

مقاله

گزارش دو مورد بیمار ایرانی مبتلا به سندرم پروجیروئید (پیری زودرس) و جهش در ژن LMNA

دکتر یوسف شفقتی^۱، پروفسور نیکولاوس لوی^۲ و پروفسور جرج مارتین^۳

خلاصه

در این مقاله دو بیمار ایرانی مبتلا به سندرم پروجیروئید گزارش می‌شود. مورد اول دختر جوان 24 ساله‌ای است که تا سن 13 سالگی از سلامت کامل برخوردار بوده است. بعد از آن زمان، دچار یک بیماری ژنرالیزه شده که نسوج مختلف را گرفتار کرده است. نشانه‌های اصلی بیماری در وی توقف رشد، از دست دادن چربی‌های زیرجلدی، چروکیدگی و خشکی پوست، تغییرات شبیه به اسکلرودرمی پراکنده، بر جستگی عروق سطحی پوست، ریزش تدریجی موی سر و ابروها، و گرفتاری قلب به شکل کاردیومیوپاتی اتساعی بودند. نشانه‌های فوق همگی دال بر پیری زودرس بوده و تشخیص بالینی مطرح شده در این بیمار سندرروم ورنر بود. بیمار دوم پسر بچه شش ساله‌ای است که نشانه‌های تیبیک پروجیریا (بیماری هوچینسون گیلفورد) را داشت. تشخیص هر دو بیماری با انجام آزمایشات مولکولی در واشنگتون و مارسی تأیید گردید. در بیمار اول جهشی در ژن بیماری ورنر وجود نداشت، بلکه محل جهش در ژن LMNA بود. جهش صورت گرفته جایگزینی نوکلئوتید C به جای G در رمز شماره 57، و تبدیل رمز GCA (آلانین) به CCA (پرولین) بود. بنا براین در محل رمز شماره 57 پروتئین لامین A/C اسیدآمینه پرولین به جای آلانین نشسته بود. در بیمار دوم یک جهش نقطه‌ای در اگزون 11 پروتئین لامین A/C کشف گردید. در واقع در نوکلئوتید شماره 1824 یک مولکول سیتوزین به جای یک مولکول تیمین نشسته بود. در مقاله حاضر در باره اهمیت مولکول‌های لامین، مکانیسم و پاتولوژی بروز سندرم پروجیروئید به اختصار بحث شده است.

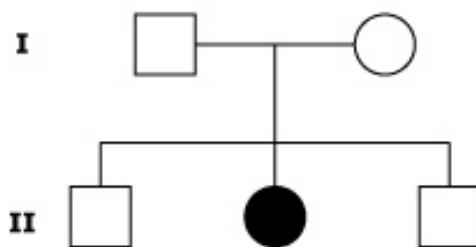
1- استادیار کودکان و ژنتیک، مرکز تحقیقات ژنتیک، دانشگاه علوم بهزیستی و توانبخشی، تهران، ایران 2- استاد ژنتیک پزشکی، دپارتمان ژنتیک پزشکی، بیمارستان کودکان تیمون، مارسی، فرانسه 3- استاد آسیب‌شناسی، دپارتمان آسیب‌شناسی دانشگاه جرج واشنگتن، شهرسیاتل، ایالت واشنگتن، ایالات متحده آمریکا

دسترسی به مقاله: 1383/3/2 دریافت مقاله اصلاح شده: 1383/7/9 پذیرش مقاله: 1383/8/20

واژه‌های کلیدی: پروجیریا، سندرم هوچینسون گیلفورد، سندرم ورنر آتیپیک، لامین C/A، لامینوپاتی‌ها، پیری زودرس گزارش موارد

