

مقایسه نقاط سازمان دهنده هستکی در تومورهای خوش‌خیم و بدخیم تیروئید در بیماران تیروئیدکتونی شده

دکتر بهار جعفری، دکتر نیلوفر مرتضوی، دکتر رامبد حاجی‌پور

چکیده: افزایش تعداد نقاط سازمان دهنده هستکی (Ag NORs) در هسته سلول‌ها نشان‌دهنده افزایش سنتز DNA یا فعالیت‌های متابولیک سلول است. اخیراً استفاده از شمارش میانگین نقاط سازمان دهنده هستکی با رنگ‌آمیزی نیترات نقره به عنوان شاخصی برای تشخیص بین بافت‌های طبیعی، هیپرپلاستیک و دیسپلاستیک مطرح شده است. هدف از این مطالعه تشخیص افتراء و سریع بین انواع خوش‌خیم و بدخیم تومورهای تیروئید از لحاظ پاتولوژی و تشخیص زودرس ضایعات تومورال هیپرپلاستیک از بافت طبیعی می‌باشد. این مطالعه از نوع Clinical diagnosis است که نمونه‌های فایل شده بیماران تیروئیدکتونی در بیمارستان طالقانی دانشگاه علوم پزشکی و خدمات بهداشتی درمانی شهید بهشتی در سال‌های ۷۷-۷۰ مورد بررسی قرار گرفته است. در این تحقیق ۶۵ بلوک پارافین مربوط به تومورهای خوش‌خیم و بدخیم تیروئید به عنوان گروه مورد و تعداد مساوی از بلوک بافت طبیعی همان بیماران به عنوان گروه شاهد مورد بررسی قرار گرفته است. از لامهای ۶۵ بیمار تیروئیدکتونی شده ۴ بیمار تومور خوش‌خیم و ۶۱ بیمار تومور بدخیم تیروئید داشتند. در بررسی کلی این ۶۵ بیمار، میانگین NORs در بافت تومورال 0.59 ± 0.18 بود. بررسی بعدی مقایسه بین بافت تومورال خوش‌خیم و بدخیم بود که میانگین NORs در بافت تومورال بدخیم 0.58 ± 0.09 و در بافت تومورال خوش‌خیم 0.46 ± 0.08 و این تفاوت معنی‌دار بود ($P < 0.005$). در نهایت در بین ۴ گروه آنالیز واریانس صورت گرفت و آنچه بدست آمد، اختلاف معنی‌داری بین گروه‌های زیر می‌باشد: ۱) قسمت تومورال سرطان‌های بدخیم با قسمت طبیعی بافت همان بیماران؛ ۲) قسمت تومورال سرطان‌های خوش‌خیم با قسمت طبیعی بافت همان بیماران؛ ۳) قسمت تومورال سرطان‌های بدخیم با قسمت تومورال سرطان‌های خوش‌خیم. در خاتمه با استفاده از روش ROC مشخص گردید اگر تعداد NORs شمارش شده در ۱۰۰ سلول بافت تیروئید بیش از ۱۷۰ باشد این بافت با حساسیت ۹۸/۵٪ و ویژگی ۹۸/۵٪ efficiency تومورال است و اگر تعداد NORs شمارش شده در ۱۰۰ سلول بافت تیروئید بیش از ۲۰۰ باشد، این بافت با حساسیت ۸۸/۵٪ و ویژگی ۷۵٪ efficiency است. با گسترش و متانالیز طرح‌های مشابه این طرح می‌توان به آستانه (Cut off point) مناسبی جهت جداسازی بافت طبیعی، تومورال و بدخیمی تیروئید به روش رنگ‌آمیزی با نیترات نقره NORs رسید و آن را جایگزین روش‌های قدیمی نمود.

واکان گلیدی: تیروئید، تومور، نقاط سازمان دهنده هستکی، رنگ‌آمیزی نیترات نقره

مقدمه

آدنوم خوشخیم تیروئید پیش آگهی بسیار خوبی دارد و بر خلاف آن تشخیص کارسینوم فولیکول تیروئید به معنای ۷۰٪ مرگ و میر پنج ساله است.^{۱,۲}

