

Scientific Short Article

گزینش توده‌ای و بهداشتی کلون‌های برتر انگور رقم کشمی سفید در منطقه ارومیه

Mass and Sanitary Selection of Superior Clones of Keshmehi Sefid Grapevine Cultivar in Orumieh Region

حامد دولتی بانه^۱ و محمد حاجی‌زاده^۲

۱- استادیار، مرکز تحقیقات کشاورزی و منابع طبیعی آذربایجان غربی، ارومیه

۲- استادیار، دانشکده کشاورزی دانشگاه کردستان، سنتندج

تاریخ پذیرش: ۱۳۹۲/۸/۱۸

تاریخ دریافت: ۱۳۹۱/۴/۲۸

دولتی بانه، ح. و حاجی‌زاده، م. ۱۳۹۲. گزینش توده‌ای و بهداشتی کلون‌های برتر انگور رقم کشمی سفید در منطقه ارومیه. مجله بهنژادی نهال و بذر ۳۸۵-۳۹۰: ۳۹۱-۱

مطلوبی مانند افزایش مقدار قند، تغییر رنگ جبه، زودرسی، یکنواختی خوش و غیره می‌شوند (Janick and James, 1996). برای اصلاح ارقام انگور تجاری باید در جستجوی راه‌هایی بود که در واحد سطح با کاشت تعداد معینی بوته محصول بیشتر و مرغوب‌تری به دست آید. لازمه رسیدن به این هدف، داشتن پایه‌های سالم و مقاوم به آفات و بیماری‌ها همراه با میوه‌های مرغوب و عملکرد بالا است که انجام آن از طریق روش به گزینی کلونی (Clonal selection) امکان‌پذیر است (Konard *et al.*, 2003). مطالعات زیادی در این زمینه در کشورهای مختلف انجام شده است، به عنوان مثال در مطالعه‌ای در کشور ترکیه انتخاب کلونی انگور

در استان آذربایجان غربی بیش از پنجاه نوع انگور وجود دارد و بیشترین سطح زیر کشت متعلق به انگور کشمی است که به واسطه مصرف تازه خوری و تهیه کشمکش از اهمیت بالایی برخوردار است (Doulati Banah *et al.*, 2009). وجود بیماری‌های ویروسی در انگور به تدریج باعث افت ژنتیکی و کاهش عملکرد گیاه شده و به دلیل سیستمیک بودن آلدگی‌های ویروسی به راحتی از طریق قلمه‌ها انتشار پیدا می‌کند (Bovey *et al.*, 1980). از طرف دیگر جهش‌های سوماتیکی به طور طبیعی در انگور اتفاق می‌افتد. این نوع جهش‌ها به صورت افزایش سطح پلوئیدی، جهش ژنی یا نقطه‌ای خواهند بود که گاهی باعث بروز صفات

تفاوت چشمگیری بین کلون‌های انتخابی از نظر صفات کیفی میوه و اجزا عملکرد وجود داشت، به طوری که برای هر کدام از مصارف انگور بی‌دانه مانند تهیه کشمش، تازه خوری و یا صنایع تبدیلی کلون‌های مناسب وجود داشتند. در مجموع و بر اساس صفات کمی و کیفی اندازه‌گیری شده و عدم وجود علائم مشکوک به بیماری‌های ویروسی از کل کلون‌های مورد بررسی در مرحله انتخاب کلونی، ۴۰ کلون شناسائی شدند که میانگین صفات کمی و کیفی سه ساله ۲۷ کلون برتر در جدول ۱ نشان داده شده است.

کلون شماره ۶ یکی از کلون‌های امید بخش کلون بود. این کلون دارای باردهی بسیار بالا بود به طوری که روی هر شاخه بارده سال جاری دو عدد خوش‌پشت سر هم وجود داشت. اندازه خوش‌ها بزرگ با شکل کشیده بودند. مقدار مواد جامد محلول این کلون بالا بود. از تعداد ۹۶ خوش‌گل، ۹۲ عدد تبدیل به خوش‌میوه کامل شدند. رنگ میوه‌ها زرد بسیار خوش رنگ و تقریباً کلون زودرسی بود. این کلون به واسطه زودرسی، داشتن قند و عملکرد بالا می‌تواند در ایجاد باغات با هدف تولید کشمش مورد استفاده قرار گیرد. کلون شماره ۳ نیز به واسطه زودرسی و داشتن قند بالا برای تازه خوری و کشمش سازی مناسب است. کلون شماره ۲۰ بسیار قوی و پر رشد با خوش‌های گل بسیار زیاد بود که تعداد زیادی از آن‌ها تبدیل به میوه می‌شدند. اندازه حبه‌ها متوسط و مقدار قند