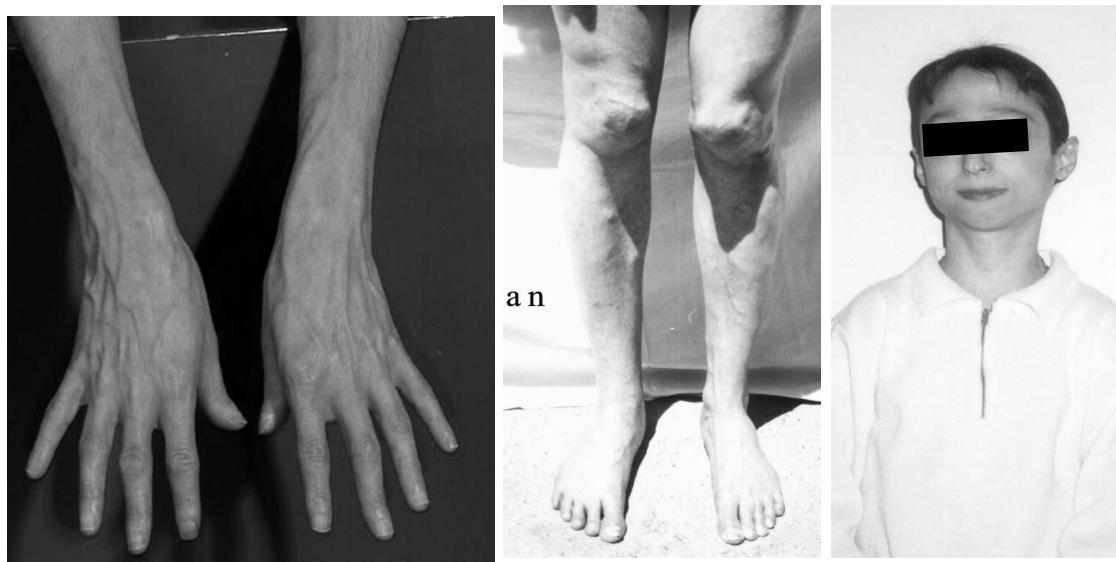
الف - شرح حال بیمار اول مبتلا به سندرم ورنر آتیپیک (Atypical Werner's Syndrome)

بیمار معرفی شده خانمی است 24 ساله، فرزند دوم خانواده‌ای که پدر و مادر وی سالم و غیرخویشاوند بوده و دارای دو برادر سالم است که یکی بزرگ‌تر و دیگری کوچک‌تر از خود او می‌باشند (شجره ۱). این فرد تنها مورد بیماری درخانواده بوده و بیماری مشابه را در خویشاوندان خود ذکر نمی‌کند. در سابقه حاملگی، زایمان، نوزادی، شیرخوارگی، و کودکی وی نکته قابل ذکری وجود ندارد. رشد و نمو تا حدود ۱۳ سالگی طبیعی بوده و بیماری خاصی را ذکر نمی‌نماید. از حدود ۱۳ سالگی بیماری با نشانه‌های پوستی به شکل درماتیت موضعی همراه با خارش در نواحی گردن، سطوح اکستنسور آرنج و زانوها شروع می‌شود. به تدریج درد و محدودیت حرکت در مفاصل زانو و ران بروز می‌کند. به دلیل این نشانه‌ها با تشخیص نکروز آسپتیک سر ران یا بیماری Perthes تحت درمان قرار می‌گیرد. نشانه‌های جلدی به تدریج به صورت



شجره ۱: متعلق به خانواده بیمار شماره اول

بیمار تنها فرد مبتلای خانواده است، دو برادر سالم دارد، والدین او سالم هستند و نسبت خویشاوندی هم ندارند.



تصویر ۱: مریوط به بیمار اول مبتلا به بیماری ورنر آتیپیک

ریزی جنث، موهای کم‌پشت، کاهش شدید چربی زیر پوست دست‌ها و پاها و نشانه‌های پیری زودرس قابل مشاهده است.

برای تأیید تشخیص با مرکز بین‌المللی ثبت بیماری ورنر در دپارتمان آسیب‌شناسی دانشگاه جرج واشنگتن، واقع در شهر سیاتل ایالت واشنگتن مکاتبه و پس از اخذ موافقت آنها، وکسب رضایت‌نامه از بیمار و خانواده وی نمونه خون و بیوپسی پوست در محیط کشت اختصاصی فیبروبلاست‌ها به منظور بررسی جهش‌های بیماری ورنر ارسال گردید. مشخصات این مرکز در فهرست منابع مقاله جهت استفاده علاقه‌مندان آمده است (6).

