

مطالعه کلادیستی خانواده Muridae (Mammalia:Rodentia) در شرق ایران

علی باقریان^{۱*}، جمشید درویش^۲ و نصر الله رستگار پویانی^۳

^۱گرگان، دانشگاه منابع طبیعی، دانشکده علوم، گروه پژوهشی جونده شناسی

^۲مشهد، دانشگاه فردوسی مشهد، دانشکده علوم، گروه پژوهشی جونده شناسی

^۳کرمانشاه، دانشگاه رازی، دانشکده علوم، گروه زیست شناسی

تاریخ دریافت: ۸۴/۱۰/۲۴
تاریخ پذیرش: ۸۵/۵/۱

چکیده

خانواده Muridae متنوع ترین خانواده پستانداران می باشد. از میان هفده زیر خانواده این خانواده، پنج زیر خانواده در فون شرق ایران وجود دارد. بمنظور بررسی روابط فیلوزنیکی میان جنسهای متعلق به خانواده Muridae در شرق ایران، سیزده سرده (جنس) از پنج زیر خانواده متعلق به این خانواده بعنوان درون گروه و یک سرده از خانواده Dipodidae بعنوان برون گروه گزینش شد. صفات دارای ارزش اطلاعاتی از منابع استخراج گردید. صفات مورد بررسی دارای قطبیت معین و سریهای تحول یابنده در صفات چند حالت مشخص گردید. تعداد پنجاه صفت جمجمه ای و دندانی در تاکسونها (آرایه های) مورد بررسی قرار گرفت. بمنظور بررسی چند ریختی درون گروهها از هر آرایه (تاکسون) به تعداد آماری نمونه ها بررسی و نتیجه در ماتریس تاکسون- صفت ثبت گردید. گزینش پارسیمونی ترین کلادوگرامها با استفاده از الگوریتم Branch-and-bound و بهینه سازی wagner منجر به یافتن شش پارسیمونی ترین درخت ها (MPCs) با طول ۷۳ مرحله گردید. کلادوگرام اجماع قاطع حاصل از این کلادوگرامها بعنوان پارسیمونی ترین کلادوگرام گزینش شده در نظر گرفته شد. آزمون سازگاری صفات منجر به استخراج سیزده حالت هموپلازیک در صفات و دو نمودار Clique با بزرگترین طول ۴۸ مرحله گردید. نتایج حاصل یک گره حل نشده در موقعیت پایه ای برای زیر خانواده Calomycinae نشان می دهد (BP=26). تک نیایی کلادهای Arvicolinae، Arvicolinae و Murinae و Gerbillinae (BP>95) و تاکسون Murinae-Murinae-Gerbillinae (BP=97) قابل ذکر است. کlad حاوی تبارهای Cricetinae-Arvicolinae از تایید متوسط (BP=48) برخوردار است.

واژه های کلیدی: فیلوزنی، تحلیلهای کلادیستی، Muridae، مورفولوژی

* نویسنده مسئول، تلفن تماس: ۰۹۱۵۳۱۹۲۳۷۰، پست الکترونی: yazdiir@yahoo.com

مقدمه

بیوشیمیایی (۵)، ایمنولوژیکی (۲۰) و مولکولی (۱۱، ۱۷ و ۳) انجام گرفته است. در بررسی سال ۱۹۹۳ Musser and Carleton با احتیاط و بدون نشان دادن الگوی سلسله مراتبی در سطح سرده (جنس)، تاکسونهای این خانواده در هفده زیر خانواده قرار داده شده است، اعضای این خانواده بطور یکسان در زیرخانواده ها توزیع نشده اند بطوریکه اغلب آنها در زیر خانواده های Murinae (۴۵ درصد)، Sigmodontinae (۲۰ درصد)، Arvicolinae (۹ درصد) و

جوندگان خانواده Muridea متنوع ترین گروه را در رده پستانداران تشکیل می دهند. براساس رده بندی Musser and Carleton این خانواده به ۳۸۱ جنس و ۱۳۲۶ گونه تقسیم می شود (۱۹). رده بندی تکاملی این خانواده بسیار مشکل بوده ندانسته ها و تناظرها ای بسیاری در مورد این گروه از جوندگان وجود دارد (۱۷). تحقیقات قابل توجهی در مورد فیلوزنی این خانواده از جوندگان بر اساس صفات ریخت شناسی (۱۶، ۱۸ و ۱۳)، کروموزومی (۲ و ۴)،

مواد و روشها

تаксونهای سرشاخه‌ای مورد مطالعه شامل ۱۳ گونه از پنج زیرخانواده متعلق به خانواده Muridae بعنوان درون گروه و یک گونه متعلق به خانواده Dipodidae بعنوان برون گروه می‌باشد (جدول ۱). نمونه‌های مورد مطالعه متعلق به موزه جانور شناسی دانشکده علوم، دانشگاه فردوسی مشهد می‌باشد. رده بندی گونه‌ها بر گرفته از Wilson (1993) and Reeder (2005) است.

