

بررسی صفات مرفوژیک و تنوع ژنوتیپ‌های مختلف پنبه آپلندر
(*Gossypium hirsutum*) در ایران

Study of Morphological Traits and Genetic Variation in Different
Genotypes of Upland Cotton (*Gossypium hirsutum*) in Iran

عمران عالیشاہ

مؤسسه تحقیقات پنبه ایران، گرگان

تاریخ دریافت: ۱۳۷۸/۱۲/۱۰

چکیده

عالیشاہ، ع. ۱۳۸۰. بررسی صفات مرفوژیک و تنوع ژنوتیپ‌های مختلف پنبه آپلندر (*Gossypium hirsutum*) در ایران. نهال و بذر ۱۷: ۴۴-۶۰.

به منظور آگاهی از میزان تنوع در ژنوتیپ‌های مختلف آپلندر (*Gossypium hirsutum*) در ایران، ۳۵ ژنوتیپ مختلف شامل ارقام وارداتی، دورگ و موئانت موجود در مؤسسه تحقیقات پنبه ایران در سال‌های ۱۳۷۶ و ۱۳۷۷ در گرگان مورد ارزیابی قرار گرفتند. بررسی صفات مرفوژیکی و کمی، تنوع بسیار خوبی را در بین ژنوتیپ‌های مورد مطالعه نشان دادند از ۱۵ صفت اندازه گیری شده، ۱۲ صفت در سال ۱۳۷۶ و ۱۱ صفت در سال ۱۳۷۷ دارای اختلاف معنی دار آماری بودند. بررسی نتایج دو ساله نیز اختلاف بین ژنوتیپ‌های مختلف را از نقطه نظر تمامی صفات مورد مطالعه تأیید نمود. در مقایسه میانگین تیمارها با آزمون چند دامنه‌ای دانکن، رقم جکورووا (Gukurova) از نظر عملکرد در ردیف اول و رقم ورامین در ردیف آخر قرار گرفتند و از نظر زودرسی ارقام شیرپان ۶۰۳ (Shirpan 603)، شیرپان ۵۳۹ (Shirpan 539)، بلی ایزوار (Beli Izvor) و استرین شماره ۲۵۴ در ردیف اول و ارقام تجاری ساحل و ورامین در ردیف آخر قرار گرفتند. برای گروه‌بندی ژنوتیپ‌های مختلف از دو روش آماری چند متغیره تجزیه خوشه‌ای (Cluster analysis) و تجزیه به مؤلفه‌های اصلی (Principal Component Analysis= PCA) استفاده شد که هر دو روش نتایج تقریباً مشابهی را نشان دادند، به طوری که ژنوتیپ‌های مختلف در چهار گروه مستفاوت گروه‌بندی شدند. بدینهی است که کلاس‌های

این مقاله بر اساس نتایج به دست آمده از اجرای طرح تحقیقاتی شماره ۷۶۰۳۶-۷۶۰۳۷-۲۴-۱۱۷ مؤسسه تحقیقات پنبه ایران تدوین گردیده است.

دورتر در دورگاه‌گیری‌ها، هتروزیس بیشتر و نتایج بهتری را نشان خواهد داد و این احتمال وجود دارد که بتوان در طی برنامه‌های آتی اصلاح پنبه، نتایج مفیدی را از تلاقی دسته‌های مختلف به دست آورد.

واژه‌های کلیدی: پنبه (*Gossypium hirsutum*), تنوع ژنوتیپ‌ها، توارث پذیری.

مطلوب برای رسیدن به واریته بهتر بستگی به آن دارد و مقدمه این کار وجود اطلاعات کافی در خصوص ژنتیک صفات مختلف، انتخاب بر اساس مهم‌ترین صفات همبسته با عملکرد، فنوتیپ بوته و غیره دارد.

مطالعات انجام شده نشان داده که اندازه و تعداد قوزه و درصد الیاف نقش اساسی در تعیین میزان عملکرد پنبه ایفا می‌کنند (نقل از Kohel and Benedict, 1987). دونالد و همکاران (Donald *et al.*, 1994)، پیتل و پیتل (Donald and Patel, 1994) و کل Patel and Patel, 1994) و هل (Kohel, 1984) ضمن مطالعه تنوع مرغولوژیکی و همبستگی بین صفات مختلف به این نکته اشاره داشتند که عملکرد ارقام پنبه می‌تواند به واسطه انتخاب صفات مرغولوژیکی همبسته با آن افزایش یابد.

پنبه از جمله گیاهان خودگشن (Autogame) است که درصد دگرگشتنی در آن از ۶۰ - ۰ درصد متغیر است، بدین ترتیب امکان افزایش تنوع ژنتیک از طریق هیبریداسیون درون گونه‌ای وجود دارد. لذا شناسایی و کشف تنوعات مطلوب جهت استفاده در برنامه‌های آتی اصلاح پنبه حائز اهمیت است. در اصلاح نباتات دوری و نزدیکی مواد اصلاحی از همدیگر، یکی از معیارهای انتخاب والدین برای تلاقی و ایجاد تنوع لازم جهت

مقدمه

موفقیت در اصلاح نباتات مستقیماً به تنوع ژنتیکی موجود در گیاه مورد نظر بستگی دارد. وجود تنوع در جوامع اصلاحی به عنوان ماده اولیه به نزدیکی از اهمیت ویژه‌ای برخوردار است و در صورت وجود تنوع، امکان مقایسه و انتخاب ژنوتیپ‌های مطلوب از جوامع اصلاحی برای بهبود اگران فراهم می‌گردد. تنوعات فنوتیپی موجود در ژنوتیپ‌های مختلف تحت تأثیر دو فاکتور ژنتیک و محیط قرار می‌گیرد و بدینهی است آن دسته از تنوعاتی که منشا ژنتیکی داشته باشند از نقطه نظر اصلاح نباتی از ارزش و اهمیت بیشتری برخوردار هستند و در صورت بهره‌گیری بهینه از تنوعات ژنتیکی، امکان انتخاب ژنوتیپ‌های واحد شرایط برای اهداف خاص اصلاحی فراهم می‌گردد و بدین طریق اصلاح‌گر می‌تواند از خزانه ژنتیکی یا ژرم پلاسم قابل دسترس حداکثر استفاده را بنماید (رحمیان و بنایان، ۱۳۷۵؛ فرشادفر، ۱۳۷۶).