نتایج بررسی مولکولی

در 129 بیماری که به مرکز بین‌المللی ثبت بیماری ورنر دانشگاه واشنگتن معرفی شده و ثبت نام کرده بودند، جهش‌های ژن بیماری ورنر (WRN) جستجو و در 103 بیمار (80٪ موارد) جهش در این ناحیه کشف گردید. 26 نفر باقیمانده در ناحیه این ژن جهش نداشتند. به دلیل تشابه فنوتیپی این بیماری با سایر بیماری‌های با نشانه پیری زودرس و لامینوپاتی‌ها که در آنها جهش در ژن LMNA گزارش شده است، تصمیم گرفته شد در گروه اخیر نیز جهش در این ژن مورد بررسی قرار گیرد. از این تعداد، چهار بیمار (15٪) دارای یک جهش نادرست (missense) به حالت هتروزیگوت در ژن LMNA بودند که بیمار ما هم در گروه اخیر قرار داشت. جهش ژنتیکی در بیمار ایرانی عبارت بود از تبدیل رمز شماره 57 از GCA که اسید آمینه آلانین را کد می‌کند به CCA که رمز اسید آمینه پرولین است. بنابراین در محل اسید آمینه شماره 57 در پروتئین لامین A/C، پرولین به جای آلانین قرار گرفته بود (A57P). در این بررسی مبتلایانی که در آنها جهش در ژن بیماری ورنر (WRN) وجود نداشت، و علت بیماری بروز جهش در ژن (LMNA) بود، تحت عنوان بیماری ورنر آتیپیک نام‌گذاری گردیدند (1).

ب- شرح حال بیمار دوم مبتلا به پروجیری یا بیماری هوچینسون-گیلفورد (Progeria, Hutchinson-Gilford syn.)

پسری است شش ساله که تنها فرزند خانواده می‌باشد و والدین او نسبت خویشاوندی درجه 5 دارند (نتیجه عمه و دایی) (شجره 2). حاملگی اول مادر در سه ماهگی منجر به سقط شده است. مادر در دوران بارداری

نتایج آزمایشات انجام شده

در معاینه علاوه بر نشانه‌های یاد شده تأخیر رشد و کوتاهی قد مشهود بود. در چند سال اخیر علائم عدم کفاایت قلبی - ریوی مثل، خستگی زودرس، تنگی نفس، سرگیجه، درد و احساس پری درسر، طپش قلب، هپاتومگالی و آسیت و سایر نشانه‌های نارسایی قلب راست وجود داشت. بررسی‌های بالینی، الکتروکاردیوگرافی و اکوکاردیوگرافی گرفتاری قلبی را تأیید نمودند. نارسایی قلبی - تنفسی بیمار از انواع مقاوم به درمان بوده و به درمان‌های رایج مانند دیگوکسین، دیورتیک‌ها، و کاپتوپریل پاسخ مناسب نداده بود.

در CBC آنمی خفیف وجود داشت، هموگلوبین 11/6 گرم بود. ESR 17، شمارش پلاکت‌ها، تست‌های انعقادی، قند، اوره، و الکتروولیت‌ها همگی طبیعی بودند. پروتئین توatal 7/4 گرم درصد، آلبومین 4/5 گرم، گلوبولین‌ها 2/9 گرم، و نسبت آلبومین به گلوبولین در اوائل بیماری طبیعی بود. تجزیه کامل ادرار طبیعی بود. به دلیل دردهای استخوانی و مفصلی تست‌های ایمونولوژیک انجام شده بود که کمپلمان‌ها نرمال، سلول LE، ANA و فاکتور روماتوئید منفی بود. در تست اندازه‌گیری تراکم استخوان استئوپنی وجود داشت و دانسیته استخوان‌های ستون فقرات، ساعد و مچ دست حدود 80 درصد طبیعی گزارش شده بود. در چند نوبت بررسی قلب و اکوکاردیوگرافی انجام شد که اتساع شدید دردهلیز و بطن راست و اتساع خفیف در دهله و بطن چپ، اختلال متوسط در عملکرد قلب در مرحله سیستول و نارسایی متوسط تا شدید دریچه سه‌لتی وجود داشت. فشار شریان ریوی طبیعی بود، در نتیجه کاردیومیوپاتی اتساعی (Dilated Cardiomyopathy) با درگیری بیشتر قلب راست مورد تأیید قرار گرفت.

