



تحقیقات غلات

دوره نهم / شماره اول / بهار ۱۳۹۸ (۴۱-۲۷)

بررسی بیماری‌زایی *Fusarium equiseti* و *Colletotrichum graminicola* بر دو گونه سوروف و پنج رقم برنج به‌روش بای‌پلات

محمدرضا صفری مطلق*^۱ و پیمان شریفی^۲

تاریخ پذیرش: ۱۳۹۸/۲/۲۴

تاریخ دریافت: ۱۳۹۷/۱۱/۴

چکیده

سوروف (*Echinochloa* spp.) از زیان‌بارترین علف‌های هرز در مزارع برنج است. قارچ‌های مختلف نقش مهمی در کنترل زیستی علف‌های هرز، به‌ویژه سوروف در مزارع برنج دارند. در این تحقیق، قارچ‌های *Fusarium equiseti* و *Colletotrichum graminicola* از دو گونه سوروف *E. crus-galli* و *E. oryzoicola* جداسازی و سپس اثر بیماری‌زایی آن‌ها بر این دو گونه علف هرز و پنج رقم برنج در قالب طرح کاملاً تصادفی با سه تکرار بررسی شد. مایه‌زنی ژنوتیپ‌ها با این دو قارچ با استفاده از سوسپانسیون اسپور قارچ شامل ۱۰^۶ اسپور در میلی‌لیتر آب مقطر استریل انجام شد. به‌منظور بررسی میزان بیماری‌زایی قارچ‌ها (به‌عنوان پاتوژن) روی ژنوتیپ‌ها و آسان‌تر شدن تجسم هم‌زمان روابط پاتوژن‌ها و ژنوتیپ‌ها از بای‌پلات ژنوتیپ در میزبان استفاده شد. نتایج تجزیه داده‌ها اثر معنی‌دار عامل بیماری‌زا را بر شدت بیماری و کاهش صفات وزن خشک، وزن تر و ارتفاع گیاهچه‌های برنج نشان داد. تجزیه بای‌پلات نیز برهمکنش قابل تمایز بین پاتوژن‌ها و ژنوتیپ‌ها از بای‌پلات ژنوتیپ در میزبان صفات مورد مطالعه نشان داد. نمای تستر متوسط بای‌پلات نشان داد که از نظر شدت بیماری، سپیدرود و بینام به‌ترتیب حساس‌ترین و متحمل‌ترین ژنوتیپ‌ها در مقابل این دو قارچ بودند. نمای روابط بای‌پلات نیز نشان داد که شدت بیماری با کاهش وزن خشک گیاهچه همبستگی مثبت بیش‌تری داشت. رقم هاشمی با توجه به نزدیکی به مبدأ بای‌پلات، دارای مقاومت افقی در برابر دو قارچ مورد بررسی بود و می‌توان از کنترل زیستی این دو قارچ علیه سوروف در مزارع کاشت آن استفاده کرد. در مجموع، نتایج این تحقیق بر اساس شدت بیماری نشان داد که قارچ *C. graminicola* آثار آنتاگونیستی بیش‌تری در مقایسه با قارچ *F. equiseti* به‌ویژه بر گونه *E. crus-galli* داشت.

واژه‌های کلیدی: بای‌پلات GGE، برهمکنش ژنوتیپ و میزبان، شدت بیماری، علف هرز، قارچ

۱- دانشجویار، گروه گیاه‌پزشکی، دانشکده کشاورزی، واحد رشت، دانشگاه آزاد اسلامی، رشت، ایران
۲- دانشجویار، گروه زراعت و اصلاح نباتات، دانشکده کشاورزی، واحد رشت، دانشگاه آزاد اسلامی، رشت، ایران
* نویسنده مسئول: safarimotlagh@iaurasht.ac.ir

E. colona در ویتنام متداول است و مشخص شده که قارچ‌هایی مانند *Exserohilum monocerus* در کنترل این علف هرز نقش مهمی داشته‌اند (Hoang, 2002). اکتوتیپ‌های سوروف *Echinochloa crus-galli* var. *crus-galli* جمع‌آوری شده از چندین مکان در مالزی و اندونزی، از جهت تنوع در حساسیت‌شان به پاتوژن سوختگی برگ *Exserohilum longirostratum*، آزمایش شدند و نشان داده شد که گیاهان تلقیح‌شده با کنیدی‌ها و در معرض دوره‌های ۲۴ ساعته رطوبت، به شدت آلوده شده و درصد کاهش وزن خشک اکتوتیپ‌ها به‌طور معنی‌داری افزایش یافت (Jurami et al., 2006). همچنین مشخص شده است که فعالیت علف‌کشی *Exserohilum monoceras* در مقابل نشاهای جوان *Echinochloa oryzicola* با افزایش عمق و دوام غرقاب افزایش یافت (Tsukamoto et al., 1998). قارچ *Exserohilum monoceras* با تولید فیتوتوکسین‌های از نظر زیستی فعال در مقابل گونه‌های سوروف، سبب سوختگی برگ در گونه‌های *Echinochloa* می‌شود. توکسین‌های I و II جدا شده از کشت خالص قارچ و تلقیح‌شده به گیاه، در غیاب پاتوژن علائمی مشابه علائم ایجاد شده به‌وسیله کنیدی‌های *E. monoceras* ایجاد کردند (Zhang and Watson, 2000). همچنین در آزمایشی نشان داده شد که در گلخانه و شرایط آزمایشی کنترل شده، توسعه بیماری و مرگ گونه‌های علف هرز سوروف *Echinochloa crus-galli*، *E. colona* و *E. glabrescens*، به وسیله *Exserohilum monoceras* تحت تأثیر دوام، فراوانی و زمان دوره رطوبت قرار می‌گیرد، به‌طوری‌که در شرایط مساعد، ۱۰۰ درصد مرگ برای هر سه گونه سوروف فراهم می‌آید (Zhang and Watson, 1997). در تحقیقی دیگر، شش گونه قارچ بیماری‌زا، از گونه‌های آلوده سوروف جدا شده و به‌عنوان عوامل کنترل‌کننده گونه‌های *Echinochloa* در برنج، مورد ارزیابی قرار گرفتند و مشاهده شد که *Curvularia lunata* var. *aeria* و *Exserohilum oryzae* روی برنج و گونه‌های سوروف، بیماری‌زا بودند، در حالی‌که *Curvularia sacchari*، *Bipolaris* و *Dactylaria geniculata*، *Exserohilum monoceras* فقط روی گونه‌های سوروف بیماری‌زا بودند و روی برنج بیماری‌زایی نداشتند (Zhang and Watson, 1997). همچنین گزارش شده است که

علف‌هرز سوروف، متعلق به جنس *Echinochloa* شامل ۵۰ گونه از علف‌های چمنی یک یا چندساله است که اغلب زمین‌های کشت شده توسط انسان و برخوردار از منبع تأمین رطوبت مطمئن (آب آبیاری) را سریعاً اشغال می‌کند و به‌صورت یک علف‌هرز جدی ظاهر می‌شود. در بین گونه‌های این جنس، *E. crus-galli* از بیش‌ترین دامنه پراکنش برخوردار است و از نظر خسارت مالی دارای اهمیت زیادی است. این گونه در بین عرض‌های ۵۰ درجه شمالی و ۴۰ درجه جنوبی می‌روید و در ۶۱ کشور دنیا به‌عنوان علف هرز ۳۶ نوع از گیاهان زراعی مختلف شناخته شده است (Safari Motlagh, 2017). الگوهای تنوع فتوتیپی در گونه‌های مختلف سوروف در مزارع برنج، به دلیل چندشکلی‌های مورفولوژیک، تغییرپذیری فنوتیپی و خودباروری، بسیار پیچیده است که منشأ سردرگمی‌های زیادی برای متخصصان کنترل علف‌هرز بوده است (Barrett, 1983).

روش‌های مختلفی برای کنترل علف‌های هرز از جمله سوروف‌ها استفاده شده است و مؤثرترین روش، استفاده از علف‌کش‌ها می‌باشد. دو اشکال عمده کاربرد علف‌کش‌ها، افزایش گسترده تحمل نسبت به علف‌کش‌ها در جوامع علف‌هرز و نیز دشواری ریشه‌کشی نژادهای علف هرز خویشاوند گیاهان زراعی است که از جمله می‌توان بروز مقاومت در مقابل علف‌کش‌هایی هم‌چون گلایفوسیت و گلو فوسینت را نام برد و نیز مشخص شد که علف‌های هرزی که در معرض علف‌کش تریالیت قرار داشتند، نسبت به سایر علف‌کش‌ها (دیکلوفوپ و تریفلورالین) با ساختارهای شیمیایی متفاوت نیز متحمل بودند (Fryer and Chancellor, 1970). بنابراین با توجه به این تبعات، به‌کارگیری روش‌های کنترل زیستی علف‌های هرز از اهمیت زیادی برخوردار است.