رحمیان و بنایان (۱۳۷۵) به نقل از سیموندز (Simonds) اظهار می‌دارند که دو رقم با عملکرد مشابه ممکن است از راههای متفاوتی به دست آمده باشند و برای رسیدن به اهداف اصلاحی باید کلیه جوانب و فاکتورهای مؤثر بر صفت را در نظر گرفت. انتخاب والدین مهم‌ترین مرحله یک برنامه اصلاحی به شمار می‌رود زیرا شانس ترکیب صفات

در قطعه آزمایشی یکنواخت ایستگاه تحقیقات پنبه هاشم آباد گرگان مورد بررسی و ارزیابی قرار گرفتند. تیمارهای مورد مطالعه، در چهار خط ۱۱ متری و با الگوی کاشت 80×20 سانتی‌متر در مزرعه آزمایشی ایستگاه فوق الذکر کشت گردیدند. قبل از کاشت تیمارها، نمونه‌گیری خاک مزرعه جهت تعیین نیازهای کودی انجام شد و بذرهای ژنوتیپ‌های مورد مطالعه قبل از کاشت توسط سmom قارچ‌کش ضدغونی سطحی شدند. مزرعه آزمایشی نیز با سم علفکش سونالان سمپاشی شده بود. پس از سبز شدن تیمارها، عملیات تنک، واکاری، کوددهی و آبیاری در زمان لازم و طبق برنامه‌های استاندارد ایستگاه تحقیقات پنبه انجام شد و در طی مراحل رشد گیاه، به طور متوسط سه بار آبیاری و چهار بار سمپاشی بر علیه آفات مختلف اجرا گردید. ژنوتیپ‌های مورد مطالعه در این تحقیق عبارت بودند از: ورامین، کریما، تابلادیا، زتا-۲، سیندوز،^{۸۰} شیرپان،^{۶۰۳} بلی ایزووار، شیرپان^{۵۳۹}، نازیلی^{۸۴}، سایار^{۳۱۴}، جکوروا^{۱۵۱۸۱}، شماره^{۳۲۸}، شماره^{۲۲۱}، شماره^{۲۱۰}، شماره^{۲۰۰}، شماره^{۲۲۸}، شماره^{۲۶۲}، شماره^{۲۵۴}، دورگ^{۴۲۳}، آکالا اس جی^۲، سیلنده، آکالا اس جی^۲، لاین^{۴۲۹}،^{۳۴۹}،^{۳۱۲}،^{۸۱۸}،^{۸۱۲}،^۶،^{۴۱}،^{۴۲۰}،^{۳۲۶}، سای اکرا^{۳۲۴}، تاشکند^{-۱}، مهر، بختگان، اولسان،^{۱۰}،^{۱۸۹}،^{۸۲۰۳}، زودرس موتاژن،^{۱۱۰۶}،^{۱۰۹۷} و ساحل (شاهد).

به منظور مطالعه و بررسی تنوع بین ژنوتیپ‌های مختلف، صفاتی چون عملکرد چین یک، عملکرد چین دو، عملکرد کل، زودرسی

انتخاب بهترین ارقام است و از لحاظ صفات کمی هر چه والدین از همدیگر دورتر باشند و یا اصطلاحاً فاصلهٔ ژنتیکی بین آن‌ها بیشتر باشد تنوع بیشتری در نسل نتاج آن‌ها ایجاد خواهد شد. اندازه‌گیری و تعیین فواصل ژنتیکی در مواد اصلاحی با استفاده از روش‌های آماری چند متغیره نظری روش دسته‌بندی خوش‌های ویا تجزیه به مؤلفه‌های اصلی (Principal Component Analysis) می‌باشد (شاهمرادی، ۱۳۷۳؛ گودرزی و وجودانی، ۱۳۷۳).

پنبه‌های گونه هیرسوتوم (*G. hirsutum*) مورد مطالعه در این تحقیق، از کشورهای آمریکایی، نواحی اقیانوسیه و مدیترانه وارد کشور شده‌اند (عالیشاہ، ۱۳۷۴) و برخی مطالعات گذشته وجود بعضی خصوصیات مطلوب را در آن‌ها اثبات نموده است (نعمتی و حسینی‌نژاد، اطلاعات منتشر نشده). با توجه به این که پنبه‌های گونه هیرسوتوم قریب به ۹۰ درصد از ارقام زراعی و سطح کشت کشور را تشکیل می‌دهند، لذا این تحقیق با هدف شناسایی تنوعات موجود و دسته‌بندی ژنوتیپ‌های مختلف پنبه بر اساس استعدادها و صفات مورد مطالعه انجام شده است.

مواد و روش‌ها

در این بررسی ۲۵ ژنوتیپ مختلف پنبه آپلندر (*G. hirsutum*) اعم از ژنوتیپ‌های وارداتی، دورگ و موتابت موجود در مؤسسه تحقیقات پنبه، در قالب طرح بلوک‌های کامل تصادفی در سه تکرار و در طی سال‌های زراعی ۱۳۷۶ و ۱۳۷۷

و ۲ نتایج تجزیه واریانس ساده در سال های مختلف را نشان می دهند. به استثنای تعداد شاخه های زایا و طول شاخه های رویا در سال ۱۳۷۶ و تعداد شاخه های زایا و زودرسی در سال ۱۳۷۷ که معنی دار نشدن دلیل صفات در سطح ۱٪ معنی دار بودند.

