی مشخص آذربایجان شرقی و آذربایجان غربی و تحت شرایط اکولوژیک متفاوت، نشان‌دهنده ۵ گروه پروتئینی مختلف هستند که از نظر باندهای پروتئینی با یکدیگر اختلاف دارد. وجود تفاوت و تنوع در باندهای پروتئینی جمعیت‌های مشخص شده گیاه *A. spicigera* میان وجود تنوع درون‌گونه‌ای در مناطق مورد بررسی است. همچنین، نتایج حاصل از این سه نوع نشانگر (نشانگرهای فلوریستیک، اکولوژیک و الگوی پروتئینی بذر) نشان می‌دهد که هر سه نوع نشانگر یاد شده، توانایی تعیین تنوع درون‌گونه‌ای را در جمعیت‌های مورد بررسی گونه *A. spicigera* دارند، در نتیجه می‌توان با توجه به زمان، هزینه، ضرورت‌های پیش روی و امکانات موجود، یکی از این سه نوع نشانگر را برای نیل به هدف تحقیقی مناسب آن انتخاب کرد. از آن جایی که روش D.S.S، با صرف وقت و هزینه‌های کمتر، دسترسی به نتایج متعدد را فراهم می‌سازد، می‌تواند به عنوان روشی کارآمد برای بررسی آسان‌تر، سریع‌تر، دقیق‌تر و مطمئن‌تر تعیین تنوع درون‌گونه‌ای و در مجموع در سیستماتیک به کار رود.

قدرتانی

از کارشناسان ارشد محترم اداره منابع طبیعی استان‌های آذربایجان شرقی، آذربایجان غربی و همدان، آقایان مهندس جعفر طالب‌پور، مهندس محمد علیزادگان و مهندس رمضان کلوندی به علت راهنمایی‌ها و مساعدت‌های علمی در این تحقیق تشکر و قدردانی می‌گردد.

مجموع در دو گروه اصلی آذربایجان غربی و آذربایجان شرقی قرار می‌گیرند، با گروه‌بندی حاصل از تحلیل داده‌های اکولوژیک و داده‌های الکتروفورز پروتئین‌های ذخیره‌ای بذر انتباط و هم خوانی داشته، نمایانگر جدایی زیستگاه‌های ویژه این گونه در استان‌های آذربایجان شرقی و آذربایجان غربی از یکدیگر است.

بنابراین، وجود این تنوعات نشان‌دهنده وجود تنوع درون‌گونه‌ای در گیاه *A. spicigera* است که می‌تواند در بررسی‌های سیستماتیک استفاده شود. در پژوهش‌های متعددی از بررسی‌های مربوط به تنوع جمعیت‌ها و گونه‌ها در مطالعات سیستماتیک و کمک به رده‌بندی‌های جدید استفاده شده است. نادرثزاد و پورسیدی (۱۳۸۲)، با استفاده از صفات مورفولوژیک و سیتولوژیک در تکمیل رده‌بندی‌های موجود، وجود تنوع درون‌گونه‌ای موجود در جمعیت‌های سه جنس *Carum* و *Bunium*، *Cuminum* و نتیجه گرفتند که این تفاوت‌ها و تنوع، حاصل اثر متفاوت محیط است و می‌تواند در بررسی‌های رده‌بندی و سیستماتیک به کار گرفته شود.

جمع‌بندی

نتایج این بررسی نشان داد، در شرایط مختلف اکولوژیک، وجود ترکیب گونه‌ای متفاوتی می‌شود و در باعث حضور ترکیب گونه‌ای متفاوتی می‌شود و در نتیجه جمعیت‌های مختلف یک گونه در شرایط اکولوژیک متفاوت بر اساس سرشت اکولوژیک خود، دارای پاسخ‌های متفاوت ژنتیکی هستند؛ به طوری که افراد گونه *A. spicigera* در مناطق مورد بررسی، در