استفاده از عوامل بیماری‌زای گیاهی از جمله قارچ‌ها به دلیل عملکرد اختصاصی روی میزبان و نیز تولید ارزان‌تر نسبت به حشرات (به‌استثنای پارازیت‌های اجباری) بسیار مفید و مقرون به‌صرفه است. در این راستا، قارچ‌هایی مانند *Cochliobolus sativus*، *Drechslera monoceras* و *Exserohilum monoceras* به‌عنوان عوامل بالقوه کنترل زیستی *E. crus-galli* گزارش شده‌اند (Huang et al., 2001). به‌کارگیری پاتوژن‌های قارچی به‌عنوان علف‌کش‌های قارچی روی *Echinochloa crus-galli* و

جدایه‌های میزبان به مفهوم برهمکنش میزبان در پاتوژن است. این روش ژنوتیپ‌های میزبان و جدایه‌های پاتوژن را در یک نمودار پراکندگی نشان می‌دهد که در آن هر ژنوتیپ و یا پاتوژن به‌عنوان یک نقطه با توجه به نمره‌های آن‌ها از نظر دو مؤلفه اصلی اول و دوم در یک نمودار مختصات ترسیم می‌شوند. در این روش دسته‌ای از پاتوژن‌ها و دسته‌ای از ژنوتیپ‌های میزبان را هم‌زمان می‌توان بررسی کرد. مطالعات اندکی در این زمینه انجام شده است، از جمله اونیکا و همکاران (Onyeka et al., 2005) ۸۴ جدایه قارچ *Botryodiplodia theobromae* را از ریشه‌های پوسیده گیاه کاساوا جدا و سپس بیماری پوسیدگی ریشه ناشی از این جدایه‌های قارچی را در چهار ژنوتیپ کاساوا (شامل سه ژنوتیپ اصلاح‌شده و یک توده بومی) ارزیابی کردند. تجزیه داده‌ها با استفاده از روش بای‌پلات، تنوع قابل ملاحظه‌ای را در قدرت تهاجمی جدایه‌های قارچ نشان داد. هدف از تحقیق حاضر بررسی واکنش دو گونه از علف هرز سوروف و پنج رقم مختلف از برنج در مقابل دو قارچ *Colletotrichum* و *Fusarium equiseti* با استفاده از روش GGE بای‌پلات بود تا بتوان این قارچ‌ها را به‌عنوان عامل کنترل زیستی این علف هرز معرفی کرد.

مواد و روش‌ها

جداسازی، خالص‌سازی، نگهداری و شناسایی جدایه‌های قارچی

برگ‌های علف هرز سوروف با علائم بیماری از شالیزارهای استان گیلان جمع‌آوری شد، سپس هر یک از آن‌ها به قطعات کوچک‌تر بریده و به آزمایشگاه منتقل شدند. نمونه‌ها با محلول کلراکس ۱۰ درصد ضد عفونی و بعد از شستشو با آب مقطر استریل، به مدت سه تا چهار روز روی محیط سیب‌زمینی-دکستروز-آگار (PDA) درون تشتک‌های پتری در دمای ۲۸ درجه سلسیوس در انکوباتور قرار داده شد و سپس برای تولید اسپور به محیط آب-آگار (WA) منتقل شد. سپس تشتک‌های پتری در انکوباتور در یک تناوب نوری ۱۲ ساعت روشنایی و ۱۲ ساعت تاریکی برای مدت ۶ تا ۱۰ روز قرار گرفتند (Zhang et al., 1996). پرگنه‌های قارچی تک‌اسپور شدند و سپس هر پرگنه خالص قارچ روی کاغذ صافی استریل رشد کرد. در ادامه قطعات کاغذ صافی در میکروتیوب‌های کوچک استریل در دمای ۲۰- درجه سلسیوس در فریزر نگهداری شدند

از *Drechslera monoceras* var. *microsporus* میکروارگانیسم‌هایی است که آثار علف‌کشی در مقابل وارپته‌هایی از سوروف حتی در دمای پایین‌تر از ۱۵ درجه سلسیوس نشان داد، اما هیچ تأثیری روی کشت محصولات زراعی مانند برنج نداشت (Kadir et al., 2008). همچنین مشخص شده است که جدایه‌هایی از *graminicola* *Colletotrichum*، علایم آنتراکنوز روی سوروف نشان دادند و این قارچ به‌عنوان یک عامل کنترل زیستی، بیماری‌زایی بالایی روی دو وارپته از سوروف در دامنه وسیعی از مراحل رشدی (به‌ویژه در مراحل سه و چهار برگی) نشان داد (Yang et al., 2000). همچنین تأثیر مواد مختلفی مانند روغن نارگیل سفید، دی‌اتانول‌آمین و ولک در افزایش میزان جذب سطحی روی جوانه‌زدن اسپور، تحمل و ویرولانسی *Fusarium anthophilum* روی *E. crus-galli* مورد ارزیابی قرار گرفت و مشخص شد که این مواد به‌طور معنی‌داری در مقایسه با آب، شدت بیماری را افزایش می‌دهند (Montazeri et al., 2006). مطالعات دیگری هم به‌ویژه در استان گیلان در مورد کنترل زیستی علف هرز سوروف به‌وسیله قارچ‌های مختلفی مانند *Fusarium equiseti* و *Epicoccum purpurascens* انجام و مشخص شد که این قارچ‌ها روی سوروف بیماری‌زا بودند و باعث کاهش جوانه‌زنی بذرها می‌شوند (Safari Motlagh, 2011a, b).

برای ارزیابی جدول‌های پاتوژن در میزبان، علاوه بر روش‌های رایج شامل تجزیه واریانس و مقایسه میانگین‌ها، می‌توان از روش بای‌پلات استفاده کرد که در آن ژنوتیپ‌ها (میزبان‌ها) در ردیف‌ها و پاتوژن‌ها در ستون‌ها جای داده می‌شوند. برای ارزیابی میزبان از نظر مقاومت افقی و عمودی و ارزیابی سویه‌های پاتوژن از نظر بیماری‌زایی، از نماهای مختلف بای‌پلات استفاده می‌شود. این روش برای اول بار توسط، یان و فالک (Yan and Falk, 2002) ابداع شد. ایشان اظهار داشتند که اصلاح مؤثر برای مقاومت به بیماری‌ها به فهم روابط بین پاتوژن و میزبان ارتباط دارد. از آنجا که به‌دست آوردن چنین اطلاعاتی، به‌ویژه در داده‌های بزرگ و با روابط پیچیده ژنوتیپ و میزبان می‌تواند مشکل و گمراه‌کننده باشد، روش GGE بای‌پلات ژنوتیپ در میزبان ارایه شد که تجزیه مشاهده‌ای داده‌های پاتوژن در میزبان را ارایه می‌کند (Yan and Falk, 2002). GGE بای‌پلات، مخفف اثر اصلی ژنوتیپ (G) به‌اضافه برهمکنش ژنوتیپ در محیط (GE) است که در مورد ارزیابی ژنوتیپ پاتوژن در

آزمایش بیماری‌زایی و واکنش ارقام در گلخانه

این آزمایش در قالب طرح کاملاً تصادفی با هفت تیمار (پنج رقم برنج شامل سه رقم بومی هاشمی، علی‌کاظمی و بینام و دو رقم اصلاح‌شده خزر و سپیدرود و دو گونه سوروف شامل یک گلدان) انجام شد. ابتدا بذره‌های برنج و سوروف جوانه‌دار شدند و سپس در گلدان‌هایی با قطر ۲/۵ سانتی‌متر و بدون زهکش که با خاک مزرعه برنج (جدول ۱) پر شده بودند، کاشته شدند.

(Safari Motlagh and Kaviani, 2008). مطالعات مورفولوژیک روی محیط‌های کشت PDA و WA انجام شد. برش‌هایی از پرگنه‌های قارچی برای دو تا سه روز روی PDA قرار داده شدند. آن‌گاه قطعاتی از پرگنه‌های رشد کرده به محیط کشت WA انتقال یافتند و به مدت ۷ تا ۱۰ روز در انکوباتور در دمای ۱۲ درجه سانتی‌گراد و تناوب نوری ۱۲ ساعت روشنایی و ۱۲ ساعت تاریکی قرار گرفتند. به دنبال آن، شناسایی بر پایه مورفولوژی پرگنه، کنیدیوم و کنیدیوفور و دیگر ویژگی‌های مورفولوژیک و با استفاده از کلیدهای معتبر انجام شد.

جدول ۱- نتایج تجزیه خاک مزرعه آزمایشی

Table 1. Results of soil analysis of the experimental field

pH	Electrical conductivity (dS/m)	Organic material (%)	Total N (%)	Absorbable P (ppm)	Absorbable K (ppm)	Clay (%)	Silt (%)	Sand (%)
7.31	0.88	1.20	0.09	6.2	195	39	47	14

صفر = بدون زخم، ۱ = زخم‌های کوچک و غیربسط‌یافته، ۲ = زخم‌های کمی تا متوسط بسط‌یافته و ۳ = زخم‌های بزرگ در نظر گرفته شد. بر این اساس، شدت بیماری (DR=Disease Rating) با استفاده از رابطه (۱) تعیین شد (Zhang et al., 1996):

$$DR = \frac{(N_1 \times 1) + (N_2 \times 2) + \dots + (N_t \times t)}{N_1 + N_2 + \dots + N_t} \quad (1)$$

که در آن، N تعداد برگ‌ها در هر یک از مقیاس‌های چهارگانه فوق و t تعداد تیمارها می‌باشند. برای هر تیمار (پنج رقم برنج و دو گونه سوروف)، علاوه بر مایه‌زنی با دو قارچ یک شاهد بدون بیماری‌زایی نیز در هر تکرار در نظر گرفته شد.

