

بررسی فراوانی مقاومت دارویی ایزوله‌های *انتروکوکوس فکالیس* و *انتروکوکوس فاسیوم* و شناسایی ژن *van A/B* در میان سویه‌های مقاوم به ونکومايسين با روش PCR در بیمارستانهای ایلام و کرمانشاه

فرزاد محمدی^۱، دکتر بهمن تبرایی^{۱*}، الهام داوودیان^۲، عباس ملکی^۲، شایان ملک نیا^۳، نورخدا صادقی فرد^۲، مهدی نجاتی^۳، ترمه تبرایی^۱

۱- گروه میکرو بیولوژی، دانشکده علوم، دانشگاه آزاد اسلامی واحد کرج

۲- گروه میکرو بیولوژی، دانشکده پزشکی، دانشگاه علوم پزشکی ایلام

۳- بخش واکنش‌های باکتریایی انستیتو پاستور ایران

نویسنده رابط: بهمن تبرایی، بخش واکنش‌های باکتریایی انستیتو پاستور ایران

E.mail:bahmantabaraie@yahoo.com

تلفن: ۰۲۶۱۶۱۰۲۹۳۸ همراه: ۰۹۱۲۳۶۱۸۱۶۰

چکیده:

زمینه و اهداف: در دو دهه اخیر، انتروکوک‌ها مقاومت گسترده‌ای به تعدادی از آنتی بیوتیکها کسب کرده‌اند که این امر سبب پیچیدگی در درمان عفونت‌های ناشی از این باکتریها گردیده است. امروزه انتروکوک‌های مقاوم به غلظت‌های گوناگونی از ونکومايسين به طور تصاعدي از سراسر دنیا گزارش می‌شود. ژنهای *vanA* و *vanB* در انتروکوک‌ها مسئول مقاومت به غلظت بالایی از ونکومايسين می‌باشد. در تحقیق حاضر مقاومت دارویی گونه‌های مختلف *انتروکوکوس فکالیس* و *انتروکوکوس فاسیوم* بر علیه ونکومايسين و ۱۲ آنتی بیوتیک اختصاصی تعیین گردید، ضمناً حضور ژنهای *van A/B* در گونه‌های مقاوم به ونکومايسين مورد بررسی قرار گرفته است.

روش بررسی: ۱۸۰ نمونه انتروکوک از بیمارستانهای کرمانشاه و ایلام جمع‌آوری گردید. گونه‌های انتروکوک با روشهای متداول استاندارد شناسایی شده و آزمون حساسیت به آنتی بیوتیک‌ها طبق روش استاندارد دیسک دیفیوژن CLSI انجام شد. مقاومت دارویی (MIC) با روش E.test بر روی نمونه‌های مقاوم به ونکومايسين انجام پذیرفت سپس با استفاده از روش PCR فراوانی ژنهای *vanA* و *vanB* مورد بررسی قرار گرفت.

یافته‌ها: از بین ۱۸۰ نمونه ایزوله، ۱۲۸ نمونه *انتروکوکوس فکالیس* و ۵۲ نمونه *انتروکوکوس فاسیوم* شناسایی شدند. نتایج آزمون حساسیت به آنتی بیوتیکها نشان داد که ۶۱/۱ درصد سویه‌ها به اریترومايسين، ۵۹/۴ درصد به آمپی سیلین، ۲/۲ درصد به جنتامایسین، ۱۸/۳ درصد به سفوتاکسیم، ۸/۳ درصد به ونکومايسين، ۵/۵ درصد به مروپنم، ۳۶/۱ درصد به کلرامفنیکل، ۳۱/۱ درصد به استرپتومايسين، ۲۴/۴ درصد به تتراسایکلین، ۱۴/۴ درصد به لینکومايسين، ۲۱/۱ درصد به تیکوپلانتین، و ۳/۸ درصد آمیکاسین و سیپروفلوکساسین مقاوم بودند. MIC برای نمونه‌های مقاوم به ونکومايسين بین ۳۲ تا ۲۵۶ میکروگرم بدست آمد. از بین ۱۵ نمونه مقاوم به وانکومايسين، ژن *vanA* در ۱۲ سویه مشاهده گردید ولی در هیچ سویه‌ای ژن *vanB* مشاهده نشد.