Gerbillinae (درصد) قرار می‌گیرند در حالی که زیر خانواده Calomysinae دارای یک سرده است (۱۷%). با وجود اینکه از نمونه‌های متعلق به این خانواده، در مطالعات ژنتیکی، فیزیولوژیکی و رفتاری بطور گسترده‌ای استفاده می‌شود، اما سوالهای بسیاری در مورد مزه‌های تاکسونومیکی (آرایه شناختی) زیرخانواده‌ها و روابط میان آنها وجود دارد. مطالعه اخیر بررسی روابط فیلوجنتیکی میان تاکسونهای خانواده Muridae متعلق به شرق ایران براساس صفات ریخت شناسی و روش‌های کladبستی عددی، می‌باشد.

جدول ۱- رده بندی تاکسون‌های مطالعه شده و تعداد نمونه‌ها (داخل پرانتز).

Family	Subfamily	Species (Number)
Dipodidae	Allactaginae	<i>Allactaga elater</i> (7)
Muridae	Arvicolinae	<i>Blanfordimys afghanus</i> (4)
Muridae	Arvicolinae	<i>Ellobius fuscocapillus</i> (14)
Muridae	Arvicolinae	<i>Microtus socialis</i> (12)
Muridae	Calomyicinae	<i>Calomyscus bailwardi</i> (6)
Muridae	Cricetinae	<i>Cricetus migratorius</i> (17)
Muridae	Gerbillinae	<i>Gerbillus nanus</i> (6)
Muridae	Gerbillinae	<i>Meriones libycus</i> (18)
Muridae	Gerbillinae	<i>Tatera indica</i> (14)
Muridae	Gerbillinae	<i>Rhombomys opimus</i> (16)
Muridae	Murinae	<i>Apodemus fulviventer</i> (13)
Muridae	Murinae	<i>Mus musculus</i> (13)
Muridae	Murinae	<i>Nesokia indica</i> (15)
Muridae	Murinae	<i>Rattus turkestanicus</i> (10)

(Transformational Addative) بوده و سریهای انتقال (series) از منابع مختلف استخراج شده است (یعنی براساس حالت‌های پلزیومورفیک براساس موقعیت ریشه، نحوه پراکنش صفات در کلادوگرام و کتابنگاری). صفات چند حالته به شکل دو حالته حضور/ فقدان تبدیل گردید (۲۲).

پارسیمونی ترین کلادوگرامها براساس روش بهینه‌سازی PHYLIP (Wagner) و اگنر (Optimization) با نرم افزار 3.6b انتخاب شد (۹). کوتاه ترین کلادوگرامها (MPCs) با در نظر گرفتن گونه *Allactaga elater* از خانواده Dipodidae بعنوان برون گروه (Out group) ریشه دار

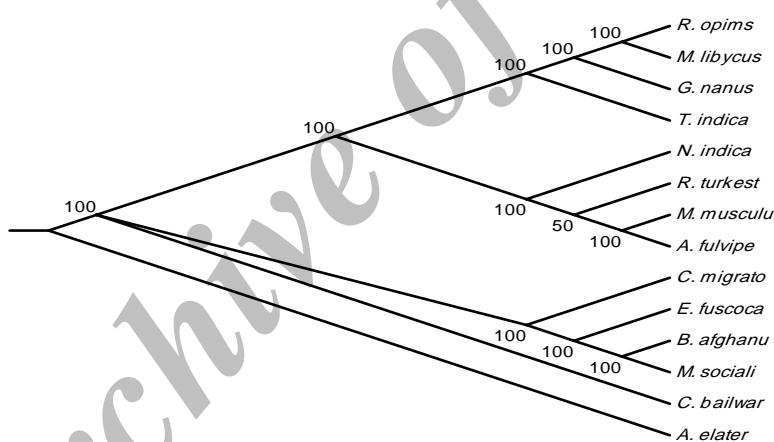
بمنظور بررسی اعتبار حالت‌های صفات در تاکسونهای مورد مطالعه و اجتناب از چند ریختی (Polymorphism) درون گونه‌ای و دو ریختی جنسی (Sexual dimorphism) از تعداد آماری نمونه‌ها استفاده شد. پس از استخراج صفات دارای قطبیت (polarity) با کتابنگاری و مقایسه صفات در نمونه‌های مختلف از میان ۱۱۰ صفت بررسی شده تعداد ۵۰ صفت دارای ارزش اطلاعاتی (جدول ۲) در تاکسونهای مورد مطالعه گزینش و در تحلیلهای کladبستی بعدی مورد استفاده قرار گرفت، نتیجه در ماتریس صفت-تاکسون برای تحلیلهای بعدی ثبت گردید (جدول ۳). حالت‌های صفات مورد مطالعه به صورت چند حالته مرتب