اندازه‌گیری زیست‌توده و ارتفاع گیاه

برای اندازه‌گیری این صفات، ارقام برنج و گونه‌های سوروف مایه‌زنی‌شده به‌همراه شاهد به آزمایشگاه منتقل شدند. سپس بوته‌ها از سطح خاک بریده شده و با ترازوی الکتریکی وزن شدند. این وزن به‌عنوان وزن تر ثبت شد. سپس ارتفاع گیاهان تیمار شده و شاهد اندازه‌گیری شد. پس از اندازه‌گیری ارتفاع، هر کدام از بوته‌ها به‌طور جداگانه داخل پاکت قرار گرفتند و به مدت ۴۸ ساعت در آون در دمای ۸۰-۹۰ درجه سلسیوس قرار داده شدند. پس از خروج از آون، هر یک از بوته‌ها دوباره وزن شدند. این وزن به‌عنوان وزن خشک ثبت شد.

پس از این‌که گیاهچه‌ها به مرحله سه تا چهار برگی رسیدند، عمل تنک‌کردن انجام شد و در همه گلدان‌ها چهار بوته باقی ماند. در این هنگام به هر گلدان، ۲-۱/۵ گرم کود اوره برای افزایش رشد رویشی اضافه شد. در این مرحله مایه‌زنی با *Fusarium equiseti* و *Colletotrichum graminicola* با سوسپانسیون اسپوری شامل ۱۰^۶ اسپور در میلی‌لیتر آب مقطر استریل انجام شد. برای افزایش جذب سطحی، توئین-۲۰ به نسبت یک درصد به کار رفت. برای هر تیمار یک شاهد در نظر گرفته شد (Zhang et al., 1996). گلدان‌ها در دمای ۲۵-۳۰ درجه سلسیوس در روز و ۲۲-۲۷ درجه سلسیوس در شب با تناوب نوری ۱۲ ساعت تاریکی و ۱۲ ساعت روشنایی و رطوبت نسبی بالای ۹۰ درصد قرار گرفتند. لازم به ذکر است که قبل از اسپورپاشی، کلیه گلدان‌ها با آب مقطر، اسپری شدند. برای ایجاد رطوبت نسبی بالاتر از ۹۰ درصد، گیاهان تیمار شده بلافاصله با کیسه‌های پلاستیکی برای مدت ۴۸ ساعت پوشانده شدند (Ghorbani et al., 2006). برای شمارش اسپورها از هماسیتومتر استفاده شد. ارزیابی هفت روز پس از مایه‌زنی انجام گرفت. این ارزیابی بر پایه تیپ و اندازه زخم در واکنش گیاه به مایه‌زنی بود. برای ارزیابی از روش هورسفال و بارات (Horsfall and Barratt, 1945) استفاده شد. سپس شدت بیماری بر اساس مقیاس صفر تا سه محاسبه شد (Bertrand and Gottwald, 1997)، به‌طوری‌که عدد

صفات مورفولوژیک در ارقام برنج و گونه‌های سوروف اندازه‌گیری شد و میزان کاهش این صفات در مقایسه با شاهد بدون بیماری‌زایی به‌عنوان شاخصی از تحمل و یا حساسیت در نظر گرفته شد. به این ترتیب، اعداد بزرگ‌تر این شاخص نشان‌دهنده کاهش بیش‌تر صفت در ژنوتیپ موردنظر و بیانگر حساس بودن آن ژنوتیپ بود. در ارتباط با شدت بیماری نیز اعداد بزرگ‌تر حاکی از حساسیت بیش‌تر آن ژنوتیپ بود.

تجزیه و تحلیل داده‌ها

پس از یادداشت‌برداری و آزمون نرمال بودن داده‌های اصلی با استفاده از نرم‌افزار SPSS ver 17.0، تجزیه و تحلیل با استفاده از نرم‌افزار GGE Biplot ver 4.1 (Yan, 2001) انجام شد. مدل آماری تجزیه بای‌پلات بر اساس رابطه (۲) انجام شد (Yan and Falk, 2002):

$$Y_{ij} - \alpha_i = \lambda_1 \xi_{i1} \eta_{1j} + \lambda_2 \xi_{i2} \eta_{2j} + \varepsilon_{ij} \quad (2)$$

که در این رابطه، Y_{ij} شدت بیماری (یا سایر صفات اندازه‌گیری‌شده) از ژنوتیپ میزبان i (۱ تا ۷) برای استرین پاتوژن j (۱ تا ۲)، α_i میانگین شدت بیماری ژنوتیپ i در تمام پاتوژن‌ها، λ_1 و λ_2 به ترتیب مقدار مشخصه مؤلفه‌های اصلی اول و دوم، ξ_{i1} و ξ_{i2} به ترتیب بردار مشخصه مؤلفه‌های اصلی اول (PC_1) و دوم (PC_2) برای ژنوتیپ i ، τ_{j1} و τ_{j2} به ترتیب بردار مشخصه مؤلفه اصلی اول (PC_1) و دوم (PC_2) برای جدایه پاتوژن j و ε_{ij} باقیمانده مربوط به هر ترکیب ژنوتیپ-جدایه که توسط مؤلفه اصلی اول و دوم توجیه نشده است.

نتایج و بحث

نتایج تجزیه واریانس حاکی از اثر معنی‌دار عامل بیماری‌زا بر شدت بیماری و کاهش سه صفت مورفولوژیک وزن خشک بوته، وزن تر بوته و ارتفاع گیاهچه‌های برنج بود. بنابراین برای تشخیص ژنوتیپ‌های برنج و گونه‌های سوروف حساس و مقاوم به دو قارچ *Fusarium equiseti* و *Colletotrichum graminicola* از تجزیه بای‌پلات استفاده شد.

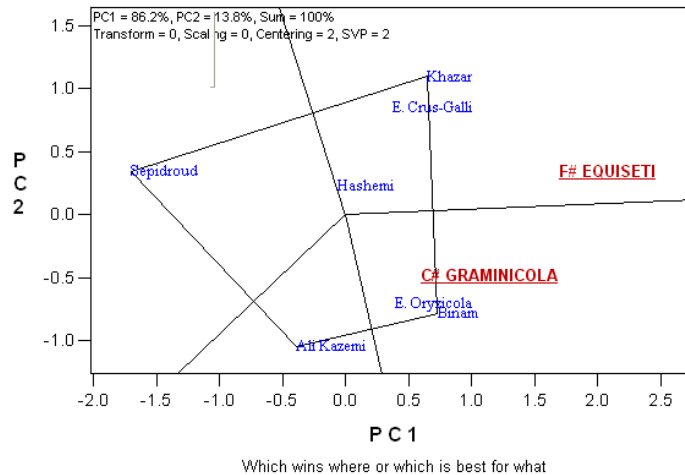
بای‌پلات

ارزیابی بر اساس رتبه‌بندی شدت بیماری

تجزیه بای‌پلات بر اساس شدت بیماری نشان داد که دو مؤلفه اصلی اول (۸۶/۲ درصد) و دوم (۱۳/۸ درصد) در

مجموع ۱۰۰ درصد از تغییرات کل داده‌ها را توجیه کردند. دلیل توجیه صد درصد تغییرات توسط دو مؤلفه اصلی اول و دوم این است که در اینجا فقط اثر دو قارچ در مقابل هفت ژنوتیپ بررسی شده است و در نتیجه با توجه به اینکه هدف تجزیه مؤلفه‌های اصلی فشرده‌سازی داده‌ها با حفظ اطلاعات مهم می‌باشد، در اینجا فقط دو مؤلفه می‌تواند محاسبه شود. از طرف دیگر، بای‌پلات دنبال ترسیم واکنش ژنوتیپ‌ها در مقابل دو قارچ در یک فضای دوبعدی است که با توجه به تبیین صد درصد تغییرات توسط دو مؤلفه این هدف به‌نحو کامل برآورد شد. در پژوهش یان و فالک (Yan and Falk, 2002) نیز ۹۴ درصد از تغییرات توسط دو مؤلفه اصلی اول و دوم توجیه شد و آن‌ها از بای‌پلات برای ارزیابی واکنش ژنوتیپ-میزبان استفاده کردند. نمای چندضلعی بای‌پلات نشان داد که ارقام خزر، سپیدرود، علی‌کازمی و بینام در رأس چندضلعی و در دورترین فاصله از مبدأ بای‌پلات قرار داشتند و حساس‌ترین یا مقاوم‌ترین ژنوتیپ‌ها به یکی یا هر دو قارچ بودند (شکل ۱). رقم هاشمی و دو گونه سوروف درون چندضلعی واقع شدند. رقم واقع در رأس هر کدام از اضلاع، بیش‌ترین مقدار حساسیت را به قارچ واقع در آن بخش چندضلعی نشان می‌دهد (Yan and Falk, 2002). بر این اساس ارقام سپیدرود و علی‌کازمی حساس‌ترین ژنوتیپ‌ها به دو قارچ *C. graminicola* و *F. equiseti* بودند. سایر ارقام و همچنین دو گونه سوروف حساسیت کم‌تر و یا مقاومت بیش‌تری در برابر این قارچ‌ها داشتند.