نتیجه‌گیری: بررسی نتایج حاصله از این مطالعه نشان می‌دهد که فراوانی ژن *vanA* در بین ایزوله‌های انتروکوک مقاوم به ونکومايسين خیلی شایع نبوده و ژن *vanA* صرفاً در ۱۲ مورد از سویه‌های ایزوله مشاهده گردید. در حالی که ژن *vanB* در هیچکدام از سویه‌ها یافت نشد.

کلید واژه‌ها: انتروکوک، ونکومايسين، *vanA* و *vanB*

مقدمه:

عفونتهای جدی ناشی از کوکسی‌های گرم مثبت آمریکا گزارش شده است. سویه‌های فاسیوم به ویژه از نظر مقاومت به ونکومايسين حایز اهمیت هستند به طوری که در آمریکا تا ۵۰ درصد سویه‌های جدا شده از این گونه نسبت به این دارو مقاوم گزارش شده‌اند و همچنین می‌توانند ژنهای مقاومت را کسب و به سایر گروه‌های باکتریایی منتقل کنند. بنابراین بروز این نوع مقاومت در انتروکوکها مشکلات عمده‌ای در بروز عفونتهای بیمارستانی ناشی از این ارگانسیم‌ها و نیز تشخیص و درمان آنها را سبب گردیده است. روش PCR جهت شناسایی ژنهای مقاومت به ونکومايسين و تعیین پراکندگی این دسته از ژنها در انتروکوکهای مقاوم کاربرد فراوانی داشته است (۴،۳).

مواد و روشها:

۱۸۰ نمونه انتروکوک در طی سال ۱۳۸۸ از عفونت‌های اداری در بیمارستانهای شهر ایلام و بیمارستان امام رضا (ع) کرمانشاه جمع‌آوری گردید. پس از تهیه کشت خلص با استفاده از رنگ آمیزی گرم، آزمون‌های کاتالاز، تعیین مقاومت به دیسک، اپتوچین، بایل اسکولین، رشد در شرایط مختلف درمان ۱۰ و ۴۵ درجه سانتی‌گراد، تحمل دمای ۶۰ درجه سانتی‌گراد به مدت نیم ساعت، تحمل متیلن بلو یک درصد سدیم آزاید ۰/۰۵ درصد، رشد در ۶/۵ درصد نمک، و هیدرولیز هیپوروات نمونه‌ها در حد جنس شناسایی شدند. سپس نمونه‌های انتروکوک با استفاده از آزمایشات تولید اسید از مانیتول، سوربیتول، سوربوز، آرابینوز، رافینوز، ریبوز و ساکاروز در حد گونه شناسایی شدند. از سویه‌های استاندارد *E. faecium* ATCC V583 و *E. faecalis* ATCC19433 جهت کنترل کیفی محیط‌های کشت و آزمونهای تشخیصی استفاده گردید(۵).

جهت بررسی مقاومت دارویی با روش استاندارد Kirby-Baur مقاومت سویه‌های جداسازی شده نسبت به آنتی‌بیوتیکهای اریترومايسين، آمپی‌سیلین، جنتامایسین، سفوتاکسیم، ونکومايسين، مروپنم، کلرامفتیکل،