نتایج

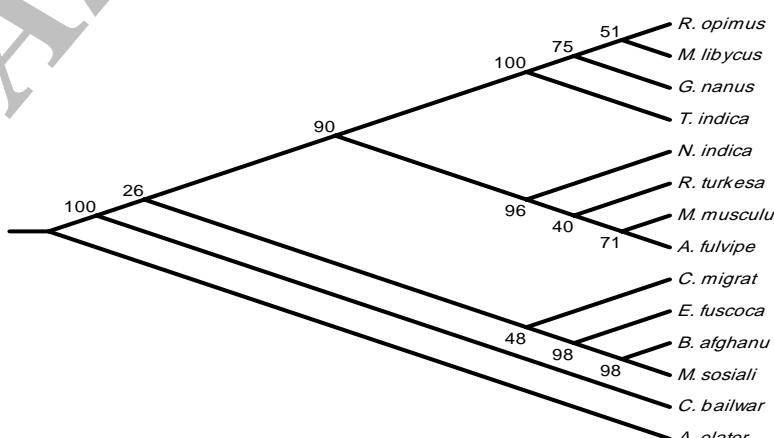
حالات صفات مطالعه شده بصورت چندحالته در جدول (۲) نشان داده شده است. براساس نگرش پارسیمونی واگنر، شش درخت با کوتاه ترین طول گزینش شد. درختها طولی برابر ۷۳ مرحله (قدم) داشته و ۱۳ حالت هموپلازیک از صفات استخراج گردید. درخت اجماع قاطع (شکل ۱) و درخت اجماع اکثربنده نشان دهنده یک گره حل نشده برای کلاد Calomycinae با دیکر کلادها و یک گره با حضور ۵۰ درصد موارد برای موقعیت جنس *Rattus* می باشد. کلادهای استخراج شده با زیر خانواده های معرفی شده مطابقت دارند و جنسها در کلاد متعلق به زیر خانواده های خود قرار میگیرند.

گردید (۱۱ و ۱۷). بزرگترین کلیکها (Largest clique) براساس نگرش سازگاری (Compatibility) (۷) با نرم افزار PHYLIP 3.6b گزینش گردید. درخت اجماع قاطع (Strict consensus tree) و درخت اجماع اکثربنده (Majority rule consensus tree) حاصل از پارسیمونی ترین کلادوگرامها توسط نرم افزار PHYLIP 3.6b بدست آمد (۱۵).

آزمون تأییدی (Bootstrapping) (۸) و همچنین آزمون آماری (Permutation test) (۱۴) برای ۱۰۰۰ داده بختانه (تصادفی) بر اساس ماتریس "دوحالته شده" انجام شد. ترسیم گرافیکی درختها با نرم افزار Tree Explorer انجام گرفت (۱۲).



شکل ۱ - کلادوگرام اجماع قاطع (اعداد نشان دهنده درصد حضور هر کلاد در MPCs می باشند).