رومیزی رقم عثمانکا (Osmanca) به منظور افزایش عملکرد و کیفیت انجام شد و در پایان ارزیابی چند کلون برتر معرفی شدند (Gokbayrak and Soylemezoglu, 2010). به منظور انتخاب کلون‌های برتر انگور کشممشی از توده موجود در منطقه ارومیه این بررسی از سال ۱۳۸۴ الی ۱۳۸۷ به اجرا در آمد. در زمان ظهور خوش، بوته‌های مطلوب شناسایی و پلاک کوبی شدند. در زمان رسیدن میوه‌ها، کلون‌های مطلوب انتخابی مرحله اول از نظر اجزاء عملکرد شامل تعداد خوش، اندازه حبه‌ها، تاریخ رسیدگی و شدت رنگ‌گیری حبه‌ها، شکل، سفتی و ترد بودن حبه‌ها، یکنواختی اندازه خوش‌ها، تعداد خوش در شاخه و صفات کیفی میوه شامل مقدار مواد جامد محلول، اسیدیته قابل تیتراسیون و pH آب میوه مورد بررسی قرار گرفتند. بر اساس صفات یاد شده کلون‌های برتر در مرحله انتخاب توده‌ای شناسایی و برای ادامه مطالعه از طریق ریشه‌دار کردن قلمه‌ها، تکثیر شدند. در مرحله انتخاب بهداشتی جهت بررسی وجود آلودگی‌های ویروسی شامل ویروس برگ بادبزنی (*Grapevine fan leaf virus: GFLV*)، آرابیس موزائیک (Arabis mosaic virus: ArMV) و ویروس پیچیدگی برگ (*Grapevine leaf roll virus: GLRV*) از آزمون سرولوژیک الیزا به روش غیر مستقیم داس الیزا یا (DAS – ELISA) استفاده شد (Bashir and Hajizadeh, 2007).

جدول ۱- صفات مختلف کلون های برتر انگور رقم کشمی سفید در منطقه ارومیه

Table 1. Different traits of superior clones of Keshmehi Sefid grapevine cultivar in Orumieh region

