بازدارندگي تركيب‌هاي ان ـ بوتيل، ان ـ هگزيل و ان ـ اكتيل دي تيوكاربامات و برخي اسيدي‌هاي خطي روي فعاليت آنزيم تايروزيناز قارچ خوراكي

نعمت اله غيبي*+
قزوين، دانشگاه علوم پزشكي قزوين، دانشكده پزشكي، گروه فيزيولوژي و فيزيک پزشكي

علي اكبر صبوري
تهران، دانشگاه تهران، مركز تحقيقات بيوشيمي و بيوفيزيک، گروه بيوفيزيک

چكيده: اثر بازدارندگي سه تركيب ان ـ بوتيل (I)، ان ـ هگزيل (II) و ان ـ اكتيل (III) دي‌تيوكاربامات روي دو فعاليت كاتكولازي و كرزولازي آنزيم تايروزيناز با منشأ قارچ خوراكي مورد بررسي قرار گرفت. بازدارندگي اين تركيب‌ها در واكنش كاتكولازي از نوع مختلط بوده و ثابت بازدارندگي اين تركيب‌ها به ترتيب ۹/٤، ۱۵/۱ و ۲۸/۵ ميكرومولار و مقدارهاي فاكتور برهمكنش بين سوبسترا و بازدارنده (α) به‌ترتيب ۲/۸، ٤/۵ و ٤/٦ به دست آمد. عملكرد بخش كربوكسيليك اسيدها روي فعاليت‌هاي كاتكولازي و كرزولازي آنزيم در مجاورت برخي از اسيدهاي آليفاتيک انجام گرفت. بيشترين فعاليت كاتكولازي آنزيم در مجاورت اسيدهاي پيرويك، اكريليك، پروپانويك، ۲ـ اكسوبوتانويك و ۲ـ اكسواكتانويك به‌ترتيب در غلظت‌هاي ۱، ۱/۲۵، ۲، ۲/۲ و ۳ ميلي‌مولار به‌دست آمد. اسيدهاي مذكور در واكنش‌هاي كرزولازي، اثر بازدارندگي از خود نشان دادند. پروپانويك اسيد داراي الگوي بازدارندگي ضد رقابتي است (K_i= ۰/۱۴). اما در اسيدهاي پيرويك، اكريليك، ۲ـ اكسوبوتانويك و ۲ـ اكسواكتانويك اسيد بازدارندگي از نوع رقابتي است. ثابت بازدارندگي (K_i) اين چهار اسيد به‌ترتيب ۰/۳٦، ۰/۷۵، ۳/٦ و ٤/۵ ميلي مولار به‌دست آمد.

واژه‌هاي كليدي: تايروزيناز قارچي، بازدارندگي، دي تيوكاربامات‌ها، اسيدهاي كربوكسيليک خطي.

KEY WORDS: *Mushroom Tyrosinase, Inhibition, Dithiocarbamates, n-alkyl carboxylic acids.*

مقدمه

در سي سال اخير آنزيم تايروزيناز (پلي فنل اكسيداز: EC 1.14.18.1) به عنوان يك نمونه مناسب جهت بررسي طيف وسيعي از موضوع‌هاي علمي مورد توجه فراوان قرار گرفته است. نخستين مطالعه‌هاي بيوشيميايي در اين خصوص به سال ۱۸۹۵ ميلادي برمي‌گردد كه قارچ خوراكي آسيب‌ديده هنگامي كه در معرض هوا قرار مي‌گرفت سياه مي‌شد [۱]. مطالعه‌هاي زيادي براي يافتن علت تغيير رنگ در سطوح متفاوت حيات از سطوح پايين تا موجودهاي عالي‌تر انجام گرفته است [٦ ـ ۲] ، بدان علت كه

*عهده دار مكاتبات
+E-mail :gheibi_n@yahoo.com

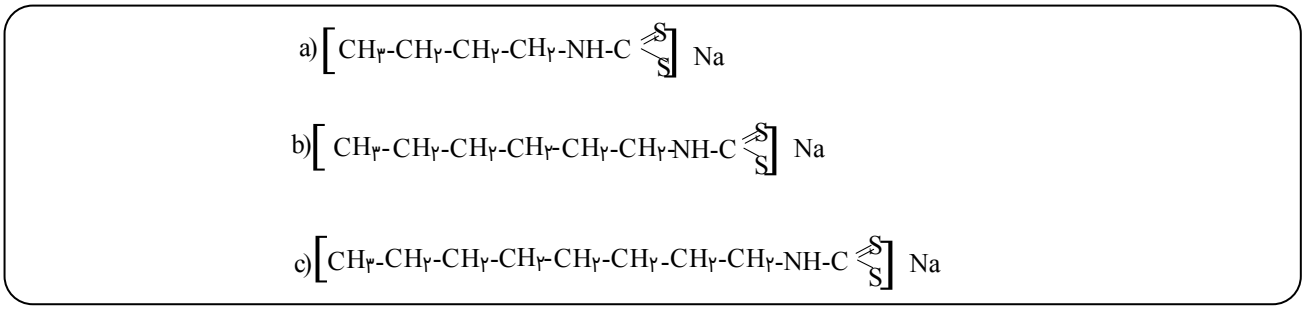
اين تغيير مربوط به بازدارنده‌هاي درون‌زاد است، رديابي آن در برخي موارد امكان‌پذير نيست [۷،۸]. آنزيم مربوط به اين تغييرهاي رنگ بعدها تايروزيناز نام گرفت كه داراي يك موضع فعال حاوي دو اتم مس در قارچ خوراكي متداول و هم چنين در تايروزيناز ملانوماي بدخيم انساني است [۹،۱۰]. در گياهان عالي‌تر و قارچ‌ها، تايروزيناز در ايزوفرم‌هاي متنوع از جمله نوع نابالغ، بالغ نهفته و فرم فعال يافت مي‌شود [۱۱،۱۲].

مطالعه‌هاي اوليه تايروزيناز از قارچ خوراكي متداول گونه Agaricus bisporus نشان مي‌دهد كه آنزيم داراي وزن مولكولي ۱۱۰ تا ۱۳۰ هزار دالتون است [۱۳]، همچنين آنزيم به‌عنوان يك پروتئين تترامر مركب از زيرواحدهاي يكسان كاتاليتيكي ۳۲ هزار دالتوني است. در دهه ۱۹۷۰ ميلادي، ساختار تترامريك حاوي دو زيرواحد ۴۳ هزار دالتوني (H) و دو واحد ۱۳هزار دالتوني (L) بيان شد [۱۴]. ساختار چهارم آنزيم به‌صورت تترامريك H_2L_2 با وزن مولكولي به تقريب ۱۱۰ هزار دالتون و حاوي چهار اتم مس است [۱۵].

اگرچه ۹۸ تا ۹۹ درصد تايروزيناز در قارچ به حالت نهفته وجود دارد ولي مقدار اندك آنزيم فعال، پتانسيل سياه‌كردن قارچ در طي بلوغ يا آسيب هنگام برداشت را دارد. اين پديده باعث خسارت‌هاي اقتصادي به صنايع توليد قارچ مي‌شود و به اين لحاظ بازدارندگي آنزيم اهميت مي‌يابد. رايج‌ترين بازدارنده براي جلوگيري از سياه‌شدن، سولفيت است [۱۶] ، افزون بر اين بازدارنده‌هاي تايروزيناز ممكن است براي درمان برخي اختلال‌هاي پوستي كه همراه با توليد بيش از حد ملانين هستند به كار رود. هم چنين استفاده از بازدارنده‌هاي تايروزيناز در مواد آرايشي با خاصيت سفيدكنندگي پوست امكان‌پذير است [۱۹ ـ ۱۷]. بنابراين، نياز براي مشخص‌كردن تركيب‌هايي كه بازدارنده فعاليت تايروزيناز هستند وجود دارد. برخي از بازدارنده‌هاي پلي فنلي قوي تايروزيناز مثل Kaempferol [۲۲ ـ ۲۰]، Querction [۲۳و۲۴]، Kurarinone و Kushnol [۲۵] از گياهان گوناگون استخراج شده‌اند. پژوهش‌هاي بسيار زيادي توسط *كوبو*[1] و *همكارانش* براي شناسايي بازدارنده‌هاي طبيعي و ارتباط بين فعاليت و توان بازدارندگي آن‌ها با ساختار اين تركيب‌ها انجام شده است [۲۶]. اين پژوهش‌ها نشان داده است همه فلاوونوييدها بازدارندگي خود را بر روي آنزيم از راه توانايي شلاته‌كردن مس در جايگاه فعال آنزيم اعمال مي‌كنند. در عين حال اين شرط وقتي برقرار است كه گروه ۳ـ هيدروكسي، آزاد باشد. هم چنين اين پژوهشگران نشان داده‌اند كه گروه ۳ـ هيدروكسي يك نياز ضروري براي بازدارندگي آنزيم نيست. چنان كه برخي فلاوونوييدها مانند luteolin 4'-o-glucoside و 7-o-glucoside فاقد گروه ۳ـ هيدروكسي هستند اما در عين حال ويژگي‌هاي بازدارندگي از خود نشان مي‌دهند [۲۱]. در سال‌هاي اخير نشان داده شده است فلاوونوييدهايي كه داراي گروه α- كتو هستند ويژگي‌هاي بازدارندگي قوي از خود نشان مي‌دهند [۲۷]. يك تركيب مهم ديگر اين گروه گاليك اسيد است كه به صورت استر با D– گلوكز وجود دارد و استرهاي آن به فراواني در افزاينده‌ها در صنايع غذايي به‌كار مي‌رود. گاليك اسيدهاي گوناگون و مشتقات آن‌ها از چاي [۲۸] و Galla rhois [۲۹] استخراج شده‌اند و برخي از آن‌ها به عنوان بازدارنده‌هاي قوي تايروزيناز محسوب مي‌شوند. از طرفي مطالعه‌هاي ديگر نشان داده‌اند، كه قدرت بازدارندگي كربوكسيليك اسيدهاي آروماتيك با استري كردن، هيدروكسيل كردن و متيل كردن حلقه بنزني كاهش مي‌يابد [۳۰،۳۱].