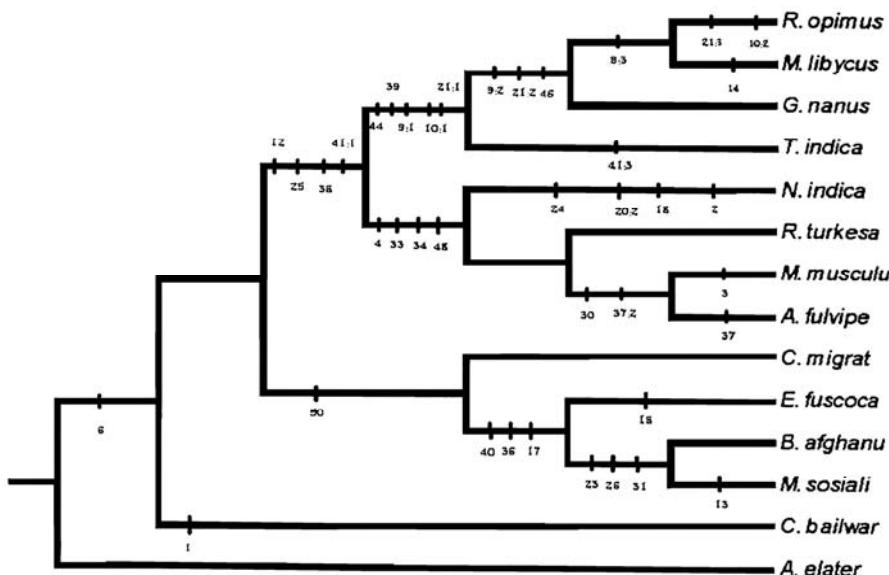


شکل ۲ - کلادوگرام بوت استرپینگ بر اساس ۱۰۰۰ تکرار (اعداد نشان دهنده میزان تایید هر کلاد می باشد).

جدول ۲- صفات مطالعه شده و منابع مورد استناد آنها.