تشخیص افتراقی بین انواع خوشخیم و بدخیم تومورهای تیروئید، خصوصاً تومورهای فولیکول تیروئید یکی از مشکلات همیشگی مطرح در مباحث تومورهای تیروئید می‌باشد،^{۳,۴} به طوری که در بعضی موارد تنها تفاوت در رنگ‌آمیزی‌های معمول H&E بین انواع خوشخیم آدنوما و کارسینومای فولیکول تیروئید، تهاجم به عروق و کپسول می‌باشد که وجود یا عدم آن همیشه به آسانی اثبات نمی‌شود.^{۵-۷} از طرفی تشخیص نوع تومور بدخیم نیز در پیش آگهی سیر بیماری تأثیر دارد.^{۲-۸}

اخیراً استفاده از نقاط سازمان دهنده هستکی‌ها و رنگ‌آمیزی نیترات نقره به عنوان شاخص برای تشخیص بین بافت‌های طبیعی، هیپرپلاستیک، دیسپلاستیک و سرطانی مطرح شده است.^{۹-۱۵}

نواحی سازمان دهنده هستکیⁱ (NORs) عبارت است از حلقه‌ها یا قطعاتی از DNA در مرحله اینترفاز، در داخل هسته که بوسیله RNA پلی‌مراز I به RNA ریبوزومال (rRNA) ترجمه می‌گردند. افزایش تعداد نقاط Ag NORsⁱⁱ در هسته سلول‌ها نشان دهنده انعکاسی از افزایش سنتز DNA و یا فعالیت‌های سلول در

مواد و روش‌ها

در این تحقیق بلوک‌های پارافینی مربوط به بیماران دارای تومورهای خوشخیم و بدخیم تیروئید فایل شده در آرشیو بیمارستان طالقانی در طی سال‌های ۷۰-۷۷ مورد بررسی قرار گرفته‌اند و در همان بیماران بلوک‌های پارافینی با بافت طبیعی تیروئید نیز مورد بررسی قرار گرفته‌اند.

iii- Hasheron

i- Nucleolar Organizer Regions

ii- Argyrophilic Nucleolar Organizer Regions

گروه مورد و $1/18 \pm 0/15$ ذره در گروه شاهد؛
($P < 0/001$)

جدول ۱- توزیع فراوانی بر حسب نوع تومورها

تومور	شاخص‌ها	تعداد	درصد (%)
		(n)	
پاپیلری کارسینومای تیروئید		۲۱	۳۷/۷
پاپیلری کارسینومای تیروئید (نوع فولیکولر)		۱۱	۱۶/۸
هرتل سل کارسینومای تیروئید		۸	۱۲/۳
مدولاری کارسینومای تیروئید		۴	۶/۲
فولیکولر کارسینومای تیروئید		۴	۶/۲
آنابلاستیک کارسینومای تیروئید		۲	۴/۶
هرتل سل آدنومای تیروئید		۲	۳/۱
فولیکولر آدنومای تیروئید		۲	۳/۱
جمع		۶۵	۱۰۰

در مقایسه NORS در بافت تومورال و طبیعی در تومورهای بدخیم، اختلاف این دو میانگین از نظر آماری معنی‌دار بود ($2/69 \pm 0/58$) ذره در گروه شاهد؛ $1/18 \pm 0/15$ ذره در گروه شاهد؛ ($P < 0/001$).

در مقایسه NORS بافت تومورال در تومورهای بدخیم و خوش‌خیم (جدول ۲)، این دو میانگین اختلاف آماری معنی‌داری را نشان می‌داد ($P < 0/05$). در صورتی که در مقایسه NORS بافت طبیعی در تومورهای بدخیم و خوش‌خیم، اختلاف معنی‌دار نبود.

جدول ۲- مقایسه میانگین NORS بافت تومورال در تومورهای بدخیم و خوش‌خیم

گروه‌ها	بافت تومورال بدخیم	بافت تومورال خوش‌خیم	میانگین انحراف معیار حداقل حداکثر	تعداد	شاخص‌ها
			(SD)	(X)	(n)
Max	۱/۷۴	۱/۶۶	۰/۵۸	۲/۶۹	۶۱
Min	۴/۸۸	۱/۸۶	۰/۴۶	۲/۰۸	۴

$P < 0.005$

روش نمونه‌گیری بصورت سرشماری می‌باشد. یعنی هر تعداد که بدخیم یا خوش‌خیم باشند، در گروه‌های مربوطه قرار می‌گیرند. در این تحقیق بلوک‌های پارافینی موجود در آرشیو بیمارستان طالقانی مربوط به بیماران تیروئیدکتومی شده که دارای تومور خوش‌خیم یا بدخیم تیروئید یا دارای بافت طبیعی تیروئید بوده‌اند مورد بررسی قرار گرفته است. شیوه هر گروه محاسبه شده و همچنین شیمی درمانی یا رادیوتراپی قبل از جراحی مورد بررسی قرار گرفته است.