از آنجا که پاسخ ژنوتیپ‌ها به شدت بیماری طوری نمره‌دهی شده است که در آن مقادیر بزرگ‌تر (۳): زخم‌های بزرگ در گیاه) حساسیت بیش‌تر را نشان می‌دهند و مقادیر کوچک‌تر (صفر: بدون زخم) بیانگر حساسیت کم‌تر هستند، از این‌رو شکل (۱) برای مقایسه حساسیت ژنوتیپ‌ها مناسب است، اما برای مقایسه مقاومت بین ژنوتیپ‌ها می‌توان در نرم‌افزار بای‌پلات در منوی Subsets روی الگوی Reverse sign of all testers کلیک کرد که در این صورت شکل جدیدی ارائه می‌شود که برای ارزیابی مقاومت بین لاین‌ها مناسب‌تر خواهد بود (Yan and Kang, 2003). در این نمای بای‌پلات برخلاف نمای مستقیم، ژنوتیپ رأسی به پاتوژن نزدیک خود و یا درون آن بخش چندضلعی، مقاومت و به پاتوژن‌های واقع در سایر بخش‌ها حساسیت نشان می‌دهد. بر این اساس، به *E. crus-galli* و *F. equiseti* و *E. oryzae* به



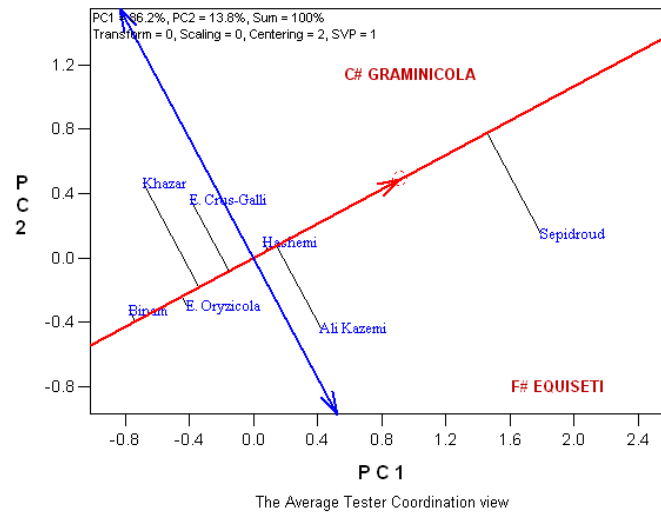
شکل ۲- نمای بای پلات مقاومت پنج رقم برنج و دو گونه سوروف در مقابل دو گونه قارچ *C. graminicola* و *F. equiseti* بر اساس مقیاس شدت بیماری

Figure 2. GGE biplot view of resistance of five rice cultivars and two *Echinochloa* species to *C. graminicola* and *F. equiseti* fungi based on disease severity scores

همچنین مقاومت عمودی در هر دو رقم خزر و بینام که در سمت مقابل دو عامل بیماری‌زایی قرار داشتند (بنابراین در مقابل آنها مقاومت داشتند) و بیش‌ترین فاصله را از مبدأ بای پلات داشتند، از سایر ارقام بیش‌تر بود. دو گونه سوروف نیز نسبتاً دارای مقاومت عمودی به هر دو قارچ بودند. از نظر شدت بیماری‌زایی قارچ *F. equiseti* با توجه به طول بردار آن، از بیماری‌زایی بیش‌تری برخوردار بود. در تطابق با این نتیجه، مقایسه میانگین قارچ‌ها با روش‌های تک‌متغیره نیز نشان داد که *F. equiseti* سبب شدت بیماری بیش‌تری در گونه‌های سوروف در مقایسه با *C. graminicola* شد، اما قارچ دوم خسارت کم‌تری در ارقام برنج ایجاد کرد (Safari Motlagh, 2017). در تطابق با این نتیجه، منتظری و همکاران (Montazeri et al., 2006) نیز تأثیر قارچ *Fusarium anthophilum* را بر *E. crus-galli* مورد ارزیابی قرار دادند و مشخص کردند که این قارچ به‌طور معنی‌داری در مقایسه با آب، شدت بیماری را در سوروف افزایش داد. این نما از بای پلات (شکل ۴) همچنین نشان داد که رقم هاشمی با توجه به نزدیکی به مبدأ بای پلات، دارای مقاومت افقی در برابر دو گونه قارچ مورد مطالعه بود.

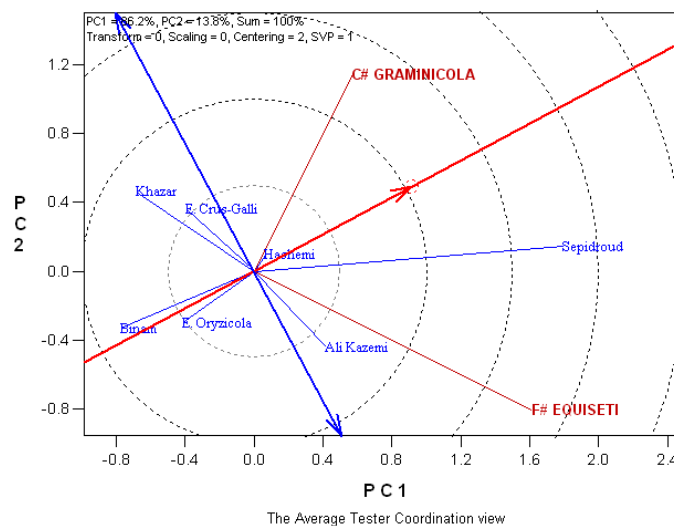
از نمای محور متوسط (شکل ۳) می‌توان برای ارزیابی میزان مقاومت یا حساسیت ژنوتیپ‌ها به یک عامل بیماری استفاده کرد (Yan and Falk, 2002). بر اساس این نمای بای پلات که در آن محور افقی نشان‌دهنده میانگین مقاومت و یا حساسیت و محور عمودی ATC بیانگر میزان مقاومت و یا حساسیت ژنوتیپ‌ها در مقابل عامل بیماری‌زایی است، ژنوتیپ سپیدرود حساس‌ترین ژنوتیپ بود (با توجه به این که پاسخ به شدت بیماری طوری نمره‌دهی شده است که مقدار بزرگ حساسیت بیش‌تر را نشان می‌دهد). بنابراین بر اساس میزان مقاومت به بیماری، می‌توان ژنوتیپ‌ها را به صورت سپیدرود > علی کاظمی ≈ هاشمی > *E. crus-galli* > خزر > *E. oryzicola* > بینام رتبه‌بندی کرد (شکل ۳).

از نمای روابط بین میزبان و پاتوژن برای ارزیابی برهمکنش بین ژنوتیپ‌های میزبان و سویه‌های پاتوژن استفاده می‌شود (Yan and Kang, 2003). در این نمای بای پلات (شکل ۴)، شدت حساسیت و مقاومت هر ژنوتیپ و نیز بیماری‌زایی پاتوژن توسط طول بردار مربوط به آن ژنوتیپ و یا میزبان نشان داده می‌شود. بر این اساس و با توجه اینکه مقادیر بیش‌تر بیانگر حساسیت بیش‌تر است، رقم سپیدرود دارای حساسیت بالا به هر دو قارچ بود.



شکل ۳- نمای تستر متوسط بر اساس شدت بیماری برای ارزیابی رتبه هفت ژنوتیپ میزبان از نظر مقاومت و حساسیت به قارچ‌های *F. equiseti* و *C. graminicola*

Figure 3. Average-tester-coordination (ATC) view of biplot based on disease severity to evaluate the rank of seven host genotypes for susceptibility and resistance to *C. graminicola* and *F. equiseti* fungi



شکل ۴- ارزیابی برهمکنش بین ژنوتیپ‌های میزبان و سویه‌های بیماری‌زا
Figure 4. Evaluating the interaction effects of host genotypes and pathogen isolates

سپیدرود مشاهده شد (شکل ۵-ا). کم‌ترین میزان کاهش این صفت مربوط به دو گونه سوروف و نیز رقم بینام بود که در سمت چپ بای‌پلات قرار داشتند و نمای تستر متوسط (شکل ۵-ب) این رتبه‌بندی را به نحو بهتری نشان داد. این نمای بای‌پلات همچنین بیانگر آن بود که رقم سپیدرود، حساسیت بیش‌تر به قارچ *C. graminicola* داشت، اما حساسیت ارقام هاشمی، علی‌کاظمی و خزر به قارچ *F. equiseti* بیش‌تر بود (شکل ۵-ب). برای بررسی Reverse sign of all testers