حالات صفات				صفات و منابع (داخل پرانتز)
3	2	1	0	
-	-	فقدان	وجود	۱- انترولینگوال (Antrolingual) در اوین دندان اسیای بالا (۱۱):
-	-	وجود	فقدان	۲- حالت تیغه ای (Lamella) در ردیف دندانی اسیای بالا و پایین (۱۸):
-	-	وجود	فقدان	۳- برجستگی قدامی میانی (tma) در دندان اسیای اول پایین (۱۱):
-	-	فقدان	وجود	۴- وضعیت Anteroloph در دندانهای اسیای بالا (۲۳):
-	-	سفید یا کرم سفید یا کرم	زرد تا قهوه ای	۵- رنگ مینا در دندانهای پیش (۱۶):
-	-	فقدان	وجود	۶- دندان پیش اسیدار ردیف دندانی بالا (۱۸):
-	-	فقدان	وجود	۷- وضعیت Anterolophid در دندانهای اسیای پایین (۲۳):
-	-	متوسط تا بزرگ	کوچک	۸- اندازه سوین دندان اسیای بالا نسبت به دومین دندان اسیای بالا (۱۸):
میانی متغیر	فقدان	مورب		۹- موقعیت Neoloph در دندانهای اسیای بالا (۲۳):
	دارای دو شیار	فاقد شیار		۱۰- سطح قدامی دندانهای پیش بالا (۲۳):
-	-	هیپسودونت	براکیودونت	۱۱- ریخت شناسی دندانهای اسیا (۱۰):
-	-	فقدان	وجود	۱۲- وضعیت Entroloph در دندانهای اسیای بالا (۲۳):
-	-	فقدان	وجود	۱۳- وجود مثلث باز (Triangle rhombus) در اوین اسیای پایین (۲۱):
-	-	کاهش یافته	کاهش کاهش	۱۴- کاهش لوب های اسیای بالا (۲۳):
-	-	هم سطح	پایین	۱۵- موقعیت برجستگی t4 (Enterostyle) نسبت به برجستگی t5 (Protcone): (۱۸):
-	-	پروودونتی		۱۶- وضعیت دندانهای پیش فوکاتی (۱۸):
-	-	دراز میانی	فاقد میانی	۱۷- سطح سایش در دندانهای اسیای بالا و پایین (۲۱):
-	-	فقدان	وجود	۱۸- وضعیت پروتوکوئید و متاکید در دومین دندانهای اسیای پایین (۱۱):
-	-	مرتفع	کم ارتفاع	۱۹- ارتفاع تاج دندانی در دندانهای اسیا (۲۱):
-	t2	هم سطح با	کاملا بازگشته به سمت خلفی	۲۰- برجستگی t1 (Anterostyle) در اوین اسیای بالا (۱۱):
میانی	لبی	فقدان	مورب	۲۱- موقعیت نولوفید (Neolophid) در اوین اسیای پایین (۲۳):
-	-	فقدان	وجود	۲۲- سینکلولوم خلفی در اسیای پایین (۱۱):
-	-	ریزئونت		۲۳- وضعیت ریشه دندان در مرحله بلوغ (۱۰):
-	-	پاراکن همسطح پروتوکن	پاراکن خلفیتر از پروتوکن	۲۴- موقعیت t6 (Paracone) نسبت به t5 (Protocone) (۱۸):
-	-	فقدان	وجود	۲۵- وضعیت Ectolophid در دندانهای اسیای پایین (۲۳):
-	-	باز	بسته	۲۶- پیچهای میانی به شکل میانهای (۲۱):
-	t1	در t1	در t4 و t1	۲۷- بیشترین پهنای دندان اسیای اول بالا (۱۸):
-	-	وجود	فقدان	۲۸- تخصص یابی در پهنای میانی دندانهای آسیا (۵):
-	-	وجود	فقدان	۲۹- طول دندان اسیای اول بالا بزرگتر از طول دندانهای دوم و سوم (۱۸):
-	-	متقارن	نامساوی	۳۰- لوب قدامی اولین دندان اسیای پایین (۱۸):
-	-	سه تا پنج عدد	شش تا پنج عدد	۳۱- تعداد میانهای میانی در اوین دندان اسیای پایین (۶):
-	-	فقدان		۳۲- برجستگی ۱۷ در اوین اسیای بالا (۱۱):
-	-	وجود	فقدان	۳۳- برجستگی انترولاستیل در اوین اسیای بالا (۱۱):
-	-	وجود	فقدان	۳۴- برجستگی انترولاستیل در اوین اسیای بالا (۱۱):
-	-	عمودی	مورب	۳۵- بارزوی بارزوی بالا رونده ماندیبوی (۱۶):
-	-	وجود	فقدان	۳۶- شیار ارویکولینه (۱۶):
-	-	تا میانه های M1/M1	تا مرز قدامی / M1	۳۷- امتداد منفذ قدامی کام (۲۳):
-	-	مانی	مانی	۳۸- موقعیت درز پیش ارواره ای - ارواره ای در منفذ قدامی کام (۲۳):
-	-	طریل	کوتاه	۳۹- منفذ خلفی کام (۲۳):
-	-	وجود	فقدان	۴۰- پل کامی ناهموار و دارای منفذ (۱۶):
بسیار توسعه یافته	منفذ اشکی را می پوشاند	پیش امده تا اواسط منفذ اشکی	بسیار کوتاه و مستقیم	۴۱- صفحه زیکوماتیک (۲۳):
-	-	تحلیل رفتہ	پهن	۴۲- استخوان ایترپاریتال (۲۳):
-	-	وجود	فقدان	۴۳- پیش امده استخوانهای بینی پس از مرز قدامی دندانهای پیش (۲۳):
-	-	وجود	فقدان	۴۴- منفذ زیر صدفی (۱۶):
-	بزرگ و پهن	بزرگ و پهن نشده	کوچک	۴۵- کپسول شناوری (۱۸):
-	-	بزرگ	کوچک	۴۶- منفذ زیر حدقه ای (۲۳):
-	-	وجود	فقدان	۴۷- ستین فرق حدقه ای (۲۳):
-	-	بزرگ	کوچک	۴۸- فضای پست گلنوئید (۱۶):
-	-	تیغه ای	پهن	۴۹- صفحه پتریکوئید (۱۶):
-	-	وجود	فقدان	۵۰- دم کوتاه تر از سر و بدن (۱۶):

(۳) کلاد حاوی گروه، کلاد خواهری Calomycinae، دارای تأیید پایین بوده، بنابراین فاقد اعتبار است و در موقعیت پایه ای قرار میگیرد؛ زیر خانواده های Gerbillinae و Murinae بواسطه صفات سین آپومورفیک ۱۲، ۲۵، ۳۳ و ۴۱ حالت ۱ کلادی مشترک را تشکیل می دهند (شکل ۳).



شکل ۳- کلادوگر ام پی اکنیش صفات (اعداد نشان دهنده شماره صفت و حالات آن می باشند)

جدول ٣- ماتریس چند حالته تاکسون-صفت.

