

نحوه کنترل ژنتیکی عملکرد و میزان روغن دانه در گلنگ‌های بومی با استفاده از تجزیه میانگین نسل‌ها

محمدهادی پهلوانی^۱, قدرت‌ا. سعیدی^۲ و آقا فخر میرلوحی^۲

^۱گروه زراعت، دانشگاه علوم کشاورزی و منابع طبیعی گرگان، ^۲گروه زراعت دانشگاه صنعتی اصفهان

تاریخ دریافت: ۱۹/۱۲/۸۱؛ تاریخ پذیرش: ۱۶/۳/۸۲

چکیده

اطلاع از نحوه کنترل ژنتیکی خصوصیات زراعی و اقتصادی گیاهان و میزان اثرات خویش‌آمیزی و هتروزیس در جهت افزایش بازدهی روش‌های اصلاحی ضروری می‌باشد. در این مطالعه ژنتیکی‌های بومی گلنگ شامل لاین‌های انتخاب شده از ترده‌های مختلف و نسل‌های F_1 و F_2 حاصل از تلاقی آنها برای صفات عملکرد دانه، اجزای عملکرد، میزان روغن و پروتئین دانه مورد ارزیابی قرار گرفتند. نتایج حاصل از تجزیه میانگین نسل‌ها نشان داد که اثرات افزایشی و غالبیت در کنترل عملکرد دانه در بوته نقش داشتند و با توجه به علامت پارامتر غالبیت در مدل ژنتیکی، در برخی از تلاقی‌ها آلل‌های افزایش‌دهنده در دانه در بوته در تلاقی‌های مختلف بین ۱۲/۰ تا ۱۲/۱ درصد متغیر بود. همچنین نسل خویش‌آمیزی موجب کاهش (حداکثر تا ۱۸/۹ درصد) و افزایش (حداکثر تا ۱۹/۵ درصد) در عملکرد دانه در تلاقی‌های مختلف گردید. مدل ژنتیکی افزایش - غالبیت تنوع موجود بین نسل‌ها را برای درصد روغن دانه در بیشتر تلاقی‌ها از جمله $IUTE_{1449}$, $IUTK_{H211}$, $IUTE_{1449} \times IUTH_{1449}$ به خوبی توجیه نمود. بنابراین با انتخاب می‌توان این صفت را در نتاج آنها بهبود داد. میزان هتروزیس نسبت به والد برتر برای درصد روغن دانه بین ۱۲/۶ - تا ۱۴/۹ درصد متغیر بود. خویش‌آمیزی نیز موجب کاهش (حداکثر تا ۷/۵ درصد) و افزایش (حداکثر تا ۷/۱ درصد) در میزان روغن دانه گردید. عدم کفایت مدل ژنتیکی افزایشی - غالبیت در توجیه تنوع‌های مشاهده شده برای تعداد روز تا ۵۰ درصد گلدنهای، وزن ۱۰۰ دانه و ارتفاع بوته در بیشتر تلاقی‌ها نشانگر وجود قابل توجه اثرات اپیستازی در کنترل این صفات می‌باشد. حداکثر هتروزیس برای وزن ۱۰۰ دانه، تعداد روز تا ۵۰ درصد گلدنهای و ارتفاع بوته به ترتیب ۱۴/۸، ۱۱/۹، ۳/۱ درصد نسبت به والد برتر بود و خویش‌آمیزی نیز اثرات قابل توجهی روی این نداشت.

واژه‌های کلیدی: گلنگ، تجزیه میانگین نسل‌ها

(*Carthamus tinctorius L.*) مورد توجه قرار گیرند.

کشت گلنگ در ایران به عنوان یکی از مراکز عمده کشت و کار این محصول در دنیای قدیم (نولو، ۱۹۶۹)، همچنان رواج داشته و در حال توسعه می‌باشد. گلنگ در گذشته

مقدمه

افزایش نیاز به روغن‌های گیاهی و محدود بودن زمین‌های حاصلخیز و منابع آب موجب شده است تا گیاهان دانه‌ای و روغنی با سازگاری بالا همچون گلنگ



هتروزیس در مورد صفت تعداد روز تا گلدهی چندان قابل توجه نبوده است.

ارتفاع بوته در گلنگ غالباً تحت کنترل ژنهایی با اثرات افزایشی است (کوتچا، ۱۹۷۹). بعضی مطالعات نشان داده است که هیریدهای نسل اول گلنگ ارتفاعی بیش از والدین خود داشته‌اند، بطوری که برخی از آنها تا ۱۵۹ درصد نسبت به والد برتر، دارای ارتفاع بیشتری بودند (یزدی صمدی و همکاران، ۱۹۷۵). وجود هتروزیس برای میزان روغن نیز در گلنگ گزارش شده است (پاتیل و نارکد، ۱۹۹۶). یزدی صمدی و همکاران (۱۹۷۵) نیز ضمن گزارش وجود هتروزیس برای میزان روغن دانه نشان دادند که خودگشتنی موجب کاهش روغن دانه در برخی از ارقام گلنگ می‌شود. اگرچه مطالعات ژنتیکی متعددی برای اطلاع از نحوه کنترل ژنتیکی خصوصیات مهم زراعی گلنگ در دنیا صورت گرفته است، با وجود این اطلاعات ژنتیکی در مورد خصوصیات مهمی نظری عملکرد دانه و درصد روغن در ژنتیک‌های بومی گلنگ موجود نمی‌باشد. این مطالعه با اهداف تعیین نحوه توارث، میزان هتروزیس و خویش‌آمیزی در مورد صفات عملکرد دانه، میزان روغن دانه، وزن ۱۰۰ دانه، تعداد روز تا ۵۰ درصد گلدهی و ارتفاع بوته در گلنگ‌های بومی انجام گردید.