میانگین تعداد نقاط سازمان دهنده هستکی در ۱۰۰ سلول در تومورهای سرطانی نسبت به بافت نرمال در هر فرد و همچنین نسبت به تومورهای خوش‌خیم بررسی شده است. در هر گروه انحراف معیار محاسبه شده و بین هر دو گروه آزمون t انجام گرفته است. در مواردی که نمونه‌ها کم است یا واریانس‌ها نابرابر می‌باشند از روش‌های غیر پارامتری استفاده گردیده است.

نتایج

از تعداد ۶۵ بیمار، ۶۱ بیمار ۹۳/۸٪ دارای تومور بدخیم و ۴ (۶/۲٪) نفر دارای تومور خوش‌خیم تیروئید بودند. توزیع فراوانی بر حسب نوع تومور مطابق با جدول (۱) می‌باشد.

میانگین NORS در سلول‌های تومورال و سلول‌های طبیعی بافت تیروئید ۶۵ بیمار مورد مقایسه قرار گرفت. اختلاف این دو میانگین از نظر آماری معنی‌دار بود ($2/65 \pm 0/59$ ذره در

- طبیعی (به طور متوسط ۱/۲۹ ذره) از نظر آماری معنی در بوده است ($P<0.05$).
۶. سلول‌های تومورال و بافت طبیعی مربوط به دو گروه سرطان خوش‌خیم و بدخیم بدون در نظر گرفتن نوع سرطان، از نظر متوسط تعداد ذرات NORs در سلول با هم مورد مقایسه قرار گرفت. ابتدا هر چهار گروه با هم به طور یکجا مورد آنالیز واریانس قرار گرفتند که اختلاف معنی‌دار مشاهده گردید ($P<0.001$) (جدول ۳).
- سپس هر گروه به طور جداگانه با سه گروه دیگر مورد مقایسه قرار گرفتند که بین گروه‌های زیر اختلاف آماری مشاهده گردید:
- الف)** سلول‌های تومورال و سلول‌های غیرتومورال در سرطان‌های بدخیم.
 - ب)** سلول‌های تومورال در سرطان‌های بدخیم و سلول‌های تومورال در تومورهای خوش‌خیم.
 - ج)** سلول‌های تومورال و غیرتومورال در تومورهای خوش‌خیم.
- نمودار (۱) این اختلاف را به طور تجربی نشان می‌دهد.
- ۷.** در مقایسه بین میانگین NORs در بافت تومورال بین فولیکولر کارسینوما به طور متوسط $۲/۳۷\pm ۰/۹۴$ و در پاپیلری کارسینوما به طور متوسط $۰/۴۴\pm ۰/۵۸$ ذره در هر سلول مشاهده گردید. اختلاف این دو میانگین از نظر آماری معنی‌دار بوده است ($P<0.05$).
- ۸.** در مقایسه بین میانگین NORs بین آنапلاستیک کارسینوما $۳/۷۱\pm ۱/۴۱$ و پاپیلری کارسینوما $۰/۴۴\pm ۰/۵۸$ ذره در هر

- میانگین NORs در سلول‌های تومورال و سلول‌های طبیعی بافت تیروئید در زیرگروه‌های تومورهای بدخیم تیروئید مورد مقایسه قرار گرفت و نتایج زیر بدست آمد.
- ۱.** در پاپیلری کارسینومای تیروئیدⁱ اختلاف میانگین NORs سلول‌های بافت تومورال ($۲/۵۸$) با میانگین NORs بافت طبیعی ($۱/۲۰$) از نظر آماری معنی‌دار بوده است ($P<0.001$).
 - ۲.** در هرتل سل کارسینومایⁱⁱ اختلاف میانگین NORs بین بافت تومورال (به طور متوسط $۲/۶۶$ ذرع) با بافت طبیعی (به طور متوسط $۱/۰۶$ ذره) معنی‌دار بوده است ($P<0.001$).
 - ۳.** در مدولاری کارسینومای تیروئیدⁱⁱⁱ اختلاف میانگین NORs بین بافت تومورال (به طور متوسط $۲/۳۴$ ذره) با بافت طبیعی (به طور متوسط $۱/۱۳$ ذره) معنی‌دار بوده است ($P<0.05$).
 - ۴.** در فولیکولر کارسینومای تیروئید^{iv} اختلاف میانگین NORs بین بافت تومورال (به طور متوسط $۳/۳۷$ ذره) با بافت طبیعی (به طور متوسط $۱/۱۳$ ذره) معنی‌دار بوده است ($P<0.05$).
 - ۵.** در آنапلاستیک کارسینومای تیروئید^v اختلاف میانگین NORs بین بافت تومورال (به طور متوسط $۳/۷۱$ ذره) با بافت

