

## ناهمگونی الگوی مقاومت آمینوگلیکوزیدی در میان ایزوله های بالینی سالمونلا در

### تهران

رضا رنجبر<sup>۱\*</sup>، علی ناغونی<sup>۲</sup>، بهمن تبرائی<sup>۲</sup>

۱) دانشگاه علوم پزشکی بقیه الله، مرکز تحقیقات بیولوژی مولکولی

۲) گروه میکروبی شناسی، دانشکده علوم، دانشگاه آزاد اسلامی، واحد کرج

۳) بخش واکسن های باکتریایی، انستیتو پاستور ایران

نویسنده رابط: رضا رنجبر، دانشگاه علوم پزشکی بقیه الله، مرکز تحقیقات بیولوژی مولکولی

تلفن: ۸۸۰۲۹۸۸۳ ranjbar@bmsu.ac.ir

تاریخ دریافت مقاله: ۸۷/۱۰/۱۰ تاریخ پذیرش مقاله: ۸۷/۱۲/۲۳

### چکیده:

**زمینه و اهداف:** گونه های سالمونلا یکی از مهم ترین عوامل بیماریزای قابل انتقال از غذا، در سراسر جهان محسوب می شوند. مقاومت آنتی بیوتیکی، یک مسئله رو به افزایش در ایزوله های سالمونلا بوده و مشکلات گسترده ای را جهت درمان آنتی بیوتیکی بیماری های ناشی از این گروه باکتری ها ایجاد کرده است. هدف از انجام این مطالعه تعیین الگوی مقاومت آمینوگلیکوزیدی در میان ایزوله های سالمونلای جدا شده از برخی بیمارستان های شهر تهران بود

**روش بررسی:** سویه های سالمونلا از بیمارستان های مختلف شهر تهران در طی سال های ۸۷-۸۶ جداسازی و مورد مطالعه قرار گرفتند. این ایزوله ها با استفاده از تست های بیوشیمیایی و سرولوژیک تعیین هویت گردیدند. حساسیت و مقاومت آنتی بیوتیکی سویه های جدا شده نسبت به آنتی بیوتیک های آمینوگلیکوزیدی بر اساس روش استاندارد تعیین شد.

**یافته ها:** مقاومت کلی بین ۱۳۶ ایزوله جداسازی شده به شرح زیر بود: ۶۰ ایزوله (۴۴/۱٪) مقاومت به استرپتومایسین، ۳۱ ایزوله (۲۲/۸٪) مقاومت به کانامایسین، ۲۶ ایزوله (۱۹/۱٪) مقاومت به نئومایسین و ۱ ایزوله (۰/۷٪) مقاومت به توبرامایسین. هیچ کدام از ایزوله ها به جنتامایسین مقاومتی نشان ندادند. همچنین وجود الگوی متفاوتی از مقاومت آمینوگلیکوزیدی به تفکیک سروگروه های مختلف سالمونلا در این مطالعه مشهود بود. به طوریکه میزان بالای مقاومت (۸۰٪) به استرپتومایسین در سالمونلای گروه B و به میزان کمتر (۶۹٪) در سالمونلای گروه C و بسیار کم (۱۰٪) در گروه D وجود داشت. این مسئله در مورد کانامایسین صادق بود زیرا میزان مقاومت ناهمگون در گروه های B، C و D به ترتیب ۱۴/۳٪، ۴۷/۲٪ و ۴/۸٪ بود. در مورد نئومایسین نیز نسبتاً همین تناسب وجود داشت. اما فقط ۴/۷٪ ایزوله های گروه B سالمونلا به توبرامایسین مقاوم بودند و در مورد جنتامایسین هیچ مقاومتی بین ایزوله هامشاهده نگردید.