منابع

- گینوش، م. (۱۳۷۸) فیتوسوسیولوژی (جامعه‌شناسی گیاهی). ترجمه عطری، م. انتشارات مؤسسه تحقیقات جنگل‌ها و مراتع کشور، تهران.
- مصطفاقی، م. (۱۳۸۰) توصیف و تحلیل پوشش گیاهی. انتشارات جهاد دانشگاهی مشهد، مشهد.
- مصطفیان، و. (۱۳۶۸) بررسی و شناخت درمنه‌های ایران. پایان‌نامه کارشناسی ارشد. دانشگاه تهران، تهران، ایران.
- مؤذن، ف. (۱۳۸۹) بررسی تنوع درون گونه‌ای *Tanacetum parthenium* L. در استان همدان. پایان‌نامه کارشناسی ارشد، دانشگاه بولی سینا، همدان، ایران.
- میرحاجی، ت.، جلیلی، ع.، جعفری، م.، اکبرزاده، م. و فرزانه، ز. (۱۳۸۰) مقایسه اکولوژیک گونه‌های جنس *Artemisia* در استان سمنان، مجله پژوهش و سازندگی ۵۲: ۹۵-۱۰۲.
- نادرنژاد، ن. و پورسیدی، ش. (۱۳۸۲) تاکسونومی عددی برخی جمعیت‌های زیره ایران در جنس‌های *Cuminum*, *Carum* و *Bunium* بر اساس صفات مورفو‌لولوژیکی و سیتو‌لولوژیکی. مجله پژوهش و سازندگی ۵۸: ۱۰-۱۵.
- عطیری، م. (۱۳۸۶) بررسی وجود تنوع بین گونه‌ای با استفاده از روش D.S.S., مجموعه مقالات نخستین همایش ملی و تخصصی رده‌بندی گیاهی ایران. مؤسسه تحقیقات جنگل‌ها و مراتع کشور، تهران، ایران.
- قهستان، ا. (۱۳۵۷-۱۳۸۱) فلور رنگی ایران. مؤسسه تحقیقات جنگل‌ها و مراتع کشور، تهران.

Bremer, K. and Humphries, C. J. (1993) Generic monograph of the Asteraceae-Anthemideae. Bulletin of Natural Historical Museum London (Botany) 23: 71-177.

Buchsbaum, R. and Buchsbaum, M. S. (1957) Basic ecology. John Wiley and sons, Inc. New York.

Cain, S. A. O. and Castro, G. M. (1959) Manual of vegetation analysis. Harper and Brothers, New York.

Chehregani, A., Atri, M., Youse, S. and Jalali, F. (2010) Polyploidy variation in some species of

the genus *Artemisia* L. (Asteraceae) in Iran. Caryologia, 63: 168-175.

Crawford, D. J. (1990) Plant molecular systematic and molecular approaches. John Wiley and sons, Inc. New York.

Fanelli, G., Tescarollo, P. and Testi, A. (2006) Ecological indicators applied to urban and suburban forests. Ecological Indicators 6: 444-457.

Kordali, S., Aslan, I., Onder, C., almas, U. and Cakir, A. (2006) Toxicity of essential oils isolated from three *Artemisia* species and some

