

گزارش جهش نادر Cd 25/26 (+T) ژن بتاگلوبین

دکتر عباسعلی حسینپور فیضی: استادیار هماتولوژی انکولوژی اطفال، دانشکده پزشکی، دانشگاه علوم پزشکی تبریز
دکتر محمدعلی حسینپور فیضی: استاد رادیوبیولوژی، دانشکده علوم طبیعی، دانشگاه تبریز: نویسنده رابط

E-Mail: info@eastp.ir

ناصر پولادی: کارشناس ارشد سلولی و مولکولی، گروه زیست شناسی دانشکده علوم، دانشگاه تربیت معلم آذربایجان
مهدی حقی: کارشناس ارشد ژنتیک، دانشکده علوم طبیعی، دانشگاه تبریز
پروین آذرفام: کارشناس ارشد فیزیک پزشکی، دانشکده علوم طبیعی، دانشگاه تبریز

دریافت: ۸۵/۶/۷، پذیرش: ۸۵/۱۱/۲

چکیده

بتا تالاسمی شامل گروه ناهمگونی از اختلالات تک ژنی می باشد که بافقدان زنجیره بتا گلوبین (β^0 تالاسمی) یا کاهش آن (β^+ تالاسمی) مشخص می گردد. جهش هایی از نوع β^0 تالاسمی موجب بروز شدید بیماری در افراد می گردند که نیاز به دریافت خون دارند. در این گزارش خانواده ای معرفی می شود که دارای جهش β^0 تالاسمی Cd25/26(+T) بوده ولی نیازمند به دریافت خون نیستند. بررسی ها، مقدار هموگلوبین تقریباً نرمال (حدود 12.7 g/dl) - 10.4 و درصد بالایی از هموگلوبین جنینی $\text{HbF}(\alpha_2\gamma_2)$ (حدود 7.98%) را در افراد هموزیگوت نشان می دهد که برای اولین بار در مورد این جهش گزارش می شود.

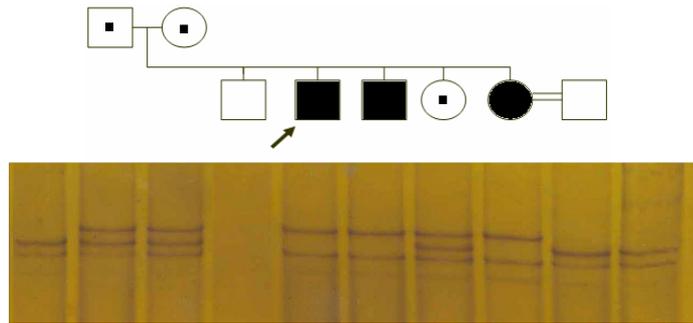
کلید واژه ها: Cd25/26(+T)، بتا تالاسمی، هموگلوبین

مقدمه

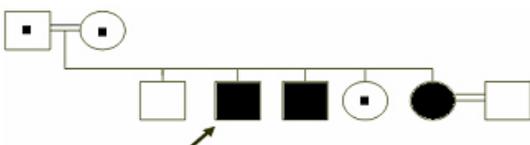
نوع جهش ها را β^+ تالاسمی می نامند که در این بیماران زنجیره بتاگلوبین کمتر تولید شده و علائم خفیفی ایجاد می کند. با توجه به نوع جهش و زمینه ژنتیکی افراد مختلف شدت بیماری متغیر است. مثلاً جهش هموزیگوت (A-G) 29- در سیاه پوستان آمریکایی با علائم فنوتیپی ملایم یا بدون علائم ولی در بیماران چینی علائم بتا تالاسمی ماژور وابسته به دریافت خون را ظاهر می کند. بررسی ها نشان دهنده تغییراتی در پروموتور ژن گاما گلوبین در سیاه پوستان آمریکایی بود که موجب بیان بیشتر ژن گاماگلوبین و در نتیجه افزایش هموگلوبین جنینی $\text{HbF}(\alpha_2\gamma_2)$ در این افراد شده و کاهش نسبی بتاگلوبین این افراد را جبران می نماید (۲).