انتروکوکها کوکسی‌های گرم مثبت و کاتالاز منفی هستند که قادرند در حضور ۶/۵ درصد نمک و ۴۰ درصد املاح صفراوی رشد نمایند. این باکتری‌ها فلور طبیعی روده حیوانات خونگرم از جمله انسان محسوب می‌شوند. شایع‌ترین انتروکوک‌های دخیل در عفونتهای انسانی انتروکوکوس فکالیس (۹۰-۸۵ درصد) و انتروکوکوس فاسیوم (۱۰-۵ درصد) هستند که منجر به ایجاد عفونت‌های مجاری اداری، زخم‌ها و حتی اندوکاردیت می‌شود. این باکتریها که در گذشته از لحاظ بالینی کم‌اهمیت تلقی می‌شدند به دلیل کسب مقاومت اکتسابی به چندین آنتی‌بیوتیک مهم مانند ونکومايسين از اوایل ۱۹۷۰ بعنوان دومین عامل شایع عفونتهای بیمارستانی در نظر گرفته می‌شوند. انتروکوکهای مقاوم به ونکومايسين (VRE) اولین بار توسط Leclercq در سال ۱۹۸۶ شناسایی شدند و شیوع آنها با تجویز بی‌رویه آنتی‌بیوتیکهای گلیکوپپتیدی افزایش یافت (۲، ۱). امروزه VRE با داشتن $MIC \geq 4$ برای ونکومايسين و مقاومت چندگانه به پنی‌سیلین، سفالوسپورینها و آمینوگلیکوزیدها شناخته می‌شود. ژنهای ساختمانی مقاومت به ونکومايسين *vanA*، *vanB*، *vanC*₁ و *vanC*_{2/3} می‌باشند که از بین آنها *vanA* و *vanB* بعنوان مهمترین ژنهای مسئول مقاومت شناخته شده و به ترتیب بر روی ترانسپوزونهای Tn1546 و Tn1547 قرار دارند که می‌توانند روی پلاسمید یا کروموزوم یافت شوند. فنوتیپ *vanA* به مقدار بالایی از ونکومايسين و تیکوپلانتین مقاوم است. فنوتیپ *vanB* به ونکومايسين مقاوم بوده اما به تیکوپلانتین حساس است. سهولت در تبادل ژنهای مقاوم و بیروانت بین سویه‌های انتروکوک و توانایی بالای ارگانسیم در انتقال بین افراد بیماران و محیط فراوانی قابلیت انتشار این سویه‌ها را در بین محیط‌های مختلف تأیید می‌کند. در بیمارستانها این باکتریها به طور عمده توسط دست کارکنان بیمارستان از فردی به فرد دیگر انتقال می‌یابند و برخی از این افراد ممکن است این باکتری را در مجرای گوارشی خود داشته باشند. آنتی‌بیوتیکهای گلیکوپپتیدی ونکومايسين و تیکوپلانتین (همراه با آمینو گلیکوزید) آخرین راه درمان

آلمان)، عصاره مخمر (مرک آلمان) و NaCl کشت داده شد و با استفاده از سانتیفریوژ رسوب سلولی جمع آوری گردید و استخراج طبق دستورالعمل کیت استخراج DNA (فرمنتاز ساخت کشور انگلیس) انجام گردید. **آزمون PCR:** با استفاده از روش PCR و توالی پرایمرهای اختصاصی نشان داده شده در جدول ۱، وجود ژنهای مقاومت به ونکومایسین شامل vanA و vanB در سویه‌ها بررسی شد (۶).

استرپتومایسین، تتراسایکلین، لینکومایسین، آمیکاسین، تیکوپلانتین و سیپروفلوکساسین ارزیابی شد. (دیسکهای آنتی بیوتیک از شرکت هایمدیا هندوستان تهیه گردید). به منظور به دست آوردن میزان مقاومت، تمامی سویه‌هایی که به روش دیسک دیفیوژن از خود مقاومت نشان می‌دادند با روش E.test (نوارها مربوط به شرکت هایمدیا هند) MIC آنها تعیین گردید.