نتایج تجزیه کواریانس و تجزیه واریانس مرکب دو ساله آزمایش در جدول های ۳ و ۴ نشان داده شده است که ژنوتیپ های مورد مطالعه از نقطه نظر تمامی صفات مورد بررسی اختلاف بسیار معنی دار نشان داده اند.

مقایسه میانگین تیمارها به روش آزمون چند دامنه ای دانکن روی میانگین های ساده و مرکب داده ها انجام شد که به دلیل زیاد بودن حجم داده ها از ذکر آن ها خودداری شده است ولی نتیجه مقایسه میانگین صفات مختلف نشان می دهد که تیمارهایی چون جکوروا ۱۵۱۸ و سای اکرا ۲۲۴۱ از نظر عملکرد به ترتیب با ۲۷۳۹ و ۲۴۲۶ کیلوگرم در هکتار در ردیف اول و رقم ورامین با حداقل عملکرد ۱۲۶۶ کیلوگرم در هکتار در ردیف آخر قرار گرفتند. از نظر زودرسی ارقامی چون شیرپان ۶۰۳، شیرپان ۵۳۹، بلی ایزووار و استرین شماره ۲۵۴ در ردیف اول و ارقام ساحل و ورامین در ردیف آخر قرار گرفتند. جدول ۵ مقادیر پارامتر های آماری صفات مختلف را در جامعه مورد مطالعه نشان می دهد. ضریب تغییرات محاسبه شده در این جدول فنوتیپی بوده و هر چقدر بزرگتر نشان دهنده تنوع بیشتر در صفت مربوطه است.

ضرایب همبستگی ساده بین صفات

(نسبت عملکرد چین یک به عملکرد کل)، ارتفاع بوته، وزن قوزه، تعداد شاخه های رویا و زایا، طول شاخه های رویا و زایا، طول دمبرگ، فاصله قوزه از محور اصلی و درصد بوته های بارده اندازه گیری شدند. همچنین از هر تیمار نمونه های همسنگ تهیه و صفات تکنولوژیکی الیاف نظیر درصد کیل، ظرافت، طول الیاف و مقاومت الیاف مورد اندازه گیری قرار گرفتند. صفات اندازه گیری شده بر اساس دستورالعمل طرح بلوک های کامل تصادفی آنالیز واریانس شده و میانگین تیمارها نیز به روش آزمون چند دامنه ای دانکن مورد مقایسه قرار گرفتند. به منظور حذف اثرات ناشی از اختلاف درصد سبز یا تعداد بوته های بارده روی عملکرد تیمارها، تجزیه کواریانس نیز انجام شد و اثرات متغیرهای همراه روی عملکرد تیمارها تعدیل و سپس مقایسه میانگین ها، صورت پذیرفت. به منظور گروه بندی تیمارها و استفاده از آن ها در برنامه های اصلاح پنبه، از روش های آماری چند متغیره تجزیه خوشه ای به روش UPGMA و تجزیه به مؤلفه های اصلی (PCA) استفاده گردید و میانگین گروه های حاصل از تجزیه خوشه ای و تفاوت هر یک از گروه های مذکور از میانگین کل جامعه محاسبه گردید. برای تجزیه و تحلیل آماری داده های آزمایشی از نرم افزارهای SAS، Mstat-C و SPSS و Qpro استفاده شد.

نتایج

تعداد ۱۵ صفت مرغولوژیکی و کمی در ژنوتیپ های مختلف پنبه در طی دو سال مورد اندازه گیری و مطالعه قرار گرفتند که جدول های ۱

جدول ۱ - تجزیه واریانس صفات مختلف بینه در سال ۱۳۷۶

Table 1. Analysis of variance for different characters of cotton in 1997

		MS میانگین مربوط												
		ارتفاع					مول شاخه‌های دوپا					مول شاخه‌های زبانه		
S.O.V.	میزان تغیرات	درجه آزادی	df	Yield	Height	No. of monopods	No. of sympods	length(cm)	length(cm)	Monopods	Sympods	Boll weight(gr)	Earliness (%)	Petiole length(cm)
Replication	نیزه‌وار	2	590206.6*	1375.43**	0.12ns	158.11**	942.98**	542.46**	344.36**	0.39**	6.54ns			
Treatment	بیمار	34	594068.8**	441.78**	2.30**	3.36ns	203.81ns	131.05**	346.66**	0.04**	14.77**			
Error	اشتباہ	68	177755.7	83.77	0.54	2.23	134.39	33.69	86.08	0.10	2.94			
C.V.	صرفی تغیرات	-	15.48	7.41	40.69	11.22	16.84	24.76	10.34	17.01	9.20			
Check mean	بیانگیر شاهد	-	1265.00	141.00	0.97	14.30	67.67	30.33	4.40	51.00	20.00			
Check cultivar: Sahel														

* and **: Significant at 5% and 1% probability levels, respectively.
 ns: Non significant
 *: معنی دار نسبت.
 **: معنی دار نسبت.
 شاهد: رقم تعدادی ساحل.

www.SID.ir

جدول ۲ - تجزیه و آنالیز صفات مختلف پنبه در سال ۱۳۷۷

Table 2. Analysis of variance for different characters of cotton in 1998

S.O.V.	میانگین مربوط	MS							
		طول درگچه	وزن فروزه	زودرس	پیوند	زخم	تعداد شاخهای	تعداد فرجهای	درجه آزادی
Replication		df	(gr)	(cm)	No. of monopods	No. of sympods	length(cm)	length(cm)	weight (gr)
Treatment	نیزه	2	1014309.1*	1407.46**	3.55**	49.32**	374.78ns	287.73**	1457.66**
Error	ایجاد	34	691787.5**	646.19**	1.99**	11.72ns	269.28**	107.88**	233.54**
C.V.	ضریب تغییرات	-	25.24	13.6	23.71	22.90	16.67	24.29	9.66
Check mean	سپاهانگر	-	2408.00	126.00	3.27	12.70	71.20	31.40	5.40
Check cultivar:	Sahel								

Check cultivar: Sahel

* and **: Significant at 5% and 1% probability levels, respectively.

ns: Non significant

شاخه: ریشه تغییراتی ساری.

