

نشریه زراعت

(پژوهش و سازندگی)

تجزیه پایداری و سازگاری عملکرد دانه در ژنتیک‌های گندم دوروم

• رضا محمدی (نویسنده مسئول)

عضو هیات علمی موسسه تحقیقات کشاورزی دیم کشور

• داود صادق زاده

عضو هیات علمی موسسه تحقیقات کشاورزی دیم کشور

• محمد آرمیون

عضو هیات علمی مرکز تحقیقات کشاورزی و منابع طبیعی ایلام

• ملک مسعود احمدی

عضو هیات علمی مرکز تحقیقات کشاورزی و منابع طبیعی خراسان شمالی

تاریخ دریافت: آذر ماه ۱۳۸۷ تاریخ پذیرش: شهریور ۱۳۸۸

تلفن تماس نویسنده مسئول: ۰۹۱۸۸۳۵۰۰۲

Email: rmohammadi95@yahoo.com

چکیده

هدف از این تحقیق تجزیه اثرات متقابل ژنتیک و محیط بر روی عملکرد دانه ۱۸ ژنتیک پیشرفته گندم دوروم و دو رقم شاهد سرداری (گندم نان) و زردک (گندم دوروم) با استفاده از تجزیه مدل اثرات اصلی افزایشی و ضرب پذیر (AMMI) و همچنین ارزیابی ژنتیک‌ها، محیط‌ها و اثرات متقابل آنها با استفاده از آماره های پایداری امی و اکووالنس ریک می باشد. آزمایشات در چهار ایستگاه تحقیقات دیم کشاورزی کرمانشاه، ایلام، مراغه و شیروان در دو شرایط دیم و آبیاری تکمیلی در سه سال زراعی (۱۳۸۴-۸۶) اجرا شدند. نتایج حاصل از تجزیه امی نشان داد که اثرات اصلی ژنتیک، محیط، اثرات متقابل (GE) و سه مولفه اول اثر متقابل معنی دار می باشند ($F_{10,0} > 0$). نتایج تجزیه امی نشان داد که بای بلات امی قادر به تفکیک ژنتیک‌های با سازگاری ویژه و عمومی و محیط‌های با قدرت تفکیک بالا از محیط‌های ضعیف می باشد. بر اساس نتایج تجزیه امی و پارامترهای پایداری مورد بررسی ژنتیک G9 با بالاترین میزان عملکرد دارای بیشترین پایداری بود در صورتیکه ژنتیک‌های G16 و G18 با بیشترین تاثیر در اثر متقابل نایپایدار ترین ژنتیک‌ها بودند. نتایج حاصل از توصیه ژنتیک‌ها برای مکانهای مورد طالعه در مدل امی نشان داد که ژنتیک‌های G15، G9 و G12 بیشترین سازگاری را به شرایط دیم و آبیاری تکمیلی در کرمانشاه داشتند. ژنتیک‌های با منشاء ایکاردا (G16، G17)، دارای سازگار ویژه به شرایط دیم و آبیاری تکمیلی ایلام بودند. ژنتیک‌های G15، G1 و در شرایط دیم و ژنتیک‌های G15 و G16 در شرایط آبیاری تکمیلی بهترین سازگاری و پتانسیل عملکرد را به شرایط مراغه داشتند. در شیروان ژنتیک‌های با سازگاری ویژه شامل G15، G9 و G1 بودند. ژنتیک G15 در کرمانشاه، مراغه و شیروان جزء برترین ژنتیک‌ها بود و توانایی سازگاری عمومی بالایی به محیط‌های مورد طالعه داشت.

کلمات کلیدی: اثرات متقابل ژنتیک-محیط، تجزیه امی، بای بلات، پایداری و سازگاری، گندم دوروم

Agronomy Journal (Pajouhesh & Sazandegi) 91 pp: 70-78

Analysis of stability and adaptability of grain yield in durum wheat geneotypes

By: Reza Mohammadi, Scientific Member of Dryland Agricultural Research Institute, Kermanshah, Iran (Corresponding Author; Tel: +989188335002), Davood Sadeghzadeh, Scientific Member of Dryland Agricultural Research Institute, Maragheh, Iran Mohammad Armion, Scientific Member of Center of Agricultural Research and Natural Resources, Ilam, Iran, Malak Massoud Ahmadi, Scientific Member of Center of Agricultural Research and Natural Resources, North Khorasan, Iran

The objectives of this study were to analyze genotype by environment (GE) interactions on the grain yields of 18 promising durum wheat lines selected from joint project between Iran and ICARDA along with two national durum (Zardak) and bread wheat (Sardari) checks by the additive main effects and multiplicative interaction (AMMI) model and to evaluate genotype (G), environment (E) and GE interactions using statistics parameters i.e., AMMI stability value (ASV) and ecovalence (W2). The trials were conducted at four locations, representative for multi-location durum yield trials, in Iran under rain-fed (unfavorable) and supplemental irrigation (favorable) conditions for three successive cropping seasons (2005-07). Main effects due to E, G and GE interaction as well as three first interaction principal component axes (IPCA 1-3) were found to be significant ($P < 0.01$). AMMI biplots were able to distinguish genotypes, with wide and specific adaptation, and environments, with high and low genotype discrimination ability. The genotype G9 with the highest mean yield was to be most stable genotype, while the G16, G17 and G18 with the highest contribution to GE interaction were to be most instable. The results of recommended genotypes based on AMMI analysis showed the G15, G9 and G12 were highly adapted to rain-fed and supplemental irrigation conditions of Kermanshah. The all genotypes from ICARDA (G16, G17, G18) were highly adapted to both rain-fed and irrigation conditions of Ilam. The best genotypes for rain-fed condition of Maragheh were G15 and G1 while the G15 and G16 were the best for supplemental irrigation condition. The genotypes G15, G9 and G1 were the best for Shirvan. In this study the G15 was the genotype with the best adaptation in three locations of Sararood, Maragheh and Shirvan.

Key words: GE interaction, AMMI analysis, Biplot, Stability and adaptability, Durum wheat,

مدل امی (AMMI) دارای اعتبار بیشتری می باشد و در حال حاضر در سطح وسیعی مورد استفاده قرار می گیرد (۱، ۷، ۹). مدل امی ترکیبی از دو تجزیه اثرات اصلی افزایشی و متقابل ضرب پذیر در ماتریس های دو بعدی ژنتیک و محیط می باشد. امی تنها مدلی است که بطور واضح اثرات اصلی و متقابل را جدا نموده و برآورده قابل اطمینان از عملکرد را در اختیار قرار می دهد (۸). در روش امی ابتدا تجزیه واریانس معمولی بر روی داده های دوطرفه ژنتیک و محیط اجمام می شود و سپس از روش تجزیه به مؤلفه های اصلی (PCA) اثرات متقابل محاسبه می شود (۸). آن عضو از خانواده امی که دارای اولین مؤلفه اثر متقابل (۱) IPCA=۱ است، با AMMI1، عضو دارای IPCA برابر با دو را با AMMI2 و به مینی ترتیب نشان داده می شود. AMMI0 فاقد محورهای IPCA می باشد و همان مدل معمولی تجزیه واریانس است. مدل کامل امی که دارای حداقل (۱)، (G-۱)، (E-۱) محور است را با AMMIF نمایش می دهد (۴). بای پلات تجزیه امی یک ابزار موثر برای الگوهای گرافیکی اثرات متقابل ژنتیک-محیط را ارائه می دهد. مدل امی اثرات متقابل ژنتیک-محیط را در بیشتر از یک بعد توصیف نموده و فرسته های بهتری را برای مطالعه و تفسیر اثرات متقابل ژنتیک-محیط نسبت به تجزیه واریانس و رگرسیون در اختیار قرار می دهد (۲۲). نتایج حاصل از تجزیه امی در هدایت برنامه های اصلاحی مفید بوده و اصلاحگر را در انتخاب محیطها