استخراج DNA: جهت استخراج DNA از کشت ۲۴ ساعته نمونه‌ها در محیط LB براث حاوی تریپتون (مرک

جدول ۱: توالی پرایمرهای مورد استفاده در آزمون PCR ژن های vanA و vanB

Primers	Sequences
vanA	Forward: vanA (vanA-gene) 5'-TCT GCA ATA GAG ATA GCC GC-3'
	Reverse: vanA (vanA-gene) 5'-GGA GTA GCT ATC CCA GCA TT - 3'
vanB	Forward: vanB (vanB-gene) 5'-CAT CGT CCC CGA ATT TCA AA-3'
	Reverse: vanB (vanB-gene) 5'-GAT GCG GAA GAT ACC GTG GCT-3'

خمینی (ره) ایلام ۱۱۷ نمونه (۶۴ درصد)، بیمارستان مصطفی خمینی ایلام ۲۸ نمونه (۱۶ درصد) و بیمارستانهای خصوصی ایلام ۷ نمونه (۴ درصد) می‌باشند (جدول ۲). بعد از انجام تستهای بیوشیمیایی و تأییدی مشخص گردید که از ۱۸۰ نمونه مورد آزمایش ۱۲۸ نمونه (۷۱ درصد) اتروکوکوس فکالیس و ۵۲ نمونه (۲۹ درصد) اتروکوکوس فاسیوم می‌باشند. نتایج MIC به روش E-test نشان داد که ۲۰ درصد (۳ نمونه) سویه‌ها دارای مقاومت سطح بالا به ونکومایسین یعنی $MIC \geq 256$ بودند، ۲ نمونه بیشتر از ۳۲ میکروگرم و مابقی بین ۴ تا ۳۲ میکروگرم می‌باشند.

الکتروفورز افقی بر روی ژل آگاروز ۰/۷۵ درصد و درون بافر TAE (تریس، اسیداستیک گلایسید و EDTA) انجام گرفت. نمونه‌ها پس از مخلوط کردن، بالودینگ بافر وارد چاهک شدند. باندهای DNA بعد از رنگ‌آمیزی با اتیدیوم بروماید زیر نور UV مشاهده گردید. از مارکر ۱۰۰۰bp (شرکت ژن فن آوران) به عنوان مارکر استاندارد های وزن مولکولی استفاده گردید.

یافته‌ها:

در تحقیقات حاضر، ۱۸۰ نمونه اتروکوک از عفونت‌های ادراری جدا گردید که از بین آنها، ۲۸ نمونه (۱۶ درصد) مربوط به بیمارستان امام رضا (ع) کرمانشاه، بیمارستان امام

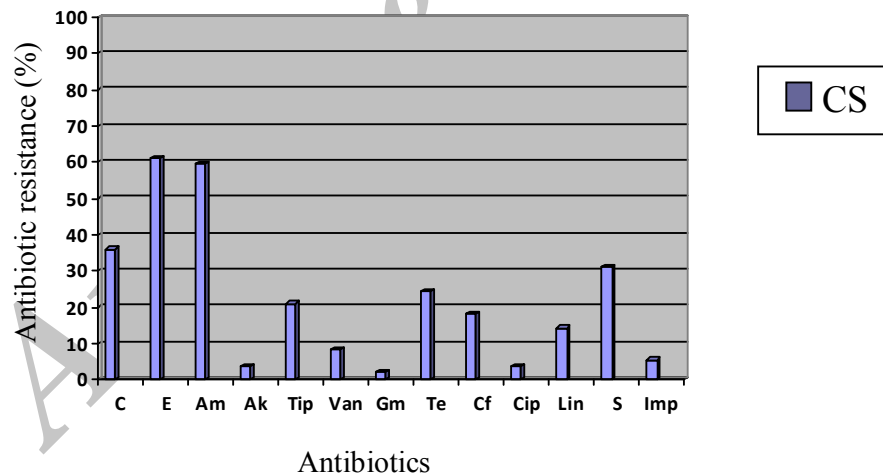
جدول (۲) تعداد نمونه‌های گردآوری شده از هر بیمارستان به تفکیک گونه

مجموع	آزمایشگاههای خصوصی	بیمارستان مصطفی خمینی	بیمارستان امام رضا	بیمارستان امام	تعداد مراکز درمانی (%)
۱۲۸	۴	۲۰	۱۹	۸۵	اتروکوکوس فکالیس
۵۲	۳	۸	۹	۳۲	اتروکوکوس فاسیوم
۱۸۰	۷	۲۸	۲۸	۱۱۷	مجموع