با توجه به نشانه‌های بالینی و پوستی و مشورت با یکی از متخصصین پوست حاذق برای بیمار تشخیص احتمالی سندرم ورنر (Werner's Syndrome) که یکی از انواع سندرم‌های پروجیروئید می‌باشد مطرح گردید.

بررسی مولکولی بیماری ورنر

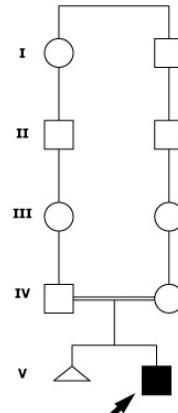
به منظور تشخیص عوارض پوستی در ابتدای بیماری بیوپسی پوست انجام شده بود که ضایعات اسکلرودرمونید گزارش شده بود. با توجه به فنوتیپ مشخص بیماری تشخیص بالینی پروجیریا یا سندرم هوچینسون - کیلفورد مطرح گردید (تصویر ۲).

بررسی عوارضی مانند آرتريوسکلروز عروقی، انسداد عروق کرونر، و کاهش رشد فیربولاستی انجام نشد.

به منظور تأیید تشخیص و کشف جهش ژنی با دپارتمان ژنتیک پزشکی بیمارستان کودکان تیمون در شهر مارسی - فرانسه هماهنگی های لازم به عمل آمد. پس از ارائه اطلاعات کافی در مورد نحوه انجام بررسی های مولکولی و توجیه خانواده در مورد مزیت های رسیدن به تشخیص قطعی و دریافت رضایت نامه، نمونه خون و بیوپسی پوست در محیط کشت مخصوص تهیه و به مارسی ارسال گردید. با دو روش توالی یابی مستقیم (direct sequencing) اگزون های ۴, ۵, ۷, ۸, ۹ و ۱۱ و تکثیر اگرگون ۱۱ با روش PCR و هضم آن با آنزیم *Bst*XI غربال گری جهش ها در ژن لامین آمد.

عمل A/C به

اخیر مشکلی نداشته است. کودک با زایمان طبیعی متولد شده و وزن او هنگام تولد ۲۲۰۰ گرم بوده است. تا حدود ۷ ماهگی مشکل واضحی نداشته و فقط رشد جسمی و حرکتی کمی تأخیر داشته است. در ۱۱ ماهگی نشسته و در ۱۸ ماهگی راه رفته است. از حدود ۷ ماهگی به بعد به تدریج دچار ریزش موها شده است. علائم ظاهری که در معاینه جلب توجه می کرد عبارت بودند از: تأخیر رشد، ریزش کامل موی سر (آلوبسی توتال)، کاهش چربی زیر جلد، برجستگی عروق سطحی در سر، صورت کوچک و سه گوش، بینی کوچک و منقاری شکل، چروکیدگی و سختی پوست و نشانه های پیری زودرس.



شجره ۲: متعلق به خانواده بیمار دروم

والدین خوش احوال دارند درجه ۵ هستند. مادر در حاملگی اول دچار سقط خود به خود شده

است. بیمار تنها فرزند خانواده است.



ب

تصویر 2: مربوط به بیمار دوم مبتلا به بیماری هوچینسون گیلفورد

به فنوتیپ کاملاً مشخص، نشانه‌های پیری، ریزش مو، وضوح عروق پوست سر و کاهش چربی زیرجلدی توجه شود.

آتیپیک احتمالاً یا بایستی به نوع دیررس سندروم پروجیریا یا هوچینسون- گیلفورد مبتلا باشند، یا اینکه مبتلا به بیماری ورنر زودرس باشند، البته وی به تفاوت در ژن‌های جهش یافته در دو گروه بیماران اشاره‌ای نمی‌نماید.
(5)

بیمار دوم ما علائم پروجیریا یا بیماری هوچینسون- گیلفورد را داشت. اگرچه ادعا می‌شود این بیماری اسپورادیک است، ولی در مقالات پزشکی خانواده‌های گزارش شده‌اند که در آنها چندین فرزند در یک نسل مبتلا بوده‌اند. در واقع در این خانواده‌ها بیماری با تبعیت از الگوی وراثت مغلوب اوتوزومی منتقل می‌شود. در این بیمار از ابتدا جهش‌های ژن LMNA مورد بررسی قرار گرفت و معلوم گردید که جهش نقطه‌ای در اگزون 11 ژن A/C Lamin در نوکلئوتید شماره 1824 (G608C) جایگزینی سیتوزین به جای تیمین رخ داده است. این جایگزینی سبب می‌شود یکی از محل‌های مخفی برش ژن (cryptic splice site)، فعال شده و 50 جفت باز از ژن پره لامین A (Pre-Lamin A) حذف گردد.