مقدمه

وجود اثر متقابل ژنتیک-محیط مهمترین چالش فراروی اصلاحگران نباتات می باشد. تقسیم اثرات متقابل، شناسایی محیطهای هدف و معرفی ژنتیک های مناسب با سازگاری خصوصی و عمومی برای محیطهای موردن مطالعه و تعیین ژنتیک های پایدار در سال های مختلف از اهداف مهم در بررسی ژنتیک ها در سال ها و مکان های مختلف می باشد. پدیده اثر متقابل ژنتیک-محیط به اصلاح گران نباتات کمک می کند تا در ارزیابی ژنتیک ها در محیط های مختلف، مکان های غیرضروری را حذف نموده و در نتیجه موجب کاهش عمدۀ هزینه ها شوند (۳، ۱۱، ۱۹).

پارامترهای زیادی برای اثر متقابل ژنتیک-محیط ارائه شده است. از جمله این پارامترها می توان به روش Yates و Cochran (۲۷)، آماره های θ و Plaisted (۱۷)، آماره های ضریب رگرسیون (bi) و واریانس انحراف از رگرسیون (S_{di}) Russell و Eberwhart (۵)، پارامترهای Wricke و Wilkinson (۲۳)، اکوالانس (W_i) (۶)، Shukla و Jinks (۱۶)، واریانس پایداری (σ_i^2) و Perkins (۱۵)، آماره های ناپارامتری (S_i, S_{ii}) (۲۰)، Huhn و Nassar (۱۵) و مدل Zobel و Gauch (۸) اشاره نمود. این روش ها به دو دسته اصلی تک متغیره و چند متغیره تقسیم می شوند (۱۲). از روش های چند متغیره

نمایش گرافیکی واکنش ژنوتیپ‌ها و محیط‌ها در پدیده اثر متقابل ابزارهای مفیدی جهت شناسایی ژنوتیپ‌های سازگار به محیط‌های ویژه می‌باشدند (۲۱، ۲۲، ۲۳)، به منظور تحلیل بهتر اثرات متقابل ژنوتیپ-محیط و تعیین سهم ژنوتیپ‌ها و محیط‌ها در اثر متقابل از آماره‌های پایداری امی (ASV) (۱۸) و اکووالنس ریک (Wⁱ) (۲۴) استفاده گردید. آماره ASV به دلیل اینکه اثرات دو مولفه اول اثر متقابل را بطور همزمان مورد بررسی قرار می‌دهد نقش مهمی در تفسیر نتایج تجزیه امی دارد. ژنوتیپ‌ها و محیط‌های با مقادیر کم پارامتر ASV پایدار و با مقادیر بیشتر ناپایدار خواهند بود (۱۸). پارامتر پایداری اکووالنس ریک (Wⁱ) که کمتر بودن آن برای ژنوتیپ‌ها و محیط‌ها نشان دهنده پایداری بیشتر آنها و سهم کمتر در اثر متقابل می‌باشد جهت کمک در تفسیر نتایج امی مورد استفاده قرار گرفت.

نتایج و بحث

تجزیه اثرات اصلی افزایشی و ضرب پذیر برای عملکرد دانه با استفاده از مدل امی

قبل از تجزیه آماری مدل امی با استفاده از آزمون لون یکنواختی واریانس های درون محیطی آزمون شد و سپس تجزیه امی بر روی داده ها انجام شد (جدول ۱). نتایج تجزیه واریانس امی برای اثرات اصلی افزایشی و ضرب پذیر در جدول ۱ آمده است. تجزیه واریانس اثرات افزایشی نشان داد که تفاوت معنی داری بین ژنتیپ ها، محیط ها و اثر متقابل ژنتیپ-محیط در سطح احتمال ۱ درصد وجود دارد. در این مدل بزرگی اثرات اصلی افزایشی برای ژنتیپ، محیط و اثر متقابل ژنتیپ-محیط به ترتیب $14/1$ درصد، $5/85$ درصد و $36/13$ درصد مجموع مرباعات کل بود (جدول ۱). بزرگی اثرات محیط بیانگر متفاوت بودن محیط ها بوده که باعث ایجاد تنوع در عملکرد دانه ژنتیپ ها شده است. نتایج آزمون معنی داری مولفه های اثر متقابل نیو نشان داد که سه مولفه اول اثر متقابل مدل امی در سطح احتمال ۱ درصد معنی دار می باشند. نتایج تجزیه واریانس غیر افزایشی نشان داد که اولین مولفه اول اثر متقابل $8/40$ درصد و مولفه های اثر متقابل دوم و سوم نیز به ترتیب $7/25$ درصد و $3/8$ درصد از تغییرات اثر متقابل ژنتیپ-محیط را توجیه می نمایند. این سه مولفه از لحاظ آماری در توجه اثرات متقابل معنی دار بودند. بنابراین مدل دوم امی (AMMI2) که شامل دو مولفه اول اثر متقابل و اثرات اصلی افزایشی ژنتیپ و محیط می باشد که درصد مجموع مرباعات تیمار را توجیه نمود. به عبارت دیگر استفاده از مدل دوم امی (AMMI2) به خوبی در تفسیر نتایج مفید می باشد.

به منظور بررسی روابط ژنتیپ ها و محیط ها از نمایش گرافیکی بای پلات استفاده شد (شکل ۱). دو مولفه اول اثر متقابل (IPCA) به ترتیب $8/40$ درصد و $7/25$ درصد مجموع اثرات متقابل ژنتیپ و محیط را توجیه نمودند. نتایج حاصل از بای پلات دو مولفه اول نشان می دهد که سه محیط E_{10} , E_4 , E_{11} محیط های مشاهه از لحاظ واکنش های اثر متقابل ژنتیپ-محیط بوده و محیط های موثر جهت انتخاب ژنتیپ های G_{19} (سرداری), G_{15} و G_6 می باشند. محیط های E_2 و E_{13} تاثیر زیادی در ایجاد اثر متقابل داشتند. همچنین ژنتیپ های G_{16} و G_{18} نیز با نقش بالایی که در ایجاد اثر متقابل داشتند به ترتیب توسط محیط های E_2 و E_{13} قابل تفکیک بودند و این ژنتیپ ها قابلیت ساز گاری خصوصی بالایی به این محیط ها داشتند. ژنتیپ G_9 با بیشترین میزان عملکرد