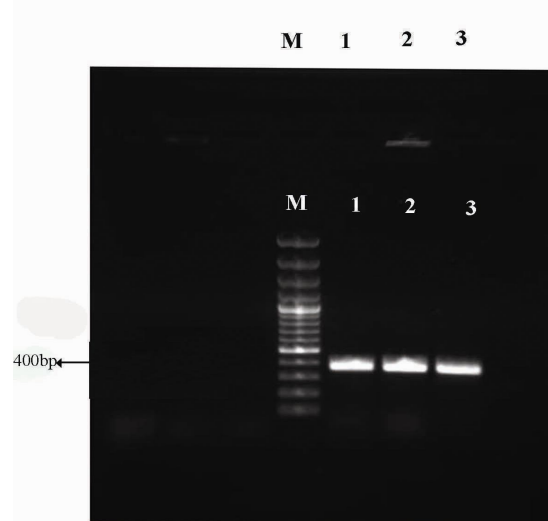
نمونه بیمارستان مصطفی خمینی (۲۰) انتروکوکوس فکالیس و ۸ نمونه انتروکوکوس فاسیوم) و از ۷ نمونه (۴ نمونه انتروکوکوس فکالیس و ۳ نمونه انتروکوکوس فاسیوم) بیمارستانهای خصوصی شهر ایلام هیچ گونه مقاوم به ونکومايسين مشاهده نگردید. بر اساس نتایج PCR، *vanA* دارای فراوانی بیشتری است. از دو نمونه بیمارستان امام رضا (ع) یک نمونه دارای *vanA* و از ۱۳ نمونه بیمارستان امام خمینی شهر ایلام ۱۱ نمونه دارای *vanA* بودند. (شکل ۱). در هیچ کدام از نمونه‌ها ژن *vanB* مشاهده نشد.

نتایج حاصل از آنتی بیوگرام در مورد ۱۳ آنتی بیوتیک در نمودار (۱) نشان داده شده است که نشان دهنده مقاومت‌های چندگانه سویه‌های مختلف می‌باشد. میزان مقاومت به ۳ آنتی بیوتیک جنتامیسین (۲/۲ درصد)، آمیکاسین و سیپروفلوکساسین (۳/۸ درصد) و مروپنم (۵/۵ درصد) نشان می‌دهد که هنوز برخی سویه‌های حساس به سایر داروها در شهر ایلام و کرمانشاه وجود دارند. از ۲۸ نمونه بیمارستان امام رضا (۱۹ نمونه انتروکوکوس فکالیس و ۹ نمونه انتروکوکوس فاسیوم) ۲ نمونه به ونکومايسين مقاوم بودند. از ۱۱۷ نمونه بیمارستان امام خمینی (ره) ایلام (۸۵ نمونه انتروکوکوس فکالیس و ۳۲ نمونه انتروکوکوس فاسیوم) ۱۳ نمونه به ونکومايسين مقاوم بوده و از ۲۸

نمودار شماره ۱: توزیع فراوانی مقاومت آنتی بیوتیکی سویه‌های VRE جدا شده از نمونه‌های ادرار بیماران نسبت به آنتی بیوتیک‌های کلرامفنیکل (C)، اریترومايسين (E)، آمپی سیلین (Am)، آمیکاسین (Ak)، تیکوپلانتین (Tip)، ونکومايسين (Van)، جنتامیسین (Gm)، تتراسیکین (Te)، سفوتاکسیم (CF)، سیپروفلوکساسین (Cip)، لینکومايسين (Lin)، استرپتومايسين (S) و ایمی پنم (Imp).



شکل (۱): الکتروفورز محصول PCR ژن *vanA* بر روی ژل آگارز ۰/۷۵ درصد



- ستون M: سایز مارکر ۱۰۰bp می باشد،
 - ستون ۲: کنترل مثبت واکنش می باشد (*vanA*, ATCC, 29212. *E. Faecium*) سویه مقاوم به وانکومايسين بوده، دارای ژن *vanA* می باشد.. محصول این ژن ۳۷۷bp می باشد.
 - ستون ۱ و ۳ سویه های مقاوم به وانکومايسين بوده، و دارای ژن *van A* می باشد.