| شماره کلون | نام کلون | تعداد خوشه گل میوه | تعداد خوشه | | طول خوشه | عرض خوشه | اندازه جبه | مواد جامد محلول | مقدار اسید | pH | متوسط تعداد خوشه در هر شاخه بارده Bunch/cane |
|---------------|----------|-----------------------|--------------|------------|-------------------|-----------------|-----------------|--------------------|------------|-------|---|
| | | | Clone No. | Clone name | Cluster number | Bunch number | Bunch length | Bunch width | Length | Width | |
| 1 | AID3-1 | 85 | 80 | 29 | 12 | 1.3 | 1.2 | 20.5 | 0.98 | 2.80 | 1.8 |
| 2 | AID3-2 | 96 | 96 | 29 | 11 | 1.5 | 1.4 | 21.5 | 0.96 | 2.86 | 2.0 |
| 3 | AID2-1 | 80 | 70 | 28 | 14 | 1.4 | 1.2 | 23.2 | 0.95 | 2.90 | 1.8 |
| 4 | Beh-1 | 100 | 95 | 29 | 14 | 1.2 | 1.1 | 22.0 | 0.99 | 2.60 | 1.9 |
| 5 | Beh-2 | 85 | 80 | 32 | 14 | 1.4 | 1.2 | 22.5 | 1.02 | 2.70 | 1.8 |
| 6 | EM1-1 | 90 | 83 | 30 | 14 | 1.4 | 1.2 | 22.0 | 0.95 | 2.72 | 1.8 |
| 7 | EM1-2 | 100 | 90 | 25 | 14 | 1.5 | 1.3 | 22.5 | 0.97 | 2.80 | 1.7 |
| 8 | EM1-3 | 92 | 86 | 26 | 15 | 1.4 | 1.3 | 22.0 | 1.20 | 2.60 | 1.8 |
| 9 | G1-2 | 80 | 70 | 28 | 12 | 1.4 | 1.2 | 24.0 | 0.76 | 3.00 | 1.9 |
| 10 | Gol1-1 | 85 | 80 | 25 | 13 | 1.3 | 1.1 | 22.0 | 0.83 | 2.85 | 1.8 |
| 11 | Gol1-2 | 92 | 87 | 24 | 14 | 1.4 | 1.3 | 22.2 | 0.85 | 2.80 | 1.8 |
| 12 | Gol1-3 | 77 | 70 | 25 | 15 | 1.5 | 1.2 | 21.0 | 0.97 | 2.89 | 1.8 |
| 13 | Has1-1 | 80 | 72 | 29 | 12 | 1.4 | 1.2 | 23.0 | 0.81 | 2.98 | 1.7 |
| 14 | Kaz1-1 | 67 | 60 | 29 | 11 | 1.5 | 1.3 | 23.0 | 0.76 | 3.00 | 1.9 |
| 15 | Kaz1-2 | 80 | 73 | 26 | 13 | 1.7 | 1.3 | 22.0 | 0.95 | 2.91 | 1.8 |
| 16 | Kaz1-3 | 85 | 82 | 29 | 9 | 1.5 | 1.4 | 24.0 | 0.75 | 3.30 | 1.9 |
| 17 | Kah1 | 78 | 73 | 28 | 11 | 1.6 | 1.4 | 22.0 | 0.88 | 3.01 | 1.8 |
| 18 | Kah3 | 60 | 56 | 28 | 12 | 1.6 | 1.3 | 23.0 | 0.98 | 2.95 | 1.6 |
| 19 | Kah5 | 90 | 80 | 25 | 13 | 1.4 | 1.1 | 22.0 | 0.87 | 2.90 | 1.9 |
| 20 | Kah7 | 127 | 121 | 25 | 13 | 1.3 | 1.1 | 21.0 | 0.93 | 2.51 | 1.9 |
| 21 | Kah8 | 183 | 152 | 25 | 14 | 1.4 | 1.3 | 22.0 | 0.81 | 2.92 | 1.8 |
| 22 | Kah9 | 160 | 147 | 26 | 13 | 1.5 | 1.2 | 21.0 | 0.90 | 2.86 | 1.8 |
| 23 | K11 | 136 | 115 | 25 | 14 | 1.3 | 1.1 | 21.4 | 1.01 | 2.70 | 1.9 |
| 24 | K12 | 100 | 92 | 26 | 15 | 1.6 | 1.4 | 23.0 | 0.79 | 2.99 | 1.8 |
| 25 | Lash1-2 | 173 | 162 | 23 | 15 | 1.4 | 1.2 | 22.6 | 0.97 | 2.83 | 1.9 |
| 26 | Lash1-5 | 120 | 102 | 26 | 13 | 1.4 | 1.3 | 23.2 | 0.93 | 2.90 | 1.7 |
| 27 | Clone59 | 143 | 135 | 26 | 15 | 1.5 | 1.3 | 22.0 | 1.05 | 2.81 | 1.9 |