و ژنتیک‌های با سازگاری خصوصی و عمومی کمک می‌نماید (۸).
معمولانه نتایج حاصل از امی به صورت یک گراف متداول که با پلات
نامیده می‌شود نشان داده می‌شود. بای پلات روابط بین ژنتیک‌ها با
محیط‌ها و اثرات متقابل آنها را نشان می‌دهد (۲۵). علاوه بر روش
تجزیه امی، جهت تفسیر بهتر اثرات متقابل ژنتیک-محیط از پارامترهای
акووالنس Wricke (۲۳) و آماره پایداری امی (AMMI stability) (۱۸) استفاده شده است (۳). همچنین
از اکووالنس ریک به منظور تعیین سهم محیط‌ها در اثر متقابل می‌توان
استفاده نمود (۱۰، ۱۴). آماره امی (ASV) نیز به منظور ارزیابی پایداری
محیط‌ها و گروه‌بندی محیط‌ها به منظور تفکیک ژنتیک‌های با سازگاری
عمومی و خصوصی نیز در گلرنگ مورد استفاده قرار گرفته است (۱۴).
بنابراین هدف از این تحقیق (۱) تجزیه اثرات متقابل ژنتیک-محیط و
(۲) بررسی واکنش ژنتیک‌ها در محیط‌های مختلف و تعیین و انتخاب
ژنتیک‌های گندم دوروم سازگار و پایدار به محیط‌های مورد مطالعه با
استفاده از روش‌های چند متغیره و تک متغیره می‌باشد.

مواد و روش‌ها

در این بررسی ۱۸ ژنوتیپ پیشرفت‌های گندم دوروم و دو رقم سرداری (شاهد گندم نان) و زردک (شاهد دوروم) در سال‌های زراعی ۱۳۸۲-۸۴، ۱۳۸۵-۸۶ در چهار ایستگاه تحقیقات کشاورزی دیم شامل سرارود (کرمانشاه)، شیروان چرداول (ایلام)، مراغه (آذربایجان شرقی) و شیروان (خراسان شمالی) در دو شرایط دیم و آبیاری تكمیلی مورد بررسی قرار گرفتند. آزمایشات آبیاری تكمیلی در سه سال متولی در ایستگاه دیدم کرمانشاه و سال‌های دوم و سوم در هر دو ایستگاه دیم ایلام و مراغه اجرا گردیدند. هر آزمایش در هر محیط در قالب طرح بلوک‌های کامل تصادفی در سه تکرار و در زمینی که سال قبل به صورت آیش بوده، اجرا شد. هر ژنوتیپ در ۶ خط ۶ متری با فاصله خطوط ۲۰ سانتی متر کشت شد. میزان کود مورد نیاز در هر سال بر اساس توصیه کارشناسان خاک و آب ایستگاه‌های مذکور استفاده شد. در شرایط آبیاری تكمیلی آزمایشات از آغاز دوره گله‌دهی تا رسیدن دو بار تحت تیمار آبیاری (جمعاً حدود ۵۰ میلی لیتر) قرار گرفتند. قبیل از تجزیه امنی یکنواختی واریانس خطاهای آزمایش با استفاده از آزمون لون (Levene's test) آزمون گردید و سپس تجزیه امنی بر روی عملکرد دانه ژنوتیپ‌ها در محیط‌های مختلف با استفاده از نرم افزار GenStat انجام شد. جهت تجزیه سازگاری و پایداری عملکرد لاین‌ها و ارقام مورد بررسی از مدل امنی (۲۵) و از مولفه‌های اثر متقابل اول و دوم امنی (IPCA1, IPCA2) (به عنوان پارامترهای پایداری برای ژنوتیپ‌ها و محیط‌ها استفاده گردید) (۹). ژنوتیپ‌ها و محیط‌های با مقادیر کمتر مولفه‌های اول و دوم اثر متقابل نقش کمتری در اثر متقابل داشته و هر چه میزان ضرایب مولفه‌های اثر متقابل به صفر نزدیکتر باشد بیانگر پایداری ژنوتیپ‌ها و محیط‌ها خواهد بود. محیط‌های با مقادیر بیشتر مولفه اول و کمتر مولفه دوم اثر متقابل قابلیت بالایی در شناسایی ژنوتیپ‌های با سازگاری خصوصی خواهند داشت و محیط‌هایی که چنین خصوصیتی را از دو مولفه اثر متقابل نداشته باشند در تمییز بین ژنوتیپ‌ها نقش ضعیفی خواهند داشت (۲۶، ۲۵). همچنین از مدل بای پلات AMMI2 جهت بررسی، واکنش ژنوتیپ‌ها در محیط‌ها استفاده شد. بای یالات‌ها به دلیل

جدول ۱- تجزیه واریانس اثرات اصلی افزایشی و ضرب پذیر برای عملکرد دانه ژنتیپ‌های گندم دوروم در ۱۹ محیط

Source	df	SS	F	variance explained %
Total	۱۱۳۹	۱۱۰۵۵۱۴۵۴۶	-	-
Treatment	۲۷۹	۹۶۳۷۸۰۳۵۹	۱۵/۶۶**	۸۷/۱۸
Genotype (G)	۱۹	۱۰۹۴۳۲۸۱	۳/۵۵**	۱/۱۴
Environment (E)	۱۸	۸۲۴۰۶۱۲۳۰	۷۱/۰۸**	۸۵/۵
Interaction (GE)	۳۴۲	۱۲۸۷۷۵۸۴۸	۲/۳۲**	۱۳/۳۶
IPCA۱	۲۶	۵۲۵۴۵۳۳۹	۸/۹۹**	۴۰/۸
IPCA۲	۳۴	۳۳۱۱۱۵۴۵	۰/۶**	۲۵/۷۱
IPCA۳	۲۲	۱۰۶۲۳۱۸۴	۲/۰۴**	۸/۲۵
Residual	۲۴۰	۳۲۴۹۵۷۷۹	۰/۸۳ ns	۲۵/۲۳
Block a	۳۸	۲۴۴۷۳۶۸۷	۳/۹۷**	۲/۲۱
Error	۷۲۲	۱۱۷۲۶۰۵۰۰	-	۱۰/۶۱
Levene's Test of Equality of Error Variances		۸/۱۲ ns		-

a The block source of variation refers to blocks within environments

** Significant at ۱% level of probability; ns: non-significant

عملکرد پایین بود. آماره پایداری امی (ASV) نیز نشان داد که ژنتیپ‌های G۹ و G۲۰ (زردک) با کمترین مقدار ASV پایدارترین ژنتیپ‌ها بودند. در حالیکه ژنتیپ‌های G۶ و G۱۷ با عملکرد پایین ناپایدارترین ژنتیپ‌ها بودند. بر اساس پارامتر پایداری اکووالنس ریک، ژنتیپ‌های G۱۴ به همراه G۲۰ (زردک) پایدارترین ژنتیپ‌ها بودند و به ترتیب با ۸/۰ درصد، ۴/۱ درصد، ۵/۱ درصد و ۵/۱ درصد ۵ درصد کمترین نقش را در اثر متقابل داشتند. در صورتی که ژنتیپ‌های G۱۶ و به تبع آن G۱۷ به همراه G۱۹ (سرداری) بیشترین نقش را در اثر متقابل داشتند (جدول ۲).