بحث:

بیوتیک همانند آمپی سیلین به مراتب بیشتر از سایر آنتی بیوتیکها مورد استفاده قرار می گیرد. ثابت شده است در اکثر موارد به واسطه استفاده بی رویه از آنتی بیوتیکها، شاهد موارد زیادی از مقاومت دارویی در پاتوژنها باشیم که این خود سبب عدم موفقیت در درمان و پیدایش بسیاری از عوارض علی رغم صرف هزینه های هنگفت درمانی می گردد (۹). مقاومت دارویی نسبت به آنتی بیوتیکها در مناطق مختلف ایران و جهان به دلیل تغییرات ژنتیکی در سویه های ایجاد کننده و تفاوت در مصرف میزان آنتی بیوتیکها و وجود اختلاف در میزان دسترس به آنتی بیوتیکهای وسیع الطیف و جدید متفاوت می باشند.

نتیجه گیری:

در این تحقیق، از ۱۵ نمونه مقاوم به وانکومايسين، ۱۲ نمونه دارای ژن *vanA* بوده و از ۱۲ نمونه ای که دارای ژن *vanA* بودند، ۳ نمونه دارای $MIC \geq 256$ بوده و ۲

VRE به عنوان یکی از مهمترین عوامل عفونتهای بیمارستانی در بیماران با حال وخیم و دارای ضعف ایمنی شناخته می شود. بعلاوه حضور انتروکوک مقاوم در جوامع بشری به عنوان یک منبع برای عفونت های بیمارستانی عمل می کند (۷). در این مطالعه همانند چندین مطالعه دیگر نشان داده شد که آمار انتروکوک فکالیس در ایجاد عفونت نسبت به سایر انتروکوکها غلبه دارد و نیز میزان مقاومت انتروکوک فاسیوم بیشتر از انتروکوک فکالیس می باشد (۸). از نظر مقاومت چندگانه، آمار مقاومت در مورد آنتی بیوتیکهای مختلف، متفاوت بود. مقاومت به آنتی بیوتیکهای جنتامایسین (۲/۲ درصد)، آمیکاسین و سیپرفلوکسازین (۳/۸ درصد) و مروپنم (۵/۵ درصد) کمترین میزان مقاومت را به خود اختصاص دادند و بیشترین مقاومت نسبت به اریترومايسين (۶۱/۱ درصد) و آمپی سیلین (۵۹/۴ درصد) نشان داده شد.

این مسئله می تواند نشان دهنده میزان مصرف و فرهنگ مصرف دارو و آنتی بیوتیک در یک منطقه می باشد. آنتی

vanB بودند. هر چهار نمونه را انتروکوک فاسیوم تشکیل می‌دادند (۶) که بر طبق آزمون مقایسه‌ای کای اسکور نتایج آن با نتایج بدست آمده در این تحقیق قرابت دارد. چندین بررسی نشان داده است که استفاده از داروهایی مثل avoparcin در مراکز پرورش حیوانات اهلی به عنوان تحریک کننده رشد در افزایش VRE ها در حیوانات، محیط و انسان دخالت دارد (۱۲).

گسترش مقاومت به گلیکوپپتیدها مثل ونکومایسین و تیکوپلانیلین انتخابهای دارویی و درمانی را محدود کرده است زیرا چگونگی درمان جایگزین در ایران پیشرفتی نداشته است و خطر مضاعف انتقال ژنهای مقاومت به سایر باکتریها مانند استافیلوکوک می‌باشد. برای اینکه شیوع VRE محدود گردد باید استفاده از دارو چه در زمینه‌های حیوانی و چه انسانی با احتیاط باشد و نیز یک کنترل دائمی در مورد شیوع گونه‌های انتروکوک مقاوم به گلیکوپپتیدها در محیط‌های بیمارستانی ضروری است.