نگاهی گذرا به ساختار و عملکرد ژن LMNA

لامینای هسته سلولی لایه‌های ظریف پروتئینی هستند که دقیقاً در مجاورت لایه داخلی غشاء هسته قراردارند و به صورت یک ساختار شبکه‌ای در می‌آیند. لامین‌ها یک خانواده پلی‌پپتیدی هستند که در دوران تکامل جانداران به شدت محفوظ و بدون تغییر پایدار مانده‌اند. در پستانداران سه نوع لامین A، B، و C شرح داده شده است، که وزن مولکولی آنها 60 تا 78 کیلو دالتون است (7,9). لامین A و C از نظر توالی اسیدهای آمینه خیلی شبیه به هم هستند و مطالعات نشان داده است که آنها محصول یک ژن منفرد می‌باشند. ناحیه دارای رمز ژن لامین A/C دارای 12 اگزون است و 24 کیلو باز طول دارد. به دلیل تفاوت در اتصال RNA (Alternate Splicing) در اگزون 10 این ژن، دو نوع پیامبرساخته می‌شود. و این دو، پره‌لامین A و لامین C را به کمک ریبوزوم‌ها تولید می‌نمایند (8). جایگاه ژن

الف

تصویر 2: مربوط به بیمار دوم مبتلا به بیماری هوچینسون گیلفورد

مشخص گردید که در اگرون 11 جهش نقطه‌ای در نوکلئوتید شماره 1824 روی داده و سیتوزین به جای تیمین (C>T) نشسته است.

بحث

سندروم ورنر یک بیماری مغلوب اوتوزومی است و فنوتیپی شبیه به پیری زودرس سگمانتر را در مبتلایان سبب می‌شود. در حالت کلاسیک جهش در ژن ورنر (WRN) بروز می‌کند (1)، که یکی از اعضای خانواده‌ها (اداره کننده بازشدن دو رشته مولکول DNA یا هلیکازها) است. مشابه سندروم بلوم (Bloom's Syndrome) است. مشابه سندروم بلوم این ژن پروتئینی را رمز می‌کند که وابسته به ATP بوده، و دو رشته مولکول DNA را از هم باز می‌کند. یکی دیگر از وظایف فیزیولوژیک پروتئین ورنر تسهیل در امر بازسازی و ترمیم آسیب‌های وارد به مولکول DNA در خلال سنتز این مولکول در مراحل تقسیم میتوزی است. محل این ژن با استفاده از روش فناوری شبیه‌سازی وضعیتی (Positional cloning) شناسایی شده و بر روی بازوی کوتاه کروموزوم 8 در جایگاه (8p1.1-p1.2) قرار دارد (11).

در بیمار اول ما جهشی در جایگاه ژن ورنر (WRN) وجود نداشت. همان‌طور که اشاره شد به دلیل تشابه فنوتیپی این بیماری با سایر لامینوپاتی‌ها و جهش شناسایی شده در ژن دیگری به نام LMNA در این بیماری‌ها، تصمیم گرفته شد در بیمارانی که بررسی مولکولی برای جهش‌های ژن WRN منفی بود، جهش‌های LMNA مورد کاوش قرار گیرد. در بیمار اول ما جهش در رمز شماره 57 ژن LMNA و جایگزینی اسیدآمینه پرولین به جای آلانین در مولکول لامین A/C گزارش گردید (1). ذکر یک نکته در اینجا ضروری است، و آن اینکه در سندروم ورنر کلاسیک علائم معمولاً خفیفتر و دیررس‌تر بوده، در حالی که در بیمارانی که فنوتیپ ورنر آتیپیک را داشتند، سن بروز بیماری زودتر، علائم بیماری شدیدتر، و پیشرفت بیماری هم سریع‌تر بوده است. Hegele (2003) معتقد است که بیماران گزارش شده به عنوان بیماری ورنر

از آنتی بادی های مونوکلونال بر علیه مولکول های Lamin A, Lamin B, Lamin A/C، و Lamin A داده شده است که شکل و اندازه هسته سلول ها در این بیماری به شدت تغییر کرده، همچنین غشاء هسته پاره شده و محتويات کروماتینی آن به خارج از هسته نشست می نماید (2,3,4).