نتیجه جالب توجه از تحقیق حاضر، کلون های آلوده به ویروس برگ باذبزی بودند که در طی سه سال مطالعه اغلب آنها جزء کلون های برتر بودند. برای مثال کلون شماره ۲۷ انگوری با رشد مناسب و پر باری است که در طی مطالعات سه ساله عملکرد بسیار مناسبی را نشان داد اما آلوده به ویروس تشخیص داده شد. با توجه به اثر اثبات شده ویروس برگ باذبزی در کاهش تشکیل میوه و عملکرد، کسب چنین نتیجه ای تا اندازه ای دور از انتظار بود. ظاهراً این کلون در مقابل صدمات ناشی از آلودگی ویروسی یا متحمل است و یا این که آلودگی ویروسی از طریق کاهش رشد رویشی باعث افزایش تولید تعداد خوش در این کلون شده است. این موضوع در تعدادی از مطالعات روی ارقام پر رشد انگور نیز گزارش شده است، به عنوان مثال با حذف ویروس از بوته های آلوده از طریق کشت مریستم و گرمای درمانی، رشد رویشی افزایش و در نهایت باردهی بوته عاری از ویروس شده کاهش یافت (Koruza and Jeliske, 1993; Woodham *et al.*, 1984) اثبات این فرضیه در کلون های منطقه ارومیه مستلزم مطالعات بیشتر است. در بررسی دیگر، کلون های برتر سه رقم انگور مژور کا (Majorca)، بالریک (Manto Negro) و مانتو نگرو (Balearic) را از نظر صفات کمی و کیفی و آلودگی ویروسی بررسی شدند. نتایج تست الیزا نشان داد که تعداد زیادی از کلون های برتر این ارقام آلوده

این کلون ۲۱ درصد بود. این کلون به دلیل باردهی بسیار زیاد برای احداث باغات جدید مناسب است. متوسط تعداد خوش در هر شاخه سبز برابر ۱/۹۵ است.

آزمون داس الیزا با آنتی بادی های پلی کلونال ویژه ویروس های ArMV، GFLV و GLRV روی ۲۷ کلون برتر انگور کشممشی بیدانه سفید انجام شد. هیچ گونه نمونه تست مثبت برای آلودگی های ArMV و GLRV به دست نیامد. به عبارت دیگر، کلون های انگور مورد بررسی عاری از این دو ویروس بودند. در حالی که کلون های ۲-2، Gol 1-3، K11، Kah-5، Lash 1-2، Beh-2، Beh-1، Kazl-1 و ۵۹ Clone آلوده به ویروس برگ باذبزی موس بودند. وجود تعداد ۹ کلون آلوده به ویروس برگ باذبزی از میان ۲۷ کلون (در حدود ۳۳ درصد آلودگی) مورد مطالعه نشان دهنده انتشار و پراکنش زیاد این ویروس در تاکستان های اطراف ارومیه است. بشیر و حاجی زاده (۲۰۰۷) نیز احتمال آلوده بودن تاک های موجود در استان های شمال غرب ایران را به ویروس برگ باذبزی مطالعه کردند. از ۱۳۴ نمونه انگور جمع آوری شده از این مناطق ۳۱ نمونه آلوده به ویروس برگ باذبزی بودند. در جدید ترین بررسی پراکنش این ویروس در منطقه شمال غرب کشور با روش RT-PCR، نشان داده شد که ۳۷٪ تاک های این منطقه آلوده بودند (Hajizadeh *et al.*, 2011a) که نتایج این دو تحقیق با هم مطابقت دارند.

لکه زردی-۲ و استرالیایی موآلوده هستند
(Hajizadeh *et al.*, 2011b)

اختلافات موجود بین کلون‌های رقم کشمی سفید در تاکستان‌های اطراف ارومیه می‌تواند چندین منشاء داشته باشد. با توجه به این که این کلون‌ها در طی سه سال از نظر صفات اندازه‌گیری شده برتر بودند پس می‌توان بخشناع اعظم تغییرات را ناشی از ژنتیک دانست اما از طرف دیگر مقداری از این تغییرات نیز ناشی از بیماری‌های ویروسی، عوامل محیطی، نوع خاک، عملیات بااغی مانند آبیاری، تغذیه و شدت هرس می‌تواند باشند. (Sensi *et al.*, 1996) براین اساس بایستی تمامی این کلون‌ها پس از تکثیر در یک محیط و زمین یکسان کشت شوند و پس از اعمال عملیات‌های بااغی یکسان نسبت به ارزیابی مجدد صفات کمی و کیفی اقدام شود تا در نهایت کلون یا کلون‌های برتر از نظر ژنتیکی تعیین و معرفی شوند.