نمونه نیز دارای $MIC \geq 32$ بوده‌اند و مابقی بین ۴ تا ۳۲ میکروگرم بودند، که نشان دهنده این امر است که فنوتیپ vanA به مقدار بالایی از ونکومایسین مقاوم است. با توجه به PCR در میان نمونه‌ها ژن vanB مشاهده نشد. در سایر مطالعات نیز ژن vanB فراوانی کمتری نسبت به ژن vanA دارد و دومین فنوتیپ بعد از فنوتیپ vanA در ارتباط با مقاومت به ونکومایسین به شمار می‌رود (۱۰). در مطالعه‌ای Perez-Hernandez و همکاران در سال ۲۰۰۲ در جزایر قناری اسپانیا مشخص کردند که از میان ۴۳۷ نمونه انتروکوک فقط سه نمونه VRE وجود داشت که از آنها فقط یک نمونه انتروکوک فکالیس دارای فنوتیپ vanA بود (۱۱). طبق آزمون مقایسه‌ای کای اسکور این نتایج با نتایج این تحقیق دارای اختلاف می‌باشد. Jaewook Yang و همکاران در سال ۲۰۰۶ در کره جنوبی نشان دادند که مقاومت به ونکومایسین و تیکوپلانیلین در بین نمونه‌ها ۱۶ و ۱۲ درصد بوده است و از میان نمونه‌های مقاوم، ۴ نمونه دارای ژن vanA و فاقد ژن

فهرست مراجع:

1. Cetinkaya Y, Falk P, Mayhall G. Vancomycin resistance Enterococci. *Clin Microbiol Rev.* 2000, 13:686-707.
2. Saeed AK, Mohamad SN, Ashraf AK, et al. Selective isolation of multi drug resistant *Enterococcus spp.* from poultry and dairy farms: Detection of virulence and vancomycin resistance gene markers by PCR. *Molecular Cellular Probes.* 2005, 19:27-34.
3. Maria DA, Citron DM, K wok R. Evaluation of the velogene genomic assay for detection of vanA and vanB gene in vancomycin resistant Enterococcus Species. *J Clin Microbiol.* 2004, 42:1751-1752.
4. Murray B.E, Vancomycin resistant Enterococcal infections. *New Eng J Med.* 2000.32:557-567.
5. Facklam RR, Collin ND. Identification of Enterococcus species isolated from human infection by a conventional test scheme. *J Clin Microbiol.* 1989, 27(4):731-734.
6. Jaewook Y, Dokyung L, et al, Occurrence of the Van Genes in *Enterococcus faecalis* and *Enterococcus faecium* from Clinical Isolates in Korea. *Arch Pharm Res.* 2007 30(3):329-336.
7. Mendez-Alvarez S, Perez-Hernandez X, Claverie-Martin F. Glycopeptide resistance in Enterococci. *Int Microbiol.* 2000, 3:71-80
8. Huycke MM, Sham DF, Gilmore MS. Multidrug resistant Entrococci: The nature of problem and an agenda for the future. *Emerge Infect Dis.* 2002, 4:239-249.
9. Kim JM and Song YG. Vancomycin-Resistant Enterococcal Infections in Korea. *Yonsei Med J.* 1998, 39: 562-568.
10. Aarestrup E M, Agero Y, et al. Comparison of antimicrobial resistance phenotypes and resistance genes in *Enterococcus faecalis* and *Enterococcus faecium* from humans in the community, broilers, and pigs in Denmark. *Diagn Microbiol Infect Dis.* 2000, 37:127-137.
11. Perez-Hernandez X, Mendez-Alvarez S, et al, Low prevalence of vancomycin-resistant Enterococci in clinical samples from hospitalized patients of the Canary Islands, Spain. *Int Microbiol.* 2002, 5: 117-120.
12. Wegener HC, Aarestrup FM, Jensen LB, Hammerum A.M, Bager F. Use of antimicrobial growth promoters in food animals and *Enterococcus faecium* resistance to therapeutic antimicrobial drugs in Europe. *Emerg Infect Dis.* (1999), 5:329-335.