مواد و روش‌ها

IUTE₁₄₄₉ در این مطالعه نتایج حاصل از تلاقی‌های IUTM₁₂ × IUTC₁₂₉, IUTH₁₃ × IUTC₁₂₉, IUTKH₂₁₁, IUTE₁₄₄₉, IUTK₁₁₅ × IUTH₁₃, IUTC₁₂₉, IUTH₁₃ گرفتند. ژنتیک‌های مورد استفاده در تلاقی‌ها، لاین‌های انتخاب شده از توده‌های بومی مختلف (خراسان، اصفهان، همدان، کردستان، مرکزی) و Saffire¹ مورد بررسی قرار گرفتند. ژنتیک‌های مورد استفاده در تلاقی‌ها، لاین‌های انتخاب شده از توده‌های بومی مختلف (خراسان، اصفهان، همدان، کردستان، مرکزی) و Saffire² به عنوان یک رقم اصلاح شده کانادایی (ماندل و همکاران³، ۱۹۸۵) بودند.

بیشتر به منظور تهیه رنگدانه قرمز برای استفاده در صنایع رنگرزی و همچنین برای رنگ اغذیه کشت می‌شد و زراعت آن برای استحصال روغن خوراکی از سال ۱۳۳۶ در ایران آغاز گردید (زینعلی، ۱۳۷۸). تولید گلنگ در ایران با متوسط ۷۰۰ کیلوگرم دانه در هکتار از میزان جهانی آن (حدود ۲۰۰۰ کیلوگرم در هکتار) فاصله زیادی دارد (زینعلی، ۱۳۷۸). افزایش تولید گلنگ و توانایی رقابت آن با سایر گیاهان دانه روغنی در ایران نیازمند اصلاح ارقامی با عملکرد دانه و میزان روغن بالا می‌باشد. از این‌رو افزایش عملکرد و میزان روغن دانه از اهداف مهم اصلاحی این گیاه به شمار می‌رود. تنوع ژنتیکی که بیش نیاز هر برنامه اصلاحی می‌باشد در توده‌های بومی گلنگ ایران برای صفات مختلف از جمله عملکرد دانه و روغن وجود دارد (رینعلی، ۱۳۷۸). اطلاع از نحوه کنترل ژنتیکی صفات و میزان اثرات خویش‌آمیزی و هتروزیس اصلاحگر را در تعیین بهترین روش اصلاحی که دارای بیشترین بازدهی باشد و استفاده از تنوع ژنتیکی موجود کمک می‌نماید. وجود اثرات افزایش، غالیت و فوق غالیت برای عملکرد دانه در تلاقی‌های مختلف گلنگ گزارش گردیده است (کوتچا، ۱۹۸۱). همچنین مطالعه چندین تلاقی ژنتیک‌های گلنگ هندی نشان داده است که هتروزیس برای عملکرد دانه بین ۱۲/۸ تا ۱۲/۸ درصد متغیر بوده است (مالشپا و همکاران، ۱۹۸۹). اهدایی و قادری (۱۹۷۸) نیز با مطالعه در نسل‌های مختلف حاصل از تلاقی دو ژنتیک بومی و غیربومی، وجود اثرات غالیت در کنترل وزن دانه را بیان نموده‌اند. خویش‌آمیزی نیز در گلنگ موجب کاهش وزن دانه گردیده است (یزدی صمدی و همکاران، ۱۹۷۵). همچنین در تلاقی‌های مختلف این گیاه، ژنهایی با اثرات افزایشی و غیرافزایشی در کنترل تعداد روز از کاشت تا مرحله گلدهی نقش داشته‌اند (کوتچا، ۱۹۸۱). نتایج یزدی صمدی و همکاران (۱۹۷۵) نیز نشان داده است که



مشاهده شده میانگین نسل‌ها و مقادیر تخمین زده شده توسط مدل‌های برآورده شده به آزمون X^2 مورد بررسی قرار گرفت (کرسی و پونی، ۱۹۹۶). پارامترهای مدل افزایشی - غالیت توسط نرم‌افزار آماری SAS برآورده گردید. میزان هتروزیس (H_t) بصورت برتری نتایج F نسبت به والد برتر (H_p) و اثرات حاصل از یک نسل خویش‌آمیزی (I_{n1}) روی میانگین فنوتیپی صفات بصورت زیر محاسبه گردیدند:

$$\{I_{n1} = 100x[F_1 - F_2]/F_1\}, \{H_t = 100x[F_t - H_p]/H_p\}$$

نتایج و بحث

نتایج تجزیه واریانس نشان داد که تفاوت معنی‌داری بین ژنوتیپ‌ها (شامل والدین و نسل‌های F_1 و F_2) حاصل از آنها) برای عملکرد دانه در بوته، وزن ۱۰۰ دانه، تعداد روز تا مرحله ۵۰ درصد گلدهی، ارتفاع بوته و میزان روغن و پروتئین دانه وجود داشت (جدول ۱). وجود تنوع بین ژنوتیپ‌ها پیش‌نیاز انجام تجزیه و تحلیل‌های ژنتیکی می‌باشد (کرسی و پونی، ۱۹۹۶). تفکیک واریانس ژنوتیپ‌ها نشان داد که والدین دارای تنوع قابل ملاحظه‌ای برای کلیه خصوصیات مورد مطالعه بودند (جدول‌های ۱ و ۲). مشاهده اختلاف بین والدین دور از انتظار نبود زیرا این ژنوتیپ‌ها از منابع ژنتیکی مختلفی منشأ گرفته بودند. IUTM₁₂ و لاین‌های IUTE₁₄₄ و LA₁₂₉ IUTK₁₁₅ به ترتیب دارای بیشترین و کمترین میزان عملکرد دانه در بین ژنوتیپ‌های والدینی بودند (جدول ۲).