**نتیجه گیری:** این مطالعه الگوی ناهمگونی از مقاومت آمینوگلیکوزیدی را در میان پنج آنتی بیوتیک مورد بررسی در بین ایزوله های سالمونلا نشان داد. به طوریکه مقاومت به استرپتومایسین و تا اندازه ای کانامایسین قابل توجه بود، اما نسبت به توبرامایسین و جنتامایسین بسیار پایین و یا صفر بود. همچنین الگوی مقاومت آمینوگلیکوزیدی در میان سروگروه های مختلف متفاوت بود که نشان از اهمیت بررسی آنتی بیوگرام به تفکیک سروگروه ها و سرانجام اتخاذ تصمیم درمان آنتی بیوتیکی خاص هر سروگروه دارد.

**کلمات کلیدی:** گونه های سالمونلا، مقاومت آمینوگلیکوزیدی، تست حساسیت آنتی بیوتیکی

**مقدمه:**

باکتری سالمونلا، یکی از اعضاء خانواده انتروباکتریاسه است که به صورت باسیل های گرم منفی با فلاژله های پری تریش دیده می شود (۱). این باکتری یکی از شایع ترین باکتری های فابل انتقال از حیوانات به انسان است که به دلیل تنوع مخازن حیوانی، یکی از مهم ترین عوامل بیماری های فابل انتقال از غذا و یکی از مشکلات بهداشتی در سراسر جهان محسوب می گردد (۲). عفونت سالمونلا در انسان به صورت انتروکولیت، تب روده ای و عفونت سیستمیک بروز می کند (۳).

طبقه بندی این گروه پیچیده است. زیرا به جای یک گونه مشخص، مجموعه ای از گونه های مختلف تشکیل می دهند. اعضاء جنس سالمونلا اساساً بر مبنای اپید بولوژی نوع زیستی، واکنش های بیوشیمیایی و ساختار آنتی ژن های O، H، Vi (در صورت وجود) طبقه بندی می شوند (۳). تاکنون در حدود ۲۸۰۰ گونه نایب سالمونلا بر اساس آنتی ژن های O و H شناسایی شده است (۴). مقاومت های آنتی بیوتیکی در سالمونلا به مانند سایر اعضاء خانواده انتروباکتریاسه شایع می باشد. مقاومت آنتی بیوتیکی یک مسئله رو به افزایش در ایزوله های سالمونلا بوده و مشکلات گسترده ای را جهت درمان آنتی بیوتیکی بیماری های ناشی از این گروه باکتری ها ایجاد کرده است. یکی از مکانیسم های مقاومت آنتی بیوتیکی، مقاومت ناشی از موتاسیون های کروموزومی است که در غیاب آنتی بیوتیک نیز رخ می دهد، و کاربرد آنتی بیوتیک باعث نابودی ایزوله های حساس و گزینش ایزوله های مقاوم می شود (۵). مکانیسم دوم مقاومت آنتی بیوتیکی، مقاومت ناشی از تبادلات ژنتیکی است که غالباً به وسیله پلاسمیدها ایجاد می شود. این نوع مقاومت در برابر آنتی بیوتیک های آمینوگلیکوزیدی استرپتومایسین، نئومایسین، کانامایسین و غیره گزارش شده است (۵). هدف ما از انجام این مطالعه تعیین الگوی مقاومت آمینوگلیکوزیدی در میان ایزوله های سالمونلای جدا شده از برخی بیمارستان های شهر تهران بود.

**مواد و روش ها:**

این مطالعه توصیفی طی سال های ۸۷-۸۶ انجام شده است. نمونه مدفوع بیماران بستری شده در چند بیمارستان شهر تهران، بلافاصله بعد از نمونه گیری به محیط های کشت غنی کننده مثل سلنیت F انتقال یافته و به مدت ۱۲-۸ ساعت در دمای ۳۷ درجه سلسیوس قرار داده شدند. از محیط سلنیت F بر روی محیط های اختصاصی

و افتراقی مانند XLD (Xylose lysine deoxycholate agar) و agar و SS agar (*Salmonella and Shigella* agar) کشت داده و به مدت ۲۴ ساعت در دمای ۳۷ درجه سلسیوس قرار داده شدند. روز بعد، کلنی های مشکوک به سالمونلا جداسازی شدند. از هر تک کلنی خالص، در شرایط استریل، بر روی محیط های TSI (Triple sugar iron agar)، اوره، لیزین آیرون آگار، سیترات و MRVP (Methyl red voges proskauer) کشت شده و به مدت ۲۴ ساعت در دمای ۳۷ درجه سلسیوس قرار داده شدند.