مشاوره ژنتیک

از آنجا که بیماری ورنر با وراثت مغلوب اوتوزومی منتقل می شود، ابتلای یک فرزند به این معنی است که در هر بارداری 25 درصد خطر تکرار وجود دارد. اگرچه معمولاً تصور می شود پروجیریا اسپورادیک است، ولی احتمال تکرار آن با تبعیت از الگوی وراثت مغلوب اوتوزومی وجود دارد. بنابراین برای دست یافتن به تشخیص قطعی انجام تست های مولکولی در هر دو بیماری ضرورت دارد. اگر جهش بیماری در خانواده معلوم گردیده باشد، می توان از روش های تشخیص قبل از تولد در نمونه های به دست آمده از جنین با روش آمینوستترز یا CVS سود برد و خانواده را از سلامت یا بیماری جنین آگاه نمود. در مورد بیماران معروف شده در این مقاله در خانواده بیمار دوم که بیمار مبتلا به پروجیریا داشتند، در حاملگی سوم مادر آمینوستترز انجام و از نظر جهش بررسی انجام شد که جنین سالم بود و حاملگی به سلامت تا پایان پیش رفت و نوزادی سالم به دنیا آمد.

نتیجه گیری

دو مورد بیماری بسیار نادر ژنتیکی پروجیروئید در دو بیمار ایرانی گزارش شد. مورد اول خانم 24 ساله ای می باشد که بیماری او از سن 13 سالگی شروع شده و سیر پیش رونده و قهقهایی داشته است. رشد جسمی بیمار مختلط بوده، ولی از نظر ذهنی مشکلی نداشت. نشانه های پوستی، کاهش چربی زیرجلدی، تغییرات شبیه اسکلرودرمی موضعی، چروکیدگی و خشکی پوست، بر جستگی و وضوح عروق زیرجلدی، ریزش تدریجی موی سر و ابروها، علائم پیری زودرس، و گرفتاری قلبی به شکل کاردیومیوپاتی اتساعی از نظر بالینی بیماری ورنر را برای این بیمار مطرح کردند. بیمار دوم پسر 6 ساله ای بود که نشانه سندرم پیری زودرس یا پروجیری را به طور تیپیک داشت.

-21.3 LMNA در بازوی بلند کروموزوم 1 در جایگاه 21.2q شناسایی شده است (10).

بیماری های متنوعی تاکنون تشخیص داده شده اند که با وجود تنوع بالینی و عدم شباهت فنوتیپی علت آنها بروز LMNA یا نامفهوم (Missense Mutations) در ژن LMNA بوده است، به این بیماری ها اصطلاحاً لامینوپاتی ها گفته می شود. بعضی از این بیماری ها عبارتند از: دیستروفی عضلانی وابسته به X نوع امری - دریفوس، کاردیومیوپاتی اتساعی تیپ A1، دیستروفی عضلانی کمریندی تیپ B1 (LGMD1B)، لیپودیستروفی فامیلی پارسیل، بیماری شارکو - ماری - توت نوع 2 (CMT2)، دیسپلازی ماندیبولو - آکرال و پروجیریا (بیماری هوچینسون - گیلفورد)

سؤال مهم این است که چرا و چگونه این جهش ها این همه بیماری با تنوع فنوتیپی را سبب می شوند؟

در پاسخ به این سؤال دو مدل پیشنهاد شده است: اول اینکه جهش های ژن LMNA سبب دگرگونی های وسیع در ساختمان هسته شده که منجر به ناپایداری سلول ها و آتروفی نسجی می شود. و دوم اینکه لامین A و لامین C اجزاء هسته ای متعددی را که وظیفه آنها جلوگیری از بروز بیماری است تنظیم می نمایند. به همین دلیل دامنه فنوتیپ حاصل از جهش های متفاوت، بر حسب این که کدام واکنش را مختل نماید فرق خواهد کرد (1).