بذور ۱۹ ژنوتیپ شامل ۷ والد و نسل‌های F_1 ، آنها در واحدهای آزمایشی روی سه خط $3/5$ متری و با فواصل ۵ سانتی‌متری، با فاصله بوته روی خط ۱۰ سانتی‌متر کشت گردیدند. آزمایش با ۲ تکرار و در قالب طرح بلوک‌های کامل تصادفی صورت گرفت. انجام تلاقی‌ها و ارزیابی ژنوتیپ‌ها به ترتیب در سال‌های ۱۳۸۰ و ۱۳۸۱ در مزرعه تحقیقات کشاورزی دانشگاه صنعتی اصفهان واقع در شرودان صورت گرفت. بذور نسل F_2 تلاقی‌ها با پاکت‌گذاری روی گل آذین بوته‌های f_1 در گلخانه تولید گردید. صفات تولید روز تا مرحله ۵۰ درصد گلدهی با احتساب تعداد روز از کاشت تا گلدهی ۵۰ درصد بوته‌های یک واحد آزمایشی، ارتفاع بوته و میانگین عملکرد دانه در بوته ژنوتیپ‌های روی ۵ بوته f_1 یا والدی و ۲۵ بوته f_2 خطوط میانی در هر پلات و وزن ۱۰۰ دانه و درصد روغن و پروتئین دانه‌ها برای ژنوتیپ‌ها اندازه‌گیری گردید. درصد روغن و پروتئین دانه‌ها با روش سوکله با حلال هگزان n -نرمال، و میزان پروتئین دانه نیز با روش کلداخ به دست آمد. جهت تعیین روغن و پروتئین دانه، از دانه‌های مربوط به هر واحد آزمایشی ۳ نمونه مورد تجزیه قرار گرفت و از میانگین آنها در تجزیه واریانس استفاده شد. اندازه‌گیری و تجزیه و تحلیل میزان پروتئین دانه تنها در ۳ تلاقی صورت گرفت (جدول ۳). داده‌ها توسط نرم‌افزار آماری SAS (۱۹۹۶) مورد تجزیه و تحلیل قرار گرفتند. از آزمون LSD برای تعیین اختلافات معنی‌دار بین والدین در مواردیکه مقدار F در تجزیه واریانس معنی‌دار بود، استفاده گردید. جهت تعیین نحوه توارث صفات و برآورد پارامترهای ژنتیکی افزایشی و غالیت از تجزیه میانگین نسل‌ها با مدل افزایشی - غالیت به صورت زیر استفاده شد:

$$[F_2 = m + \frac{1}{2}d], [F_1 = m+d], [P_1 = m+a]$$

در مدل مربوطه، m میانگین نسل‌ها، a مجموع اثرات افزایشی ژن‌ها و d مجموع اثرات غالیت ژن‌ها می‌باشد. کارآیی مدل ژنتیکی افزایشی - غالیت در تبیین تنوع مشاهده بین نسل‌ها با بررسی وجود توافق بین مقادیر



جدول ۱- نتایج تجزیه واریانس و مقایسه صفات مختلف در ژنوتیپ‌های گلرنگ.

ردیف	منبع تغییر آزادی	درجه	عملکرد در بوته	وزن ۱۰۰ دانه	روز تا گلدنه	ارتفاع بوته	میزان روغن دانه	میزان پروتئین دانه	میانگین مربعات
									میزان پروتئین
۱	بلوک	۱	۳۱/۹	۰/۰۱	۱/۷	۲۴/۱	۰/۱	۲/۲	۰/۱
۲	ژنوتیپ	۱۸	۱۴۹/۲**	۰/۲۳**	۲۵/۶*	۳۷۱/۲**	۱۲/۹**	۱۰/۳**	۱۲/۹**
۳	خطا	۱۸	۱۸/۴	۰/۰۱	۹/۲	۱۹/۶	۲/۲	۲/۳	۹/۰
۴	والدین	۶	۸۳/۳**	۰/۵۱**	۴۲/۴**	۶۲۳/۵**	۹/۹**	۱۶/۰**	۹/۰
۵	F ₁ ها در مقابل والدین	۱	۱۰۳۷/۲**	۰/۱۰*	۴۲/۷*	۱۰/۹	۱/۰	۹/۰*	۰/۶
۶	F ₂ ها	۱	۴/۱	۰/۰۱	۰/۴	۱۰۲/۳	۰/۶	۲/۸	۰/۶

* و ** : بهترتب معنی دار در سطح احتمال ۵ و درصد.

نمایع آزادی میانگین بلوک، ژنوتیپ، خطا، والدین در مقابل F₁ها برای میزان پروتئین دانه به ترتیب ۱، ۱۰، ۶، ۱ و ۱ بود.

جدول ۲- میانگین خصوصیات و منشاء والدین مورد استفاده در آزمایش.

ردیف	والدین	منشاء	در بوته (گرم)	وزن ۱۰۰ دانه	تعداد روز تا گلدنه (سانتی متر)	ارتفاع بوته (سانتی متر)	میزان روغن دانه	میزان پروتئین دانه	صفت مورد بررسی	
									دانه (درصد)	درصد گلدنه (درصد)
-	IUTKH ₂₁₁	خراسان	۲۳/۵	۴/۰۴	۱۰۶/۰	۱۰۴/۲	۳۳/۴	۳۳/۴	-	-
۱۷/۹	IUTC ₁₂₉	اصفهان	۱۷/۰	۳/۰۴	۱۱۵/۰	۱۲۸/۵	۲۹/۴	۱۷/۹	-	-
۱۸/۷	IUTH ₁₃	همدان	۲۲/۲	۳/۰۲	۱۰۷/۰	۹۳/۸	۲۷/۱	۱۸/۷	-	-
۳۲/۲	IUTK ₁₁₅	کردستان	۱۷/۳	۲/۷۷	۱۰۷/۰	۹۷/۷	۳۲/۶	۳۲/۲	-	-
-	IUTM ₁₂	مرکزی	۱۷/۹	۳/۰۸	۱۱۱/۰	۱۱۷/۹	۳۰/۴	-	-	-
۱۸/۹	IUTE ₁₄₄₉	اصفهان	۳۵/۶	۲/۵۴	۱۱۰/۰	۱۲۰/۲	۳۲/۶	۱۸/۹	-	-
۲۴/۰	Saffire	کانادا	۲۴/۴	۳/۴۶	۱۰۱/۰	۸۷/۹	۳۰/۲	۲۴/۰	-	-
۳۷۳۹	LSD ₍₀₁₎₀	-	۲/۸۶	۰/۴۲۹	۱۳/۴۲	۲۲/۱۰	۴/۰۷	۳۷۳۹	-	-