ⁱ Papillary Carcinoma of thyroidⁱⁱ- Hurte cell carcinomaⁱⁱⁱ- Medullary Carcinoma^{iv}- Follicular Carcinoma^v- Anaplastic Carcinoma

جدول ۳- مقایسه سلول‌های تومورال و غیرتومورال سرطان‌های خوش‌خیم و بدخیم از نظر متوسط تعداد ذرات NORs

نوع سرطان	بدخیم	خوش‌خیم	N	میانگین انحراف معیار	%۲۵	%۵۰	%۷۵
تومورال			۶۱	۰/۵۹	۲/۳۴	۲/۶۱	۲/۹۵
غیرتومورال			۶۱	۰/۱۶	۱/۱۲	۱/۲۸	
تومورال			۴	۰/۴۷	۱/۸۰	۱/۹۴	۲/۲۵
غیرتومورال			۴	۰/۰۷	۱/۰۹	۱/۱۴	۱/۱۹

تومورال تلقی کرد. این مشخصه شمارش ۱۷۰ NORs در یکصد سلول با حساسیت $98/5\%$ و $98/5\%$ ویژگی efficiency می‌باشد که از لحاظ آماری قابل قبول و ارزشمند می‌باشد و منحنی از نوع Excellent curve می‌باشد.

بحث

می‌توان نتایج طرح را به شرح زیر طبقه بندی کرد:

دامنه NORs در بافت نرم‌ال و تومورال بدخیمی جداست:

اگرچه دامنه NORs در بافت تومورال و طبیعی کل تومورهای تیروئید دارای Overlap بود، ولی دامنه NORs در بافت تومورال و طبیعی تومورهای بدخیم کاملاً از یکدیگر جدا بود.

سلول مشاهده گردید. اختلاف این دو میانگین از نظر آماری معنی‌دار بوده است ($P<0/05$).

۹. در مقایسه بین میانگین NORs در بافت تومورال نمونه‌ها بین فولیکول آدنوما به طور متوسط $1/96 \pm 0/04$ و پاپیلری کارسینوما $2/55 \pm 0/42$ ذره در هر سلول مشاهده گردید. اختلاف این دو میانگین از نظر آماری معنی‌دار بود ($P<0/05$).

۱۰. در مقایسه بین میانگین NORs بین فولیکول آدنوما (به طور متوسط $1/96 \pm 0/04$ ذره) و هرتل سل کارسینومای تیروئید (به طور متوسط $2/66 \pm 0/35$ ذره) اختلاف این دو میانگین از نظر آماری معنی‌دار بود ($P<0/05$).

□ در بررسی آنالیز ROC بین قسمت تومورال و قسمت طبیعی بافت‌های بیمار می‌توان نتیجه گرفت چنانچه تعداد نقاط هستکی در یکصد سلول بافت بالاتر از ۱۷۰ باشد، می‌توان آن بافت را

نمودار ۱- مقایسه سلول‌های تومورال و غیرتومورال سرطان‌های خوش‌خیم و بدخیم از نظر چارکهای تعداد NORs در سلول‌های تومورال و غیرتومورال سرطان‌های خوش‌خیم و بدخیم

میانگین NORs در قسمت تومورال سرطان‌های خوش‌خیم تیروئید با قسمت طبیعی همان بافت متفاوت است.

میانگین NORs بین بافت تومورال بدخیم و خوش‌خیم تیروئید متفاوت است.

از آنجایی که در بررسی میانگین NORs، در تومورهای بدخیم و خوش‌خیم تفاوت معنی‌داری وجود دارد. می‌توان از روش شمارش میانگین NORs برای تفکیک تومورهای بدخیم از خوش‌خیم استفاده نمود.

شمارش میانگین NORs در قسمت تومورال سرطان‌های بدخیم تیروئید با قسمت طبیعی همان بافت متفاوت است:

با رسیدن به این نتیجه که میانگین NORs در قسمت تومورال سرطان‌های بدخیم تیروئید با قسمت طبیعی همان بافت تفاوت معنی‌دار دارد، می‌توان به این نتیجه رسید که اگر در یک لام پاتولوژی تومور بدخیم تیروئید، قصد داریم قسمت طبیعی را از قسمت بافت تومورال تفکیک کنیم، این کار را می‌توان با شمارش میانگین نقاط NORs انجام داد.