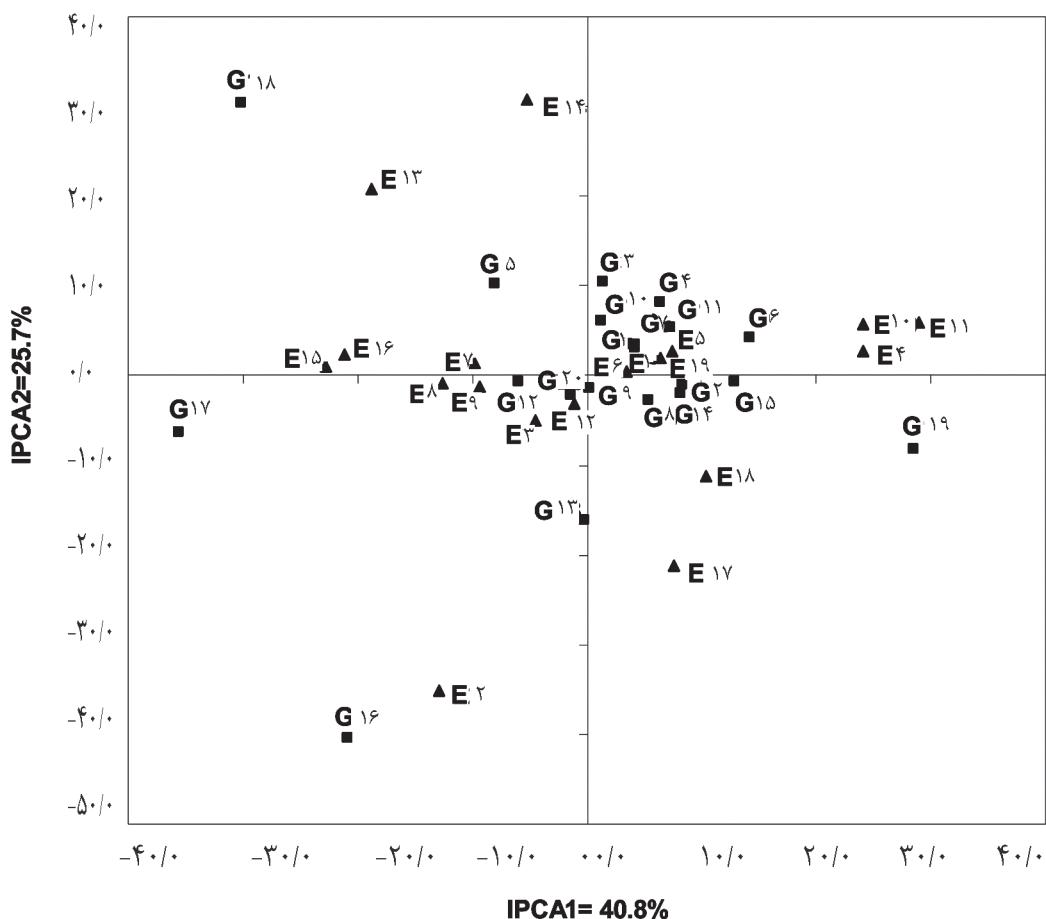
تجزیه پایداری محیط‌ها

محمدی و همکاران (۱۴) به منظور تجزیه بهتر اثرات متقابل ژنتیپ محیط، پارامترهای پایداری برای محیط‌ها استفاده نمودند. مقادیر این پارامترها و رتبه بندی محیط‌ها بر اساس این پارامترها در جدول ۳ آمده است. جهت گزینش محیط‌های مناسب با قدرت بالا در تفکیک ژنتیپ‌ها، محیط‌ها باستی دارای مقادیر IPCA۱ بالا و IPCA۲ پایین باشند. بر اساس این دو پارامتر بان (۲۴) در گندم، Yan و همکاران (۲۶) در گندم و Rajcan و Yan (۲۵) در سویا ژنتیپ‌ها سازگار و پایدار به محیط‌ها و همچنین محیط‌های با قدرت تفکیک ژنتیپی بالا از سایر محیط‌ها را شناسایی نمودند. بر اساس IPCA۱، محیط E۶ با پتانسیل عملکرد بالا و محیط E۱۲ با کمترین پتانسیل عملکرد دارای بیشترین

(۲۶۰۷) کیلوگرم در هکتار) کمترین نقش را در اثر متقابل داشت. بر اساس نتایج بای پلات، ژنتیپ‌های G۱۸، G۱۶، G۱۷، G۱۹ (سرداری) و E۱۶، E۱۵، E۱۴، E۱۳، E۱۲، E۱۱، E۱۰، E۱۵، E۱۴، E۱۳، E۱۲ و E۱۷ به ترتیب به عنوان ژنتیپ‌ها و محیط‌های ناپایدار بیشترین نقش را در ایجاد اثر متقابل داشتند.

تجزیه پایداری ژنتیپ‌ها

مقادیر پارامترهای ژنتیپی و رتبه بندی ژنتیپ‌ها بر اساس این پارامترها در جدول ۲ آمده است. ضرایب دو مؤلفه اول اثر متقابل به عنوان ساده ترین پارامترهای پایداری جهت انتخاب ژنتیپ‌ها قبل از مورد استفاده قرار گرفته است (۱۸، ۹، ۲). Grausgruber و همکاران (۹) در گندم نان و محمدی و همکاران (۱۴) در گلنگ از ضرایب مؤلفه‌های اصلی اثر متقابل (IPCA) جهت گزینش ژنتیپ‌های پایدار استفاده نمودند. در این بررسی کمترین مقدار IPCA۱ مربوط به ژنتیپ‌های G۹، G۱۳، G۱۰ و G۲۰ (زردک) و کمترین مقدار IPCA۲ مربوط به ژنتیپ‌های G۹ و G۱۵، G۱۲ و G۹ با بیشترین میزان عملکرد پایدارترین ژنتیپ بود. بیشترین میزان IPCA۱ برای ژنتیپ‌های G۱۸ و G۱۹ (سرداری) با میانگین عملکرد بیشتر از میانگین کل (۲۴۴۲ کیلوگرم در هکتار) و ژنتیپ‌های G۱۷ و G۱۶ با میانگین عملکرد کمتر از میانگین کل بود. همچنین بیشترین ضرایب از میانگین عملکرد مربوط به ژنتیپ‌های G۱۶، G۱۸، G۱۳، G۳ و G۱۰ با



شکل ۱- بای پلات اولین و دومین مولفه اثر متناظر در مدل AMMI۲ برای ۲۰ ژنوتیپ و ۱۹ محیط. برای نام ژنوتیپ‌ها به جدول ۲ و برای نام محیط‌ها به جدول ۳ مراجعه شود.