۲۸



از

به

شم

ر

است

گ

کمترین میزان روغن دانه نیز مربوط به لاین‌های IUTC₁₂₉ و IUTH₁₁₃ بود و بقیه ژنوتیپ‌های والدین در گروه بیشترین قرار گرفتند. بیشترین و کمترین میزان پروتئین دانه نیز بهترتب در لاین‌های IUTC₁₂₉ پرتوتین دانه نیز بهترتب در لاین‌های IUTE₁₄₄₉ و Saffire دارای کمترین و بقیه دارای بیشترین ارتفاع بوته بودند (جدول ۲). وجود تنوع ژنتیکی قابل ملاحظه‌ای برای خصوصیات زراعی و اقتصادی مهم چون عملکرد دانه و میزان در توده‌های بومی ایران قبل از گزارش شده است (احمدیان تهرانی و یزدی صمدی، ۱۳۵۲).

بزرگی واریانس جزء والدین در مقابل F₁ها (جدول ۱) نشان دهنده اثرات هتروزیگوستی قابل توجه برای

عملکرد دانه در بوته، وزن ۱۰۰ دانه، روز تا مرحله ۵۰ درصد گلدنه، میزان روغن و پروتئین دانه و همچنین زیاد بودن واریانس F₂ها (جدول ۱) گویای اثرات خویش‌آمیزی برای ارتفاع بوته می‌باشد. به عبارت دیگر، می‌توان در بین تلاقی‌های F₁ ژنوتیپ‌هایی با تفاوت قابل ملاحظه نسبت به والدین از لحاظ بروز صفات داشت.

نتایج حاصل از تجزیه میانگین نسل‌ها نشان داد که در ۴ تلاقی، مدل افزایشی - غالبیت به طور معنی داری نشان عملکرد دانه را در بوته بین نسل‌ها توجیه نمود و در آنها پارامتر اثرات افزایشی ژن‌ها اختلاف معنی داری با صفر داشت (جدول ۳). مطالعه اهدایی و قادری (۱۹۷۸) نشان

توجه این که حداکثر هتروزیس عملکرد دانه در بوته در تلاقی مشاهده شده که والدین آن در بین والدین موردن بررسی دارای کمترین میزان عملکرد دانه در بوته بودند (جدول ۲). از طرف دیگر حداقل هتروزیس در تلاقی مشاهده شد که یکی از والدین آن (IUTE₁₄₄₉) بیشترین میزان عملکرد دانه در بوته را دارا بود. بنابراین، در برنامه‌های اصلاحی و تولید واریته‌های هیرید توجه به والدین با عملکرد دانه کمتر نیز کاملاً ضروری به نظر می‌رسد.

خودگشتنی از F₁ و F₂ موجب افزایش عملکرد دانه در ۴ تلاقی کاهش آن در دو تلاقی دیگر گردید (جدول ۴). بیشترین افزایش و کاهش عملکرد دانه در اثر یک نسل خویش‌آمیزی به ترتیب با ۱۹/۵ و ۱۸/۲ درصد در IUTH₁₃ × IUTM₁₂₉ و IUTH₁₃ × IUTK₁₁₅ مشاهده شد (جدول ۴)، که والدین این تلاقی‌ها جزء کم عملکردترین والدین مورد بررسی بودند (جدول ۲). نتایج مطالعات یزدی صمدی و همکاران (۱۹۷۵) نیز نشان داد که عملکرد دانه گلرنگ در اثر یک نسل خویش‌آمیزی به میزان قابل توجهی کاهش داشته است. وجود اثرات خویش‌آمیزی بر عملکرد اقتصادی سایر گیاهان نیز گزارش شده است (قادری و لور، ۱۹۷۹؛ کانتا و همکاران، ۱۹۹۷).

مدل ژنتیکی افزایشی - غالیت، تنوع مشاهده شده برای صفت وزن ۱۰۰ دانه را تنها در مورد تلاقی‌های IUTKH₂₁₁ × IUTE₁₄₄₉ × IUTC₁₂₉ و IUTH₁₃ بخوبی توجیه نمود. در این مدل نیز تنها پارامتر افزایشی معنی دار بود (جدول ۳). عدم کفایت مدل افزایشی - غالیت برای وزن ۱۰۰ دانه در ۴ تلاقی دیگر ممکن است به علت اپیستازی ژن‌ها در کنترل این صفت باشد، کوتچا (۱۹۸۱) نیز با مطالعه چندین تلاقی گلرنگ اهمیت اثرات اپیستازی را در کنترل وزن دانه گزارش نموده است. بیشترین مقدار هتروزیس و اثرات خویش‌آمیزی برای وزن ۱۰۰ دانه نسبتاً بالایی داشتند (جدول ۴).