ارزیابی میزان کاهش صفات مورفولوژیک

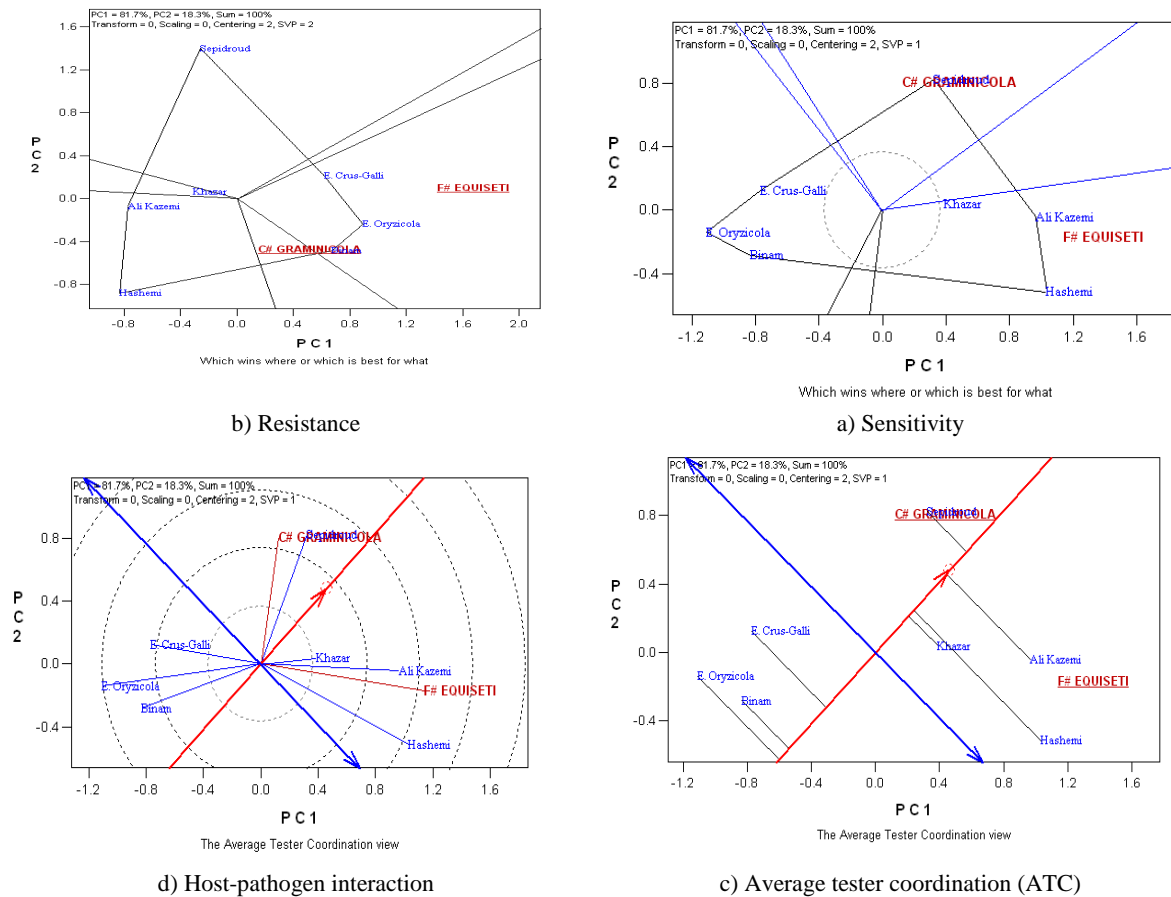
از بای‌پلات ژنوتیپ میزبان در پاتورن، برای ارزیابی تأثیر قارچ‌های عامل بیماری‌زایی از طریق بررسی میزان کاهش سه صفت ارتفاع بوته، وزن خشک و وزن تر گیاهچه استفاده شد. در این بای‌پلات‌ها نیز مقادیر بیش‌تر بیانگر میزان کاهش بیش‌تر صفت تحت تأثیر قارچ و نشان‌دهنده حساسیت بیش‌تر ژنوتیپ‌های مربوطه به عوامل بیماری‌زا است. بر اساس نمای چندضلعی بای‌پلات، بیش‌ترین میزان کاهش ارتفاع بوته در ژنوتیپ‌های هاشمی، علی‌کاظمی و

E. oryzae بود که در دورترین نقطه از مبدأ بای پلات واقع بود. بر اساس مقاومت و حساسیت اختصاصی نیز ملاحظه شد که سپیدرود به قارچ *C. graminicola* و سه رقم برنج هاشمی، علی‌کازمی و خزر به قارچ دیگر حساسیت داشتند (شکل ۵-د).

از نظر کاهش میزان وزن تر، نمای چندضلعی بای پلات نشان داد که بیش‌ترین میزان کاهش وزن تر تحت تأثیر عوامل بیماری‌زا مربوط به رقم خزر و گونه *E. oryzae* بود که تحت تأثیر *C. graminicola* حاصل شد. کم‌ترین میزان کاهش وزن تر تحت تأثیر عوامل بیماری‌زا در ارقام سپیدرود، علی‌کازمی و هاشمی مشاهده شد (شکل ۶-ا). در تطابق با نتایج بای پلات، یافته‌های حاصل از مقایسه میانگین‌ها (Safari Motlagh, 2017) نیز نشان داد که از نظر کاهش صفات مورفولوژیک، *C. graminicola* به‌طور مؤثرتری سبب کاهش ارتفاع بوته، وزن تر و وزن خشک سوروف شد. در حالی که *F. equiseti* موجب کاهش بیش‌تر این سه صفت در ارقام برنج شد. گونه سوروف *E. crus-galli* نیز کاهش بیش‌تری در این صفات داشت و بیش‌تر تحت تأثیر *C. graminicola* قرار گرفت. بنابراین از این نظر نیز *C. graminicola* در مقایسه با *F. equiseti* آنتاگونیست بهتری بود. در تطابق با این یافته، مطالعات دیگری هم در ارتباط با کنترل زیستی علف هرز سوروف به‌وسیله قارچ‌هایی هم‌چون *Epicoccum purpurascens* و *Fusarium equiseti* انجام و این نتیجه تأیید شده است (Safari Motlagh, 2011a, b). الگوی Reverse sign of all testers حاکی از مقاومت علی‌کازمی و هاشمی به *C. graminicola* و سپیدرود به *F. equiseti* بود (شکل ۶-ب). این نتایج توسط نمای تستر متوسط نیز مشاهده شد که بر اساس آن رتبه ژنوتیپ‌ها به صورت خزر > *E. crus-galli* > *E. oryzae* > بینام > هاشمی > علی‌کازمی > سپیدرود بود (شکل ۶-ج). بر اساس نمای روابط بین میزبان-پاتوژن، قارچ *C. graminicola* روی *E. crus-galli* و تا حدودی خزر بیماری‌زایی داشت، ولی بر سایرین تأثیری نداشت. همچنین این نما از بای پلات حاکی از بیماری‌زایی اختصاصی *F. equiseti* بر رقم بینام بود (شکل ۶-د).

مشاهده شد که دو گونه سوروف مقاومت بالایی به *F. equiseti* و رقم بینام نیز مقاومت بیش‌تری به قارچ *C. graminicola* داشت (شکل ۵-ب) (توضیح اینکه نقطه شروع مربوط به هر پاتوژن و میزبان محل دقیق قرار گرفتن آن ارقام و قارچ‌ها در نمودار بای پلات است). در داده‌های اصلی (Safari Motlagh, 2017) نیز ملاحظه شد که بینام مقاومت بیش‌تری به *C. graminicola* در مقایسه با سایر ژنوتیپ‌ها داشت و کنترل زیستی گونه‌های سوروف در مزارع این رقم در مقایسه با سایر ارقام بهتر می‌تواند انجام شود.

نمای تستر متوسط برای کاهش میزان ارتفاع بوته تحت تأثیر عوامل بیماری‌زا نشان داد که رتبه ژنوتیپ‌های مورد مطالعه به‌صورت سپیدرود > علی‌کازمی ≈ هاشمی > خزر > *E. crus-galli* > بینام > *E. oryzae* بود. به‌عبارت دیگر، بیش‌ترین میزان کاهش ارتفاع بوته در رقم سپیدرود و کم‌ترین میزان آن در رقم بینام و گونه *E. oryzae* سوروف مشاهده شد. همچنین با توجه به فواصل بین دو گونه قارچ و سوروف و جهت آن‌ها در محور تستر متوسط، کاهش ارتفاع بوته حاصل از *F. equiseti* روی *E. crus-galli* بیش‌تر از قارچ دیگر بود (شکل ۵-ج). این یافته در داده‌های حاصل از روش‌های تک‌متغیره نیز مشاهده شد که در بین ارقام بومی، علی‌کازمی و هاشمی در مقایسه با بینام بیش‌تر تحت تأثیر قارچ‌ها قرار گرفتند و در بین ارقام اصلاح‌شده نیز سپیدرود حساس‌تر از رقم خزر از نظر کاهش ارتفاع بوته بود (Safari Motlagh, 2017). نمای روابط بین ژنوتیپ‌ها و دو گونه قارچ (شکل ۵-د) نیز نشان داد که سپیدرود، هاشمی و علی‌کازمی که در دورترین فاصله از مبدأ بای پلات و در یک سمت با قارچ‌های عامل بیماری‌زایی قرار داشتند، دارای بیش‌ترین میزان کاهش ارتفاع بوته و در نتیجه حساسیت به عوامل بیماری‌زا بودند. رقم خزر نیز که در یک سمت با قارچ‌های عامل بیماری‌زا قرار داشت، به‌دلیل نزدیک‌تر بودن به مبدأ بای پلات از نظر این شاخص، با درجه کم‌تری حساسیت به قارچ را نشان داد. بینام و دو گونه سوروف که در سمت مقابل عامل‌های بیماری‌زا قرار داشتند، مقاوم به این قارچ‌ها بودند، اما بیش‌ترین میزان مقاومت مربوط به