توصیه ژنتیک‌ها برای محیط‌ها

تفاوت در رتبه ژنوتیپ‌ها در محیط‌ها نشان دهنده اثر متقابل ژنوتیپ و محیط می‌باشد، بطوری که این اثر متقابل با معنی دار شدن آن از لحاظ آماری و توجیه ۴/۱۳ در صد از مجموع مرباعات اثر تبیمار در مدل امی قابل توجه می‌باشد (جدول ۱). در جدول ۴، چهار ژنوتیپ توصیه شده بر اساس مدل امی برای هر محیط نشان داده شده است. ژنوتیپ G۱۹ (سرداری) از میان ۱۹ محیط مورد بررسی در ۱۰ محیط جزء چهار ژنوتیپ برتر بود و در هشت محیط به عنوان ژنوتیپ غالب (بهترین ژنوتیپ) ظاهر شد (جدول ۴). ژنوتیپ G۱۶ در ۹ محیط از ۱۹ محیط جزء چهار ژنوتیپ برتر و در سه محیط ژنوتیپ غالب بود. ژنوتیپ G۱۸ در سه محیط ژنوتیپ غالب و در شش محیط جزء چهار ژنوتیپ برتر بود. ژنوتیپ G۱۷ در چهار محیط ژنوتیپ غالب و در پنج محیط جزء چهار ژنوتیپ برتر بود. ژنوتیپ G۹ در یک محیط غالب و در ۱۰ محیط جزء چهار ژنوتیپ برتر بود. سایر ژنوتیپ‌های توصیه شده بر اساس مدل امی که جزء ژنوتیپ‌های غالب نبودند عبارت بودند از G۱۵ که در ۱۰ محیط، جزء چهار ژنوتیپ برتر بود و ژنوتیپ‌های G۵، G۱۲، G۱۱، G۱۳، G۱۰، G۶ و G۱۱ که به ترتیب در ۶، ۴، ۱ و ۱ محیط

پایداری و کمترین نقش در اثر متقابل بودند. محیط‌های E۱۱، E۱۰ و E۱۳ با بیشترین IPCA۱ بیشترین نقش را در ایجاد اثر مقابل ژنتیک و محیط داشتند. کمترین IPCA۲ محیطی برای محیط‌های E۹، E۸، E۷ و E۶ و بیشترین آن برای محیط‌های IPCA۱ مشاهده شد. محیط‌های ایده آل بر اساس E۱۴، E۱۳ و E۱۲ بیشتر و IPCA۲ کمتر عبارت بودند از E۱۵ و E۱۶ (با مقادیر منفی IPCA۱ و E۱۴، E۱۱ و E۱۰ با مقادیر مثبت IPCA۱). بر اساس آماره پایداری محیطی امی (ASV(j)، محیط E۱۲ با کمترین میزان پتانسیل عملکرد و به تبع آن محیط‌های E۱۹، E۱۸، E۱۷ و E۱۶ دارای بیشترین پایداری و کمترین نقش در پدیده اثر مقابل بودند در صورتیکه محیط‌های E۱۵، E۱۰، E۹ و E۱۱ با پتانسیل عملکرد پایین و محیط E۲ با پتانسیل عملکرد بالا بیشترین ناپایداری را داشتند. بر اساس پارامتر اکوالانس ریک (۲۳)، محیط‌های E۱۳، E۱۱، E۱۰ و E۱۴ به ترتیب با ۸/۱۳ درصد، ۷/۱۰ درصد، ۶/۹ درصد و بیشترین نقش را در اثر م مقابل و محیط‌های E۳، E۶، E۵، E۱۹ و E۱ با ۷/۰ درصد، ۱/۱ درصد، ۲/۱ درصد ۳/۱ درصد، ۵/۱ درصد و ۶/۱ درصد کمترین نقش را در ایجاد اثر م مقابل داشتند (جدول ۳).

جدول ۲- میانگین عملکرد ژنتیپ‌ها، ضرایب مولفه‌های اثر متقابل و آماره‌های امی و اکوالنس ریک و رتبه‌های ژنتیپ‌ها بر اساس پارامترها

کد ژنتیپ	ژنتیپ	میانگین عملکرد	Rank	IPCA1a	Rank	IPCA2	Rank	ASVi	Rank	Wri	Rank	Wri%
G1	۴۴-۱۶-۲-۴	۲۴۸۱	۶	۴/۱۴	۶	۳/۰۹	۸	۷/۲	۴	۷۳۶۰۷	۱۳	۳/۱
G2	۲۵-۲۵-۱-۵	۲۴۳۰	۱۱	۸/۲۵	۱۴	۱/۰۷-	۳	۱۳/۱	۱۱	۳۸۷۸۹	۶	۱/۶
G3	۴۰-۱۱-۲-۳	۲۲۷۱	۱۸	۱/۴	۵	۱۰/۳۷	۱۷	۱۰/۶	۸	۷۴۴۴۰	۱۴	۳/۱
G4	۲۰-۱۶-۱-۴	۲۴۵۲	۸	۶/۴۱	۱۰	۸/۲۷	۱۵	۱۳/۱	۱۱	۴۶۹۵۹	۷	۲
G5	۱۸-۱۸-۱-۴	۲۴۳۷	۱۰	۸/۰۹-	۱۲	۱۰/۳۱	۱۶	۱۶/۵	۱۳	۷۱۰۹۰	۱۱	۳
G6	۷۴-۲۳-۳-۵	۲۳۱۸	۱۶	۱۴/۱۹	۱۶	۴/۲۵	۱۰	۲۲/۹	۱۵	۸۳۷۰۴	۱۵	۳/۵
G7	۷۳-۱۶-۳-۵	۲۴۴۶	۹	۴/۱۵	۷	۳/۴۸	۹	۷/۴	۵	۵۱۰۱۶	۸	۲/۱
G8	۲۹-۱۸-۲-۱	۲۲۸۰	۱۷	۸/۱۲	۱۳	۲/۰۶-	۵	۱۳	۱۰	۶۹۲۲۸	۱۰	۲/۹
G9	۷۱-۷-۳-۵	۲۶۰۷	۱	۰/۱۷	۱	۱/۳۳-	۴	۱/۴	۱	۳۳۱۸۸	۲	۱/۴
G10	۵۷-۱۱-۳-۱	۲۳۴۱	۱۴	۱/۲	۳	۶/۱۲	۱۲	۶/۴	۳	۱۹۳۰۱	۱	۰/۸
G11	۴۳-۲۵-۲-۴	۲۴۴۶	۹	۷/۳۴	۱۱	۵/۲۷	۱۱	۱۲/۸	۹	۳۶۱۷۳	۵	۱/۵
G12	۱۹-۱۷-۱-۴	۲۵۵۴	۴	۵/۹۵-	۹	۰/۶۵-	۲	۹/۵	۷	۵۲۰۳۰	۹	۲/۲
G13	۴۰۹	۲۴۷۶	۷	۰/۲۷-	۲	۱۶/۰۴-	۱۸	۱۶	۱۲	۱۰۱۸۵۰	۱۶	۴/۳
G14	۴۲	۲۲۳۱	۱۵	۵/۴۲	۸	۲/۷۷-	۷	۹	۶	۳۵۷۱۲	۴	۱/۵
G15	۲۷۸	۲۵۹۴	۳	۱۲/۸۳	۱۵	۰/۵۸-	۱	۲۰/۴	۱۴	۷۲۵۵۵	۱۲	۳
G16	Gcn//Stj/Mrb۳	۲۴۲۴	۱۲	۲۰/۸۳-	۱۷	۴۰/۴۱-	۲۰	۵۲/۲	۱۷	۴۲۵۹۸۹	۲۰	۱۷/۹
G17	Ch۱/Brach//Mra-i	۲۳۷۵	۱۳	۳۵/۵-۷	۲۰	۶/۲۵-	۱۳	۵۶/۸	۱۹	۳۷۵-۶۹	۱۸	۱۵/۷
G18	Lgt۴/۳/Bcr/۳/Ch۱//Gta/Stk	۲۴۷۶	۷	۳۰/۰۹-	۱۹	۳۰/۳۳	۱۹	۵۶/۶	۱۸	۴۱۹۱۵۵	۱۹	۱۷/۶
G19	Sardari	۲۵۹۶	۲	۲۸/۵۶	۱۸	۸/۱۳-	۱۴	۴۶	۱۶	۲۷۰۱۵۰	۱۷	۱۱/۳
G20	Zardak	۲۵۰۰	۵	۱/۳۸-	۴	۲/۱۹-	۶	۳/۱	۲	۳۴۷۳۴	۳	۱/۵