داد که تنها ژن‌هایی با اثرات غالیت در کنترل عملکرد دانه گلرنگ نقش داشته‌اند. عدم تطابق نتایج این دو مطالعه را می‌توان به تفاوت ژنوتیپ‌های مورد استفاده در تلاقی‌ها مرتبط دانست. وجود ژن‌هایی با اثرات افزایشی در کنترل عملکرد دانه نشان می‌دهد که در برنامه‌های به نژادی می‌توان با انجام انتخاب در نتایج این تلاقی‌ها، به ژنوتیپ‌هایی با عملکرد بالادست یافت (ماتر و جینگر، ۱۹۸۲). در تلاقی‌های IUTM₁₂ × IUTC₁₂₉ و IUTH₁₃ × IUTK₁₁₅ علاوه بر اثرات افزایشی، اثرات غالیت نیز در کنترل عملکرد دانه معنی دار بود (جدول ۳). تأثیر ژن‌هایی با اثرات غالیت در کنترل عملکرد دانه گلرنگ قبلًا نیز گزارش شده است (کوتچا، ۱۹۸۱). احتمال وجود هتروزیس برای یک صفت در مواردی که ژن‌هایی با اثرات غیرافزایشی در کنترل آن نقش دارند، بیشتر است (کرسی و پونی، ۱۹۹۶).

در نتیجه می‌توان از ترکیبات ژنتیکی خاصی جهت استفاده از حداکثر هتروزیس و عملکرد دانه استفاده نمود. علامت جبری پارامتر غالیت (d) در مدل ژنتیکی نشان‌دهنده جهت غالیت می‌باشد (ماتر و جینگر، ۱۹۸۲)، بنابراین در تلاقی‌های IUTC₁₂₉ × IUTM₁₂ آلل‌های افزایش‌دهنده عملکرد دانه عموماً غالب می‌باشند × IUTH₁₃ IUTK₁₁₅ (d=۱۴/۲*) ولی در تلاقی‌های آلل‌های کاهش‌دهنده عملکرد دانه غالب می‌باشند (d=۱۵/۱*). با توجه به اینکه در تلاقی‌های IUTH₁₃ و Saffire × IUTC₁₂₉ و IUTE₁₄₄₉ مدل افزایشی - غالیت کفایت لازم را نداشت (جدول ۳)، ممکن است در این تلاقی‌ها اثرات اپیستازی در کنترل عملکرد دانه نقش زیادی داشته‌اند (ماتر و جینگر، ۱۹۸۲).

بیشترین میزان هتروزیس نسبت به والد برتر برای دانه در تلاقی IUTM₁₂ × IUTC₁₂₉ و کمترین آن در تلاقی IUTH₁₃ * IUTE₁₄₄₉ وجود هتروزیس برای عملکرد دانه گلرنگ قبلًا نیز گزارش شده است (مالشاپا و همکاران، ۱۹۷۵). نکته قابل



جدول ۳- بررسی کارایی مدل ژنتیکی افزایشی- غالیت و برآورد پارامترهای میانگین (m)، افزایشی (a) و غالیت (d).