نتيجه‌هاي مطالعه‌هاي ما در اين پژوهش يك نوع جديد از بازدارنده‌هاي طبيعي تايروزيناز را مشخص مي‌كند كه كاربرد اين تركيب‌ها در آينده براي درمان هايپرپيگمنتاسيون، درمان برخي اختلال‌هاي پوستي يا در طراحي مواد آرايشي با خاصيت سفيدكنندگي پوست در كلينيك و نيز طراحي بازدارنده‌هاي جديد براي جلوگيري از قهوه‌اي شدن گياهان به ما كمك خواهد كرد. لذا ابتدا اثر بازدارندگي تركيب‌هاي دي تيوكارباماتي سنتز شده به‌صورت نمك‌هاي سديم، شامل ان ـ بوتيل دي تيو كاربامات (I)، ان‌ـهگزيل دي تيوكاربامات (II) و ان‌ـاكتيل دي تيوكاربامات (III) با در نظر گرفتن دم آليفاتيك متغير (C_8,C_6,C_4) و سر قطبي يكسان آن‌ها (شكل ۱)، در دو واكنش كاتكولازي و كرزولازي بررسي مي‌شوند. سپس جهت شناخت اثر بخش كربوكسيليك اسيدهاي پيروئيك، آكريليك، پروپانوييك، ۲ـ اكسوبوتانوييك و ۲ـ اكسواكتانوييك (شكل ۲)، و تأكيد بر اثر بخش‌هاي غير اشباع آن‌ها روي فعاليت آنزيم تايروزيناز، دو فعاليت كاتكولاز و كرزولازي آنزيم به ترتيب با استفاده از سوبستراهاي MeBACat و MePAPh در مجاورت غلظت‌هاي متفاوت اسيد مورد بررسي قرار مي‌گيرند.

(۱) Kubo



شكل ۱ـ فرمول باز شده تركيب‌هاي دي تيوكارباماتي ان ـ بوتيل دي تيو كاربامات **(a)** ، ان ـ هگزيل دي تيوكاربامات **(b)** و ان ـ اكتيل دي تيوكاربامات **(c)**.

CH_3-CO-COOH	Pyruvic acid
CH_2=CH-COOH	Acrylic acid
CH_3-CH_2-COOH	Propanoic acid
CH_3-CH=C(OH)-COOH	2-Oxo-butanoic acid
CH_3-CH_2-CH_2-CH_2-CH_2-CH=C(OH)-COOH	2-Oxo-octanoic acid

شكل۲ـ فرمول باز شيميايي اسيدهاي به كار گرفته شده در مطالعه.

بخش تجربي

مواد

تايروزيناز قارچ خوراكي (كد آنزيمي:۱،۱،۱۸،۱٤) با وزن مولكولي Mw = ۱۲۰ KD جامد و با فعاليت ويژه ۳٤۰۰ واحد بر ميلي‌گرم خريداري از سيگما (T-۷۷۵۵). تركيب‌هاي ان ـ بوتيل دي تيو كاربامات (I)، ان ـ هگزيل دي تيوكاربامات (II) ، ان ـ اكتيل دي تيوكاربامات (III)، (٤ـ متيل فنيل) آزو] ـ فنل (MePAPh) و ٤ـ [(٤ـ متيل بنزو) آزو] ۱ و ۲ـ بنزن دي اُل (MeBACat) توسط اين گروه سنتز شدند. اسيدهاي پيرويك اسيد، آكريليك اسيد،پرويانويك اسيد، بوتانويك اسيد، ۲ـ اكسوبوتانويك اسيد و ۲ـ اكسواكتانويك اسيد، Na_2HPO_4 و NaH_2PO_4 براي تهيه تامپون فسفات، پاراكوماريك اسيد و كافئيك اسيد همگي با خلوص بالا از فراورده‌هاي مرك، خريداري شدند.

سنجش فعاليت آنزيم در مجاورت بازدارنده‌هاي دي تيوكارباماتي

سنجش سنتيكي واكنش‌هاي كاتكولازي و كرزولازي در آزمايش‌ها مهار به كمك دستگاه اسپكتروفتومتر Cary مدل 100 Bio صورت گرفت. در آزمايش‌ها از غلظت‌هاي تازه سوبسترا، بازدارنده و آنزيم استفاده شد. تمام واكنش‌هاي آنزيمي در تامپون فسفات ۱۰ ميلي مولار در pH= ٦،۸ در كووت‌هاي يك سي‌سي كوارتز و به كمك سامانه‌ي تنظيم حرارتي در دماي ۲۹۳ كلوين انجام شد.

مهار تايروزيناز به وسيله تركيب‌هاي بازدارنده دي تيوكارباماتي در سه تركيب ان ـ بوتيل (I)، ان ـ هگزيل (II) و ان ـ اكتيل (III) دي‌تيوكاربامات به كمك سوبستراي كافئيك اسيد در واكنش كاتكولازي و پاراكوماريك اسيد در واكنش‌هاي كرزولازي صورت پذيرفت.

فعاليت كاتكولازي با برداشت سوبستراي كافئيك اسيد در بيشترين طول موج آن يعني ۳۱۱ نانومتر، زمان ۲ دقيقه و با غلظت آنزيمي ۱۱،۸ ميكرومولار يا ٤۰ واحد آنزيمي در ميلي‌ليتر صورت گرفت. فعاليت كرزولازي نيز با برداشت پاراكوماريك اسيد در بيشترين طول موجش يعني ۲۸۸ نانومتر، زمان ۱۰ دقيقه و غلظت آنزيمي ۱۷،۷ ميكرومولار يا ٦۰ واحد آنزيمي در ميلي‌ليتر سنجش شد.

سنجش فعاليت آنزيم در مجاورت اسيدهاي كربوكسيليك

واكنش‌هاي كاتكولازي و كرزولازي در مجاورت سوبستراهاي 4-[4- Methylphenyl) azo] phenol (MePAPh) و 4-[(4-methylphenyl) azo]-1,2- benzenediol (MePACat) به‌ترتيب در طول موج‌هاي ۳۵۲و ۳٦۴ نانومتر و در بازه‌هاي زماني ۱۰ و ۲ دقيقه در تامپون فسفات با pH= ٦،۸ و دماي ۲۹۳ كلوين انجام شد. غلظت آنزيم ۱۱،۸ ميكرومولار يا ۴۰ واحد در ميلي‌ليتر در واكنش كاتكولاز و ۷۰،۸ ميكرومولار يا ۲۴۰ واحد در ميلي‌ليتر در واكنش كرزولاز استفاده شد.

فعاليت‌هاي كاتكولاز و كرزولاز آنزيم در مجاورت اسيدهاي

كربوكسيليك، پيرووبيك اسيد، آكريليك اسيد، پروپانوييك اسيد، ۲ـ اكسو ـ بوتانوييك اسيد، ۲ـ اكسو ـ اكتانوييك اسيد انجام شد. فعاليت كاتكولازي با سوبستراي Me BACat با غلظت مشخص ۵۰ ميكرومولار و در غلظت‌هاي متفاوت اسيدهاي مذكور مورد بررسي قرار گرفت.

در واكنش‌هاي كرزولاز فرايند بازدارندگي آنزيم با سوبستراي Me PAPh در غلظت‌هاي متفاوت و نيز مجاورت اسيدهاي مذكور مورد آزمايش قرار گرفت.

نتيجه‌ها و بحث

اثر بازدارندگي تركيب‌هاي دي تيوكارباماتي سنتز شده به صورت نمك‌هاي سديم، شامل ان ـ بوتيل دي تيو كاربامات (I) ، ان‌ـهگزيل دي تيوكاربامات (II) و ان‌ـاكتيل دي يوكاربامات (III) و اسيدهاي پيرووبيك، آكريليك، پروپانوييك، ۲ـ اكسوبوتانوييك و ۲ـ اكسواكتانوييك با در نظر گرفتن دم آليفاتيك و سر قطبي يكسان آن‌ها در دو واكنش كاتكولازي و كرزولازي آنزيم تايروزيناز با منشأ قارچ خوراكي بررسي شدند.

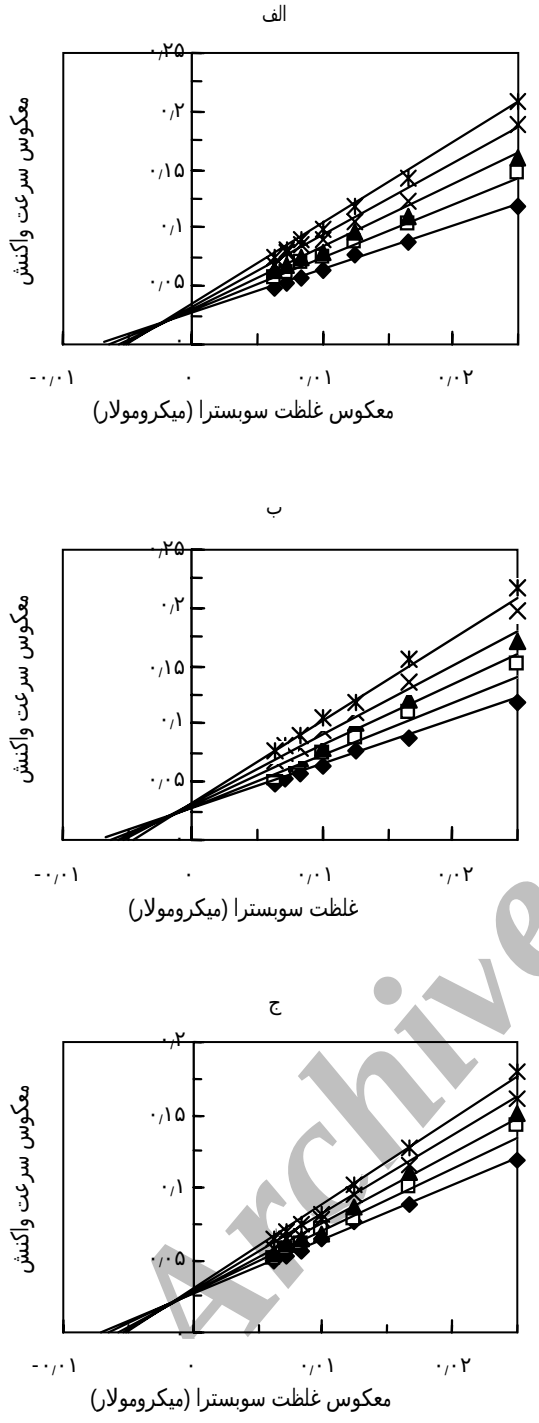
در شكل ۳ (الف، ب و ج) منحني‌هاي جفت معكوس لاينوويربرك براي فعاليت كاتكولاز تايروزيناز در غلظت‌هاي ثابت مهاركننده‌هاي I، II و III در هر سري سوبسترا ترسيم شده است. اين منحني‌ها خطوطي را نشان مي‌دهند كه در سمت چپ محور عمودي همديگر را قطع كرده‌اند و مدل مختلط را براي مهار بيان مي‌كنند.