بتا تالاسمی شامل گروه ناهمگونی از اختلالات تک ژنی می باشد که بیشتر در اثر جهش در ژن بتا گلوبین ایجاد می شود. تاکنون بیش از ۲۰۰ نوع جهش که اکثراً نقطه ای هستند در سر تا سر جهان گزارش شده است (۱)

برخی از این جهش ها موجب کاهش بیان ژن بتاگلوبین می گردد. مثلاً جهش در نوکلئوتید (A-C) 28- که در ناحیه پروموتور ژن بتاگلوبین قرار دارد موجب کاهش اتصال فاکتورهای رو نویسی به این ناحیه شده و میزان RNA و در نتیجه مقدار زنجیره بتاگلوبین کاهش می یابد و یا جهش IVSI-5 (G-C) که موجب کاهش میزان پردازش های صحیح بر روی hnRNA و در نتیجه کاهش میزان mRNA صحیح و زنجیره بتاگلوبین می شود. این



شکل ۲: شجره نامه و نتایج SSCP افراد خانواده



Hemoglobin g/dl	12.9	11.6		10.4	10.9	11.6	12.7	17
HbA %	92.2	88.9		0	0	93.3	0	96.5
HbA ₂ %	4.8	4.6		1.6	1.8	5.3	1.2	3
HbF %	3	6.5		98.4	98.2	1.4	98.8	0.5

شکل ۳: مقدار و درصد هموگلوبین هر یک از افراد خانواده

بحث

تکنیک سریع و مفید را در کاربرد های تشخیصی نشان دهد. جهش Cd 25/26 (+T); GGT GAG(Gly-Glu) → GGT T GAG(Gly-Term) یک جهش نادر ژن بتاگلوبین است. اضافه شدن یک باز تیمین بین کدون ۲۵ و ۲۶ موجب می شود که کدون ۲۶ تبدیل به کدون پایان و ختم زودرس پروتئین سازی در آگزون یک و موجب β^0 تالاسمی گردد. اولین گزارش این جهش در تونس همراه با ال HbS که میزان هموگلوبین در فرد مورد نظر در ۷/۴ gr/dl و HbF ۱۴٪ که نیازمند به دریافت خون بود (۵). در خانواده ای که در این پژوهش بررسی شد میزان هموگلوبین بیمار مورد نظر در سه سالگی حدود ۹gr/dl بود که در سال ۱۳۶۷ به دلیل عفونت ادراری به مرکز آموزشی- درمانی کودکان تبریز مراجعه کرده بود و توسط CBC (HbF 98%, HbA 2%) شناسایی شد. با توجه به β^0 بودن این نوع جهش و داشتن بتا تالاسمی بینابینی در این بیمار، جهت بررسی بیشتر از تمام اعضاء خانواده به جز یکی از فرزندان خون دریافت شد. نتایج نشان داد دو فرزند دیگر همو زیگوت نسبت به جهش با فنوتیپ ظاهری سالم و بدون مراجعه قبلی به مراکز درمانی و بدون تشخیص بوده و نیز پدر و مادر و یک فرزند هترو زیگوت بودند که از طریق روش PCR-SSCP و مقایسه الگوی اعضاء خانواده با الگوی فرد نرمال و فرزند بیمار مشخص شد. آزمایشات هماتولوژیکی نشان می دهد مقدار هموگلوبین در فرزندان هموزیگوت نزدیک به حد پایین نرمال ۱۲ gr/dl می باشد و حتی یکی از دخترها دارای مقدار

هر سال بیش از چهار میلیون کودک در جهان با اختلال ژنتیکی متولد می شوند که هموگلوبینوپاتی ها سهم عمده ای را به خود اختصاص داده اند. در حال حاضر ۵۰ درصد کشورهای دنیا دارای گروههایی بایش از ۴ درصد ناقل هموگلوبینوپاتی هستند و تالاسمی یکی از انواع این گونه اختلالات می باشد. بر همین اساس تخمین زده می شود در ایران حدود سه میلیون ناقل ژن تالاسمی در جامعه پراکنده باشند. در آذربایجان نیز مانند سایر مناطق کشور پس از گزارش جهش های شایع بتا تالاسمی بررسی جهش های نادر و ناشناخته برای تشخیص قبل از تولد و پیشگیری از تولد فرزندان مبتلا بسیار ضروری به نظر رسید. لذا در بررسی جهش های نادر بتا تالاسمی در شمالغرب کشور وجود جهش نادر Cd (+T) 25/26 با روش توالی یابی مستقیم در یک خانواده مشخص گردید. بررسی های مولکولی مختلفی در دنیا برای تشخیص جهش های ژن بتاگلوبین بکار می رود. مانند سایر کشورهای در حال توسعه روش های مولکولی مانند توالی یابی مستقیم مستلزم صرف هزینه و زمان بیشتری است لذا در این بررسی علاوه بر گزارش جهش جدید Cd 25/26 (+T) در منطقه آذربایجان، تکنیک سریع و مفید PCR-SSCP برای تشخیص جهش و غربالگری در خانواده بیمار مورد استفاده قرار گرفت (۶). نتایج نشان داد الگوی SSCP فرد نرمال، بیمار هموزیگوت، والدین بعنوان ناقل کاملاً متفاوت و قابل تشخیص از هم هستند که این امر می تواند اهمیت این