۷/۸۷٪ می‌توان گفت این بافت تومورال تیروئید بدخیم است.

تقدیر و تشکر

در پیشبرد این تحقیق همکاران بسیاری در زمینه‌های مختلف ما را یاری نمودند، خصوصاً معاونت پژوهشی و شورای تخصصی پژوهشی دانشگاه، جناب آقای مجید حاجی فرجی و جناب آقای دکتر بهنام اسلامی و خانم دکتر فرزانه رحیمی که تجربیات و اطلاعات خود را در زمینه شیوه رنگآمیزی NORs و تهیه مقالات در اختیار این تحقیق گذاشته‌اند و همچنین از آقای دکتر محرابی و آقای امامی که در زمینه تهیه آمار و تفسیر نتایج کمک فراوان نموده‌اند. صمیمانه تشکر و قدردانی می‌کنیم.

References

- ROBBINS, Pathologic basis of disease, WB Saunders, 5th Ed.
- Devita VJ, Hellman S, Rosenberg SA. Cancer Principles and Practice of Oncology JB Lippincott company, 3rd Ed 1989.
- Harrison, Principles of internal medicine, MC Graw Hill inc. 13th ed, 1994.
- Ackerman's Surgical Pathology, Mosby, Vol 1, 1996.
- Pich A, Chiusa L, Margaria E. Role of argyrophilic nucleolar organizer regions in tumor detection and prognosis. Cancer Detect Prev 1995; 19:282-91.
- Iuele R, Gallippi G, Giacchetta C. Thyroid pathology: evaluation of the average value of NORs and its potential diagnostic application. Pathologica. 1994; 89:525-7.
- Epidemiology Biostatistics and Preventive Medicine; James F. Jekel; 1996.
- Goodpasture C, et al. Human nucleolus organizers: the satellites or the stalks. Am J Hum Genet 1976; 28:559-66.
- Ohno T, et al. Nucleolar organizer regions in bone tumors. Clin Orthopaedics 1991; 272: 287-91.

بر بافت تومورال تیروئید تعداد NORs در ۱۰۰ سلول بیش از ۱۷۰ می‌باشد:

اگر بافتی از تیروئید به روش نیترات نقره رنگآمیزی شود و در ۱۰۰ سلول این بافت تعداد NORs بیش از ۱۷۰ باشد، با حساسیت ۹۸/۵٪ و ویژگی efficiency ۹۸/۵٪ می‌توان گفت این بافت تیروئید تومورال است.

بر بافت بدخیم تیروئید تعداد NORs در ۱۰۰ سلول بیش از ۲۰۰ می‌باشد:

اگر بافتی از تیروئید به روش نیترات نقره رنگآمیزی شود و در ۱۰۰ سلول این بافت تعداد NORs بیش از ۲۰۰ ذره باشد با حساسیت ۸۸/۵٪ و ویژگی efficiency ۷۵٪ و

10. Abe S, et al. Nucleolar organizer regions or a marker of growth rate in squamous cell carcinoma of the lung. Thorax 1992; 47:778-80.
11. Croker J, Nar P. Nucleolar organizer regions in lymphoma. J Pathol 1987; 151:111-9.
12. Croker J, Skilbeck N. Nucleolar organizer regions associated proteins in cutaneous melanotic lesions: a quantitative study. J Clin pathol 1989; 40: 885-9.
13. Rosa GD, et al. Nucleolar organizer regions in aggressive and nonaggressive basal cell carcinoma of the skin. Cancer 1992; 59:123-6.
14. Allen JP, Gallimore AP. Nucleolar organizer regions in benign and malignant glandular lesions of the cervix. J Pathology 1992; 166:150-6.
15. Beer TW, Rowlands Dc, et al. AgNOR counts and determination of malignancy in stromal tumors of the stomach and small intestine, J Clin Pathol 1992; 45:172-4.
16. Szot W, et al. Fine needle aspiration cytology combined with argyrophilic nucleolar organizer regions (AgNORs) in diagnosis of thyroid neoplasm. Endocrinol Po 1993; 44:413-26.
17. Shem-Tov-y, Stranus M, Talmi YP, Rath-Wolfsom L, Zohar Y, Gal R. Nucleolar organizer regions in follicular tumors of the thyroid. Head Neck. 1994; 16:420-3.