مقدارهاي سرعت بيشينه‌ي ظاهري (V'_{max})، ثابت ميكائيليس ظاهري (K'_m) و هم‌چنين شيب اين خط‌ها (K'_m/V_{max}) را مي‌توان در غلظت ثابت هر كدام از مهاركننده‌ها به دست آورد. منحني‌هاي ثانويه شيب را در برابر غلظت مهاركننده در شكل ۴ (الف، ب و ج) نشان مي‌دهند.

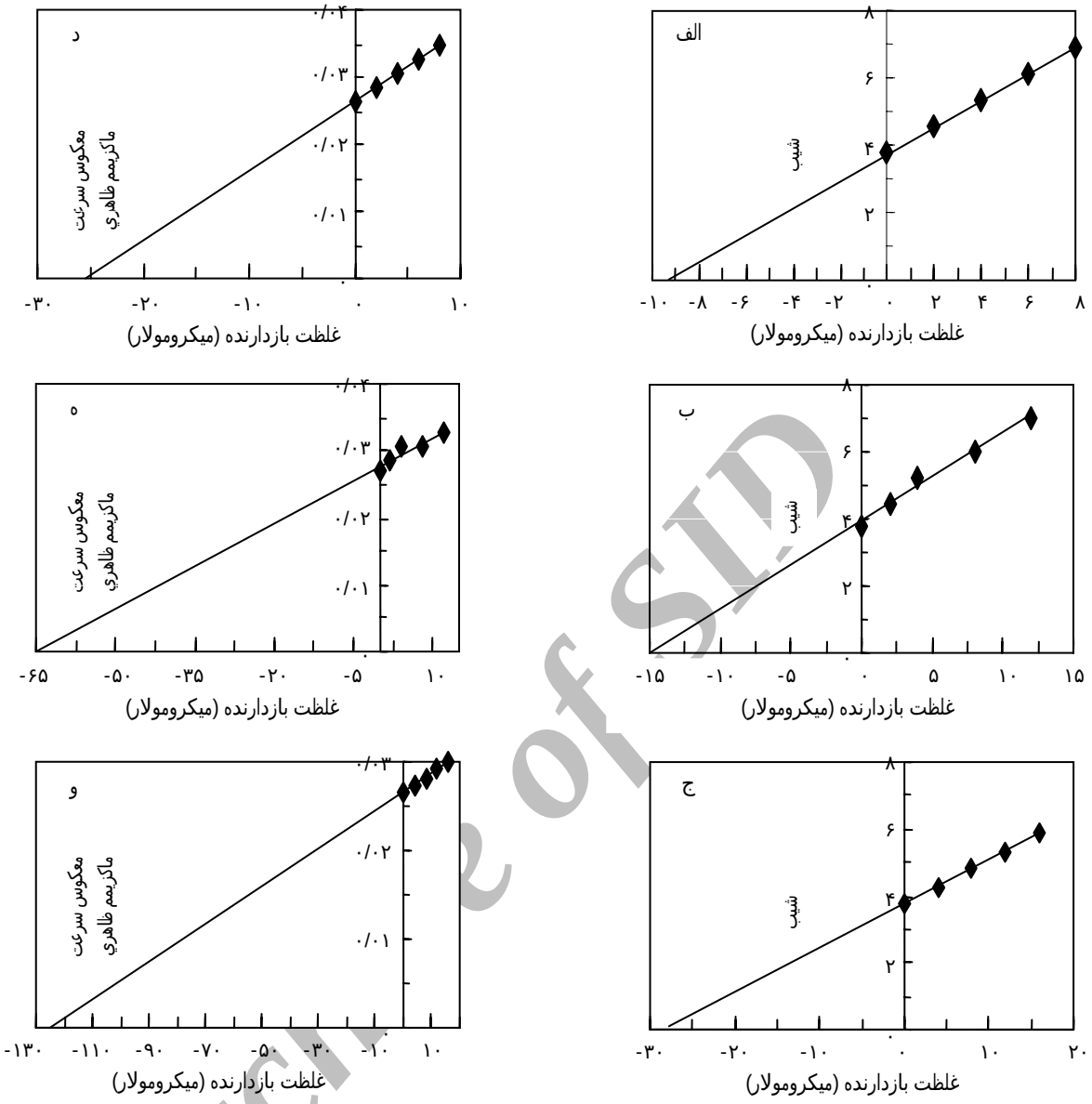
طول از مبدأ اين منحني‌ها $-K_i$ را نشان مي‌دهد. منحني‌هاي ثانويه ديگر يعني ($1/V'_{max}$) در برابر غلظت مهاركننده در شكل ۴ (د، ه، و) ترسيم شده‌اند.

طول از مبدأ اين منحني‌ها نيز $-\alpha K_i$ را نشان مي‌دهد. K_i ثابت مهاركنندگي و α فاكتور برهم كنش بين سوبسترا و مهاركننده است. مقدارهاي K_i و α براي مهاركننده‌هاي I، II و III در جدول ۱ خلاصه شده است.

منحني‌هاي جفت معكوس لاينوويربرك براي فعاليت كرزولازي در مجاورت مهاركننده‌هاي I، II و III در شكل ۵ (الف، ب و ج)



شكل ۳ـ منحني‌هاي جفت معكوس لاينوويربرك براي فعاليت كاتكولاز تايروزيناز در غلظت‌هاي ثابت مهاركننده در هر سري سوبسترا ترسيم شده است. غلظت هاي مهاركننده عبارت‌اند از (الف) براي I صفر(■)، ۲ (□)، ۴(▲) ، ۶ (X) ، ۸ (Ж) ميكرومولار (ب) براي II صفر(■)، ۲(□)، ۴(▲) ، ۶(X)، ۱۲(Ж) (ج) براي III صفر(■)، ۴(□)، ۸(▲) ، ۱۲(X) ،۱۶(Ж) ميكرومولار.



شكل ۴ـ منحني‌هاي ثانويه شيب نمودارهاي ۲ را در برابر غلظت مهاركننده **I** (الف) ، **II** (ب) و **III** (ج) نشان مي‌دهند.
طول از مبدأ اين منحني‌ها $-K_i$ را نشان مي‌دهد. منحني‌هاي ثانويه ديگر يعني $(1/V'_{max})$ در برابر غلظت مهاركننده (د،ه،و) ترسيم شده‌اند.
طول از مبدأ اين منحني‌ها نيز αK_i - را نشان مي‌دهد. K_i ثابت مهاركنندگي و α فاكتور اندركنش بين سوبسترا و مهاركننده است.

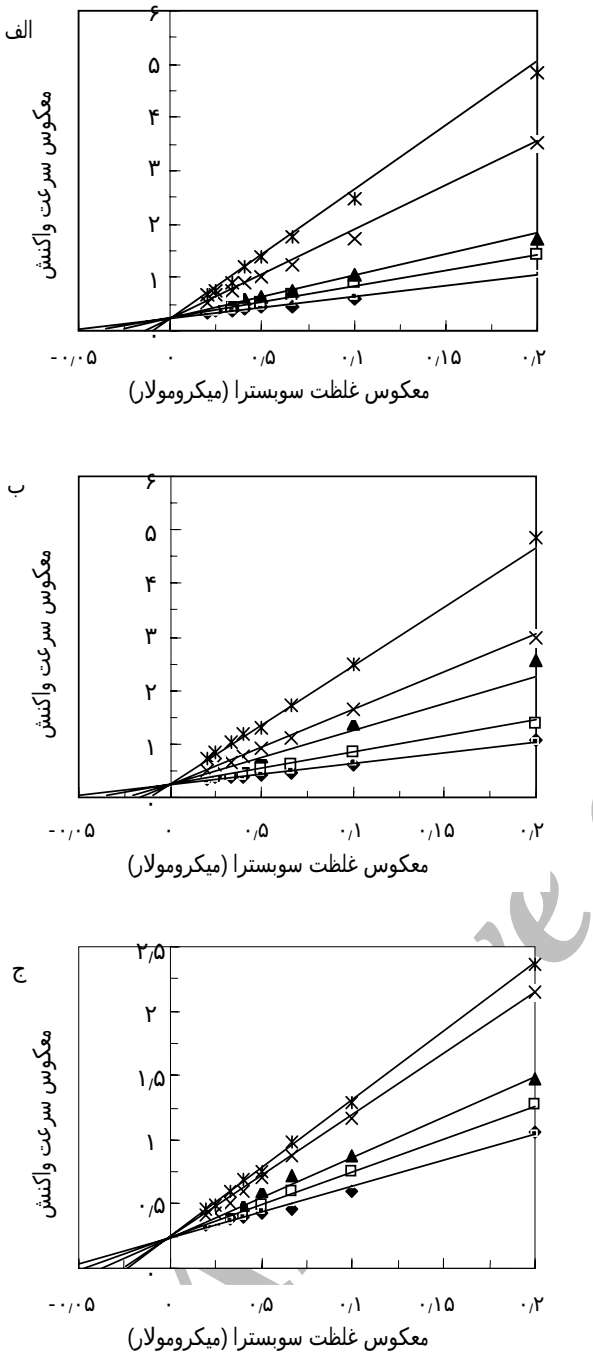
به‌ترتيب، ترسيم شده‌اند. اين نمودارها يك سري خط‌ها مستقيمي را نشان مي‌دهند كه به‌طور دقيقي روي نمودار عمودي همديگر را قطع كرده‌اند. نمودارها نشان مي‌دهند كه مقدار سرعت بيشينه با تغيير غلظت مهاركننده بدون تغيير، و مقدار K'_m افزايش يافته است، و اين تغييرها حاكي از مدل مهار رقابتي آنزيم هستند. شيب اين نمودارها در برابر غلظت مهاركننده به صورت منحني‌هاي ثانويه در شكل ٦ (الف، ب و ج) براي تركيب‌هاي I، II و III به‌ترتيب ترسيم شده‌اند.