* : $P < 0.05$; **: $P < 0.01$.

ns: ns

جدول ۳- نتایج تجزیه کواریانس عملکرد دو ساله ژنوتیپ‌های پنبه

Table 3. Analysis of covariance for yield of cotton genotypes in two years of experiment

S.O.V.	متابع تغییرات	df	میانگین مربعات
			عملکرد
Year (Y)	سال	1	426106.97 ^{ns}
Rep. within year	تکرار در سال	4	653627.63
Treatment (T)	تیمار	34	653290.72 ^{**}
T x Y	تیمار × سال	34	220671.33 ^{ns}
Covariate	کوواریت	1	1817108.34
Error	اشتباه	135	144020.28

**: Significant at 1% probability level.

*: معنی دار در سطح 1%.

ns: Non significant

ns: معنی دار نیست.

نتایج حاصله پنج مؤلفه نخست از ۸۵/۷ درصد از واریانس کل را شامل می‌شوند.

واریانس‌های ژنتیکی، فنوتیپی و توارث‌پذیری صفات مورد مطالعه در جدول ۹ آورده شده است که بر اساس نتایج حاصله توارث‌پذیری عمومی برآورده شده برای صفات مختلف پنبه از ۶/۲ تا ۶۵/۲ متفاوت بوده است. همچنین نمودارهای مقایسه‌ای صفات تکنولوژیکی الیاف پنبه در شکل‌های ۲ و ۳ نشان داده شده است که بر اساس آن تغییرات و تنوع پنج صفت مهم الیاف پنبه (درصد کیل، طول الیاف، ضریب میکرونر، مقاومت پرسنی، شاخص استلومتریک الیاف) در بین ژنوتیپ‌های مختلف مشخص گردیده است.

مرفوولوژیکی و کمی پنبه در جدول ۶ نشان داده شده است که بر اساس نتایج حاصله ضریب همبستگی بین ارتفاع با طول شاخه‌های رویا و طول اولین میانگره، عملکرد با طول دمبرگ، وزودرسی با طول شاخه‌های رویا قابل توجه است.

گروه‌بندی ژنوتیپ‌های مختلف پنبه با استفاده از روش تجزیه خوشه‌ای انجام شد که دندروگرام مربوطه در شکل ۱ نشان داده شده است و جدول ۷ تعداد ژنوتیپ میانگین هر گروه همراه با انحراف میانگین گروه‌ها از میانگین کل جامعه را نشان می‌دهد.

در جدول ۸ نتایج تجزیه به مؤلفه‌های اصلی (PCA) و سهم هر یک از مؤلفه‌ها در واریانس کل نشان داده شده است. بر اساس

جدول ۴ - تجزیه واریانس مرکب صفات مختلف پنهان

Table 4. Combined analysis of variance for different characters of cotton

		MS میانگین مرتعات									
		طول دماغک					زندگی زیستی				
عملکرد		ارتفاع		تعداد شاخه های رویا		طول شاخه های رویا		طول تاخته های رویا		وزن فروزه زیستی	
S.O.V.	دروج آزادی	Yield df	Height (gr)	No. of monopods	No. of Sympods	length(cm)	length(cm)	Boll weight (gr)	Earliness (%)	Petiole length(cm)	
Replication(R)	نیکار	1	8492251.9ns	525.69ns	169.49**	4.28**	164.21ns	1754.92ns	7584.1*	0.20ns	76.44*
Rep. within year	نیکار در سال	4	1593419.0	1391.45	1.84	103.72	658.88	415.10	901.01	0.25	4.91
Treatment(T)	تیمار	34	165373.00**	901.34**	3.44**	8.84**	373.13**	170.90**	421.12**	0.06**	17.08**
T _x Y	تیمار خال	34	711306.8**	186.62ns	0.85**	2.23ns	99.96ns	68.03*	162.08**	0.02ns	4.41**
Error	اشتباه	136	400143.57.	190.20	0.57	5.57	136.46	42.04	91.32	0.02	2.25
C.V.	ضریب تغیرات	-	21.62	11.03	29.74	17.91	16.75	24.62	9.99	23.48	8.32
Check mean	میانگین شده	-	1837.00	134.00	2.12	13.50	69.43	30.87	4.92	62.00	19.50

Check cultivar: Sahel

* and **: Significant at 5% and 1% probability levels, respectively.

ns: Non significant

شاهد: رقم تجاری ساحل.

*: ترتیب مصنوعی در سطح ۵٪ و ۱٪.

ns: مصنوعی نیست.

جدول ۵ - مقادیر پارامترهای آماری (میانگین، انحراف معیار و ضرب تغییرات) و حد اکثر و حداقل صفات مورد بررسی در کل جامعه (بر اساس تابع دو ساله)

Table 5. Statistical parameters (mean, standard deviation and C.V.) maximum and minimum values for different characters in population

Statistical parameters	صفات										
	عملکرد	ارتفاع	زودرسی	تعداد زایی	تعداد شاخه های رویی	طول شاخه های رویی	وزن زایی	فرزه	تعداد دماغه	طول فرزه	تعداد بول
Yield	Height	Earliness	No. of monopods	No. of sympods	length(cm)	length(cm)	Boll weight(gr)	Petiole length(cm)	bolls from stem(cm)	No. of bolls	از ساقه
Mean	بیانگین	1828.00	125.00	70.30	2.50	13.20	69.70	26.30	4.30	18.00	15.14
Standard deviation	انحراف معیار	328.10	12.20	10.20	1.21	0.75	5.33	7.80	0.30	1.70	2.64
C.V.	ضریب تغییرات	1790.00	9.70	14.50	48.40	5.70	7.60	29.60	6.20	9.40	17.43
Maximum	حد اکثر	2739.00	158.00	86.00	4.50	17.20	92.46	35.10	5.70	21.80	22.50
Minimum	حداقل	1266.00	99.00	51.00	0.91	10.90	57.48	15.30	3.64	14.90	9.90