نتیجه گیری

جهش Cd25/26(+T) حالت بسیار نادری است که اولین بار در تونس گزارش شده و موجب β^0 تالاسمی شدید می شود. با مقایسه این خانواده با خانواده تونس، می توان به متفاوت بودن فنوتیپ یک جهش در افراد جمعیت های مختلف پی برد. بنابراین یک جهش می تواند در زمینه ژنتیکی متفاوت جمعیت ها، تفاوت فنو تیپی داشته باشد. حتی در بین فرزندان هموزیگوت این خانواده نیز می توان تفاوت هایی را مشاهده کرد. با توجه به اینکه این خانواده ساکن روستایی از آذربایجان شرقی هستند انتظار می رود در افراد فامیل و حتی فامیل دور در این روستا جهش Cd25/26(+T) وجود داشته باشد.

۱۲،۷ gr/dl هموگلوبین است (حد نرمال ۱۸-۱۳،۵ gr/dl برای مردان و ۱۶-۱۲ gr/dl برای زنان است) و 98.8% هموگلوبین را HbF تشکیل داده است که نیابستی در یک فرد بالغ بیشتر از ۲٪ کل هموگلوبین باشد. در حالیکه انتظار داریم این جهش، ایجاد تالاسمی شدید β^0 نماید. ولی بیماران ما فنوتیپ شدید بیماری را نشان نمی دهند، بطوریکه خود بیمار، به طور اتفاقی و در بررسی عفونت ادراری تشخیص داده شده و دو نفر دیگر خانواده نیز تا موقع بررسی مشکلی کلینیکی نشان نداده اند. وجود مقدار و درصد بالای HbF در افراد مورد مطالعه ما با جهش Cd 25/26 (+T) یک عامل تعدیل کننده بیماری می باشد. که درمورد جهش های دیگر نیز با مقدار و در صد های مختلف HbF گزارش شده است (۷) ولی در مورد جهش Cd 25/26 (+T)، این مقدار و درصد برای اولین بار گزارش می شود.

References

1. Thein S L, Genetic modifiers of β - thalassemia. *Haematologica* 2005; **90**: 649-660
2. Kazazian HH. The thalassemia syndrome: Molecular basis and prenatal diagnosis in 1990. *Seminars in Hematology* 1990; **27**: 209-228.
3. Fucharoen S, Shimizu K, Fukumaki Y. A novel C-T transition within the distal CCAAT motif of the $\text{G}\gamma$ -globin in the Japanese HPFH: implication of factor binding in elevated fetal globin expression. *Nucleic Acids Research* 1990; **18**(17)::5245-5253.
4. Labie D, Dunda-Belkhdja O, Rouabhi F, Pagnier J, Ragusa A, Nagel RL. The -158 Site 5' to the $\text{G}\gamma$ Gene and $\text{G}\gamma$ Expression. *Blood* 1985; **66**(6):1463-1465
5. Fattoum S, Guemira F, Oner C, Oner R, Li H W, Kutlar F, et al. Beta-thalassemia, HB S-beta-thalassemia and sickle cell anemia among Tunisians. *Hemoglobin* 1991; **15**:11-21.
6. Chin chang W, Viprakasit, V, Pung-Amritt, P, Tanphaichitr V S, Yenchitsomanus P. Molecular analysis of unknown β globin gene mutation using polymerase chain reaction-single strand conformation polymorphism (PCR-SSCP) technique and its application in Thai families with β -thalassemias and β -globin variants. *Clinical Biochemistry* 2005; **38**:987-996.
7. Stamatoyannopoulos G, Control of globin gene expression during development and erythroid differentiation. *Experimental Hematology* 2005; **33**:259-271.