طول از مبدأ اين منحني‌هاي ثانويه مقدار ثابت مهار(K_i) را براي واكنش‌هاي كرزولازي نشان مي‌دهد. مقدارهاي K_i در جدول ۱ خلاصه شده‌اند. مقايسه بين مقدارهاي K_i در جدول ۱ با ساير مهاركننده‌هاي رايج تايروزيناز، آنها را در رديف قوي‌ترين مهاركننده‌هاي فعاليت‌هاي كرزولازي و كاتكولازي قرار مي‌دهد. اثر بازدارندگي در واكنش‌هاي كرزولازي بيشتر است و مقدارهاي K_i با افزايش طول دم آليفاتيك تركيب‌ها، در هر دو فعاليت افزايش مي‌يابد كه نشان از كاهش اثر مهاركنندگي است.

پيوند اين تركيب‌ها با مس در موضع فعال آنزيم مهار رقابتي آن‌ها در واكنش كرزولاز را نشان مي‌دهد. مدل مهار مختلط در واكنش‌هاي كاتكولازي نشان مي‌دهد كه مهاركننده مي‌تواند در مجاورت سوبسترا با آنزيم پيوند يابد، اما پيوند آن همراه با تعاوني منفي بين موضع‌ها است، α فاكتور اندركنش بين سوبسترا و مهاركننده است و با توجه به مقدارهاي آن در جدول ۱ كه بيشتر از يک به دست آمده است ($\alpha>1$). در كاربرد اين تركيب‌ها تعاوني منفي براي پيوند سوبسترا و مهاركننده در موضع‌شان با افزايش دم آليفاتيك، افزايش مي‌يابد. مقدارهاي پايين α نشان از تمايل زياد سوبسترا يا مهاركننده به موضع فعال آنزيم است، اين تركيب‌ها مقدارهاي بالاي α از خود نشان دادند و با افزودن گروه‌هاي $-CH_2-$ به مهار كننده‌ها از ۲/۸ براي ان ـ بوتيل دي تيو كاربامات به ۴/۵ براي ان ـ هگزيل و ۴/۶ براي ان ـ اكتيل دي تيوكاربامات افزايش يافت كه اين افزايش α، كاهش تمايل مهاركننده و در مقابل تمايل بيشتر سوبسترا را به ترتيب نشان مي‌دهد.

بيشتر تركيب‌هاي تايولي اثر مهاركنندگي خود را با توانايي شلاته‌كردن Cu^{2+} اعمال مي‌كنند [۳۲]. تركيب‌هاي تيولي متعددي به عنوان مهار كننده تايروزيناز شناسايي شدند كه از آن جمله سيستئين، گلوتاتيون، متيمازول، دي اتيل دي تيوكاربامات و ۲ـ مركاپتوبنزوتيازول را مي‌توان نام برد [۳۷ـ۳۳]. اين تركيب‌ها مشابه تركيب‌هاي دي تيوكارباماتي در مطالعه‌ي كنوني، به دليل سمي بودن و وجود گروه گوگرد كاربرد تغذيه‌اي ندارند، ولي سولفيت در غلظت پايين به عنوان تركيب نگهدارنده در انبارهاي ميوه‌هايي چون سيب و موز به كار مي‌رود. در اين مطالعه‌ها تلاش مي‌شود تا با بررسي اين تركيب‌هاي شناخت مناسبي از ارتباط ساختار و عملكرد آنزيم تايروزيناز به دست آيد. ساير مطالعه‌هاي گروه ما روي تركيب بنزوتيول در pHهاي متفاوت و تركيب‌هاي گزانتات آليفاتيک با ساختاري مشابه همين تركيب‌هاي دي تيوكارباماتي روي واكنش‌هاي كاتكولازي و كرزولازي آنزيم تايروزيناز انجام گرفته است [۳۹،۳۸].

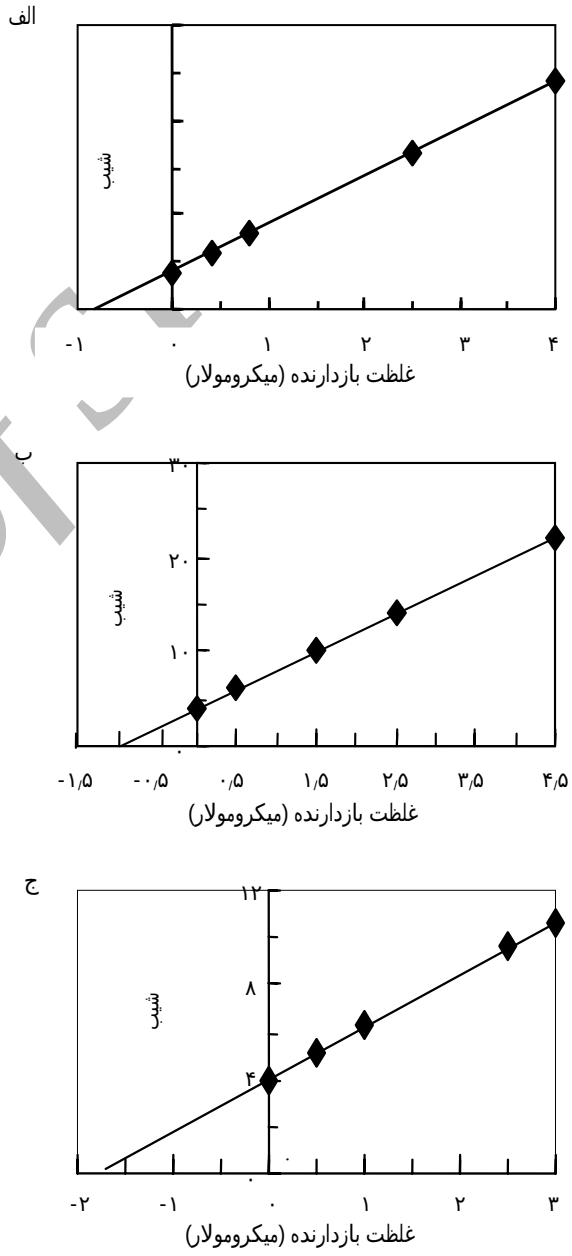
در اين تركيب‌هاي دي تيوكارباماتي، گروه $-NH-$ جاي خود را به اكسيژن در گزانتات‌ها مي‌دهد. مقايسه تركيب‌هاي I، II و III با ساير مهاركننده‌هاي تايروزينازي حاوي گوگرد و نيز مدل مهار اين تركيب‌ها مي‌تواند حاكي از شلاته كردن مس در جايگاه فعال آنزيم باشد. سر قطبي اين تركيب‌هاي دهنده‌ي الكترون است كه روي Cu^{2+} با كوئوردينانس مناسب عمل مي‌كند.



شكل ۵ ـ منحني‌هاي جفت معكوس لاينوورببرك براي فعاليت كرزولاز تايروزيناز در غلظت‌هاي ثابت مهاركننده‌هاي I (الف)، II (ب) و III (ج) در هر سري سوبسترا ترسيم شده است. غلظت هاي ثابت مهار مهاركننده‌عبارت‌انداز: (الف) براي I صفر(■)، ۰/۴(□)، ۰/۸(▲)، ۲/۵(X)، ۴ (Ж) ميكرومولار (ب) براي II صفر(■)، ۰/۵(□)، ۱/۵(▲)، ۲/۵(X)، ۴/۵(Ж) ميكرومولار (ج) براي III صفر(■)، ۰/۵(□)، ۱ (▲)، ۲/۵(X)، ۳(Ж) ميكرومولار.

جدول۱ـ مقدارهاي ثابت مهار کنندگي ترکيب‌هاي دي تيوکارباماتي در واکنش‌هاي کاتکولاز و کرزولاز تايروزيناز.

نوع واکنش	کاتکولاز		کرزولاز
بازدارنده	ثابت بازدارندگي (ميکرومولار)	ضريب اندرکنش	ثابت بازدارندگي (ميکرومولار)
ان ـ بوتيل دي تيوکاربامات	۹/۴	۲/۸	۰/۸
ان ـ هگزيل دي تيوکاربامات	۱۵/۱	۴/۵	۱
ان ـ اکتيل دي تيوکاربامات	۲۸/۵	۴/۶	۱/۸



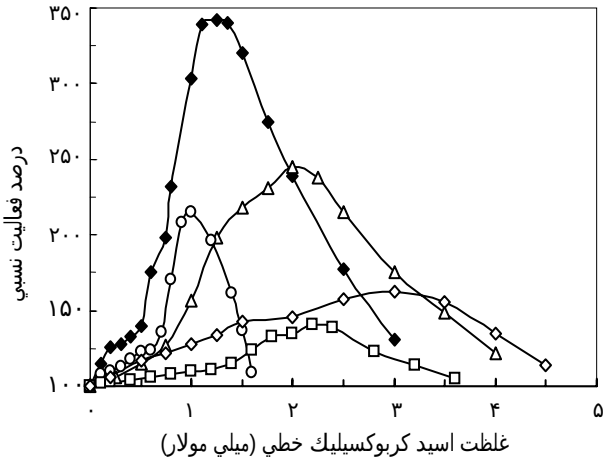
شکل ۶ ـ منحني‌هاي ثانويه شيب نمودارهاي ۴ را در برابر غلظت مهارکننده‌هاي **I** (الف)، **II** (ب) و **III** (ج) نشان مي‌دهند. طول از مبدأ اين منحني‌ها $\mathbf{K_i}$- را نشان مي‌دهد.

مطالعه‌ها نشان مي‌دهند که سوبستراهاي مونو فنل و دي فنل با الگوي متفاوتي با هسته دو مسي تايروزيناز پيوند مي‌شوند. مونوفنل‌ها از راه اکسيژن با يك مس پيوند مي‌شود، اما دي‌فنل‌ها با هر دو مس موضع فعال کوئوردينانس پيدا مي‌کند و ساختار پل‌مانند تشکيل مي‌دهند [۴۰].

پيشنهاد شده است که در هدايت مونو و دي فنل‌ها به موضع فعال تايروزيناز تفاوت فيزيکي وجود دارد و اين تفاوت يك ضرورت تعيين‌کننده براي پيشرفت چرخه‌ي کاتاليتيکي است. مونوفنل‌ها به‌سمت CuA و دي‌فنل‌ها به‌سمت CuB از راه جهت‌گيري يکي از گروه‌هاي هيدروکسيلي خود هدايت مي‌شوند [۴۱]. احتمال دارد که ترکيب‌هاي I ، II و III به سمت CuA در موضع فعال هدايت و با کوئوردينانس مناسب از راه گوگرد و مس باعث نشان دادن يك الگوي رقابتي مهار در فرايند کروزولازي آنزيم مي‌شوند. در مورد فعاليت کاتکولازي الگوي مهاري مختلط نشان از ترکيب مهارکننده با آنزيم به تنهايي (E) و کمپلکس آنزيم ـ سوبسترا (ES) است.