جدول ۶ - ضرایب همبستگی ساده بین صفات مختلف پنبه بر اساس نتایج دو ساله

Table 6. Correlation coefficient among different characters (based on two years results)

	وزن	فرزه	زبانا	درسا	زبانا	فرزه	دمرگ	طول	طول شاخه های	طول شاخه های	از ریشه	از ساقه
								خیل	خیل	خیل	Interode	Boll distance
	Yield	Height	Earliness	No. of	No. of	Monopods	Sympods	Boll	Petiole	Interode	from stem(cm)	
	(kg)	(cm)	(%)	monopods	sympods	length(cm)	length(cm)	weight(gr)	length(cm)	length(cm)		
Yield	1.00	-0.307	0.491**	-0.082	-0.238	-0.266	0.161	-0.282	-0.464**		0.287	
Height		1.000	-0.460**	0.075	0.395**	0.822**	0.275	0.192	0.360	0.575**	0.104	
Earliness			1.000	-0.432**	-0.310	-0.595**	-0.150	-0.395*	-0.588**	-0.221	-0.052	
No. of monopods				1.000	-0.099	0.430**	0.115	0.224	0.313	-0.173	0.051	
No. of sympods					1.000	0.372*	0.388*	-0.062	0.020	0.111	0.152	
Monopods length						1.000	0.330*	0.246	0.386*	0.296	0.124	
Sympods lenght							1.000	0.120	0.061	0.040	0.829**	
Boll weight								1.000	0.465**	0.165	0.231	
Petiole lenght									1.000	0.195	0.152	
Internode lenght										1.000	0.228	
Boll distance from stem											1.000	

نشریه تحقیقات "نهال و پذیر" جلد ۱۷، شماره ۱، خرداد ۱۳۸۰

* and **: Significant at 5% and 1% probability levels, respectively.

جدول ۷ - تعداد ژنوتیپ، میانگین و انحراف معیارگردها از میانگین کل جامعه

Table 7. Genotype number, means and deviation of group means

from population mean

No. of group	Number of genotypes	Group means	Deviation from population mean	انحراف از میانگین جامعه
شماره دسته	تعداد ژنوتیپ	میانگین دسته		
1	1	2739	+910.2	
2	8	2097	+268.4	
3	21	1730	-98.0	
4	5	1443	-385.2	

جدول ۸ - نتایج تجزیه به مؤلفه‌های اصلی (PCA) و سهم هر یک از مؤلفه‌ها در واریانس کل

Table 8. Principal component analysis and share of components in total variance

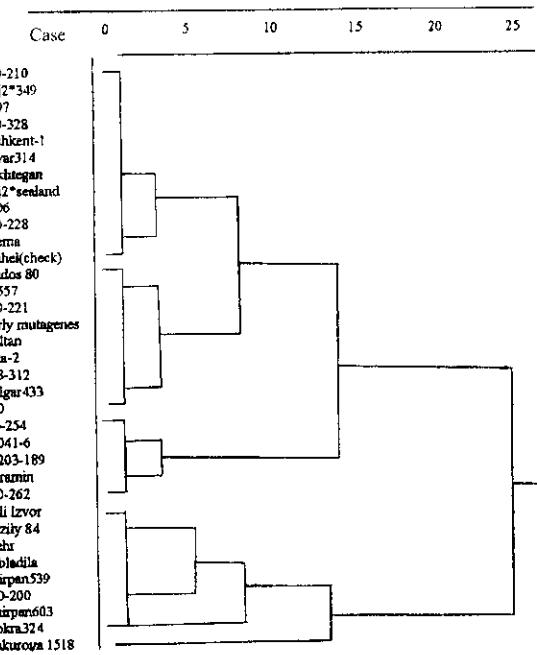
Component	مؤلفه Latent roots	درصد واریانس Percentage of variance	واریانس تجمعی Cumulative variance
1	3.327	.34.299	34.299
2	1.011	18.284	52.583
3	1.540	14.002	66.584
4	1.191	10.823	77.407
5	0.912	8.295	85.702
6	0.478	4.347	90.046
7	0.371	3.375	93.424
8	0.327	2.969	96.393
9	0.261	2.363	98.762
10	0.091	0.832	99.593
11	0.035	0.407	100.000

کشورهای یونان، پاکستان، ترکیه، بلغارستان،

بحث

آسیای میانه، استرالیا همراه با ژنوتیپ‌های دورگ و

ژنوتیپ‌های مورد مطالعه شامل ارقام وارداتی از



شکل ۱ - دندروگرام مربوط به گروه‌بندی ژنوتیپ‌های مختلف پنبه با روش تجزیه خوشه‌ای

Fig. 1. Denderogram for genotypes classification by cluster analysis method

تنها آن دسته از تنوعاتی که منشاء ژنتیکی داشته باشند به دلیل قابلیت توارث پذیری و پایداری بیشتر در مقابل شرایط مختلف محیطی، از نقطه نظر اصلاح نباتی حائز اهمیت هستند (رحمیان و بنایان، ۱۳۷۵؛ فرشادفر، ۱۳۷۶؛ Kohel, 1984).

بررسی اثر متقابل سال × تیمار نشان داد که این اثر در صفاتی چون عملکرد، طول شاخه‌های زایا، طول دمیرگ و وزن قوزه معنی دار شد و این بدان معنی است که ظهور چنین صفاتی در ژنوتیپ‌های مختلف، مستقل از اثر سال نمی‌تواند باشد و لازم است آن دسته از ژنوتیپ‌هایی انتخاب و در مطالعات آتی مورد استفاده قرار گیرند که از درجه پایداری بالاتری برخوردار باشند.