پس از انجام آزمون های بیوشیمیایی و بررسی واکنش های بیوشیمیایی جهت جداسازی و تأیید سالمونلا، آزمون سروتایپینگ جهت مشخص نمودن آنتی ژن O، H، و Vi با آنتی سرم مربوطه انجام گردید. بدین ترتیب که پس از تهیه سوسپانسیون باکتری و مجاور کردن آن با آنتی سرم (بهار افشان و کوشا فناوریگیتی)، در صورت مثبت بودن به مدت ۱ تا ۲ دقیقه آگلوتیناسیون مشاهده گردید.

دیسک های آنتی بیوتیکی مورد استفاده در این تحقیق شامل آنتی بیوتیک های استرپتومایسین (۱۰µg)، جتتامایسین (۱۰µg)، تودامایسین (۱۰µg)، نئومایسین (۳۰µg) و کانامایسین (۳۰µg) بودند. جهت تعیین حساسیت آنتی بیوتیکی از روش دیسک دیفیوژن اگر (Kirby- Baure disk diffusion method) استفاده شد. آزمون با استفاده از سوسپانسیون باکتری در سرم فیزیولوژی در مقایسه با کنترل آن با استاندارد نیم مک فارلند انجام گردید. سوسپانسیون تهیه شده به وسیله سوآب پنبه ای استریل بر روی محیط مولر هینتون آگار ساخت کارخانه مرک آلمان به صورت متراکم کشت داده شد. سپس یک قطره آنتی بیوتیک با پنس استریل در سطح محیط قرار گرفتند. مدت ها به مدت ۲۴-۱۸ ساعت در دمای ۳۷ درجه سلسیوس در نیکوباتور قرار داده شدند. سپس با توجه به قطر منطقه ممانعت از رشد و اندازه گیری آن به وسیله خط کش و با استفاده از جدول استاندارد (Clinical and laboratory standards institute) CLSI مقاومت و یا حساسیت باکتری به آنتی بیوتیک های مورد نظر مشخص گردید. در این تحقیق از ارگانسیم استاندارد اثرشیا کلی ATCC 25922 به عنوان ارگانسیم کنترل در انجام آزمایش استفاده شد.

## یافته ها:

۱۳۶ ایزوله سالمونلا جداسازی شد. نتایج کلی مقاومت دارویی ایزوله های جداسازی شده بدین شرح است: ۶۰ ایزوله (۴۴/۱٪) مقاومت به استرپتومایسین، ۳۱ ایزوله (۲۲/۸٪) مقاومت به کانامایسین، ۲۶ ایزوله (۱۹/۱٪) مقاومت به نئومایسین و ۱ ایزوله (۰/۷٪) مقاومت به توبرامایسین. هیچ کدام از ایزوله ها به جنتامایسین مقاومت نشان ندادند.

جدول ۱ نشان دهنده توزیع فراوانی سرگروه های سالمونلا جدا شده بر حسب نتیجه آنتی بیوگرام می باشد. جدول ۲ نیز نشان دهنده فراوانی الگوهای مقاومت یگانه و چندگانه آنتی بیوتیکی در بین سرگروه های سالمونلا جداسازی شده می باشد. در این مطالعه وجود الگوی متفاوتی از مقاومت آمینوگلیکوزیدی به تفکیک سرگروه های مختلف سالمونلا مشهود بود.