سوبستراي دي فنلي با هدايت به CuB با اين ناحيه اتصال مي‌يابد، در حالي که مهارکننده داراي کوئوردينانس با CuA است. از طرفي مونوفنل‌ها تنها با شکل اکسي تايروزيناز پيوند مي‌يابند، در حالي‌که دي‌فنل‌ها با هر دو شکل اکسي و مت قابليت پيوند دارند [۴۰]. از اين رو، اگر اين مهارکننده‌ها داراي يك ترجيح پيوند با شکل اکسي باشند، مدل مختلط مهار در فعاليت کاتکولاز مي‌تواند منتج از استوکيومتري واکنش باشد. از نظر ديگر، دم آليفاتيك مهار کننده‌هاي I، II و III مي‌تواند تغيير قدرت مهار يا ثابت مهار را توجيه کند.

مطالعات بلور شناسي براي تعيين ساختار هموسيانين و در سال‌هاي اخير کاتکول اکسيد از سيب‌زميني شيربين يك مدل سه بعدي ساختاري را براي تايروزيناز پيشنهاد مي‌کند. در اين مدل مس‌هاي موضع کاتاليتيك در مرکز چهار دسته هليکس در يك پاکت هيدروفوب جايگيري مي‌کنند که نزديك به سطح آنزيم است [۴۱].



شكل۷ـ تغيير فعاليت كاتكولازي تايروزيناز در يک الگوي وابسته به غلظت در مجاورت اسيدهاي پيرووييک(○)، آكريليک(◆)، پروپانوييک(△)، ۲ـ اكسوبوتانوييك (□) و ۲ـ اكسواكتانوييك (◇) مقدارهاي فعاليت نسبي بر اساس نسبت فعاليت در مجاورت اسيد به فعاليت بدون مجاورت آن ترسيم شده است.

K_i ثابت تفكيك كمپلكس آنزيم مهاركننده است و شناخت ارتباط افزايش مقدار آن با افزايش دم مهاركننده نياز به مطالعه‌هاي ساختاري بيشتر با در نظر گرفتن اين پاكت هيدروفوب است.

جهت شناخت اثر بخش كربوكسيليك اسيدها و تأكيد بر اثر بخش‌هاي غير اشباع آن‌ها روي فعاليت آنزيم تايروزيناز، دو فعاليت كاتكولاز و كرزولازي آنزيم به‌ترتيب با استفاده از سوبستراهاي MeBACat و MePAPh در مجاورت غلظت‌هاي متفاوت پيرووييك، آكريليك، پروپانوييك، ۲ـ اكسوبوتانوييك و ۲ـ اكسواكتانوييك مورد بررسي قرار گرفتند.

پس از انكوباسيون آنزيم با غلظت‌هاي متفاوت هر اسيد، با اضافه‌نمودن سوبستراي كاتكولازي MeBACat فعاليت سينتيكي آنزيم مورد سنجش قرار گرفت. نمودارهاي مربوط به فعاليت كاتكولازي آنزيم در شكل ۷ نشان داده شده‌اند. چنانچه مشاهده مي‌شود بسته به نوع اسيد و تعداد كربن آن، با افزايش غلظت اسيد تا حد مشخصي فعاليت نسبي آنزيم به ازاي غلظت ثابتي از سوبسترا ابتدا روند افزايشي و سپس كاهش تدريجي را نشان داد. نقاط با بيشترين فعاليت نسبي براي اسيدهاي پيرووييك، آكريليك، پروپانوييك، ۲ـ اكسوبوتانوئيك و ۲ـ اكسواكتانوييك به ترتيب در غلظت‌هاي ۱، ۱/۲۵، ۲، ۲/۲ و ۳ ميلي‌مولار به دست آمده است. اين روند افزايش نشان مي‌دهد كه با افزايش تعداد كربن اسيدهاي مذكور غلظت مورد نياز براي رسيدن به بيشترين فعاليت نسبي افزايش مي‌يابد. از طرفي ميزان افزايش فعاليت نسبي براي اسيدهاي مذكور به‌ترتيب ۲/۲، ۳/٤، ۲/۵، ۱/٤ و ۱/٦ برابرشده است. يعني اسيدهاي با تعداد كربن كمتر افزايش بيشتري را در فعاليت آنزيم القا مي‌كنند.

در يك نگاه مي‌توان گفت اين اسيدها به‌عنوان يك متأثركننده يا به عبارت بهتر يك فعال‌كننده فعاليت كاتكولازي، در غلظت‌هاي پايين با يك تغيير كوچک در ساختار منجر به افزايش دستيابي سوبسترا به موضع فعال آنزيم و در نتيجه افزايش فعاليت آنزيم مي‌شوند، و در غلظت‌هاي بالا نيز با بر هم زدن ساختار آنزيم باعث افت فعاليت آن مي‌شوند. در نگاه دوم مي‌توان به اهميت بخش كربوكسيليك اين گروه اسيدها اشاره كرد.

در اينجا فعاليت كرزولازي آنزيم در مجاورت سوبستراي منوفنلي MePAPh و بعد از انكوباسيون آن با غلظت مناسب از هر يك از اسيدهاي مذكور سنجش شد.

اين اسيدها اثر مهاري در فعاليت آنزيم نشان دادند. پس از ترسيم نمودارهاي جفت معكوس لاينوويربرك براي شناخت مد مهاركنندگي اين آنزيم‌ها نمودارهاي مربوط در شكل ۸ رسم شدند. در اينجا بهترين خط‌ها قابل انطباق بر نقاط به دست آمده با روش جايگزيني رسم و با كمك اين خط‌ها نمودارهاي ثانويه به دست آمدند.

اين نقاط با استفاده از ميانگين سه عدد به دست آمده از فعاليت آنزيم ترسيم شده‌اند.

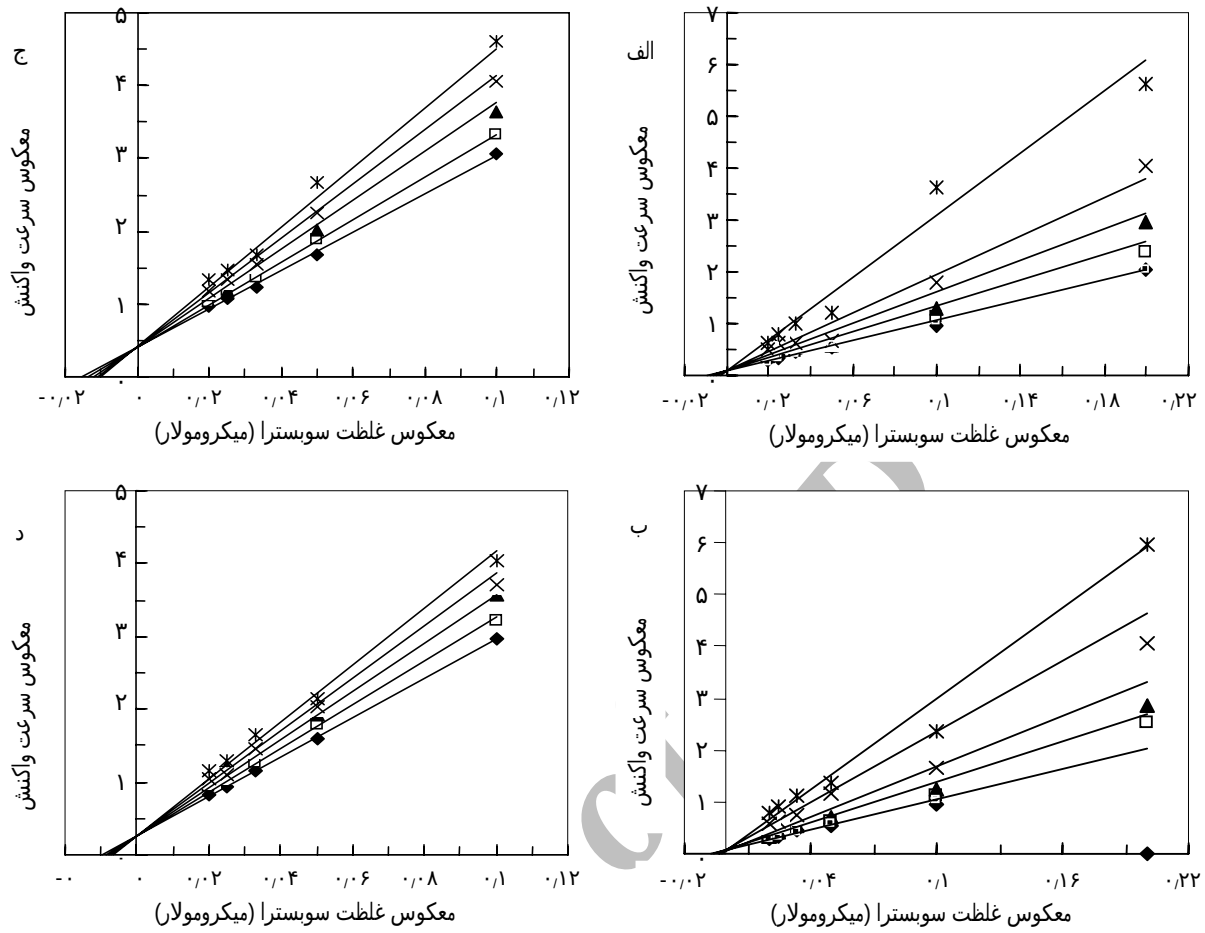
نمودارهاي الحاقي مربوط به اين شكل‌ها همان نمودارهاي ثانويه در شكل ۹ هستند كه از ترسيم شيب خط‌ها حاصل از نمودارهاي اوليه در برابر غلظت مهاركننده به دست آمده‌اند.

طول از مبدأ اين نقاط ثابت مهاركنندگي يا K_i اين اسيدها را نشان مي‌دهد. مقدارهاي K_i براي اسيدهاي پيرووييك، آكريليك، ۲ـ اكسوبوتانوييك و ۲ـ اكسواكتانوييك اسيد به ترتيب ۰/۳٦، ۰/۷۵، ۳/٦ و ٤/۵ ميلي‌مولار به دست آمد.

اين تركيب‌ها داراي الگوي مهار رقابتي بودند. اما پروپانوئيك اسيد الگوي مهار ضد رقابتي نشان داد.