؛ آماره پابداری امی برای ژنتیپ: ASVi؛ دومین مولفه اثر متقابل ژنتیپی IPCA2؛ اولین مولفه اثر متقابل ژنتیپی IPCA1
درصد سهم هر ژنتیپ در اثر متقابل Wri: به اکوالنس یک برای ژنتیپ‌ها: Wri

جدول ۳- میانگین عملکرد محیط‌ها، ضرایب مؤلفه‌های اثر متقابل و آماره‌های امی و اکووالنس ریک و رتبه‌های محیط‌ها بر اساس پارامترها

کد محیط	فصل زراعی	مکان	شرایط	میانگین عملکرد	Rank	IPCA _{1a}	Rank	IPCA ₁	Rank	ASV _j	Rank	W _{2j}	Rank	W _{1j}
E۱	۱۳۸۳-۸۴	کرمانشاه	پیم	۲۹۷۰	۶	۶/۴	۶	۱/۸۹	۶	۱۰/۳	۵	۳۵۶۶۰	۶	۱/۶
E۲	۱۳۸۳-۸۴	کرمانشاه	آبیاری تکمیلی	۳۶۸۷	۲	۱۲/۹۴-	۱۳	۳۵/۰۶-	۱۹	۴۰/۶	۱۸	۳۱۲۷۴۹	۱۹	۱۳/۸
E۳	۱۳۸۳-۸۴	ایلام	پیم	۲۱۹۸	۱۵	۴/۵-	۳	۵/۰۶-	۱۲	۸/۸	۳	۳۴۱۲۷	۵	۱/۵
E۴	۱۳۸۳-۸۴	مراغه	پیم	۱۵۹۳	۱۶	۲۴/۰۸	۱۷	۲/۷۱	۹	۳۸/۳	۱۶	۱۷۲۲۱۶	۱۵	۷/۶
E۵	۱۳۸۳-۸۴	شیروان	پیم	۱۳۱۳	۱۷	۷/۴۶	۷	۲/۷۳	۱۰	۱۲/۲	۶	۲۴۸۵۶	۲	۱/۱
E۶	۱۳۸۴-۸۵	کرمانشاه	پیم	۳۲۲۵	۳	۳/۴۵	۲	۰/۴۴	۱	۵/۵	۲	۳۰۳۶۲	۴	۱/۳
E۷	۱۳۸۴-۸۵	کرمانشاه	آبیاری تکمیلی	۴۱۶۷	۱	۹/۸۳-	۱۰	۱/۳۲	۵	۱۵/۷	۸	۵۴۶۲۷	۷	۲/۴
E۸	۱۳۸۴-۸۵	ایلام	پیم	۲۵۹۹	۸	۱۲/۶۶-	۱۲	۰/۸۲-	۲	۲۰/۱	۱۰	۵۸۳۸۱	۸	۲/۶
E۹	۱۳۸۴-۸۵	ایلام	آبیاری تکمیلی	۲۸۱۵	۷	۹/۳۵-	۹	۱/۲۲-	۴	۱۴/۹	۷	۹۵۸۲۰	۱۰	۴/۲
E۱۰	۱۳۸۴-۸۵	مراغه	پیم	۲۲۴۱	۱۴	۲۴/۱۵	۱۸	۵/۷	۱۳	۳۸/۷	۱۷	۱۵۹۶۱۹	۱۲	۷/۱
E۱۱	۱۳۸۴-۸۵	مراغه	آبیاری تکمیلی	۲۲۴۴	۱۳	۲۸/۸۹	۱۹	۵/۸۴	۱۴	۴۶/۲	۱۹	۲۴۱۲۰۷	۱۸	۱۰/۷
E۱۲	۱۳۸۴-۸۵	شیروان	پیم	۵۹۲	۱۹	۱/۱۵-	۱	۳/۰۹-	۱۱	۳/۶	۱	۱۵۴۲۲	۱	۰/۷
E۱۳	۱۳۸۵-۸۶	کرمانشاه	پیم	۲۲۱۷	۱۱	۱۸/۸۲-	۱۴	۲۰/۸۸	۱۶	۳۶/۴	۱۵	۲۲۳۲۴۲	۱۷	۹/۹
E۱۴	۱۳۸۵-۸۶	کرمانشاه	آبیاری تکمیلی	۳۰۲۱	۵	۵/۲۶-	۴	۳۰/۷۵	۱۸	۳۱/۹	۱۲	۲۱۶۰۷۴	۱۶	۹/۶
E۱۵	۱۳۸۵-۸۶	ایلام	پیم	۲۴۶۲	۱۰	۲۲/۷-	۱۶	۱/۰۵	۳	۳۶	۱۴	۱۶۵۳۷۵	۱۳	۷/۳
E۱۶	۱۳۸۵-۸۶	ایلام	آبیاری تکمیلی	۳۰۹۰	۴	۲۱/۱۶-	۱۵	۲/۴۲	۸	۳۳/۷	۱۳	۱۶۶۵۸۹	۱۴	۷/۴
E۱۷	۱۳۸۵-۸۶	مراغه	پیم	۲۲۸۲	۱۲	۷/۵۴	۸	۲۱/۲۲-	۱۷	۲۴/۴	۱۱	۱۵۸۰۳۵	۱۱	۷
E۱۸	۱۳۸۵-۸۶	مراغه	آبیاری تکمیلی	۲۴۷۶	۹	۱۰/۳۷	۱۱	۱۱/۲۲-	۱۵	۱۹/۹	۹	۶۷۶۹۷	۹	۳
E۱۹	۱۳۸۵-۸۶	شیروان	پیم	۱۱۰۱	۱۸	۶/۰۲	۵	۱/۹۵	۷	۹/۷	۴	۲۷۱۷۱	۳	۱/۲

؛ آماره پایداری امی برای ژنوتیپ: ASV_j : دومین مؤلفه اثر متقابل ژنوتیپی IPCA₂؛ اولین مؤلفه اثر متقابل ژنوتیپی IPCA₁ درصد سهم هر ژنوتیپ در اثر متقابل W_{2j}: به اکوالانس یک برای ژنوتیپ ها: W_{1j}

سازگاری را به شرایط کرمانشاه در هر سه سال زراعی داشتند (جدول ۴). اما در شرایط آبیاری تکمیلی ژنوتیپ‌های G۹ و G۱۲ در دو سال زراعی از سه سال جزء بهترین ژنوتیپ‌های در شرایط آبیاری تکمیلی بودند. در شرایط ایلام، هر سه ژنوتیپ دریافت شده از ایکاردا (G۱۶، G۱۷، G۱۸) هم در شرایط دیم و هم در شرایط آبیاری تکمیلی و در سه سال جزء چهار ژنوتیپ برتر توصیه شده بودند.