جدول ۱: توزیع فراوانی سرگروه های سالمونلا جدا شده بر حسب نتیجه آنتی بیوگرام

نوع	استرپتومایسین			کانامایسین			نئومایسین			توبرامایسین			جنتامایسین		
	S	I	R	S	I	R	S	I	R	S	I	R	S	I	R
سالمونلا	۱۶	۲	۲	۳	۳	۱۵	۳	۷	۳	۱۶	۱	۲۰	۱	-	۱۷
سرگروه B	۸۰	۱۰	۱۰	۱۴/۳	۱۱/۳	۷۱/۳	۱۱/۵	۲۷	۱۱/۵	۶۱/۵	۴/۷	۹۵/۳	۰	۵/۵	۹۴/۵
سالمونلا	۳۸	۸	۹	۲۵	-	-	۲۱	۲۱	۲۱	۲۱	-	۵۴	-	۱	۵۶
سرگروه C	۶۹	۱۴/۵	۱۶/۵	۴۷/۲	۱/۸	۵۱	۲۲/۲	۲۸/۱	۲۸/۱	۳۸/۹	۰	۱۰۰	۰	۱/۷	۹۸/۳
سالمونلا	۶	۱۵	۴۰	۳	۲	۵۷	۳	۳	۳	۵۱	-	۶۱	-	-	۶۱
سرگروه D	۱۰	۲۴/۵	۶۵/۵	۴/۸	۳/۲	۹۲	۳/۷	۳/۷	۳/۷	۹۱	۰	۱۰۰	۰	۰	۱۰۰
جمع	۶۰	۲۵	۵۱	۳۱	۶	۹۹	۲۶	۲۱	۲۶	۸	۱	۱۳۵	-	۲	۱۳۴
درصد	۴۴/۱	۱۸/۴	۳۷/۵	۲۲/۸	۴/۴	۷۲/۸	۱۹/۱	۱۶/۲	۱۶/۱	۶۴/۷	۰/۷	۹۹/۳	۰	۱/۵	۹۸/۵

\*S:susceptible, I: Intermediate, R: Resistant

جدول ۲: فراوانی الگوهای مقاومت آنتی بیوتیکی در بین سرگروه های سالمونلا

تعداد ایزوله ها	الگوی مقاومت آنتی بیوتیکی	سرگروه سالمونلا
۱	KAN, STR, NEO, TOB	B
۱	KAN, STR, NEO	
۱	KAN, NEO	
۱۴	STR	
۲	عدم مقاومت	
۱۶	KAN, STR, NEO	C
۲	KAN, NEO	
۱	KAN, STR	
۱۷	STR	
۲	KAN	
۹	عدم مقاومت	D
۲	KAN, STR, NEO	
۴	STR	
۱	KAN	
۴۰	عدم مقاومت	

KAN (کانامایسین)، STR (استرپتومایسین)، NEO (نئومایسین) و TOB (توبرامایسین).

### بحث:

بررسی در بین ایزوله های سالمونلا دارد. به طوریکه مقاومت به استرپتومایسین و تا اندازه ای کانامایسین قابل توجه است در صورتیکه نسبت به توبرامایسین و جنتامایسین بسیار پایین و یا صفر می باشد. همچنین الگوی مقاومت آمینوگلیکوزیدی در میان سرگروه های مختلف متفاوت است. به طوریکه میزان بالای مقاومت (۸۰٪) نسبت به استرپتومایسین در سالمونلای گروه B و به میزان کمتر (۶۹٪) در سالمونلای گروه C و بسیار کم (۱۰٪) در گروه D وجود دارد. این مسئله در مورد کانامایسین هم صادق است. زیرا میزان مقاومت ناهمگون در گروه های B، C و D به ترتیب ۱۴/۳٪، ۴۷/۲٪، و ۴/۸٪ است. در مورد نئومایسین نیز نسبتاً همین تناسب وجود دارد. اما فقط ۴/۷٪ ایزوله های گروه B سالمونلا به توبرامایسین مقاوم هستند و در مورد جنتامایسین هیچ مقاومتی بین ایزوله هامشاهده نگردید. مطالعات دیگری مقاومت اندک نسبت به آمینوگلیکوزیدها را نشان داده اند.