زایی های تقریباً هم زمان آنها شده است (۱۷). نتایج حاصل از این مطالعه براساس صفات ریخت شناسی تک (Murinae, Arvicolineae, Murinidae) زیر خانواده های کلاسیک Gerbillinae را تأیید می کند. مطالعات کلادیستی بر اساس داده های مولکولی (ترتیب نوکلئوتیدی، بیوشیمیایی و ایمنولوژیکی) نیز نتایج حاصل از تحلیلهای ریخت شناسی را تأیید میکند (۳ و ۱۷). تبار زایی زیر خانواده Arvicolineae از تبار اجدادی Cricetinae که توسط تحلیلهای کلادیستی ریختی در این مطالعه به دست آمده (شکل ۳)، بوسیله داده های دیرین شناسی (۵ و ۲۱) و مولکولی (۱) نیز تأیید می شود.

مفهوم گروه خواهری Murinae-Gerbillinae بر اساس داده های ریختی (۲۳)، دورگ گیری DNA/DNA (۱) و ترافق ژن (۱۷) گزارش شده است و نتایج بدست آمده از تحلیلهای کلادیستی بر اساس صفات ریختی در مطالعه حاضر وجود این کlad مشترک را نشان می دهد.

با مقایسه نتایج بدست آمده، کلادوگرامهای گرینش شده بر اساس مطالعات کلادیستی ریختی با دیگر شواهد حاصل از بررسیهای مولکولی، دیرین شناسی و بیوشیمیایی مطابقت داشته و نتایج مطالعات متفاوت یکدیگر را تأیید می کنند.

تست آماری Permutation احتمال تصادفی بودن کلادهای Murinae Gerbilinae Arvicolineae را با احتمال زیاد رد می کند، اما احتمال تصادفی بودن کlad خواهری Calomycinae وجود دارد (جدول ۴).

جدول ۴- نتایج آزمون پرمیویشن با ۱۰۰۰ تکرار.

Clad	Permutation Value
Calomycinae,others	9.10
Arvicolineae	0.11
Murinae	0.29
Gerbillinae	0.44
<i>Rattus(Mus,Apodemus)</i>	0.40
<i>Gerbillus(Meriones,Rhombomys)</i>	0.20
<i>Microtus,Blanfordimys</i>	0.93
<i>Meriones,Rhombomys</i>	0.44
<i>Mus,Apodemus</i>	0.61

بحث

کلادوگرامهای حاصل از داده های ریخت شناسی نشان می دهد پنج زیرخانواده مطالعه شده در سه کlad اصلی قرار می گیرند (شکل ۱). گره اول یک گره حل نشده را نشان داده و تبار زایی چند شاخه (Polythomy) را معرفی می کند. این نوع تبار زایی براساس نظرات Michaux and Adaptive radiation Catzeffils بدلیل انشعاب سازشی شدید این جوندگان در ۱۹ میلیون سال پیش بوده، بطوریکه باعث انتشار آنها در سرتاسر کره زمین و تبار

منابع

- Brownell, E. 1983. DNA/DNA Hybridization studies of muroid rodents: Symmetry and rates of Molecular evolution. *Evolution* 37: 1034-1051.
- Capanna, E., Bekele, A., Capula, M., Crvitell, M. and Fadda, C. 1996. A multidisciplinary approach to the systematics of genus *Arvicdnthis* (Murinae). *Mammalia* 4: 617-626.
- Catzeffis, F., Sheldon, F., Ahlquist, J. and Sibley, C. 1987. DNA/DNA hybridization evidence of the rapi rate of muroid rodent DNA evolution. *Molecular Biology Evolution* 4: 242-253.
- Catzeffis, F., Aguilar, J. and Jaeger, J. 1992. Muroid Rodents: Phylogeny and evolution. *Tree* 7: 122-126.
- Chaline, J. and Graf, J. 1988. Phylogeny of the Arvicolineae (Rodentia): Biochemical and Paleontological evidence. *Journal of Mammalogy* 69: 22-33.
- Chaline, J., Brunet, P., Viriot, L. and Courant, F. 1999. Anatomy of the Arvicoline radiation: Palaeogeographical, palaeoecological history and evolutionary data. *Annual. Zooogical Fennici* 36: 239-267.
- Estabrook, G., Johnson, C. and McMorris, F. 1976. A mathematical foundation for the analysis of character compatibility. *Mathematical Biosciences* 23: 181-187.