در بررسي دليل اين مهار بايد به اهميت همان بخش كربوكسيليك اين اسيدها و نيز نحوه عملكرد موضع فعال آنزيم تايروزيناز با سوبستراهاي منوفنلي و دي فنلي پرداخت.

در پيش واكنش يون‌هاي فلزي از جمله Cu^{2+} و Ni^{2+} با اسيدهايي مانند كافئيك اسيد و كوماريك اسيد به عنوان سوبستراهاي دي‌فنلي و مونوفنلي تايروزيناز مطالعه شدند [۴۲].



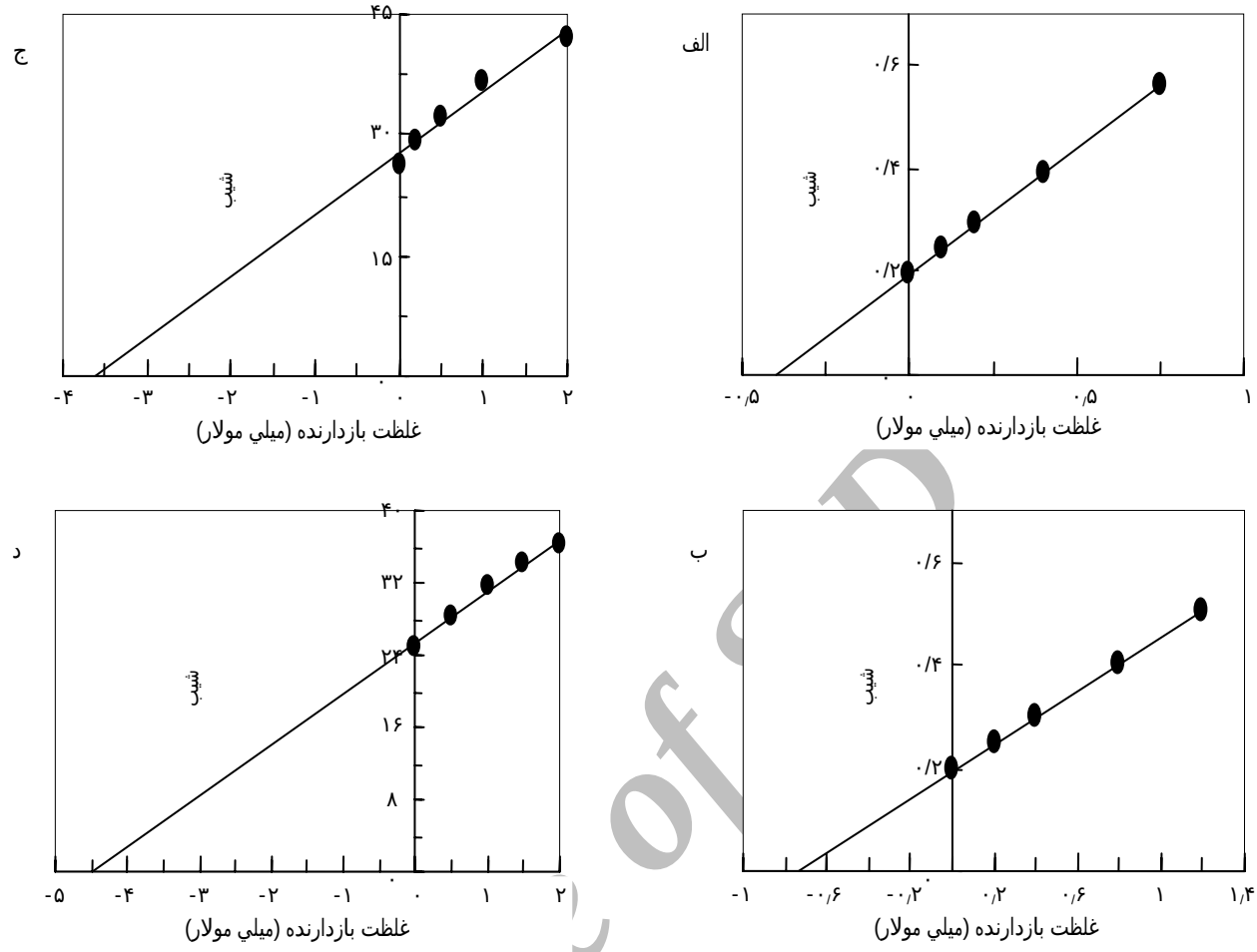
شکل۸ ـ منحني‌هاي جفت معکوس لاينووربرک براي فعاليت کرزولاز تايروزيناز در غلظت‌هاي ثابت مهارکننده در هر سري سوبسترا ترسيم شده است. غلظت‌هاي ثابت مهارکننده عبارت‌انداز: (الف) صفر(■)، ۰٫۱(□) ، ۰٫۲(▲) ، ۰٫۴(X) ، ۰٫۷۵ (Ж) ميلي مولار براي اسيد پيروييک؛ (ب) صفر(■)، ۰٫۲(□) ، ۰٫۴(▲) ، ۰٫۸(X) ، ۱٫۲ (Ж) ميلي مولاربراي اسيد اکريليک؛ (ج) صفر(■)، ۰٫۲(□) ، ۰٫۵(▲) ، ۱(X) ، ۲ (Ж) ميلي مولار براي ۲ـ اکسوبوتانوييک اسيد؛ (د)صفر(■)، ۰٫۵(□) ، ۱(▲) ، ۱٫۵(X) ، ۲ (Ж) ميلي مولار براي و ۲ـ اکسواکتانوييک اسيد.

آن‌ها متوسط انتهاي فنلي يا کربوکسيلي خود با موضع فعال آنزيم واکنش مي‌دهند.

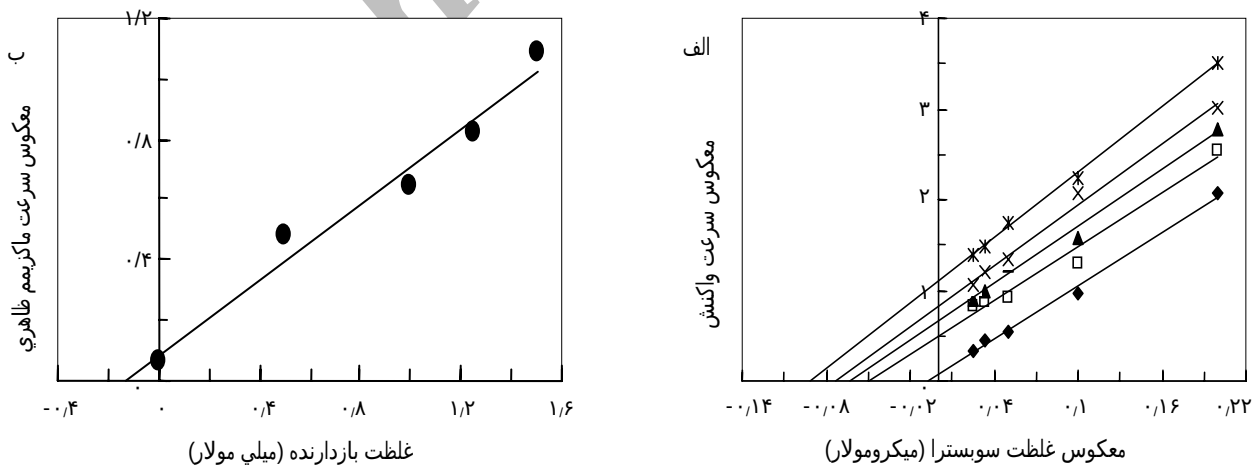
از طرفي در بررسي ما آسپارتيك اسيد به عنوان يك اسموليت در غلظت بالا اثر مهاري از خود نشان مي‌دهد.

مهم‌ترين مشخصه قابل اشاره در اين ترکيب نيز بخش کربوکسيلي آن بود.

نقطه مشترك همه مطالعه‌ها در مورد تأثير اسيدهاي کربوکسيليك آروماتيك روي آنزيم تايروزيناز، بر اثر مهاري آن‌ها تأکيد دارد. در سري‌هاي بنزوييك اسيد، استريفيه کردن گروه کربوکسيل به‌طور وسيعي خاصيت مهاري را کاهش مي‌دهد، اما آن را به طور کامل بلوکه نمي‌کند و تمايل مولکول براي آنزيم هنوز وجود دارد [۴۳]. وقتي يك گروه کربوکسيليك به‌طور مستقيم به يك حلقه بنزني (سري‌هاي بنزوييك اسيد) و يا به‌صورت مزدوج با يك پيوند دوگانه (گروه‌هاي سينامیك يا سورييك اسيد) اتصال دارد، اين گروه کربوکسيليك مي‌تواند با مس موجود در موضع فعال کمپلکس تشکيل‌دهد چنين اثري در مورد کافئيك اسيد و پروتوکاتکوييك اسيد ديده مي‌شود [۴۶ـ۴۴]. در اينجا بايد به موقعيت کربوکسيليك اسيدهاي به‌کار برده شده اشاره کرد که چسبيده به کربن sp^2 مي‌باشد و اين ساختار به‌ويژه در نحوه جهت‌گيري و اتصال با مس موجود در موضع فعال آنزيم بسيار حائز اهميت است. چنانچه در پيش بيان‌شد آنزيم تايروزيناز داراي موضع فعال با هسته دو مسي است که ساختار اين موضع فعال مي‌تواند از شکل‌هاي اکسي (oxy)، دي‌اکسي (dioxy) و مت (met) پيروي کند [۴۷]. سوبستراهاي مونوفنلي و دي فنلي با الگوي متفاوتي به موضع فعال آنزيم اتصال مي‌يابند.



شكل ۹ـ منحني‌ثانويه شيب نمودارهاي بالا را را در برابر غلظت مهاركننده با طول از مبدأ $-K_i$ را براي مهاركننده‌هاي: اسيد پيرووييک (الف)؛ اسيد اكريليک (ب)؛ ۲ـ اكسوبوتانوييك اسيد (ج) و۲ـ اكسواكتانوييك اسيد (د) نشان مي‌دهد.



شكل ۱۰ـ منحني‌هاي جفت معكوس لاينووربرك براي فعاليت كرزولاز تايروزيناز در غلظت‌هاي ثابت اسيد پروپانوييك به‌عنوان مهاركننده در هر سري سوبسترا رسم شده است (الف)؛ منحني‌ثانويه شيب نمودارهاي بالا را در برابر غلظت مهاركننده با طول از مبدأ $-K_i$ نشان مي‌دهد (ب)؛ غلظت‌هاي ثابت مهاركننده عبارت‌انداز: صفر(■)، ۰٫۱ (□) ، ۰٫۲ (▲) ، ۰٫٤ (X) ، ۰/۷۵ (Ж) ميلي مولار.