روند ایجاد مقاومت آنتی بیوتیکی ایزوله های مختلف سالمونلا متعلق به گروه های B و C و D را در ترکیه مقابل ۸ آنتی بیوتیک از جمله جنتامایسین طی سال های ۱۹۸۷ تا ۱۹۹۴ بررسی نموده و به ترتیب نشان داد که مقاومت در سال ۱۹۸۷ نسبت به این آنتی بیوتیک حدود ۵۲٪، در سال ۱۹۸۸ حدود ۶۰٪، در سال ۱۹۸۹ حدود ۲۹٪، در سال ۱۹۹۰ حدود ۱۷٪، در سال ۱۹۹۱ حدود ۲۳٪،

در حال حاضر فلوروکینولون ها نظیر افلوکساسین یا سیپروفلوکساسین، سفالوسپورین های نسل سوم نظیر سفتریاکسون و همچنین آنتی بیوتیک های کلرامفنیکل، آموکسی سیلین، آمپی سیلین و تری متوپریم سولفامتوکسازول جهت درمان بیماری های ناشی از سالمونلا از جمله تیفوئید به کار می روند. اما در نقاطی از جهان سویه هایی هر چند نادر با مقاومت سطح بالا به سفالوسپورین های نسل سوم و فلوروکینولون ها گزارش شده است (۶) از این رو، توجه به آنتی بیوتیک های قدیمی که حساسیت باکتریایی هنوز هم به آنها وجود داشته و یا ظهور نموده است همیشه به عنوان یک رویکرد درمانی می بایستی مدنظر باشد. آمینوگلیکوزیدها آنتی بیوتیک های وسیع الطیفی هستند که اثر ضد باکتریایی را از طریق اتصال اختصاصی به ریبوزوم باکتریای و تداخل در سنتز پروتئین اعمال می کنند. این آنتی بیوتیک ها داروهای استاندارد طلایی برای باکتری های بیماریزای جدی محسوب می شوند. اما قابلیت استفاده درمانی در عفونت های ناشی از عفونت های درون سلولی مانند بیماری های کلامیدیایی و یا باکتری های درون سلولی را ندارند. این مسئله به کاهش نفوذپذیری این آنتی بیوتیک ها در غشای سلول های یوکاریوتی نسبت داده شده است (۷). در مطالعه ما، نتایج حکایت از وجود الگوی ناهمگونی از مقاومت آمینوگلیکوزیدی در میان ۵ آنتی بیوتیک مورد

دادند که ۱۷٪ ایزوله‌ها به استرپتومایسین، ۱٪ به جنتامایسین و ۲۰٪ به کانامایسین مقاوم بودند (۱۲). در آسیا و کشور همسایه پاکستان، **Asghar** و همکاران در یک مطالعه در اسلام آباد نشان دادند تمام ایزوله‌های بالینی سالمونلا جز یک ایزوله که به جنتامایسین مقاوم بود، همگی به آنتی بیوتیک‌های آمینوگلیکوزیدی از جمله توبرامایسین، آمیکاسین و جنتامایسین حساس بودند (۱۳). همچنین در کشور دیگری از این قاره پهناور، مقاومت در ۹۳ ایزوله سالمونلا گروه **D** (سروتایپ تافی) جدا شده از کودکان زیر ۱۲ سال در مطالعه **Kumar** در هند در فاصله سال‌های ۲۰۰۲ تا ۲۰۰۴ نسبت به آمیکاسین و جنتامایسین به ترتیب ۸/۷٪ و ۹/۷٪ بود (۱۴). مقاومت یکسان نسبت به این دو آنتی بیوتیک در ۳ مطالعه دیگر به ترتیب ۱۵٪، ۰٪ و ۳٪ گزارش شده است (۱۵، ۱۶).