ارقام تجاری ایران بودند که از نظر سازگاری، مرغولوژی و عملکرد اختلاف نشان دادند. نتایج تجزیه واریانس ساده و مرکب داده‌های آزمایشی، وجود تنوع در بین ژنوتیپ‌های مذکور را تأیید نمود و مطالعه پارامترهای آماری جامعه (جدول ۵) نشان داد که صفاتی چون تعداد شاخه‌های رویا، طول شاخه‌های زایا، فاصله قوزه از ساقه اصلی و عملکرد به ترتیب بیشترین تنوع فنوتیپی را در بین ژنوتیپ‌ها نشان دادند. تنوعات فنوتیپی تحت تأثیر دو فاکتور ژنتیک و محیط قرار می‌گیرند و سهم دو فاکتور ژنتیک و محیط در شکل‌گیری یک صفت، از صفتی به صفت دیگر فرق می‌کند که به سادگی قابل تشخیص نیستند، لذا

جدول ۹ - واریانس‌های ژنتیکی، فنتیپی و توارث پذیری عمومی صفات مختلف پنبه

Table 9. Genetic and phenotypic variances and broad sense heritability
for different characters in cotton

Characters	صفات	واریانس ژنتیکی		واریانس محیطی	واریانس فنتیپی (%)	وارث پذیری (%)
		Genetic variance	Environmental variance			
1st picked yield	عملکرد چین یک	402971.69	568583.83	971555.52	41.40	
2nd picked yield	عملکرد چین دو	72112.23	123306.22	195418.45	36.90	
Total yield	عملکرد کل	314143.72	400142.57	714286.30	43.90	
Earliness	زودرسی	0.01	0.02	0.03	39.30	
Height	ارتفاع	238.24	190.20	428.44	55.60	
No. of sympods	تعداد شاخه‌های زایا	2.20	5.57	7.77	28.30	
No. of monopods	تعداد شاخه‌های رویا	0.86	0.57	1.43	60.10	
Internode lenght	طول میانگره	0.12	0.54	0.66	18.50	
Boll weight	وزن قوزه	86.34	91.32	177.66	48.50	
Boll distance for stem	فاصله قوزه از ساقه	3.26	4.58	7.84	41.50	
Petiole lenght	طول دمبرگ	4.22	2.25	6.47	65.20	
Monopod length	طول شاخه رویا	9.10	136.46	145.56	6.20	
Sympod length	طول شاخه زایا	34.29	42.04	76.33	44.90	

садه صفات نشان داد که بین ارتفاع بوته با طول میانگره، تعداد شاخه‌های زایا و طول شاخه رویا همبستگی مثبت و معنی دار (در سطح ۱%) و بین زودرسی با ارتفاع بوته، تعداد و طول شاخه‌های رویا، طول دمبرگ و وزن قوزه همبستگی منفی و معنی دار وجود دارد. همبستگی عملکرد با طول دمبرگ منفی، و با زودرسی مثبت و معنی دار (در سطح ۱%) بود که مجموعه نتایج حاصله با گزارش‌های تحقیقات گذشته مطابقت Donald *et al.*, 1994) نماید

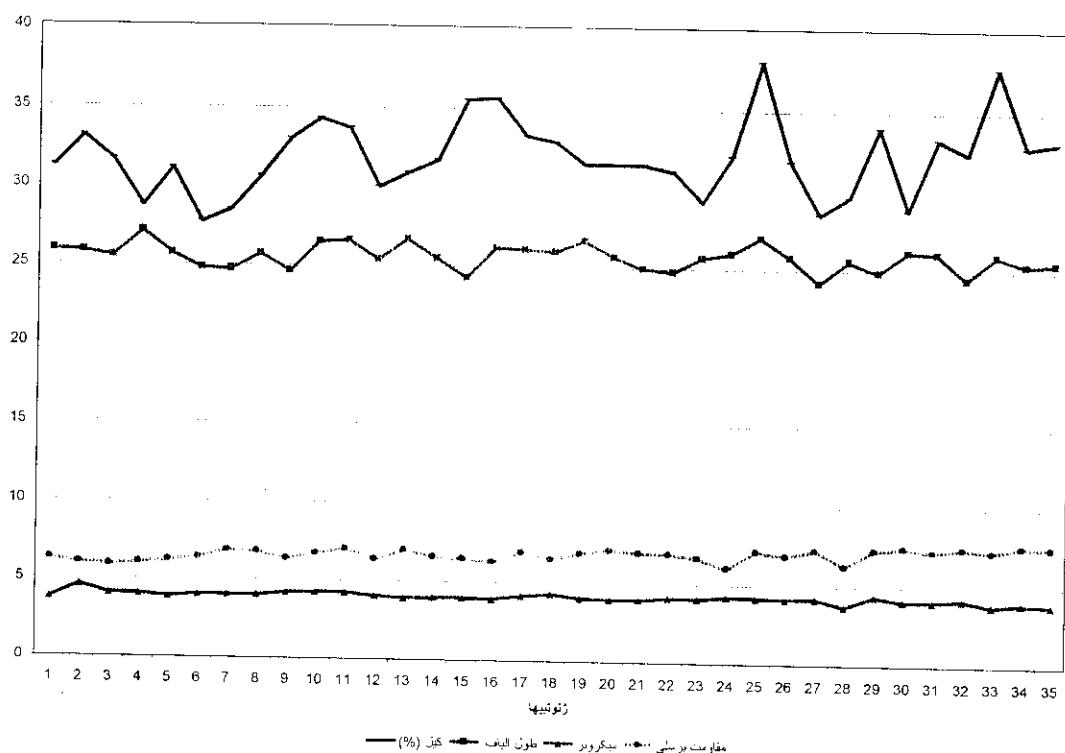
مطالعه همبستگی بین صفات در اصلاح نباتات از اهمیت ویژه‌ای برخوردار است زیرا میزان و نوع رابطه ژنتیکی و غیر ژنتیکی بین دو یا چند صفت را اندازه‌گیری می‌کند. همانگونه که فنتوپ هر فرد ناشی از اثرات ژنتیک و محیط است، ضریب همبستگی فنتوپی نیز به ضرایب همبستگی ژنتیکی و محیطی تفکیک می‌شود. چنانچه همبستگی ژنتیکی بین دو صفت وجود داشته باشد انتخاب برای یک صفت منجر به تغییراتی در صفت یا صفات دیگر می‌شود. بررسی ضرایب همبستگی