- of their major components to granary weevil, *Sitophilus granarius* L. (Coleoptera: Curculionidae). Industrial Crops and Products 23: 162-170.
- Kordali, S., Kotan, R., Mavi, A., Cakir, A., Ala, A. and Yildirim, A. (2005) Determination of the chemical composition and antioxidant activity of the essential oil of *Artemisia dracunculus* and of the antifungal and antibacterial activities of Turkish *Artemisia absinthium*, *A. dracunculus*, *Artemisia santonicum*, and *Artemisia spicigera* essential oils. Journal of Agricultural and Food Chemistry 53: 9452-9458.
- Ladizinsky, G. and Hymowitz, D. (1979) Seed protein electrophoresis in taxonomic and evolutionary studies. Theoretical and Applied Genetics 54: 45-151.
- Ling, Y. R. (1991a) The old world *Artemisia* (Compositae). Bulletin of Botanical Research (Harbin) 12: 1-108.
- Ling, Y. R. (1991b) The old world *Seriphidium* (Compositae). Bulletin of Botanical Research (Harbin) 11: 1-40.
- Ling, Y. R. (1995) The new world *Seriphidium* (Besser) Fourr. In: Advances in Compositae systematics. (eds. Hind, D. J. N., Jeffrey, C. and Pope, C. V.) 283-291. Royal Botanic Gardens, Kew.
- Lopes-Lutz, D., Alviano, D., Alviano, C. and Kolodziejczyk, P. (2008) Screening of chemical composition, antimicrobial and antioxidant activities of *Artemisia* essential oils. Phytochemistry 69: 1732-1738.
- Mabberley, D. J. (1990) The plant book. Cambridge University Press, Cambridge.
- McArthur, E. D. (1979) Sagebrush systematic and evolution. In: Sagebrush Ecosystem Symposium, Utah State University, Logan, Utah.
- Mohammad, S. A. (2004) Biodiversity of *Artemisia* species in Egypt. M.Sc. Thesis, Ain Shams University, Cairo.
- Olivieri, I. (1985) Comparative electrophoretic studies *Carduus pycnocephalus* L., *C. tenuiflorus* Curt. (Asteraceae) and their hybrids. American Journal of Botany 72: 715-718.
- Quicke, D. L. J. (1993) Principles and techniques of contemporary taxonomy. Blackie Academic and Professional. London.
- Rechinger, K. H. (ed.). (1963-1999) Flora Iranica. nos. 1-175. Akademische Druck-U Verlagsanstalt, Graz.
- Torrell, M. and Valles, J. (2001) Genome size in 21 *Artemisia* L. species (Asteraceae, Anthemideae): systematic, evolutionary, and ecological implications. Genome 44: 131-238.
- Torrell, M., Bosch, M., Martin, J. and Valles, J. (1999a) Cytogenetic and isozymic characterization of the narrow endemic species *Artemisia molinieri* (Asteraceae, Anthemideae): implications for its systematic and conservation. Canadian Journal of Botany 77: 51-60.
- Torrell, M., Garcia-Jacas, N., Susanna, A. and Valles, J. (1999b) Phylogeny in *Artemisia* (Asteraceae, Anthemideae) inferred from nuclear, ribosomal DNA (ITS) sequences. Taxon 48: 721-736.
- Vural, C., Servet, O. and Mikail, A. (2009) New combination in *Veronica* (Scrophulariaceae) based on morphological characters and the seed storage protein polymorphism. Journal of Systematic and Evolution 47: 168-172.
- Watson, L. E., Elisens, W. J. and Estes, J. E. (1991) Electrophoretic and cytogenetic evidence for allopolyploid origin of *Marshallia mohrii* (Asteraceae). American Journal of Botany 78: 408-416.
- Wright, C. W. (2002) *Artemisia*, Taylor and Francis, New York.

Study of floristic-ecologic diversity and electrophoresis pattern of seed storage proteins in *Artemisia spicigera* L. in the North-West of Iran using D.S.S. method

Morteza Atri ¹, Abdolkarim Chehregani Rad ^{1*} and Somayeh Yousefi ²

¹ Department of Biology, Faculty of Sciences, Bu-Ali Sina University, Hamedan, Iran

² Department of Environment, Islamic Azad University, Hamedan Branch, Hamedan, Iran

Abstract

The genus *Artemisia* (Asteraceae) with about 200-500 species, is one of the largest genus in *Anthemidiae*. In order to study intraspecific diversity in *Artemisia spicigera* in the North-West of Iran, D.S.S. method was used in this research work. Eight special stations were determined using D.S.S. method for *A. spicigera* and floristic-ecologic data collected from each special station. In the survey of all special stations, 75 plant species were distinguished as associated species. As the result of analysis of floristic data, as floristic marker, 6 groups were determined. This groupment distinguished the existence of intraspecific diversity in *A. spicigera*. Analysis of ecologic data was also confirmed the above mentioned groupment. Seed storage proteins were subjected to electrophoresis to determine the level and kind of intraspecific diversity. The results were also in accordance with the results of floristic and ecological results. Existence of differences regarding number and density of the protein bands indicated the intraspecific diversity in the populations of *A. spicigera*. Therefore, in this species, the groupment that introduced by floristic marker, was confirmed by ecological and electrophoresis data as well. This means that floristic groupment can only be used as a cost-effective and efficient method to stud intraspecific diversity.

Key words: Ecology, Electrophoresis, Intraspecific diversity, Floristic data, *Artemisia spicigera*, D.S.S.

* Corresponding Author: chehregani@basu.ac.ir