اما مقاومت بالا نیز نسبت به آمینوگلیکوزیدها در برخی مطالعات گزارش شده است به طوری که در مطالعه‌ای که در شیلی انجام شد، نشان داده شد که در میان ۱۳۹ ایزوله سالمونلا پاناما، بیشتر آنها (۱۰۷ ایزوله) به استرپتومایسین مقاوم بودند که ناشی از وجود یک پلاسمید ۲۱۸ کیلوگفت بازی بوده است. همچنین نشان داده شد که مقاومت موارد اندکی از ایزوله‌ها نسبت سایر آنتی بیوتیک‌های آدبندلیکوزیدی از جمله جنتامایسین و کانامایسین ناشی از وجود یک پلاسمید ۱۲۰ کیلوگفت بازی در حال تکامل می‌باشد (۱۷).

**Kidall** و همکاران در طی یک گزارش در سال ۲۰۰۴، ۳۹۷ ایزوله سالمونلا از نیکارا، منشأ انسانی یا حیوانی از بریتانیا را از نظر وجود مقاومت ضدگانه آنتی بیوتیکی و وجود اینتگرون‌ها بررسی کردند. آنها نشان دادند که ۲، ۱۴ و ۱۱۹ ایزوله به ترتیب به جنتامایسین، کانامایسین و استرپتومایسین مقاوم بودند (۱۸).

**Peirano** نشان داد که از میان ۱۳۵ ایزوله سالمونلا انتریکا با منشأ مختلف طی سال‌های ۱۹۹۹ تا ۲۰۰۳ به ترتیب ۲۷، ۲۶ و ۱۰۳ ایزوله نسبت به جنتامایسین، نوامایسین و استرپتومایسین مقاوم بودند (۱۹).

**Musgrove** و همکاران در یک مطالعه که در سال ۲۰۰۶ منتشر شد نشان دادند که از ۴۱ ایزوله سالمونلا جدا شده از منابع مختلف، ۶۳/۴٪ به استرپتومایسین، ۶۱٪ به کانامایسین، ۶۱٪ به جنتامایسین و ۰٪ به آمیکاسین مقاوم هستند (۲۰).

در سال ۱۹۹۲ حدود ۱۵٪، در سال ۱۹۹۳ حدود ۲۰٪ و در سال ۱۹۹۴ به صفر درصد رسیده است (۸).

نسبت مقاومت پایین به آمینوگلیکوزیدها در ایزوله‌های سالمونلا گروه **D** (سالمونلا انتریتیدیس) در یک گزارش در برزیل که در سال ۲۰۰۶ منتشر شد به ترتیب ۱/۲۵٪ و ۳/۷۵٪ جهت آنتی بیوتیک‌های کانامایسین و نوامایسین بود (۹).

در مطالعه دیگری در آمریکای جنوبی، در سائوپائولو برزیل، هم تفاوت حساسیت نسبت به آمینوگلیکوزیدها نشان داده شد. به طوری که به ترتیب ۱۸/۵٪، ۱/۷٪، ۷/۹٪، ۲/۴٪، ۳۱/۲٪ از ایزوله‌های سالمونلا اینفانتیس (گروه **C**)، دوبلا (گروه **D**)، تافی موریوم (گروه **B**)، انتریتیدیس (گروه **C**)، آگوندا (توبرامایسین مقاوم بودند. این نسبت در مورد آمیکاسین ۱/۷٪، ۶/۲٪، ۰/۸٪ و ۱۵٪ و در مورد جنتامایسین ۱۶/۷٪، ۳/۵٪، ۷/۴٪ و ۰٪ به ترتیب در ایزوله‌های سالمونلا اینفانتیس (گروه **C**)، دوبلین (گروه **D**)، تافی موریوم (گروه **B**)، انتریتیدیس (گروه **C**)، و آگوندا بود (۱۰).