به ویروس پیچیدگی برگ مو بودند ولی با این وجود، اختلافات اندکی بین کلون‌های آلوده و سالم از نظر صفاتی چون تعداد خوش، عملکرد، وزن حبه، مقدار قند، اسید و رنگ پیدا شد. در این تحقیق گزارش شد که تاثیر آلودگی ویروسی بر کمیت و کیفیت میوه تا حد بسیار بالایی به نوع رقم، شدت آلودگی (آلودگی ترکیبی) و نوع ویروس یستگی دارد (Cifre *et al.*, 2005).

بر اساس مطالعات محدود در این تحقیق، وجود بیماری ویروسی برگ بادبزنی مو در چندین منطقه اطراف ارومیه مشخص شد که با توجه به وجود علائم مشکوک روی برگ‌ها احتمال شناسایی سایر ویروس‌ها و حتی ویروئیدهای دیگر وجود خواهد داشت. در بررسی روی ۱۳۸ تاک از منطقه شمال‌غرب کشور انجام شد نشان داده شد که تاک‌های این منطقه ۱۰۰، ۹۱، ۶۴ و ۹۵ درصد به ترتیب با ویروئیدهای کوتولگی رازک، لکه زردی-۱،

واژه‌های کلیدی: انگور، رقم کشمی سفید، گزینش کلونی، بیماریهای ویروسی.

References

- Bashir, N. S., and Hajizadeh, M. 2007. Survey for *Grapevine fan leaf virus* in vineyards of north-west Iran and genetic diversity of isolates. Australasian Plant Pathology 36: 46-52.

- Bovey, R., Gartel, W., Hewitt, W. B., Martelli, G. P., and Vuittenez, A. 1980.** Virus and Virus-like Diseases of Grapevine. Lausanne: Edition Poyet. Paris: La Maison Rustique. Stuttgart: Verlag Eugen Ulmer. 181 pp.
- Cifer, J., Moreno, M., Rivera, D., Carambula, C., Escalona, J. M., and Medrano, H. 2005.** Clonal selection of the main Majorcan grapevine varieties: the influence of virus infection on production and quality parameters. International GESCO Viticulture Congress, Geinsenheim, Germany. pp. 820-825.
- Doulati Baneh, H., Mohammadi, S.A., Mahmoudzadeh, H., De Mattia, F., and Labra, M. 2009.** Analysis of SSR and AFLP markers to detect genetic diversity among selected clones of grapevine (*Vitis vinifera* L.) cv. Keshmehi. South African Journal of Enology and Viticulture 30(1): 38-42.
- Gokbayrak, Z., and Soylemezoglu, G. 2010.** Grapevine throughout the history of Anatolia. International Journal of Botany 6: 465-472.
- Hajizadeh, M., Bashir, N.S., Navarro, B., Mohammadi, S.A., Doulati-Baneh, H., Di Serio, F., and Martelli, G. P. 2011a.** Spread of grapevine viroids and *Grapevine fan leaf virus* in Iran. IUMS, XV International Congress of Virology, 13-16 Sep. Suporo, Japan.
- Hajizadeh, M., Navarro, B., Bashir, N. S., H., and Di Serio, F. 2011b.** Development and validation of a multiplex RT-PCR method for simultaneous detecting five grapevine viroids. Journal of Virological Methods 179: 62-69.
- Janick, J., and James, N. 1996.** Fruit Breeding. Vol. 2: Vine and Small Fruit Crops. John Wiley and Sons, New York, USA. 471 pp.
- Konrad, H., Lindner, B., Bleser, E., and Ruhi, E. H. 2003.** Strategies in the genetic selection of clones and the preservation of genetic diversity within varieties. Acta Horticulturae 603: 105-110.
- Koruza, B., and Jelaska, S. 1993.** Influence of meristem culture and virus elimination on phenotypical modification of grapevine (*Vitis vinifera* L., cv. Refosk). Vitis 32: 59-60.
- Sensi, E., Vignani, R., Rohde, W., and Biricolti, S. 1996.** Characterization of genetic biodiversity with *V. vinifera* L. Sangiovese and Colorino genotypes by AFLP and ISTR DNA marker technology. Vitis 35 (4): 183-188.
- Woodham, R. C., Emmett, R. W., and Fletcher, G. C. 1984.** Effect of thermotherapy and virus status on yield, annual growth and grape composition of Sultana. Vitis 23: 268-273.