جدول ۲ـ نوع عملكرد اسيدها بر روي دو واكنش كاتكولاز و كرزولاز آنزيم

نوع فعاليت / نوع اسيد	كاتكولاز		كرزولاز	
	ماكسيمم فعاليت نسبي (درصد)	غلظت اپتيمم (مولار)	ثابت بازدارندگي (ميلي مولار)	نوع بازدارندگي
پيروئيک اسيد	۲۱۵	۱	۰/۳۶	رقابتي
آكريليک اسيد	۳۴۲	۱/۲۵	۰/۷۵	رقابتي
پروپانوئيک اسيد	۲۴۵	۲	۰/۱۴	ضد رقابتي
۲ـ اكسو بوتانوئيک اسيد	۱۴۰	۲/۲	۳/۶	رقابتي
۲ـ اكسو اكتانوئيک اسيد	۱۶۳	۳/۲	۴/۵	رقابتي

مونوفنل‌ها از راه اكسيژن فنلي خود با يك مس اتصال مي‌يابند، در صورتي‌كه دي فنل از راه هر دو اكسيژن فنلي با موضع فعال كوئوردينانس تشكيل مي‌دهند و يك ساختار پل‌مانند مي‌سازند [۴۰]. چنين پيشنهاد شده كه يك تفاوت فيزيكي در مورد هدايت گروه‌هاي هيدروكسيلي به موضع فعال تايروزيناز وجود دارد [۴۸]. مونوفنل‌ها تنها با اكسي تايروزيناز پيوند مي‌يابند و دي فنل‌ها هم با شكل مت و هم اكسي تركيب مي‌شوند [۴۰]. در مورد دي‌فنل‌ها در واكنش كاتكولاز با توجه به ساختار خود و نحوه هدايت ابتدا با CuB اتصال مي‌يابد، در حالي‌كه هدايت مونوفنل‌ها در واكنش كرزولاز به سمت CuA مي‌باشد [۴۰]. اطلاعات بلور شناسي هموسيانين‌ها و در سال‌هاي اخير كاتكول اكسيداز سيب‌زميني شيرين نشان مي‌دهند كه در مدل ساختار سه بعدي خانواده تايروزيناز، موضع كاتاليتيك حاوي مس در يك مركز حاوي چهار دسته هليكس در يك پاكت هيدروفوب نزديك سطح قرار مي‌گيرد [۴۱]. در هر حال اين موضع فعال طوري واقع است كه تركيب‌هاي مونوفنلي به وسيله‌ي مناسبي به سمت CuA در انتهاي اين پاكت هدايت مي‌شوند. از طرفي طبق مطالعه‌هاي اشاره شده نگاه دوم به اسيدهاي به كار برده شده به كوئوردينانس بخش هيدروكسيليك آن‌ها با مس موجود در موضع فعال است. هدايت اين اسيدهاي خطي با داشتن بخش هيدروكسيليك متصل به يك كربن sp^2 احتمالاً به سمت CuA است. شواهدي كه نشان از اختصاصي بودن سوبستراها و مهاركننده‌هاي تايروزيناز است، با جايگزيني‌هاي متفاوت پلي‌فنل‌ها و اسيدهاي كربوكسيليك آروماتيك به دست آمده است [۴۹و۵۰]. اسيدهاي دي كربوكسيليك آليفاتيك با تعداد كربن ۸ تا ۱۳ به‌عنوان مهاركننده‌هاي پلي فنل اكسيداز گزارش شده‌اند [۵۱]. مد مهار رقابتي اين اسيدها در فعاليت كرزولازي آنزيم رقابت آن‌ها با سوبستراي مونوفنلي در دسترسي به موضع فعال آنزيم را نشان مي‌دهد و وجود الگوي ضد رقابتي در پروپانوييک اسيد نشان مي‌دهد كه اين تركيب پس از پيوستن سوبسترا به آنزيم قابليت پيوند را دارد.

اين بـه معنـي احتمال تغيير در ساختـار آنزيـسم و در دسترس قرار گرفتن مكاني جهت پيوند بازدارنده است. از آنجا كه هم سوبستراهاي مونوفنلي و احتمالاً هم اسيدهاي مذكور، تمايل به پيوند با CuA را دارند، براي رسيدن به موضع مذكور با هم رقابت مي‌كنند. در همه اين اسيدها ثابت بازدارندگي (K_i) با طويل شدن دم آليفاتيک روند افزايشي نشان مي‌دهد. احتمالا" سوبستراهاي مونوفنلي و دي فنلي در دست يابي به موضع فعال آنزيم متفاوت عمل مي‌كنند، و اين تفاوت با در نظر گرفتن سر قطبي بازدارنده عامل اصلي تعيين كننده نوع بازدارندگي است. اين ثابت مهار در واقع عكس ثابت تمايل مهاركننده به آنزيم (K_a) است، يعني اين كاهش تمايل اسيدها به آنزيم با افزايش دم كربني و يا هيدروفوبيسيتي آن‌هاست. براي آنزيمي مانند تايروزيناز كه به عنوان كاتاليز كننده سوبستراهاي متعددي عمل مي‌كند، برهم‌كنش خود سوبسترا با پاكت هيدروفوب اطراف موضع فعال اساسا" دستيابي آن‌هـا را جهت ايجـاد كوئوردينانس منـاسب بـا مس موجـود در اين موضع تحت تأثير قرار مي‌دهند.

اگر چه نحوه هدايت سوبستراهاي فنلي با اندازه‌ي متفاوت بـه سمت موضع فعـال نبايـد خيلي متفاوت باشـد ولـي روشي كـه باقيمانده‌هاي اين سوبستراها در پاكت هيدروفوب موضع فعال مدفون مي‌شوند، به نحو قابل توجهي مي‌تواند متفاوت باشد.

بنابراين، تغييرهاي كلي در ساختار سه بعدي (صورت بندي) آنزيم، ناشي از برهم‌كنش سر و اسكلت سوبستـراها با پاكت هيدروفوب آنزيم هستند. به روش مشابهي اين تفسير را مي‌توان براي مهاركننده‌هاي آنزيم به كاربرد، به ويژه آن‌هايي كه ساختار مشابه سوبسترا دارند.

بر همين اساس افزايش ثابت بازدارندگي (K_i) اين اسيدهاي

خطي در جدول ۲ به معناي كاهش تمايل آن‌ها به موضع فعال است و اين اثر به ويژه زماني اهميت پيدا مي‌كند كه آن‌ها به عنـوان متأثر كننده فعاليت آنزيم در كنـار سوبسترا درنظر گرفته شوند و اثرشان در اين شرايط مهاري است.

نتيجه گيري

مقايسه قدرت بازدارندگي مقدارهاي ثابت بازدارندگي (K_i) تركيب‌هاي دي تيوكارباماتي و اسيدهاي به كار رفته نشان مي‌دهد كه در هر دوي اين سري تركيب‌ها با افزايش طول دم غير قطبي ثابت مهار افزايش و در نتيجه تمايل بازدارنده به آنزيم كم مي‌شود. نقطه مشترک ديگر در اين مطالعه نوع مهار رقابتي اين تركيب‌ها در بيشتر واكنش‌ها بود كه نشان از درگير شدن سر قطبي اين تركيب‌ها با مس موجود در موضع فعال آنزيم مي‌باشد. تغييرهاي ساختاري آنزيم و به ويژه دست‌يابي سر قطبي تركيب‌ها با مس موجود در موضع فعال و نيز احتمال درگيري دم غيرقطبي با دسته‌هاي هليكس تشكيل‌دهنده پاكت هيدروفوب اطراف اين موضع فعال آنزيم و در نتيجه تغيير ثابت مهار با تغيير طول دم تركيب‌ها، نياز به مطالعه بيشتر از جمله استفاده از فن طيف سنجي جذب پرتو ايكس (EXAFS) است.

Abbreviations: Mushroom Tyrosinase (MT);
Inhibition constants (K_i); Agaricus bisporus (A. bisporus);
4-[(4-methylphenyl) azo]-phenol (MePAPh);
4-[(4-methylbenzo) azo]-1,2-benzenediol (MeBACat);
Phosphate buffer solution (PBS);
Enzyme-substrate (ES): Enzyme (E);
3,4-Dihydroxyphenylalanine (DOPA);
Extended X-ray Absorption Fine Structure (EXAFS);
Copper A (CuA); Copper B (CuB)

تاريخ دريافت: ۸۶/۱۱/۱۰ ، تاريخ پذيرش: ۸۷/۸/۲۰

مراجع

[1] Bourquelot, E. and Bertrand, A.A., Re-Examination of the Raper's Scheme: Cyclodopa as a Biological Precursor of Eumelanin, *C.R. Soc. Biol.*, **47**, p. 582 (1895).

[2] Vanneste, W.H. and Zuberbuhler, A., Copper Containing Oxygenases. In "Molecular Mechanism of Oxygen Activation", Nayaishi, O., ed.; Academic Press: New York, pp. 371-404 (1974).

[3] Lerch, K., Copper Monooxygenases: Tyrosinase and Dopamine â-Monooxygenase. In "Metal Ions in Biological Systems", Sigel, H., Ed.; Dekker: New York, pp. 143-186 (1981).

[4] Mayer, A.M., Polyphenol Oxidases in Plants: Recent Progress, *Phytochemistry*, **26**, p. 11 (1987).

[5] Zawistowski, J., Biliaderis, C.G. and Eskin, N.A.M., Polyphen-Oloxidase. In "Oxidative Enzymes in Foods", Robinson, D.S., Eskin, N.A.M., ed., Elsevier Science: London, U.K., pp. 217-273 (1991).

[6] Pawelek, J.M. and Korner, A., The Biosynthesis of Mammalian Melanin, *Am. Sci.*, **70**, p. 136 (1982).

[7] Mayer, A.M. and Harel, E., Polyphenoloxidases in Plants, *Phytochemistry*, **18**, p. 193 (1979).

[8] Korner, A. and Pawelek, J., Mammalian Tyrosinase Catalyzes Three Reactions in the Biosynthesis of Melanin, *Science*, **217**, p. 1163 (1982).