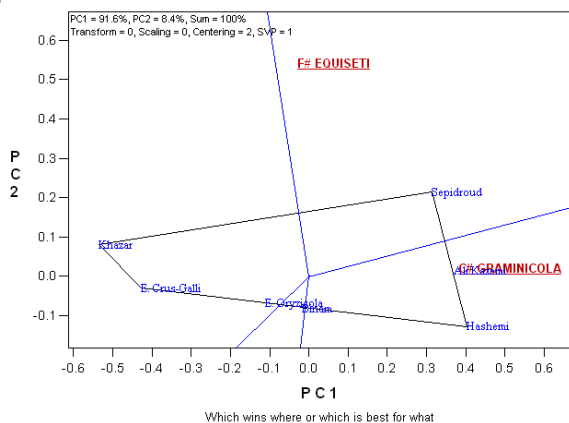


شکل ۵- نمای بای پلات ژنوتیپ میزبان در پاتوزن بر اساس کاهش ارتفاع بوته. الف- حساسیت، ب- مقاومت، ج- نمای تستر متوسط، د- برهمکنش هفت ژنوتیپ میزبان و دو گونه قارچ بیماری‌زا.

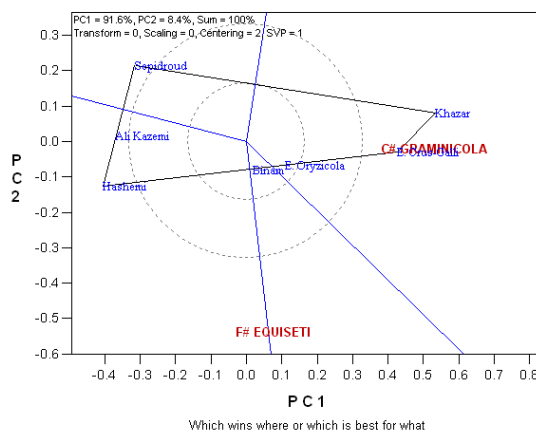
Figure 5. Host-by-pathogen biplot view based on reduction of plant height. a) Sensitivity, b) Resistance, c) Average-tester-coordination (ATC), d) Interactions of seven host genotypes and two fungi species.

نسبت به این قارچ حساس بودند (شکل ۷-ب). در تطابق با این نتیجه، درصد کاهش وزن خشک اکوتیپ‌های *Echinochloa crus-galli* به پاتوزن سوختگی برگ *Exserohilum longirostratum* نیز بالا گزارش شد (Jurami et al., 2006). بر اساس این شاخص، امکان مقابله زیستی با سوروف در مزارع علی‌کاظمی تا حدودی وجود دارد. نمای تستر متوسط ترتیب ژنوتیپ‌ها را از نظر میزان کاهش وزن خشک گیاهچه که نمادی از حساسیت به قارچ است، به ترتیب *E. crus-galli* > علی‌کاظمی > *E. oryzicola* > هاشمی > بینام > سپیدرود > خزر نشان داد که حاکی از مقاومت بیش‌تر خزر و حساسیت بیش‌تر دو گونه سوروف بود. در تطابق با این یافته فعالیت علف‌کشی *Exserohilum monoceras* در مقابل نشاهای جوان *Echinochloa oryzicola* نیز بالا گزارش شد (Tsukamoto et al., 1998).

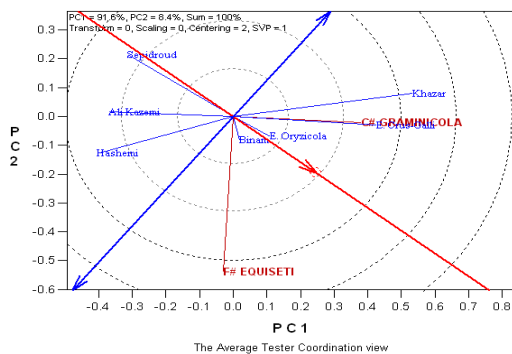
نمای چندضلعی بای پلات (شکل ۷-ا) و نیز نمای روابط میان میزبان و پاتوزن (شکل ۷-د) نشان داد که بیش‌ترین حساسیت به *F. equiseti* را رقم هاشمی و سپس گونه *E. oryzicola* داشت. گونه *E. crus-galli* و رقم علی‌کاظمی نیز حساس به *C. graminicola* بودند. بر اساس این نمای چندضلعی، ژنوتیپ‌های خزر، بینام و سپیدرود دارای کم‌ترین میزان کاهش وزن خشک گیاهچه در مقایسه با سایر ژنوتیپ‌ها بودند و از نظر این شاخص مقاومت بیش‌تری به این عوامل بیماری‌زا داشتند. الگوی Reverse sign of all testers نیز نشان داد که رقم بینام کم‌ترین کاهش وزن خشک گیاهچه را تحت تأثیر قارچ *C. graminicola* داشت و یک ژنوتیپ مقاوم به این عامل بیماری‌زا بود. دو رقم خزر و سپیدرود نیز از نظر این شاخص نسبت به *F. equiseti* مقاوم بودند. همچنین هر دو گونه سوروف که در نقطه مقابل این قارچ قرار داشتند،



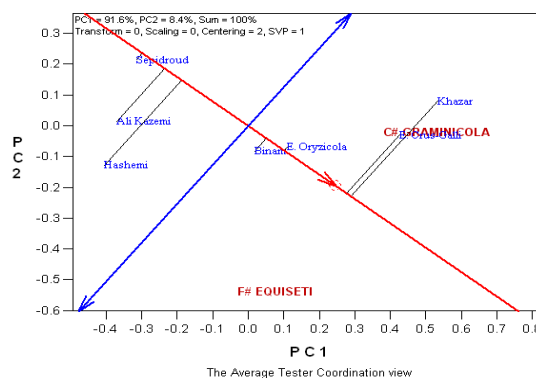
b) Resistance



a) Sensitivity



d) Host-pathogen interaction



c) Average tester coordination (ATC)

شکل ۶- نمای بای پلات ژنوتیپ میزبان در پاتوزن بر اساس کاهش وزن تر گیاهچه. الف- حساسیت، ب- مقاومت، ج- نمای تستر متوسط، د- برهمکنش هفت ژنوتیپ میزبان و دو گونه قارچ بیماری‌زا.

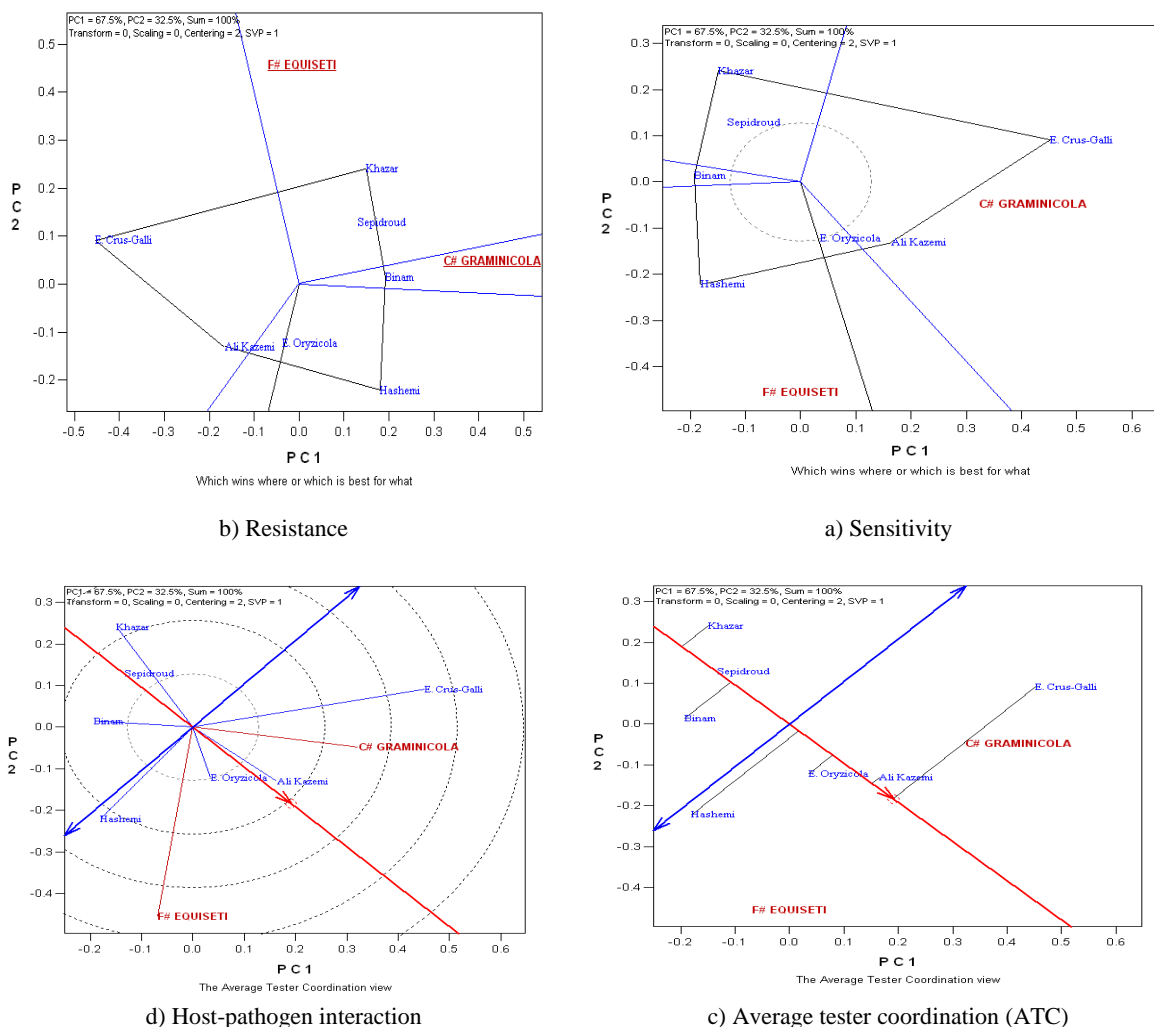
Figure 6. Host-by-pathogen biplot view based on reduction of plantlet fresh weight. a) Sensitivity, b) Resistance, c) Average-tester-coordination (ATC), d) Interactions of seven host genotypes by two fungi.