برای مراغه در هر سه سال زراعی ژنوتیپ‌های G۱۵ و G۱ و در شرایط آبیاری تکمیلی ژنوتیپ‌های G۱۵ و G۱۶ بهترین ژنوتیپ‌ها با سازگاری ویژه بودند. هر سه ژنوتیپ G۱۵، G۹ و G۱ در هر سه سال زراعی در شیروان جزء ژنوتیپ‌های توصیه شده بر اساس مدل امی باشند و این ژنوتیپ‌ها قابلیت سازگاری بالا با این منطقه را داشتند. ژنوتیپ G۱۵ در ایستگاه‌های کرمانشاه، مراغه و شیروان جزء برترین ژنوتیپ‌ها بود و بنابراین قدرت سازگاری عمومی بالایی به محیط‌های مورد مطالعه داشت.

جزء چهار ژنوتیپ برتر بودند. جدول ۴ همچنین اهمیت افزایش عملکرد بر اساس ژنوتیپ‌های توصیه شده را نشان می‌دهد. اگر ژنوتیپ‌های غالب برای هر محیط کشت شوند میانگین افزایش عملکردی (پیشرفت ژنتیکی در عملکرد) برابر با ۶۵۹ کیلوگرم در هکتار بدست خواهد آمد. اگر دومین، سومین و چهارمین ژنوتیپ توصیه شده برای هر محیط کشت شوند به ترتیب افزایش عملکردهای ۴۰۴، ۲۷۰ و ۱۹۵ کیلوگرم در هکتار بدست می‌آید. همچنین اگر ژنوتیپ‌های توصیه شده برای شرایط دیم و آبیاری تکمیلی جداگانه کشت شوند به ترتیب ۵۴۳ و ۸۵۹ کیلوگرم در هکتار افزایش عملکرد بدست می‌آید، این نتایج نشان می‌دهد که پیشرفت عملکرد در شرایط آبیاری تکمیلی بیشتر از شرایط دیم می‌باشد و این افزایش در حدود ۸/۱۵ درصد می‌باشد. بر اساس نتایج فوق می‌توان ژنوتیپ‌های برتر را برای هر مکان (کرمانشاه، ایلام، مراغه و شیروان) توصیه نمود.

بر اساس نتایج حاصل ژنوتیپ‌های G۹ و G۱۲ بیشترین

جدول ۴- گروه بندی محیط‌ها بر اساس ژنوتیپ‌های با عملکرد غالب و میزان پیشرفت عملکرد غالب و میزان ژنوتیپ توصیه شده در مدل امی

Environment		Location	First four AMMI genotype recommended per environment								Yield improvement (Kg/ha)			
Code	Mean		1 st	GY	2 nd	GY	3 rd	GY	4 th	GY	1 st	2 nd	3 rd	4 th
E-۱۱IR a	۲۲۴۴	مراغه	G1۹	۳۲۵۷	G1۵	۲۷۶۷	G۶	۲۶۶۶	G۹	۲۵۲۰	۱۰۱۳	۵۲۳	۴۲۲	۲۷۶
E-۱۰RF	۲۲۴۱	مراغه	G1۹	۳۰۶۰	G1۵	۲۷۰۱	G۶	۲۵۱۳	G۱۱	۲۴۴۲	۸۱۹	۴۶۰	۲۷۲	۲۰۱
E-۴RF	۱۵۹۳	مراغه	G1۹	۲۳۸۴	G1۵	۲۰۵۲	G۴	۱۸۲۷	G۱	۱۸۱۹	۷۹۱	۴۵۹	۲۲۴	۲۲۶
E-۱۸IR	۲۴۷۶	مراغه	G1۹	۲۹۹۰	G1۵	۲۷۶۷	G۱۶	۲۶۹۳	G۱۳	۲۶۳۶	۵۱۴	۲۹۱	۲۱۷	۱۶۰
E-۵RF	۱۳۱۳	شیروان	G1۹	۱۶۵۴	G1۵	۱۵۵۹	G۹	۱۴۶۹	G۱	۱۴۰۴	۳۴۱	۲۴۶	۱۵۶	۹۱
E-۱RF	۲۹۷۰	کرمانشاه	G1۹	۳۳۱۶	G1۵	۳۲۰۴	G۹	۳۱۶۷	G۱۲	۳۰۷۴	۳۴۶	۲۳۴	۱۹۷	۱۰۴
E-۱۹RF	۱۱۰۱	شیروان	G1۹	۱۴۰۴	G1۵	۱۳۲۹	G۹	۱۲۵۴	G۱	۱۱۹۰	۳۰۳	۲۲۸	۱۵۳	۸۹
E-۶RF	۳۲۲۵	کرمانشاه	G1۹	۳۴۶۷	G1۵	۳۴۲۱	G۹	۳۳۸۰	G۱۲	۳۳۰۷	۲۴۲	۱۹۶	۱۵۵	۸۲
E-۹IR	۲۸۱۵	ایلام	G1۷	۳۲۴۲	G۱	۳۲۵۱	GY	۳۱۱۶	G۱۶	۳۰۲۳	۵۲۷	۴۳۶	۳۰۱	۲۰۸
E-۱۶IR	۳۰۹۰	ایلام	G1۷	۳۸۶۵	G1۸	۳۷۶۷	G۱۶	۳۴۰۸	G۱۲	۳۲۳۸	۷۷۵	۶۷۷	۳۱۸	۱۴۸
E-۱۵RF	۲۴۶۲	ایلام	G1۷	۳۲۴۶	G1۸	۳۱۷۸	G۱۶	۲۸۷۱	G۱۲	۲۶۶۶	۷۸۴	۷۱۶	۴۰۹	۲۰۴
E-۸RF	۲۵۹۹	ایلام	G1۷	۳۰۰۹	G1۸	۲۹۷۵	G۱۶	۲۸۷۶	G۱۲	۲۷۶۸	۴۱۰	۳۷۶	۲۷۷	۱۶۹
E-۱۴IR	۳۰۲۱	کرمانشاه	G1۸	۴۱۱۶	G۵	۳۳۱۹	G۴	۳۲۹۸	G۱	۳۲۱۱	۱۰۹۵	۲۹۸	۲۷۷	۱۹۰
E-۷IR	۴۱۶۷	کرمانشاه	G1۸	۴۵۶۷	G1۷	۴۳۹۵	G۱۲	۴۳۷۶	G۹	۴۲۷۰	۴۰۰	۲۲۸	۲۰۹	۲۰۳
E-۱۳RF	۲۲۱۷	کرمانشاه	G1۸	۳۶۸۲	G۵	۲۹۳۴	G۱۲	۲۶۹۹	G۹	۲۶۳۲	۱۳۶۵	۶۱۷	۳۸۲	۳۱۵
E-۲IR	۳۶۸۷	کرمانشاه	G1۶	۵۳۷۳	G۱۳	۴۵۳۹	G۹	۴۰۹۵	G۱۲	۴۰۸۷	۱۶۸۶	۸۰۲	۴۰۸	۴۰۰
E-۱۷RF	۲۲۸۲	مراغه	G1۶	۲۹۵۱	G۱۹	۲۷۰۱	G۱	۲۶۲۳	G۱۵	۲۵۳۸	۶۶۹	۴۱۹	۳۴۱	۲۵۶
E-۷RF	۲۱۹۸	ایلام	G1۶	۲۴۸۸	G۹	۲۴۸۵	G۱۳	۱۴۶۲	G۱۲	۲۴۵۰	۲۹۰	۲۸۷	۲۶۴	۲۵۲
E-۱۲RF	۵۹۲	شیروان	G۹	۷۵۱	G۱۹	۷۲۳۲	G۱۵	۷۳۱	G۱۶	۷۲۳	۱۵۹	۱۴۰	۱۳۹	۱۲۱
Average	۲۴۴۲			۳۱۰۱		۲۸۴۶		۲۶۵۹		۲۶۳۷	۶۵۹	۴۰۴	۲۷۰	۱۹۵
											۵۴۳	۳۶۵	۲۴۸	۱۷۷
											۸۵۹	۴۷۲	۳۰۷	۲۲۶