[9] Schoot-Uiterkamp, A.J.M. and Mason, H.S., Magnetic Dipole-Dipole Coupled Cu(II) Pairs in Nitric Oxide-Treated Tyrosinase: A Structural Relationship Between the Active Sites of Tyrosinase and Hemocyanin, *Proc. Natl. Acad. Sci. U.S.A.*, **70**, p. 993 (1973).

[10] Nishioka, K., Particulate Tyrosinase of Human Malignant Mela-Noma Solubilization Purification Following Trypsin Treatment and Characterization, *Eur. J. Biochem.*, **85**, p. 137 (1978).

[11] Sanchez-Ferrer, A., Villalba, J. and Garcia-Carmona, F., Triton X-114 as a Tool for Purifying Spinach Polyphenol Oxidase, *Phytochemistry*, **28**, p. 1321 (1989).

[12] Sanchez-Ferrer, A., Bru, R. and Garcia-Carmona, F., Partial Purifica-Tion of a Thylakoid-Bound Enzyme Using Temperature-Induced Phase Partitioning, *Anal. Biochem.,* **184**, p. 279 (1990).

[13] van Gelder, C.W., Flurkey, W.H., Wichers, H.J., Sequence and Structural Features of Plant and Fungal Tyrosinases, *Phytochemistry,* **45**, p. 1309 (1997).

[14] Bouchilloux, S., McMahill, P. and Mason, H.S., The Multiple Forms of Mushroom Tyrosinase, *J. Biol. Chem.,* **238**, p. 1690 (1963).

[15] Jolley, R.L., Robb D.A. and Mason, H.S., The Multiple Forms of Mushroom Tyrosinase. Association-Dissociation phenomena., *J. Biol. Chem.,* **244**, p. 1593 (1969).

[16] Taylor, S.L. and Bush, R.K., Sulfites as Food Ingredients, *Food Technol.,* **40**, p. 47 (1986).

[17] Ohyama, Y. and Mishima, Y., Melanogenesis Inhibitory Effects of Kojic Acid and Its Action Mechanism*, Fragrance J.,* **6**, p. 53 (1990).

[18] Palumbo, A., d'Ischia, M., Misuraca, G. and Prota, G., Mechanism of Inhibition of Melanogenesis by Hydroquinone, *Biochim. Biophys. Acta,* **1073**, p. 85 (1991).

[19] Maeda, K. and Fukuda, M., In Vitro Effectiveness of Several Whitening Cosmetic Components in Human Melanocytes, *J. Soc. Cosmet.Chem.,* **42**, p. 361 (1991).

[20] Kubo, I. and Yokokawa, Y., Two Tyrosinase Inhibiting Flavonol Glycosides from Buddleia Coriacea, *Phytochemistry,* **31**, p. 1075 (1992).

[21] Kubo, I., Yokokawa, Y.and Kinst-Hori, I., Tyrosinase Inhibitors from Bolivian Medicinal Plants, *J. Nat. Prod.,* **58**, p. 739 (1995).

[22] Kubo, I. and Kinst-Hori, I., Flavonols from Saffron Flower: Tyrosinase Inhibitory Activity and Inhibition Mechanism, *J. Agric. Food Chem.,* **47**, p. 4121 (1999).

[23] Kubo, I., Kinst-Hori, I., Ishiguro, K., Chaudhuri, S.K., Sanchez, Y. and Ogura, T., Tyrosinase Inhibitory Flavonoids from Heterothecainuloides and Their Structural Functions, *Bioorg. Med. Chem. Lett.,* **4**, p. 1443 (1994).

[24] Chen, Q.X. and Kubo, I., Kinetics of Mushroom Tyrosinase Inhibition by Quercetin, *J. Agric. Food Chem.,* **50**, p. 4108 (2002).

[25] Ha, T.J., Yang, M.S., Jang, D.S., Choi, S.U. and Park, K.H., Inhibitory Activities of Flavanone Derivatives Isolated from Sophora Flavescens for Melanogenesis, *Bull. Korean Chem. Soc.,* **22**, p. 97 (2001).

[26] Kubo, I., Kinst-Hori, I., Chaudhuri, S.K., Kubo, Y., Sanchez, Y. and Ogura, T., Flavonols from Heterotheca inuloides: Tyrosinase Inhibitory Activity and Structural Criteria, *Bioorg. Med. Chem.,* **8**, p. 1749 (2000).

[27] Badria, F.A. and Gayyar, M.A., A New Type of Tyrosinase Inhibitors from Natural Products as Potential Treatments for Hyperpigmentation, *Boll.Chim.Farma.,* **140**, p. 267 (2001).

[28] No, J.K., Soung, D.Y., Kim, Y.J., Shim, K.H., Jun, Y.S., Rhee, S.H., Yokozawa, T. and Chung, H.Y., Inhibition of Tyrosinase by Green Tea Components, *Life Sci.,* **65**, p. 241 (1999).

[29] Kim, J.H., Sapers, G.M. and Choi, S.W., Identification of Tyrosinase Inhibitor from Galla Rhois, *Food Sci. Biotechnol.,* **7**, p. 56 (1998).

[30] Menon, S., Fleck, R.W.,Yong, G. and Strothkamp, K.G., Benzoic Acid Inhibition of R, â and ç Isozymes of Agaricus Bisporus Tyrosinase, *Arch. Biochem. Biophys.,* **280**, p. 27 (1990).

[31] Kermasha, S., Goetghebeur, M., Monfette, A., Metchet, M. and Rovelt, M., Inhibitory Effects of Cysteine and Aromatic Acids on Tyrosinase Activity, *Phytochemistry,* **34**, p. 349 (1993).

[32] Hanlon, D.P. and Shuman, S., Copper Ion Binding and Enzyme Inhibitory Properties of the Antithyroid Drug Methimazole, *Experimentia,* **31**, p. 1005 (1975).

[33] Pierpoint, W.S., The Enzymic Oxidation of Cholorogenic Acid and Some Reactions of the Quinine Produsd, *Biochem. J.,* **98**, p. 567 (1966).

[34] Seiji, M., Yashida, T., Itakura, H. and Irimajiri, T., Inhibition of Melanin Formation Bye Sulfhydryl Compounds, *J. Investig. Dermatol.,* **52**, p. 280 (1969).

[35] Hanlon, D.P. and Shuman, S., Copper Ion Binding and Enzyme Inhibitory Properties of the Antithyroid Drug Methimazole, *Experientia,* **31**, p. 1005 (1975).

[36] Anderson, J.W., Extraction of Enzyme and Sub Cellular Organelles from Plant Tissues, *Phytochemistry,* **7**, p. 1973 (1968).

[37] Palmer, J.K. and Robbert, J.B., Inhibition of Banana Polyphenol Oxidase by 2-Mercapto-benzothiazole, *Science,* **157**, p. 200 (1967).

[38] Saboury, A.A., Zolghadri, S., Haghbeen, K. and Moosavi-movahedi, A.A., The Inhibitory Effect of Benzenethiol on the Cresolase and Catecholase Activities of Mushroom Tyrosinase, *J. Enz. Inhib. Med. Chem.,* **21**, p. 711 (2006).

[39] Alijanzadeh, M., Saboury, A.A., Mansuri-Torshizi, H., Haghbeen, K. and Moosavi-Movahedi, A.A., The Inhibitory Effect of Some New Synthesized Xanthates on Mushroom Tyrosinase Activities, *J. Enz. Inh. Med. Chem.,* **22**, p. 239 (2007).

[40] Wilcox, D.E., Porras, A.G., Hawang, Y.T., Lerch, K., Winker, M.E. and Solomon, E.I., Substrate Analogue Binding to Coupled Binuclear Copper Active Site in Tyrosinase, *J. Am. Chem. Soc.,* **107**, p. 4015 (1985).

[41] Klabunde, T., Eicken, C., Sacchettini, J.C. and Krebs, B., Crystal Structure of a Plant Catechol Oxidase Containing a Dicopper Center, *Nat. Struct. Biol.,* **5**, p. 1084.

[42] Gheibi, N., Saboury, A.A. and Haghbeen, K., Substrate Construes the Copper and Nickel Ions Impacts on the Mushroom Tyrosinase Activities, *Bull. Korean Chem. Soc.,* **27**, p. 642 (2006).

[43] Colaco, C., Sen, S., Tangavelu, M., Pinder, S., and Roser, B., Extraordinary Stability of Enzymes Dried in Trehalose: Simplified Molecular Biology, *Biotechnology,* **10**, p. 1007 (1992).

[44] Pifferi, P.G., Baldassari, L. and Cultera, R., Inhibition by Carboxylic Acids of an O-Diphenol Oxidase from Prunus Avium fruits, *J. Sci. Food Agric.,* **25**, p. 263 (1974).

[45] Janovitz-Klapp, A., Richard, F., Goupy, P. and Nicolas, J., Inhibition Studies on Apple Polyphenol Oxidase., *J. Agric. Food Chem.,* **38**, p. 926 (1990).

[46] Janovitz-Klapp, A., Richard, F. and Nicolas, J. J., Polyphenol Oxidase from Apple Partial Purification and sSme Properties, *Phytochemistry,* **28**, p. 2903 (1989).

[47] Fenoll, L.G., Rodriguez-Lopez, J.N., Garcia-Sevilla, F., Garcia-Ruis, P.A., Varon, A., Garcia-Canovas, F. and Tudela, J., Analysis and Interpretation of the Action Mechanism of Mushroom Tyrosinase on Monophenols and Diphenols Generating Highly Unstable O-Quinone, *Biochim. Biophys. Acta* ,**1545**, **p.** 1 (2001).

[48] Olivares, C., Garcia-Boron, J.C. and Solano, F., Identification of Active Site Residues Involved in Metal Cofactor Binding and Stereospecific Substrate Recognition in Mammalian Tyrosinase: Implication to the Catalytic Cycle, *Biochemistry,* **41**, p. 679 (2002).

[49] Meon, S., Fleck, R.W., Yong, G. and Strothkamp, K.G., Benzoic Acid Inhibition of the α, β and γ Isosymes of Agaricus Bisporus Tyrosinase, *Arch. Biochem. Biophys.,* **280**, p. 27 (1990).

[50] Kermasha, S., Goetghebeur, M., Monfette, A., Metchet, M. and Rovelt, M., Inhibitory Effects of Cysteine and Aromatic Acid on Tyrosinase Activity, *Phytochemistry*, **34**, p. 349 (1993).

[51] Prota, G., "Melanins and Melanogenesis", Academic Press, San Diego (1992).