برای نتیجه‌گیری نهایی، روابط بین میزان کاهش صفات مورفولوژیک و شدت بیماری با استفاده از بای پلات تحت تأثیر هر کدام از قارچ‌ها به صورت مجزا برآورد شد (شکل ۸). با توجه به این که شدت بیماری رتبه‌بندی ژنوتیپ‌ها را به صورت مشاهده‌ای و واقعی در ژنوتیپ‌های مورد مطالعه نشان می‌دهد، از این رو به نظر می‌رسد که در مقایسه با کاهش صفات مورفولوژیک، صفتی مهم‌تر برای ارزیابی میزان حساسیت و مقاومت به بیماری باشد. بر این اساس، کسینوس زاویه بین دو بردار نشان‌دهنده ضریب همبستگی بین صفات است، به طوری که اگر زاویه بین دو صفت کمتر از ۹۰ درجه باشد، دو صفت دارای همبستگی مثبت و زمانی که زاویه بین آن‌ها بیش‌تر از ۹۰ باشد، دو صفت دارای همبستگی منفی هستند. زاویه حدود ۹۰ درجه هم نشانگر عدم وجود همبستگی بین صفات است (Yan and Kang, 2003). بنابراین با توجه به وجود

با توجه به فواصل بین دو گونه قارچ و سوروف و جهت آن‌ها در محور تستر متوسط، از نظر کاهش وزن خشک، اثر *C. graminicola* که در سمت مقابل *E. oryzoicola* قرار گرفت، روی این گونه سوروف از اثر *F. equiseti* بر آن کم‌تر بود و این گونه سوروف مقاومت بیشتری در مقابل قارچ *C. graminicola* داشت (شکل ۷- C). در محور تستر متوسط، دورترین ژنوتیپ از محل تستر متوسط (فلش و دایره قرمز)، کم‌ترین مقدار را دارد و با توجه به ماهیت داده‌ها، مقاوم‌ترین ژنوتیپ است و ژنوتیپ‌های نزدیک به آن حساس‌ترین ژنوتیپ‌ها هستند. همچنین فاصله عمودی از این محور، بیانگر بیش‌ترین حساسیت اختصاصی به عامل واقع در آن سمت است و بنابراین، گونه سوروف *E. crus-galli* بیش‌ترین حساسیت را به قارچ *C. graminicola* و بیش‌ترین مقاومت را به قارچ *F. equiseti* داشت.

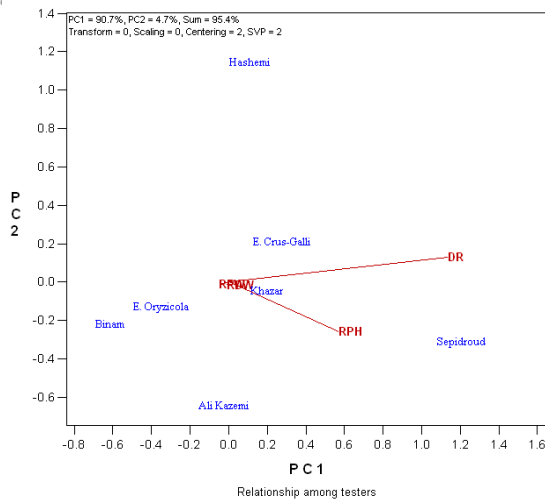
همبستگی، اگر یک یا دو صفت به جای همه استفاده شود، می‌توان در کار، زمان و بودجه صرفه‌جویی کرد، بدون اینکه رفتن اطلاعات مفیدی از دست برود (Oladejo *et al.*, 2011). این نتایج نشان داد که تحت تأثیر هر دو قارچ، شدت بیماری با کاهش وزن تر و خشک گیاهچه همبستگی مثبت بالاتری داشت (با توجه به زاویه بین صفات) و با میزان کاهش ارتفاع بوته از همبستگی کم‌تری برخوردار بود. بنابراین، تشخیص ژنوتیپ‌های حساس و مقاوم به عامل بیماری‌زای با استفاده از میزان کاهش ارتفاع

بوته به اندازه دو صفت دیگر کارآیی لازم را نخواهد داشت. این بای‌پلات‌ها همچنین نشان دادند که تحت تأثیر قارچ *F. equiseti*، بیش‌ترین میزان شدت بیماری و کاهش وزن تر و خشک گیاهچه در رقم سپیدرود مشاهده شد و از این‌رو این رقم حساسیت بالایی به این قارچ داشت. در این شرایط، بیش‌ترین میزان کاهش ارتفاع بوته نیز در رقم هاشمی اتفاق افتاد (شکل ۸-ا). تحت تأثیر قارچ *C. graminicola* نیز بیش‌ترین میزان کاهش تمام صفات در رقم سپیدرود مشاهده شد (شکل ۸-ب).

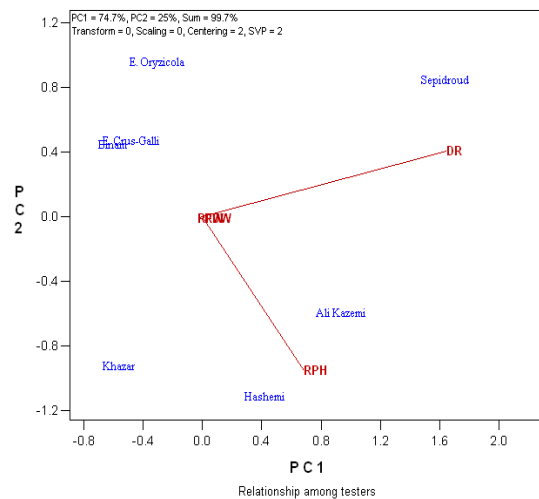


شکل ۷- نمای بای‌پلات ژنوتیپ میزبان در پاتوزن بر اساس کاهش وزن خشک گیاهچه. الف- حساسیت، ب- مقاومت، ج- نمای تستر متوسط، د- برهمکنش هفت ژنوتیپ میزبان و دو گونه قارچ بیماری‌زا.

Figure 7. Host-by-pathogen biplot view based on reduction of plantlet dry weight. a) Sensitivity, b) Resistance, c) Average-tester-coordination (ATC), d) Interactions of seven host genotypes by two fungi.



b) *C. graminicola*



a) *F. equiseti*

شکل ۸- برهمکنش صفات مورد مطالعه در پنج ژنوتیپ برنج و دو گونه سوروف تحت تأثیر قارچ. *C. graminicola* (b) *F. equiseti* (a). DR شدت بیماری، RPH کاهش ارتفاع بوته، RFW کاهش وزن تر گیاهچه، RDW کاهش وزن خشک گیاهچه.

Figure 8. Interrelations of the studied traits in five rice genotypes and two *Echinochloa* species treated by two fungi. a) *F. equiseti*, b) *C. graminicola*. DR, disease severity; RPH, reduction of plant height; RFW, reduction of dry weight of plantlets; RDW, reduction of fresh weight of plantlets.

این روش مزرعه را در مقابل حداقل یکی از گونه‌های علف‌هرز محافظت کرد. بر اساس وزن خشک گیاهچه نیز *E. crus-galli* حساس به قارچ *C. graminicola* بود که با توجه به مقاومت دو رقم خزر و بینام به این قارچ، امکان بهره‌گیری از این قارچ برای مقابله با گونه *E. crus-galli* وجود دارد. همچنین، با توجه به مقاومت افقی رقم هاشمی از نظر شاخص شدت بیماری، مقاومت عمودی آن از نظر کاهش میزان ارتفاع بوته و نیز توجه به طول و جهت بردارها، امکان کنترل زیستی گونه *E. crus-galli* در مزارع رقم هاشمی با استفاده از قارچ *C. graminicola* وجود دارد. در مجموع از نظر میزان کاهش صفات مورد مطالعه، *C. graminicola* در مقایسه با *F. equiseti* آنتاگونیست بهتری بود.