IR: شرایط آبیاری تکمیلی؛ RF: شرایط دیم؛ GY: عملکرد دانه؛ ۱st, ۲nd, ۳rd and ۴th: به ترتیب اولین، دومین، سومین و چهارمین ژنوتیپ اختیار شده توسط مدل امی باشد

science, 6(8), 1261-1268.

- 14- Mohammadi, R., Pourdad S.S. and Amri. A. (2008) Grain yield stability of spring safflower (*Carthamus tinctorius* L.). *Aust. J. of Agric. Res.* 59: 546-553.
- 15- Nassar, R., and Huhn, M. (1987) Studies on estimation of phenotypic stability: Tests of significance for nonparametric measures of phenotypic stability. *Biometrics* 43: 45-53.
- 16- Perkins, J.M., and Jinks, J.L. (1968) Environment and genotype-environmental components of variability. *Heredity* 23: 339-3256.
- 17- Plaisted, R. L., and Peterson, L.C. (1959) A technique for evaluating the ability of selections to yield consistently in different locations or seasons. *Am. Pot. J.* 36:381-385.
- 18- Purchase, J.L., Hatting, H., and Van Deventer, C.S. (2000) Genotype x environment interaction of winter wheat in south Africa: II. Stability analysis of yield performance. *South Africa Journal of Plant and Soil* 17(3):101-107.
- 19- Shafii, B., Mahler, K.A., Price, W.J., and Auld, D.L. (1992) Genotype- environment interaction effects on winter rapeseed yield and oil content. *Crop Science*. 32: 922-927.
- 20- Shukla, G.K. (1972) Some statistical aspects of partitioning genotype-environmental components of variability. *Heredity* 29: 237-245.
- 21- Suadric, A., Simic, D., and Vratic, M. (2006) Charactrization of genotype by environment interactions in soybean breeding programmes of southeast Europe. *Plant Breed.* 125: 191-125.
- 22- Vargas, M., Crossa, J. van Eeuwijk, F. Sayre, K. D., and Reynolds, M. P. (2001) Interpreting treatment x environment interaction in agronomy trials. *Agron. J.*, 93: 949-960.
- 23- Wricke, G. (1962) Über eine methode zur refassung der okologischen streubrette in feldversuchen, *Flazenzuecht*, 47: 92-96.
- 24- Yan, W. (1999) A study on the methodology of yield trial data analysis—with special reference to winter wheat in Ontario. PhD thesis, University of Guelph, Ontario, Canada.
- 25- Yan, W., and Rajcan, I. (2002) Biplot analysis of test sites and trait relations of soybean in ontario. *Crop Sci* 42: 11-20.
- 26- Yan, W., Hunt, L.A. Sheng Q., and Szlavnics, Z. (2000) Cultivar evaluation and mega-environment investigation based on the GGE biplot. *Crop Science* 40: 597-605.
- 27- Yates, F., and Cochran.W.G. (1938) The analysis of groups of experiments. *J. Agric. Sci.* 28: 556-580.
- 28- Zobel, R.W., Wright, M.J. and Gauch, H.G. (1988) Statistical analysis of a yield trial. *Agronomy Journal* 80:388–393.

پاورقی ها

- 1 -Additive Main effects and Multiplicative Interactions
- 2- Principal Component Analysis
- 3-Interaction Principal Component Axis

منابع مورد استفاده

- 1- Adugna, W., and Labuschagne, M.T. (2003) Parametric and non-parametric measures of phenotypic stability in linseed (*Linum usitatissimum* L.). *Euphytica*, 129: 211-218
- 2- Anniccharico, P. (1997) Joint regression vs AMMI analysis of genotype-environment interactions for cereals in Italy. *Euphytica* 94: 53-62.
- 3-Basford, K. E., and Cooper, M. (1998) Genotype by environment interactions and some considerations of their implication for wheat breeding in Australia. *Aust. J. Agric. Res.* 49: 154-175.
- 4- Crossa, J., Gauch, H.G. and Zobel, R.W. (1990) Additive main effects and multiplicative interaction analysis of two international maize genotype trials. *Crop Sci.* 30: 493-500.
- 5- Eberhart, S.A. and Russell, W.A. (1966) Stability parameters for comparing varieties. *Crop Sci.* 6: 36-40.
- 6- Finlay, K. W., and Wilkinson, G.N. (1963) The analysis of adaptation in a plant breeding program. *Aust. J. Agric. Res.* 14: 742-754.
- 7- Flores, F., Moreno, M.T. and Cubero, J.I. (1998) A comparison of univariate and multivariate methods to analyze environments. *Field Crops Res* 56: 271-286.
- 8- Gauch, H. G., and Zobel, R. W. (1988) Predictive and postdictive success of statistical analysis of yield trials. *Theor. Appl. Genet.* 76:1-10.
- 9- Grausgruber, H., Oberforster, M., Werteker, M., Ruckenbauer, P., and Vollmann, J. (2000) Stability of quality traits in Austrian-grown winter wheats. *Field Crops Res*. 66: 257-267.
- 10- Isik, K., and Kleinschmit. J. (2005) Similarities and effectiveness of test environments in selecting and deploying desirable genotypes. *Theor Appl Genet.*, 110: 311-322.
- 11- Kang, M. S., and Magari, R. (1996) *New developments in selecting for phenotypic stability in crop breeding*. In: M. S. Kang, and H. G. Zobel (eds), Genotype by Environment interaction, 1-14. CRC Press, Boca Raton.
- 12- Lin, C.S., Binns, M.R., and Lefcovitch, L.P. (1986) Stability analysis: Where do we stand? *Crop Sci.* 26: 894-900.
- 13- Mohammadi, R. Mohammad A., Shabani, A. and Daryaei, A. (2007) Identification of stability and adaptability in advanced durum genotypes using AMMI analysis. *Asian Journal of Plant*