8. Felsenstein, J. 1985. Confidence limits on phylogenesis: an approach using the bootstrap. *Evolution* 39: 783-791.
9. Felsenstein, J. 2004. PHYLIP(Phylogeny Inference Package). Version 3.6b. Distribution by author. Department of Genome sciences, University of Washington, seattle.
10. Hinton, M. 1926. Monograph of the voles and lemmings (Microtinae); living and extinct. British Museum (Natural History), London Pp. 315.
11. Huchon, D., Catzeflis, M. and Douzery, J. 1999. Molecular evolution of the nuclear Von Willebrand Factor Gene in Mammals and phylogeny of Rodents. *Molecular Biology and Evolution* 16: 577-589.
12. Koichiro, T. 1999. Tree Explorer, Version 2.12.
13. Luckett, W. and Hartenberger, L. 1985. Evolutionary relationship amoung Rodents. Plenum, New York. Pp. 780.
14. Manly, B. 1991. Randomization and montecarlo methods in biology. Chapman and Hall. Pp. 281.
15. Margush, T. and McMorris, F. 1981. Consensus n-trees. *Bulletin of Mathematical Biology* 43: 239-244.
16. Marshall, J. 1972. Rat and mice of Thailand in: Mammals of Thailand. Lekayal, B. and Moneely, J., eds. Pp. 530-580.
17. Michaux, J. and Catzeflis, F. 2000. The bushlike radiation of Muroid rodents is exemplified by the molecular phylogeny of the LCAT nuclear gene. *Molecular phylogeny and Evolution* 17: 280-293.
18. Misonne, X. 1969. African and Indo-Australian Muridae: Evolutionary trend. *Annls. Mus. V. Afr. Cent.* 172: 1-172.
19. Musser, G. and Carleton, M. 1993. Family Muridae. Pp 501-755 in Wilson, D. and Reeder, D. eds. *Mammal species of the word. A taxonomic and geographic reference*. Smithsonian Institution press. Washington and London.
20. Nikoletopoulos, N., Chdroupoulos, P. and Tsolis, S. 1992. Albumin evolution and phylogenetic relationhip among Greek rodents of the families Arvicolidae and Muridae. *Journal of Zoology* 228: 445-453.
21. Repenning, C., A. 1968. Mandibular musculature and the origin of the sub family Arvicolinae (Rodentia) . *Acta zoologica cracoviensis* 13: 29-72.
22. Scotland, R. and Pennington, T. 2000. Homology and Systematic. Taylor & Francis. Pp. 205.
23. Tong, H. 1989. Origin et evolution des Gerbillidae (Rodentia) en Afrique de nuord. *Memories de la societe geologique de France*. Pp. 120.
24. Wilsom, D. and Reeder, D. (eds), 1993. *Mammal species of the world. A taxonomic and geographic reference*. Smithsonian Institution press. Pp. 1028.

Cladistic study of Muridae rodents (Mammalia: Rodentia) from the east of Iran

Bagherian A.¹, Darvish J.², Rastgar-Pooyani N.³

¹Biology Dept., Faculty of Science, Gorgan University, Gorgan, I.R. of Iran

²Rodontology Research Dept., Faculty of Science, Ferdowsi University, Mashhad, I.R. of Iran

³Biology Dept., Faculty of Science, Razi University, Kermanshah, I.R. of Iran

Abstract

Muridae is the most diverse of family among mammals. This family has seventeen subfamily, of which five are present in eastern Iran. In the order to investigate phylogenetic relationships among different genera of Muridae in the eastern Iran, thirteen genera from five subfamilies selected as ingroup and genus *Allactaga* belong to family Dipodidae as outgroup. Valuable characters were extracted from various references. Characters with specific polarity and transformation series in multistate characters were determined. Fifty cranial and dentary characters were used. In order to investigate polymorphism in the groups statistically determined number of individuals from each taxon were used and the results were recorded in character-taxon matrix. Choosing the most parsimonious cladograms, using Branch-bound and wagner's optimizatation, resulted in finding six most parsimonious trees (MPCs) with the length 73. Strict consensus tree is chosen as resulted cladogram. Compatibility test of the characters led to the extention of thirteen homoplasies states in the characters and two clique diagrams with the largest length of 48 steps. The results show an unsolved node in the basic location for Calomicinae (BP=26). Arvicolinae, Gerbillinae, and Murinae (BP>96) clades monophly and confirmation of Gerbillinae-Murinae. Clade containing Cricetinae-Arvicolinae is moderately confirmed (BP=48).

Key word: phylogeny, Cladistic analysis, Muridae, Morphology, Eastern Iran