در قاره دیگر، **Friedlan** و همکاران در بخش نوزادان یک بیمارستان بزرگ در آفریقای جنوبی وضعیت مقاومت به آمینوگلیکوزیدها از جمله آمیکاسین، جنتامایسین و توبرامایسین را در بین ایزوله‌های گرم منفی از جمله سالمونلا که به شکل بیمارستانی و یا کسب شده از جامعه بودند، بررسی کردند. این مقاومت را طی ۲ دوره یعنی زمان استفاده از جنتامایسین (فوریه ۱۹۸۹ تا ژانویه ۱۹۹۰) و زمان استفاده از آمیکاسین (فوریه ۱۹۹۰ تا ژانویه ۱۹۹۱) بررسی نمودند. نشان داده شد که در دوره استفاده از جنتامایسین، از میان ۲۳ ایزوله سالمونلای کسب شده از جامعه هیچ کدام به سه آنتی بیوتیک آمینوگلیکوزید فوق مقاوم نبودند. اما تنها یک ایزوله (از مجموع ۵ ایزوله) کسب شده از بیمارستان به جنتامایسین مقاوم بود. در دوره دوم یعنی زمان استفاده از آمیکاسین از مجموع ۲۴ ایزوله سالمونلا، مقاومت نسبت به جنتامایسین و توبرامایسین در ۱ ایزوله و نسبت به آمیکاسین در هیچ ایزوله‌ای مشاهده نشد. این وضعیت در میان سویه‌های کسب شده بیمارستانی نیز مشاهده شد (۱۱).

در اروپا نیز **Antunes** و همکاران در طی یک مطالعه بر روی ۱۱۸۳ سویه سالمونلا جدا شده از منابع مختلف انسانی، غذایی و محیطی در طی سال‌های ۲۰۰۳-۲۰۰۲ در کشور پرتغال نشان

### نتیجه گیری:

همسو با نتایج حاصل از بسیاری از مطالعات، به جز استرپتومایسین، مقاومت نسبت به سایر آمینوگلیکوزیدها به ویژه جنتامایسین در میان سالمونلا انتریکا در ایران پایین است. در صورت وجود اندیکاسیون دارویی، این آنتی بیوتیک ها در درمان بیماری های

ناشی از این باکتری ها قابلیت استفاده را دارند. نکته دیگری که می بایستی به آن توجه داشت ناهمگونی الگوی مقاومت آمینوگلیکوزیدی در میان سرگروه های مختلف است که نشان از اهمیت بررسی آنتی بیوگرام به تفکیک سرگروه ها و سرانجام اتخاذ تصمیم درمان آنتی بیوتیکی خاص هر سرگروه دارد.