سؤال بعدی این است که چه رابطه ای بین جهش در ژن LMNA و فنوتیپ پیری زودرس وجود دارد؟

احتمال اول این است که در ناقلين جهش ژن LMNA عملکرد ژن WRN دچار اختلال می شود. و احتمال دوم این که در مبتليان و ناقلين جهش ژن LMNA عملکرد ژن و پروتئین رتینوبلاستوم دچار اختلال می شود. معلوم شده است که لامین C/A یک پروتئین اتصال دهنده پروتئین رتینوبلاستوم است، و این واکنش برای پایداری پروتئین رتینوبلاستوم ضروری است. و باز مشخص شده است که همین واکنش در محیط کشت سلولی، از پیری سلول ها جلوگیری می کند. جهش در ژن LMNA به دلیل اختلال در واکنش اتصال پروتئینی یاد شده، برنامه پیری پیش رس سلولی را تشدید می نماید (1).

در برخی پژوهش ها جهش های نقطه ای مشابه را در مبتليان به پروجیری کشف نموده اند. همچنین با استفاده

است. با انجام این تست‌ها هم تشخیص بالینی تأیید می‌شود و هم می‌توان با اتکاء به این اطلاعات مشاوره‌های ژنتیکی دقیق‌تری را به خانواده‌های درگیر ارائه و برای تشخیص قبل از تولد در حاملگی‌های در معرض خطر اقدام نمود.

سپاسگزاری

از دو بیمار معرفی شده و خانواده‌های محترم آنها به دلیل حوصله و همکاری‌هایی که به عمل آوردن، از سرکار خانم دکتر پروین منصوری استاد محترم پوست دانشگاه تهران به خاطر بررسی بیمار اول از نظر بالینی و پیشنهاد تشخیص بالینی بیماری ورنر، از گروه دکتر نیکولاوس لوی در بخش ژنتیک پزشکی بیمارستان کودکان تیمون مارسی به دلیل بررسی مولکولی مورد پروجیریا، و از گروه دکتر جرج مارتین در دانشگاه جرج واشنگتن به دلیل بررسی مولکولی مورد ورنر آتیپیک و همچنین از آقای رضا شفقی برای کمک در انجام کارهای گرافیکی بسیار ممنون و سپاسگزاریم.

Summary

Progeroid Syndrome and Mutation in LMNA Gene: Report of Two Cases from Iran

Shafeghati Y., PhD.¹ Levy N., PhD.² and Martin G.M., PhD.³

1. Assistant Professor, Genetics Research Center, University of Welfare Sciences and Rehabilitation, Tehran, Iran 2. Professor of Medical Genetics, Department of Medical Genetics, Timone Medical School, Marseille Cedex, France 3. Professor of Pathology, Department of Pathology, University of Washington, Seattle, WA, USA

Two Iranian cases with very rare progeroid syndrome are reported. The first is a 24-year-old girl who has been healthy till her 13th birthday. From that time she has been suffering from a progressive generalized and multi-systemic illness. The cardinal clinical findings were growth retardation, subcutaneous fat loss, skin dryness and wrinkling, scattered focal sclerodermod-like changes, prominence of superficial vessels, gradual loss of scalp hair and eyebrows and cardiac involvement in the form of dilated cardiomyopathy. All the above findings were suggestive of precocious ageing and the clinical diagnosis of Werner syndrome. The second case is a 6-year-old boy with typical clinical findings of Progeria or Hutchinson-Gilford syndrome. The diagnoses were confirmed by molecular analysis of the samples in Washington and Marseille. In the first case there was no molecular abnormality in Werner's gene(WRN), but there was a mutation in the LMNA gene. The mutation was substitution of C to G in codon number 57, and the codon GCA (alanine) changed to CCA (proline). So, in the codon 57 of the protein Lamin A/C proline had replaced alanine (A57>P). The mutation in the second case (Progeria=Hutchinson-Gilford syn.) was a point mutation at the exon 11 of Lamin A/C protein resulting in the replacement of thymine by cytosine in the nucleotide number 1824(1824C>T). The importance of lamins and the mechanism and pathogenesis of progeroid syndromes are discussed briefly.