نتیجه‌گیری کلی

بر اساس نتایج این تحقیق و با توجه به همبستگی بالای کاهش وزن خشک گیاهچه و شدت بیماری، نتیجه‌گیری نهایی بر اساس این دو شاخص می‌تواند از اعتبار بیش‌تری برخوردار باشد. از نظر شاخص شدت بیماری، ژنوتیپ‌های سپیدرود و علی‌کاطمی حساس به عوامل بیماری‌زا بودند و بنابراین امکان استفاده از این دو قارچ بیماری‌زا برای کنترل زیستی علف‌هرز سوروف در مزارع این دو رقم برنج وجود ندارد. در مقابل، دو رقم خزر و بینام به این عوامل بیماری‌زا مقاومت داشتند و بنابراین برای مقابله با *E. crus-galli* در مزارع رقم خزر، قارچ *C. graminicola* و برای مقابله با *E. oryzicola* در مزارع بینام، قارچ *F. equiseti* قابل توصیه می‌باشد و با

References

- Barrett, S. 1983. Mimicry in plants. *Economic Botany* 37 (3): 255-282.
- Bertrand, P. F. and Gottwald, T. R. 1997. Evaluating fungicides for pecan disease control: In: Hickey, K. D. (Ed.). *Methods for evaluating pesticides for control of plant pathogens*. pp: 179-181.
- Fryer, J. D. and Chancellor, R. J. 1970. Herbicides and our changing weeds in the flora of changing Britain. *Botanical Society of the British Isles. Report No. 11*. pp: 105-118.
- Ghorbani, R., Sell, W. and Rashed, M. H. 2006. Effect of plant age, temperature and humidity on virulence of *Ascochyta caulina* on common lambsquarters (*Chenopodium album*). *Weed Science* 54: 526-531.
- Hoang, Q. K. 2002. Production, preparation and uses of biopesticides in Vietnam. *Regional Symposium on Biopesticides, Bangkok, Thailand*.

- Horsfall, J. G. and Barratt, R. W. 1945.** An improved grading system for measuring plant diseases. **Phytopathology** 35: 655.
- Huang, S. W., Watson, A. K., Duan, G. F. and Yu, L. Q. 2001.** Preliminary evaluation of potential pathogenic fungi as bioherbicides of barnyardgrass in China. **International Rice Research Notes** 26 (2): 35-36.
- Jurami, A. S., Tasrif, A., Kadir, J., Napis, S. and Sastroutomo, S. S. 2006.** Differential susceptibility of barnyardgrass (*Echinochloa crus-galli* var. *crus-galli*) ecotypes to *Exserohilum longirostratum*. **Weed Biology and Management** 6: 125-130.
- Kadir, J., Sajili, M. H., Juraimi, A. S. and Napis, S. 2008.** Effect of *Exserohilum monoceras* (Drechslera) Leonard & Suggs on the competitiveness of *Echinochloa crus-galli* (L.) P. Beauv. **Pertanika Journal of Tropical Agricultural Science** 31 (1): 19-26.
- Maun, M. A. and Barrett, S. C. H. 1986.** The biology of Canadian weeds. 77. *Echinochloa crus-galli* (L.) Beauv. **Canadian Journal of Plant Science** 66: 739-759.
- Montazeri, M., Mojaradi, M. and Rahimian-Mashhadi, H. 2006.** Influence of adjuvants on spore germination, desiccation tolerance and virulence of *Fusarium anthophilum* on barnyardgrass (*Echinochloa crus-galli*). **Pakistan Journal of Weed Science Research** 12: 89-97.
- Oladejo, A. S., Akinwale, R. O. and Obisesan, I. O. 2011.** Interrelationships between grain yield and other physiological traits of cowpea cultivars. **African Crop Science Journal** 19 (3): 189-200.
- Safari Motlagh, M. R. 2011a.** Evaluation of *Epicoccum purpurascens*, as biological control agent of *Echinochloa* spp. in rice fields. **Journal of Food, Agriculture and Environment** 9 (1): 394-397.
- Safari Motlagh, M. R. 2011b.** *Fusarium equiseti* (Corda) Saccardo, as biological control agent of barnyardgrass (*Echinochloa crus-galli* L.) in rice fields. **Journal of Food, Agriculture and Environment** 9 (1): 310-313.
- Safari Motlagh, M. R. 2017.** Comparison of pathogenicity of *Fusarium equiseti* and *Colletotrichum graminicola* on *Echinochloa* spp. **Acta Scientiarum Polonorum: Hortorum Cultus** 16 (3): 47-53.
- Safari Motlagh, M. R. and Kaviani, B. 2008.** Characterization of new *Bipolaris* spp., the causal agent of rice brown spot disease in the north of Iran. **International Journal of Agriculture and Biology** 10: 638-642
- Onyeka, T. J., Ekpo, E. J. A. and Dixon, A. G. O. 2005.** Virulence and host-pathogen interaction of *Botryodiplodia theobromae* isolates of cassava root rot disease. **Journal of Phytopathology** 153: 726-729.
- Tsukamoto, H., Tsuda, M., Gohbara, M. and Fujimori, T. 1998.** Effect of water management on mycoherbicidal activity of *Exserohilum monoceras* against *Echinochloa oryzicola*. **Annals of the Phytopathological Society of Japan** 64: 526-531.
- Yan W. 2001.** GGE-biplot: A windows application for graphical analysis of multi-environment trial data and other types of two-way data. **Agronomy Journal** 93: 1111-1118. Available in: www.ggebiplot.com/GGEbiplotBeta.msi.
- Yan, W. and Falk, D. E. 2002.** Biplot analysis of host-by-pathogen interaction. **Plant Disease** 86: 1396-1401.
- Yan, W. and Kang, M. S. 2003.** GGE biplot analysis: A graphical tool for breeders, geneticists and agronomists. CRC Press, Boca Raton, FL, USA. Available in: <http://www.crcpress.com/product/isbn/9780849313387>.
- Yang, Y. K., Kim, S. O., Chung, H. S. and Lee, H. 2000.** Use of *Colletotrichum graminicola* to control barnyardgrass. **Plant Disease** 84: 55-59.
- Zhang, W. M. and Watson, A. K. 2000.** Isolation and partial characterization of phytotoxins produced by *Exserohilum monoceras*, a potential bioherbicide for control of *Echinochloa* species. **Proceedings of the X International Symposium on Biological Control of Weeds, Montana State University**. pp: 125-130.
- Zhang, W. M. and Watson, A. K. 1997.** Effect of dew period and temperature on the ability of *Exserohilum monoceras* to cause seedling mortality of *Echinochloa* species. **Plant Disease** 81: 629-634.
- Zhang, W. M., Moody, K. and Watson, A. K. 1996.** Responses of *Echinochloa* species and rice (*Oryza sativa*) to indigenous pathogenic fungi. **Plant Disease** 80: 1053-1058.



University of Guilan
Faculty of Agricultural
Sciences

Cereal Research
Vol. 9, No. 1, Spring 2019 (27-41)

Pathogenicity of *Fusarium equiseti* and *Colletotrichum graminicola* on barnyardgrass and rice genotypes by biplot analysis

Mohammad Reza Safari Motlagh^{1*} and Peyman Sharifi²

Received: January 24, 2019

Accepted: May 14, 2019

Abstract

Barnyardgrass (*Echinochloa* spp.) is the most important weeds in rice fields. Fungus species play important roles in biological control of the weeds, especially *Echinochloa* in rice fields. In this research, *Fusarium equiseti* and *Colletotrichum graminicola* were isolated from *E. oryzicola* and *E. crus-galli* and their pathogenicity effects were compared on these weeds and five rice genotypes in a completely randomized design with three replications. Two net fungi were inoculated on weeds and rice genotypes using a spore suspension consisting of 10^6 spore·ml⁻¹ of distilled water. Genotype-by-pathogen biplot analysis was done for illustration of pathogenicity of two fungi (as pathogen) on host genotypes to facilitate the simultaneously visualization of relationship among pathogens and genotypes. The significant effects of pathogens were observed on disease rate and reduction of plant height, dry and fresh weight of plantlets. Biplot analysis indicated a differential interaction between pathogens and rice and *Echinochloa* genotypes for the studied traits. Average-tester-coordination (ATC) view of biplot indicated that Sepidroud and Binam were as the most sensitive and tolerant genotypes to two mentioned fungi according to their disease rating. The relationships view of biplot indicated there were higher positive correlations between disease rate and reduction in plantlet dry weight. Hashemi cultivar located near the biplot origin and had a horizontal resistance to fungi and can be used to biological control of barnyardgrass in the field of this cultivar. In conclusion, the results of this study based on the severity of the disease showed that *C. graminicola* fungus had more antagonistic effects than *F. equiseti*, especially on *E. crus-galli*.

Keywords: Disease severity, Fungus, GGE biplot, Host-by-pathogen interaction, Weed

1. Assoc. Prof., Dept. of Plant Protection, Faculty of Agriculture, Rasht Branch, Islamic Azad University, Rasht, Iran

2. Assoc. Prof., Dept. of Agronomy and Plant Breeding, Faculty of Agriculture, Rasht Branch, Islamic Azad University, Rasht, Iran

* Corresponding author: safarimotlagh@iaurasht.ac.ir