(وراثت پذیری) یک صفت بیشتر باشد بازدهی انتخاب بر مبنای آن صفت بیشتر بوده و بهتر می‌توان ژنوتیپ‌های مطلوب را از نامطلوب تشخیص داد. محاسبه توارث پذیری عمومی صفات مختلف را نشان داد که طول دمبرگ و تعداد شاخه‌های رویا به ترتیب با ۶۵/۲ و ۱/۶۰ درصد بیشترین وراثت پذیری را به خود اختصاص دادند. که این خود دلالت بر کم بودن تعداد ژن‌های کنترل‌کننده این صفات، تأثیر کم محیط بر روی آن‌ها و پاسخ‌دهی مناسب این دو صفت به انتخاب است، از طرفی این دو صفت به دلیل نشان دادن همبستگی معنی‌دار با زودرسی و عملکرد، نقش مؤثری در انتخاب و دستیابی به ارقام پرمحصول و زودرس ایفا می‌نمایند. در بین صفات مورد بررسی، طول شاخه‌های رویا و طول اولین میانگره کمترین وراثت پذیری را نشان دادند که حکایت از کنترل این صفات به وسیله تعداد زیادی ژن و اثرات متقابل بین و ژن‌ها و تأثیر شرایط محیطی بر روی این صفات دارد.

بر اساس نتایج این تحقیق و با توجه به تنوع شناسایی شده در بین ژنوتیپ‌های پنبه، امکان انتخاب ترکیب‌های مناسب از نظر عملکرد، زودرسی، فرم بوته و کیفیت الیاف از بین ژرم‌پلاسم‌های موجود در مؤسسه تحقیقات پنبه وجود دارد. افزایش عملکرد یکی از شاخص‌ترین اهداف بهزادی پنبه را تشکیل می‌دهد و این صفت به عنوان یک صفت پیچیده ژنتیکی تحت تأثیر فاکتورهای مختلفی واقع می‌گردد لذا گزینش مستقیم ترکیبات برتر بر مبنای این صفت قدری مشکل به نظر می‌رسد ولی با شناسایی عوامل مؤثر

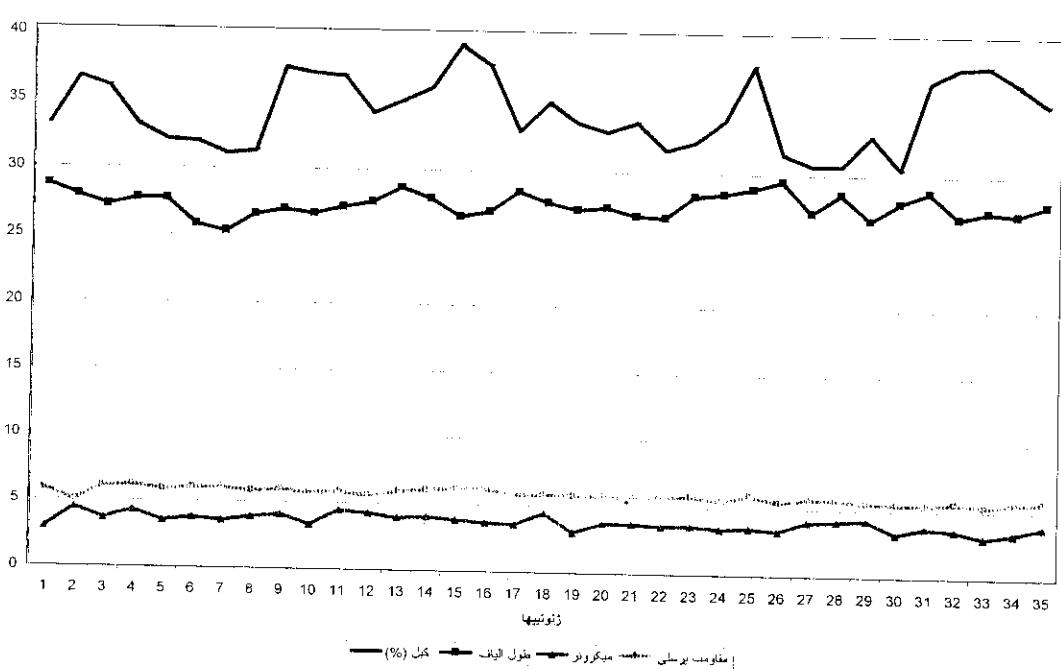
.(Patel and Patel, 1994؛ بررسی صفات مختلف، تنوع نسبتاً بالایی را در بین ژنوتیپ‌های تحت مطالعه نشان داد به طوری که عملکرد ژنوتیپ‌های مختلف از ۱۲۶۶ کیلوگرم تا ۲۷۳۹ کیلوگرم، زودرسی از ۵۱ درصد تا ۸۶ درصد، تعداد قوزه از ۱۰ تا ۲۳ عدد، ارتفاع از ۹۹ تا ۱۵۸ سانتی‌متر تعداد شاخه رویا از ۱ تا ۵ عدد، وزن قوزه از ۳/۶ تا ۵/۷ گرم، طول دمبرگ از ۱۵ تا ۳۵ سانتی‌متر متغیر بود (جدول ۵). بررسی صفات تکنولوژیکی الیاف نیز نوع محسوسی را در بین ژنوتیپ‌های مختلف پنبه نشان داد به طوری که درصد کیل الیاف از ۲۹/۵ تا ۴/۵، طول (Lint percentage) از ۳۸/۵ تا ۲۹/۵ میلی‌متر، ضربی پرسلي (شاخص مقاومت الیاف) از ۵/۵ تا ۵/۷ و ضربی میکرونر (شاخص ظرافت الیاف) از ۳/۶ تا ۱/۱ متغیر بود. بدینهی است به دلیل رابطه نزدیک کیفیت محصولات نساجی با طول الیاف، مقاومت الیاف (مقاومت پرسلي یا استلومتریک) و درصد کیل پنبه، ارقامی مورد توجه قرار خواهد گرفت که از مقداری بالاتری برخوردار باشند. ضربی میکرونر نشان دهنده قطر و خشن بودن الیاف است بنابراین هر چه این ضربی کمتر باشد الیاف پنبه ظریفتر بوده و پارچه‌های ظریف‌تری را می‌توان از آن‌ها تولید نمود (شکل‌های ۲ و ۳).