Key Words: Progeria, Hutchinson-Gilford syndrome, Werner's syndrome, Lamin A/C, Laminopathy, Precocious ageing

Journal of Kerman University of Medical Sciences, 2005; 12(1): 66-73

به منظور رسیدن به تشخیص مولکولی قطعی در دو مرکز تحقیقاتی (بیمارستان کودکان تیمون در مارسی فرانسه و دپارتمان آسیب شناسی دانشگاه جرج واشنگتن ایالات متحده آمریکا) برای این دو بیمار بررسی مولکولی انجام و در هر دو آنها جهش در زن LMNA کشف گردید. جهش زنی در بیمار ورنری عبارت بود از تبدیل رمز شماره 57 از GCA که اسید آمینه آلانین را کد می‌کند به CCA که رمز اسید آمینه پرولین است. بنابراین در محل اسید آمینه شماره 57 در پروتئین لامین A/C، پرولین به جای آلانین نشسته است(A57P). جهش زنی در مورد بیمار مبتلا به سندروم هوچینسون-گیلفورد جهش نقطه‌ای در نوکلتوتید شماره 1824 در اکرون 11 و جایگزین شدن سیتوزین به جای تیمین (C>T) بود.

در حال حاضر با توجه به پیشرفت‌های به دست آمده در زمینه تشخیص مولکولی بیماری‌های ژنتیکی، تشخیص جهش‌های ژنتیکی این بیماری‌ها به سهولت در دسترس

References

1. Chen L, Lee L, Kudlow B.A, *et al.* LMNA mutations in atypical Werner's syndrome. *Lancet* 2003; 362(9382): 440-5.
2. De Sandre-Giovannoli A, Bernard R, Cau P, *et al.* Lamin a truncation in Hutchinson-Gilford progeria. *Science* 2003; (5628): 2055.
3. Eriksson M, Brown W.T, Gordon L.B, *et al.* Recurrent de novo point mutations in lamin A cause Hutchinson-Gilford progeria syndrome. *Nature* 2003; 423(6937): 293-298.
4. Genschel J and Schmidt H.H.J. Mutations in the LMNA gene encoding lamin A/C. *Hum Mutat* 2000; 16(6): 451-9.
5. Hegele R.A. Drawing the line in progeria syndromes. *Lancet* 2003; 362(9382): 416-417.
6. International Registry of Werner Syndrome. Available at <http://www.pathology.washington.edu/research/werner/registry/frame2.html>
7. Krohne G and Benavente R. The nuclear lamins: a multigene family of proteins in evolution and differentiation. *Exp Cell Res* 1986; 162(1): 1-10.
8. Lin F and Worman H.J. Structural organization of the human gene encoding nuclear lamin A and nuclear lamin C. *J Biol Chem* 1993; 268(22): 16321-6.
9. Mc Kusick V. (chief editor) Lamin A/C. LMNA: OMIM, Online Mendelian Inheritance in Man.
10. Wydner K.L, McNeil J.A, Lin F, Worman H.J and Lawrence J.B. Chromosomal assignment of human nuclear envelope protein genes LMNA, LMNB1, and LBR by fluorescence in situ. *Genomics* 1996; 32(3): 474-8.
11. Yu C.E, Oshima J, Fu Y.H, *et al.* Positional cloning of the Werner's syndrome gene. *Science* 1996; 272(5259): 258-262.

كل مقاله خط به خط و کلمه به کلمه تصحیح و به فرمت مجله تبدیل شد. 83/9/22 ایرانیار
مقاله اولین تصحیح انجام و پرینت شد. 83/11/3 ایرانیار
تصحیح و پرینت شد. 83/12/10 ایرانیار
تصحیح و پرینت شد. 83/12/18 ایرانیار
شماره صن داده شد و برای نویسنده پرینت شد. 83/12/20 ایرانیار
21/1/84 مقاله تصحیح و پرینت شد. ایرانیار
84/1/27 2 ص تصحیح و صفحه ارأیی مجدد و برای چاپ پرینت شد. ایرانیار