### فهرست مراجع:

1. Sherris RK. *Medical Microbiology*. 4<sup>th</sup> ed. New York; McGraw-Hill. 2006; PP: 343-373.
2. امیر مظفری ن، تهرانی ه، نیاکانی م. بررسی میزان مقاومت به نالیدیکسیک اسید در سالمونلاهای تیفوئیدی و غیر تیفوئیدی جدا شده از بیماران بستری در یک دوره یکساله ۸۵-۱۳۸۴، *مجله دانشگاه علوم پزشکی ایران پاییز ۸۶*، دوره چهاردهم، شماره ۵۶، صص ۴۳ تا ۵۱.
3. Brooks GF, Butel JS, Morse SA. *Jawetz, Melnick & Adelberg's Medical Microbiology*. 23<sup>th</sup> ed. The United States of America; McGraw-Hill. 2004; PP:256-261.
4. Pelayo JS, Delicato ER, Mikcha JM, Fernandes SA. Resistance profile to antimicrobials of *Salmonella* spp. Isolated from human infections. *Brazilian Arch of Bio and Tech* 2004; **47**(2): 193-197.
5. شریف زاد، دست زاده، نامجو، آذر دانش. بررسی حساسیت آنتی بیوتیک سالمونلاهای مقاوم به آنتی بیوتیک جدا شده از موارد اسهال کودکان (۰-۱۰ ساله) در شهرستان شهرکرد و بررسی پدیده انتقال مقاومت باکتری اشرشیاکلی K<sub>12</sub>، *مجله دانشگاه علوم پزشکی شهرکرد*، ده هشتم، شماره ۱، صص ۱ تا ۶.
6. Bhutta ZA. Current concepts in the diagnosis and treatment of typhoid fever. *BMJ* 2006; **333**: 78-82.
7. Menasha O, Kaganskaya E, Baasov T, Yaron S. Aminoglycosides affect intracellular *Salmonella enterica* serovars Typhimurium and Virchow. *Antimicrob Agents Chemother* 2008; **52**(3): 92-96.
8. Asaker EA, Yurdak K. Analysis of antibiotics resistance detected in 415 strains of *Salmonella* isolated in stool culture of Turkish patients with diarrhea. *PMJ* 2006; **2**(1): 71-75.
9. Cardoso MO, Ribeiro AR, Santos LR, Pilotto F, Moraes HLS, Salle CTP, et al. Antibiotic resistance in *Salmonella enteritidis* isolated from broiler carcasses. *Brazilian J of Micro* 2006; **37**: 368-371.
10. Castro FA, Santo VR, Gomes Martins CH, Fernandes A, Zaia JE, Martinez R. Prevalence and Antimicrobial Susceptibility of *Salmonella* Serotypes in Patients from Vila Rica Preto, São Paulo, Brazil, between 1985 and 1999. *BJID* 2002; **6**: 244-251.
11. Friedland IR, Funk E, Khoosal M, Klugman KP. Increased resistance to amikacin in a neonatal unit following intensive amikacin usage. *Antimicrob Agents Chemother* 1992; **36**(8): 1596-1600.
12. Antunes P, Machado J, Peixe L. Characterization of antimicrobial resistance and class 1 and 2 integrons in *Salmonella enterica* isolates from different sources in Portugal. *JAC* 2006; **58**(2):297-305.
13. Asghar U, Saba N, Samad A, Qazilbash AA. Identification, Characterization and antibiotic susceptibility of *Salmonella* and *Shigella* species isolated from blood and stool samples of patients. *J Med Sci* 2002; **2**(2): 85-88.
14. Kumar R, Gupta N, Shalini. Multidrug-resistant typhoid fever. *Indian J of Paediatr* 2007; **74**: 39-42.
15. Kabra SK, Kabra M, Talati A, Soni N, Patel S, Modi RR. Multidrug-resistant typhoid fever. *Trop Doct* 2000; **30**: 195-197
16. Agarwa KS, Singh SK, Kumar N. A study of current trends in enteric fever. *J Commun Dis* 1998; **30**: 171-174.
17. Cordano AM, Virgilio R. Evolution of drug resistance in *Salmonella panama* isolates in

- Chile. *Antimicrob Agents Chemother* 1996; **40**(2): 336-341.
18. Randall LP, Cooles SW, Osborn MK. Antibiotic resistance genes, Integrons and multiple antibiotic resistance in thirty-five serotypes of *Salmonella enterica* isolated from humans and animals in the UK. *Antimicrob Agents Chemother* 2004; **53**: 208-216.
19. Peirano G, Agersø Y, Aarestrup FM, Moura resistance genes among *Salmonella enterica* from Brazil. *JAC* 2006; **58**(2): 305-310.
20. Musgrove MT, Jones DR, Northcutt JK, Cox NA, Harrison MA, Fedorka-Cray PJ, Lately SR. Antimicrobial resistance in *Salmonella* and *Escherichia coli* isolated from commercial shell eggs. *Poultry Sci* 2006; **85**: 1665-1669.

Archive of SID