نوع	منبع	عملکرد دانه در	وزن ۱۰۰ دانه	روز تا درصد	ارتفاع بوته	گلدهی	میزان روغن دانه	میزان پروتئین	تلایقی
		(گرم)	(گرم)	(درصد)	(سانتی متر)	(درصد)	(درصد)	(درصد)	
-	-	۳۲۰**±۰.۹۲	۹۱.۸**±۸.۶۵	۱۱۰.۵**±۴.۷۹	۲۳۲*±۰.۷۹	۵۰۰**±۷۲۹	m	IUTKH ₂₁₁	
-	-	۰.۶±۱.۰	۲۰.۴±۹.۰۷	-۲۰.۵±۴.۹۲	-۰.۰۳±۰.۸۳	-۲۰.۴*±۷۶.۰	a	-	
-	-	-۰.۳±۱.۷	۱۶۴.۴±۱۰.۹۴	-۹۰.۰±۰.۹۳	-۰.۰۷±۱.۰۰	-۱۱.۶±۷.۹۶	d	IUTE ₁₄₄₉	
-	-	۰.۰۵	۷/۱۱	۷/۳۱	-۰.۷۵	-۰.۳۴	X ² *	-	
-	-	۲۹.۸**±۱.۴	۱۱۰.۵*±۹.۰۵	۱۰۷.۰**±۵.۱۲	۲.۷۲**±۰.۳۲	۳۸.۷**±۹.۳۷	m	IUTC ₁₂₉	
-	-	۱/۲±۱/۵	۵.۷±۱.۰۲۳	۵/۰۸*±۰.۳۱	۱۸.۷**±۹.۸۰	-۱۸.۷**±۹.۸۰	a	IUTH ₁₃	
-	-	۱/۰±۲.۵	-۲/۲±۱۱.۴۵	۱/۰±۷/۹۰	-۰.۰۴۳±۰.۰۵	-۹/۲±۱۰.۳۲	d	-	
-	-	۲۴/۸۰	۷/۷۷	۰/۴۳	-۰.۹۸	-۲/۴۶	X ²	-	
-	-	۳۰.۴**±۰.۷	۱۲۰.۳**±۱۷.۴	۱۰۷.۰**±۳.۵۵	۲/۰.۸**±۰.۴۳	۲۰.۴**±۷۴۹	m	IUTC ₁₂₉	
-	-	-۰.۲±۰.۷	۷.۹±۱۹.۳۵	۷۲±۵۷.۷۴	-۰.۰۴۲±۰.۴۴	-۷۷.۷*±۷۸۹	a	IUTM ₁₂	
-	-	۴/۲±۱.۲	۱۱.۱±۲۰.۱۹	۲/۰±۷.۰۱	-۰.۴۱±۰.۴۹	-۱۴.۲*±۷.۲۴	d	-	
-	-	-۰.۹۰	۱/۰.۸۱	۱۷.۱۹	-۰.۸۴	-۱۰.۰	X ²	-	
۲۰.۷±۰.۷	۳۰.۱**±۰.۵	۷۸.۷**±۸.۱۲	۹۹.۰**±۲.۴۳	۲.۰**±۰.۲۷	۵۱.۰**±۹.۸۹	m	IUTH ₁₃		
۲۰.۳*±۰.۷	۲۳**±۰.۷	۱۷.۰*±۹.۰۵	۷۰.۰±۳.۷۲	-۰.۰۷±۰.۳۲	۳۴.۲**±۱۰.۷۳	a	IUTK ₁₁₅		
-۲۰.۴±۱.۲	-۱۰.۰±۱.۰	۲۲.۰*±۱۰.۵۶	۱۰.۰±۳.۹۸	-۰.۱۱±۰.۴۰	-۱۰.۰*±۱۱.۳۶	d	-		
۴.۳۶	-۰.۸۷	-۰.۷۱	۸/۱۲	۳۲/۱۰	-۰.۸۹	X ²	-	-	
۱۸.۵±۷.۳	۳۰.۲**±۰.۲	۱۰۰.۰**±۱۳.۸	۱۰۰.۰**±۳.۰۲	۲۷**±۰.۴۲	۲۴.۲±۸.۵۳	m	IUTH ₁₃		
-۰.۱±۰.۷	۲.۵**±۰.۴	-۰.۱±۴.۵۴	۲.۰±۳.۲۱	-۰.۲۲±۰.۴۴	۴.۶±۸.۹۵	a	IUTE ₁₄₄₉		
-۰.۰±۱.۱	۲.۰*±۰.۶	-۰.۵±۱۷.۵۳	-۰.۰±۳.۸۷	-۰.۳۶±۰.۵۶	۱۲.۴±۱۰.۷۹	d	-		۳۰
۲.۱۱	-۰.۰۴	۱۰.۷۳	۲۱.۲۲	-۰.۹۳۹	۶.۷۳	X ²	-	-	
۲۱۰±۰.۳	۳۰.۷**±۱.۱	۱۰۳.۷*±۲۷.۸	۱۰۳.۷**±۵.۱۴	۲۳.۲۹±۰.۲۵	۲۹.۷*±۰.۶۷	m	Saffire		
۳۰.۰±۰.۳	-۰.۱±۱.۱	۹/۷±۲۹.۰۲	۱۰.۲±۰.۳۹	-۰.۰۴±۰.۲۷	۸.۷±۰.۸۳	a	IUTC ₁₂₉		
-۲۰.۵±۰.۵	۷.۸±۳۰.۰۲	-۰.۰.۰±۶.۰	-۰.۳۰±۰.۲۲	-۰.۷±۰.۷	-۰.۳۰±۰.۷	d	-		
-۰.۰	۷.۰۳	۱۸.۰۲	۱۷.۰۷	-۰.۷۶	۱۷.۱۴	۱۳.۷۱	X ²	-	

* و **: به ترتیب معنی دار ۵٪ سطح احتمال و ۱٪ درصد.

X²: ۰.۸۴ و ۰.۰۵

جدول ۴- مقادیر هتروزیس نسبت به والد برتر و اثرات خوبی‌ش‌آمیزی در صفات مختلف.

صفت								
						عملکرد دانه	پارامتر	تلاقی
میزان پروتئین دانه (درصد)	میزان روغن دانه (درصد)	ارتفاع بوته (سانچی متر)	تعداد روز تا درصد گلدهی	وزن ۱۰۰ دانه (گرم)	وزن در بوته (گرم)	هتروزیس (%) خوبی‌ش‌آمیزی (%)		
-	-۱/۲	-۱۶/۷	-۷/۳	-۱۹/۱	۷/۹	هتروزیس (%) خوبی‌ش‌آمیزی (%)	IUTKH ₂₁₁ × IUTE ₁₄₄₉	
-	۱/۱	۷/۶	-۲/۵	-۱/۲	-۱۵/۱			
-	۰/۰	-۲۱/۸	-۶/۵	-۳/۰	۳۲/۴	هتروزیس (%) خوبی‌ش‌آمیزی (%)	IUTC ₁₂₉ × IUTH ₁₃	
-	-۱۷/۷	-۱/۰	۰/۵	-۸/۷	-۱۵/۳			
-	۱۲/۸	-۵/۱	-۰/۶	۱۴/۸	۱۲۱/۰	هتروزیس (%) خوبی‌ش‌آمیزی (%)	IUTC ₁₂₉ × IUTM ₁₂	
-	۲/۹	۴/۳	۰/۹	۷/۰	۱۸/۲			
-۱۸/۱	-۱۲/۶	۳/۱	۱/۹	-۱۰/۸	۷۵/۲	هتروزیس (%) خوبی‌ش‌آمیزی (%)	IUTH ₁₃ × IUTK ₁₁₅	
۷/۶	-۶/۵	۱۱/۰	۴/۶	-۲/۰	-۱۹/۰			
-۳/۲	-۱/۵	-۱۷/۳	-۰/۹	-۴/۵	۲/۸	هتروزیس (%) خوبی‌ش‌آمیزی (%)	IUTH ₁₃ × IUTE ₁₄₄₉	
۸/۴	۷/۵	-۲/۰	-۲/۰	۷/۳	۱۶/۹			
-۱۰/۶	۱۴/۹	-۱۹/۶	-۱۱/۷	۵/۲	۱۸/۹	هتروزیس (%) خوبی‌ش‌آمیزی (%)	Saffire × IUTC ₁₂₉	
-۱۱/۵	-۳/۱	۳/۵	-۲/۴	۴/۷	-۱/۰			