یکی از مشکلات موجود در انتخاب بوته‌های مناسب در جوامع متنوع وجود اثر محیطی بر روی ظهور صفات است و تنوع محیطی تشخیص تفاوت‌های ژنتیکی را مشکل می‌سازد، بر عکس هر چقدر نسبت تنوع ژنوتیپی به فنوتیپی



شکل ۲ - مقایسه صفات تکنولوژیکی الیاف در ژنتیک‌های مختلف پنبه در سال ۱۳۷۶

Fig. 2. Technological characteristics of fibers in 1997



شکل ۳ - مقایسه صفات تکنولوژیکی الیاف در ژنتیک‌های مختلف پنبه در سال ۱۳۷۷

Fig. 3. Technological characteristics of fibers in 1998

بهره‌گیری از تنوعات مطلوب موجود در مجموعه زنگیکی پنبه کشور، گامی مؤثر در بهبود و افزایش تولید کشور برداشته شود.

سپاسگزاری

از آفای دکتر هوشنگ بیات اسدی به خاطر فراهم آوردن زمینه مناسب تحقیقاتی و همچنین از آقایان مهندس علی اکبر تازیکی و مهندس حسن بیانی که صمیمانه در مراحل مختلف اجرای تحقیق همراه بنده بوده‌اند کمال تشکر و قدردانی را دارد.

و فاکتورهای تعیین‌کننده عملکرد می‌توان عملیات گزینش را تسهیل و تسريع کرد. لذا برای استان گلستان که عکس العمل ارقام پنبه در مقابل آبیاری یا شرایط ابری بودن هوا به راحتی محسوس است، ژنوتیپ‌های پرمحصلو و زودرس و یا ژنوتیپ‌های پرمحصلو با ارتفاع، طول، تعداد شاخه رویا و طول دمبرگ کمتر (به دلیل همبستگی منفی و معنی دار چهار صفت مذکور بازودرسی) از لحاظ فنولوژیکی مناسب‌تر خواهند بود. در پایان امیدوار است با برنامه‌ریزی دقیق و هدفمند و

Referencens

منابع مورد استفاده

- باقری، ع.، کوچکی، ع. و زند، الف. ۱۳۷۵. اصلاح نباتات در کشاورزی پایدار. انتشارات جهاد دانشگاهی مشهد (ترجمه).
- رحیمیان، ح. و بنایان، م. ۱۳۷۵. مبانی فیزیولوژیکی اصلاح نباتات. انتشارات جهاد دانشگاهی دانشگاه مشهد.
- شاهدزادی، ج. ۱۳۷۳. همبستگی بعضی از صفات زراعی جو با عملکرد به منظور استفاده در بهترادی نهال و بذر (۴ و ۳). ۱-۷.
- عالیشاه، ع. ۱۳۷۴. بررسی سیتوولوژیکی و مرفوولوژیکی ارقام بومی پنبه ایران، پایان‌نامه کارشناسی ارشد، دانشگاه تربیت مدرس تهران.
- فرشادفر، ع. ۱۳۷۶. روش شناسی اصلاح نباتات. انتشارات دانشگاه رازی کرمانشاه.
- گودرزی، د. وجودانی، پ. ۱۳۷۳. تعیین توابع تشخیص برای تمایز نخودهای کابلی و دسی در اقلیم‌های مختلف ایران. چکیده مقالات سومین کنگره زراعت و اصلاح نباتات ایران، دانشگاه تبریز.
- Dillon, W.R. and Goldstein, M. 1984. Multivariate analysis methods and application. John Willy and Sons. New York.
- Donald, Y., Boquet, E., Barry, M., and Beck, G.A.B. 1994. Boll weightend weithin plant yield distribution in field grown cotton given different levels of nitrogen. Agricultural Journal 86: 20-26.
- Kohel, R.J. 1984. Influence of cetrain morphological characters on cotton yield. Cotton Grow. Rew. 51:281-292.

- Kohel, R.J. and Benedict, C.R.** 1987. Growth analysis of cotton with different maturities. Agricultural Journal 79: 31-34.
- Tang, B.C. and Watson, E.** 1996. Genetic analysis of primitive cotton germplasm accessions. Crop Science 36: 581-585.
- Patel, S. and Patel, M.** 1994. Genotype \times environment interaction for boll weight and seed cotton yield in Asiatic cotton (*G. herbaceum*) India Journal of Agricultural Science 64: 701-703.
- Stanton, M.A., Stevart, J., and Percival, A.E.** 1994. Morphological diversity in the A-genome cotton of *G. arboreum* and *G. herbaceum*. Crop Science 34: 519-526.