IUTC₁₂₉ × IUTM₁₂ بخوبی توجیه نمود (جدول ۳). اهمیت ژن‌هایی با اثرات افزایشی در کنترل ارتفاع بوته در کنترل گلنگ قبل‌اً نیز گزارش شده است (کوتاه، ۱۹۷۹). بنابراین، انتخاب می‌تواند در تغییر ارتفاع بوته گلنگ در نتایج تلاقی‌های فوق مؤثر واقع گردد. مثبت بودن ضریب IUTH₁₃ × IUTK₁₁₅ تلاقيت غالبيت در تلاقی_{۱۲۹} (d=۲۲/۰*) حاکي از غالب بودن آلل‌های افزایش‌دهنده ارتفاع بوته در نتایج اين تلاقی می‌باشد. در دیگر تلاقی‌های ندل افزایشی - غالبيت در توجیه تنوعات مشاهده برای بوته ناتوان بود، که نتایج ابل (۱۹۷۶) در گلنگ مطابقت دارد و می‌توان نتیجه گرفت که در اين تلاقی‌ها، کنترل ارتفاع بوته احتمالاً تحت تأثير اثرات متقابل بین ژن‌ها می‌باشد. کمترین میزان اثرات هتروزیس برای ارتفاع بوته در تلاقی‌هایی که مدل افزایشی - غالبيت نوع بین نسل‌ها را توجیه نمود، مشاهده گردید (جدول

برای صفت تعداد روز تا درصد گلدهی، مدل افزایشی - غالبيت در هیچ یک از تلاقی‌ها با تنوع مشاهده شده بین نسل‌ها مناسب نداشت (جدول ۳). اهدایی و قادری (۱۹۷۸) نيز عدم کفايت مدل افزایشی - غالبيت در بر ارزش داده‌های مربوط به زمان گلدهی گلنگ را گزارش نموده‌اند. دليل عدم کفايت مدل را می‌توان به وجود مؤثر ژن‌هایی با اثرات اپيستازی در کنترل تعداد روز تا درصد گلدهی مرتبط دانست (كرسي و پونی، ۱۹۹۶). بيشترین کاهش تعداد روز تا درصد گلدهی در نتایج حاصل از تلاقی_{۱۲۹} Saffire × IUTC₁₂₉ مشاهده گردید (جدول ۴). Saffire که يك رقم اصلاح شده تجاري می‌باشد، داراي کوتاه‌ترین و_{۱۲۹} داراي طولاني‌ترین زمان تا مرحله گلدهي می‌باشند. مدل افزایشی - غالبيت تنوع مشاهده شده برای ارتفاع بوته را در تلاقی‌های_{۱۱۵} IUTH₁₃ × IUTK₁₁₅ و IUTC₁₂₉



پ/۵ درصد کاهش در میزان روغن دانه در اثر یک نسل خویش‌آمیزی در تلاقی‌های مختلف مشاهده گردید (جدول ۴). اثرات خویش‌آمیزی روی درصد روغن دانه گلرنگ قبل‌آنیز مشاهده شده است (بیزدی صمدی و همکاران، ۱۹۷۵).

مدل افزایشی - غالیت تنوع مشاهده شده برای میزان IUTH₁₃ × IUTK₁₁₅ نبین نمود (جدول ۳) و در تلاقی‌های Saffire × IUTC₁₂₉ و بخوبی توجیه نمود (جدول ۳). بنابراین، انتخاب می‌تواند در تغییر میزان پروتئین دانه گلرنگ در نتاج تلاقی‌های فوق مؤثر واقع گردد. در هر ۳ تلاقی مورد بررسی میزان هتروزیس از والد برتر برای میزان پروتئین دانه منفی بود (جدول ۴). خویش‌آمیزی نیز موجب کاهش (تا ۴/۸ درصد) و افزایش (تا ۱۱/۵ درصد) در میزان پروتئین دانه گردد (جدول ۴).

نتایج این مطالعه نشان داد که ژن‌هایی با اثرات افزایشی در کنترل عملکرد دانه، وزن ۱۰۰ دانه و میزان روغن دانه گلرنگ نقش دارند. بنابراین با انتخاب می‌توان میانگین این صفات را بهبود داد. همچنین برای صفات عملکرد دانه، ارتفاع بوته، میزان روغن و پروتئین دانه نیز می‌توان در بین نتایج برخی از تلاقی‌های انجام شده، ژنوتیپ‌هایی که برتر از والدین‌خویش باشند. عدم کفايت مدل ژنتیکی افزایشی - غالیت برای صفات تعداد روز تا ۵۰ درصد گلدهی، وزن ۱۰۰ دانه و ارتفاع بوته در برخی از تلاقی‌ها وجود اثرات ایستازی یا اثرات متقابل بین ژن‌های مختلف در کنترل و بروز این صفات می‌باشد.

۴) و این مطابق فرضیه‌ای است که در آن یکی از دلایل بروز پدیده هتروزیس اثرات ایستازی ژن‌ها بیان شده است (کرسی و پونی، ۱۹۹۶).

در ۴ تلاقی مدل افزایشی - غالیت بطور معنی‌داری نوع مشاهده شده بین نسل‌ها را برای میزان روغن دانه IUTH₁₃ × IUTK₁₁₅ نبین نمود (جدول ۳) و در تلاقی‌های بنا برای این، انتخاب بارامتر اثرات افزایشی معنی‌دار بود. بنابراین، انتخاب در نتایج این تلاقی‌ها می‌توان منجر به افزایش درصد روغن دانه گردد. معنی‌دار بودن اثرات غالیت در ۲ تلاقی دیگر بدین معنی است که می‌توان در نتایج این تلاقی‌ها از پدیده هتروزیس استفاده نمود و هیریدهایی با درصد روغن بیشتر از والدین یافت. ضریب مثبت پارامتر غالیت برای میزان روغن در تلاقی Saffire × IUTH₁₃ × IUTK₁₄₁₀ نشان‌دهنده غالب بودن آل‌های افزایش‌دهنده درصد روغن در تلاقی‌های مذکور می‌باشد (جدول ۳). در ۲ تلاقی دیگر مدل افزایشی - غالیت در توجیه و اریانس مشاهده شده بین نسل‌ها ناتوان بود، که نتیجه ندان دلیل آن را به وجود اثرات ایستازی در کنترل می‌داند. نحن دانه در این تلاقی‌ها ارتباط دارد. بیشترین درصد هتروزیس نسبت به والد برتر برای درصد روغن (۱۴/۹) در تلاقی Saffire × IUTC₁₂₉ که دارای والدیایی با درصد روغن متوسط بودند، مشاهده شد (جدول‌های ۱ و ۴). هتروزیس برای میزان روغن دانه گلرنگ قبل‌آنیز مشاهده شده است (پاتیل و نارکد، ۱۹۹۶). بطور کلی حداقل تا ۱۷/۷ درصد افزایش و

۳۲

منابع

۱. احمدیان تهرانی، پ.، و ب. بیزدی صمدی. ۱۳۵۳. مقایسه گلرنگ وحشی و گلرنگ اهلی از لحاظ چند صفت بتانیکی و زراعی. مجله علوم کشاورزی ایران. سال ششم، شماره (۲)، صفحه ۱۲-۲۰.
۲. یعلی، ا. گلرنگ: شناخت. تولید و مصرف. ۱۳۷۸. انتشارات دانشگاه علوم کشاورزی و منابع طبیعی گرگان، ۱۳۷ ص.
3. Abel, G. H. 1976. Inheritance of stem length and its components in safflower, *Crop Sci.* 16:374-376.
4. Ehdaie, B., and A. Ghaderi. 1978. Inheritance of some agronomic characters in a cross of safflower. *Crop Sci.* 18: 544-547.
5. Ghaderi, a., and R.L. Lower. 1979. Heterosis and inbreeding depression for yield in populations derived from six crosses of cucumber. *G. Amer. Soc. Hort. Sci.* 104: 564-567.
6. Kearsy, M.g., and H.S. Poomi. 1996. The Genetical Analysis of Quantitative Traits, Chapman & Hall press.

- 7.Knowels, P. F. 1969. Centers of plant diversity and conservation of crop germplasm. Safflower. *Econ. Botany*. 23: 324-329.
- 8.Kotecha, A. 1979. Inheritance and association of six traits in safflower. *Crop sci.* 19: 523-527.
- 9.Kotecha, A. 1981. Inheritance of seed yield and its components in safflower, *Can. g. Genet. Cytol.* 23: 111-117.
- 10.Kunta, T., L.H. Edwards, and K.R. Keim 1997. Heterosis, Inbreeding depression, and combining ability in soybeans. *SABARO gour.* 29: 21-32.
- 11.Malleshappa, e., g. v. Goud, and G. S. pati 1989. Study on heterosis in f_1 , f_2 and f_3 generations of safflower. *Karnataka, g. Agr. Sci.* 2: 220- 223.
- 12.Mather, K. and g. I. Jinks 1982. Biometrical genetics. 3rd edn. Chapman and Hall. London.
- 13.Mundel, H.-H., H. C., Huang, L. D., Burch, and F. Kiehn 1985. Saffire Safflower, *Can. g. Plant Sci.* 65: 1079 – 1081.
- 14.Pathil, S. C., and B. N. Narkhede 1996. Heterosis for yield and yield componets in irrigated safflower. *Gour. Maharashtra Agricultural University.* 21: 261 – 264.
- 15.SAS Institute Inc. 1996. SAS/STAT Users guide. SAS Institute Inc., Cary, NC.
- 16.Yazdi-Samadi, B., A., Sarrafi, and A. A. Zali 1975. Heterosis and inbreeding estimates in safflower. *Crop Sci.* 15: 81- 83.



Genetic mode controlling seed yield and oil content in local Safflower genotypes using generations mean analysis

¹M.H. Pahlavani, ²G. Saeidi and ²A. F. Mirlohi

¹Department of Agronomy, Gorgan University of Agricultural Sciences, Gorgan, ²Dept. of Agronomy, Isfahan University of Technology, Iran.

Abstract

Information on genetic control of agronomic characteristics, inbreeding depression and heterosis effects is needed to improve efficiency of breeding programs. Safflower genotype lines selected from different local populations along with their F_1 and F_2 generations were evaluated in this study. Results of generations mean analysis showed that additive and dominance effects play a major role in control of seed yield per plant. Considering the dominance parameter in genetic model, it was concluded that in some crosses responsible alleles for increasing yield per plant were dominant and in other crosses were recessive. Heterosis relative to high parent for seed yield per plant varied from 2.8 to 121.0% in different crosses. Also, one generation of inbreeding decreased (maximum to 18.9%) and increased (maximum to 19.5%) seed yield per plant in different crosses. The additive-dominance genetic model explained most of variation among generations for oil content in most crosses, especially IUTKH₂₁₁ × IUTE₁₄₄₉ and IUTH₁₃ × IUTE₁₄₄₉. Therefore, selection could improve oil content in variation from -12.6 to 14.9%. Inbreeding decreased (maximum to 7.5%) and increased (maximum to 17.7%) oil content in different crosses. The additive dominance genetic model failed to explain observed variation for days to 50% flowering, 100-seed weight and plant height in most of crosses. This was an indication that epistatic effects might play a considerable role in controlling these traits. Maximum amount of heterosis relative to high parent for 100-seed weight, days to flowering and plant height were 14.8, 1.9 and 3.1%, respectively. However, inbreeding had no considerable effects on these traits.

Keywords: Safflower; Generations; Mean Analysis

۳۲



سال بیازدهم - شماره چهار - زمستان