

## Vitamin D receptor gene BSMI polymorphisms in systemic lupus erythematosus and healthy subjects

M Abbas\* Z Rezaie Yazdi\*\* J Tavakol Afshari \*\*\* M.R Hatef \*\* M Sahebari\*\*\*\* M Yarjanli\*\*\*\*\*

\* Assistant professor of internal medicine, Qazvin University of Medical Sciences, Qazvin, Iran

\*\*Associate professor of rheumatology, Mashhad University of Medical Sciences, Mashhad, Iran

\*\*\* Associate professor of immunology, Mashhad University of Medical Sciences, Mashhad, Iran

\*\*\*\*Assistant professor of rheumatology, Mashhad University of Medical Sciences, Mashhad, Iran

\*\*\*\*\*Assistant professor of internal medicine, Islamic Azad University, Tehran Medical Branch, Tehran, Iran

### **\*Abstract**

---

**Background:** Vitamin D receptor (VDR) gene polymorphisms cause functional differences in immunomodulatory action of vitamin D. An association between VDR gene BSMI polymorphisms and systemic lupus erythematosus (SLE) has been documented.

**Objective:** To compare the VDR gene BSMI polymorphisms in patients with SLE and healthy controls.

**Methods:** This was a case-control study conducted in the city of Mashhad (Iran). Sixty patients with lupus from two outpatient rheumatology clinics and 45 non-relative healthy controls of the same sex were selected using the census procedure. VDR gene typing was performed based on polymerase chain reaction-restriction fragment length polymorphism (PCR-RFLP). The results were analyzed using chi square test while a  $p<0.05$  was considered as significant.

**Findings:** The distribution of VDR genotyping of BSMI polymorphisms in patients with SLE were 23.3% for BB, 60% for Bb and 16.7% for bb. Similarly, the values found for healthy group were 33.3%, 46.7%, and 20% for BB, Bb, and bb, respectively. There was no statistically significant difference between two groups.

**Conclusion:** No significant difference in relative frequency of VDR gene BSMI polymorphisms in SLE patients and healthy individuals was established.

---

**Keywords:** Systemic lupus erythematosus, Polymorphisms, Vitamin D, BSMI gene, polymorphism

---

**Corresponding Address:** Metabolic Disease Research Center, Booali Sina Hospital, Qazvin, Iran

**Email:** mah.sky1348@yahoo.com

**Tell:** +98 281-3360084

**Received:** 2008/05/07

**Accepted:** 2008/12/21

## مقایسه پلی مورفیسم BSMI ژن گیرنده ویتامین D در بیماران مبتلا به لوپوس اریتماتوزسیستمیک با افراد سالم

دکتر مهناز عباسی\*      دکتر زهرا رضائی یزدی\*\*      دکتر جلیل توکل افشاری\*\*\*  
دکتر مریم صاحباری\*\*\*\*      دکتر محمد رضا هاتف\*\*      دکتر مصوومه یارجانلی\*

\* استادیار گروه داخلی دانشگاه علوم پزشکی قزوین

\*\* دانشیار گروه روماتولوژی دانشگاه علوم پزشکی مشهد

\*\*\* دانشیار اینمنی شناسی دانشگاه علوم پزشکی مشهد

\*\*\*\* استادیار گروه روماتولوژی دانشگاه علوم پزشکی مشهد

\*\*\*\*\* استادیار گروه داخلی دانشگاه آزاد تهران

Email: mah.sky1348@yahoo.com

آدرس مکاتبه: قزوین، بیمارستان بوعلی سینا، مرکز تحقیقات بیماری‌های متابولیک، تلفن ۰۳۶۰۰۸۴۲۸۱

تاریخ دریافت: ۸۷/۲/۱۸      تاریخ پذیرش: ۸۷/۱/۱۰

### \*چکیده

**زمینه:** پلی مورفیسم‌های ژن گیرنده ویتامین D (VDR) موجب اختلال‌هایی در عملکرد ایمنومدولاتوری آن می‌شوند و بین پلی مورفیسم ژن گیرنده ویتامین D و استعداد مبتلا به لوپوس ارتباط گزارش شده است.

**هدف:** مطالعه به منظور مقایسه ژنتیک‌های پلی مورفیسم BSMI ژن گیرنده ویتامین D در بیماران مبتلا به لوپوس با افراد سالم انجام شد.

**مواد و روش‌ها:** این مطالعه مورد شاهدی بر روی ۶۰ بیمار مبتلا به لوپوس و ۴۵ فرد سالم ایرانی غیر خویشاوند با جنس مشابه انجام شد. بیماران به صورت سرشماری از میان مراجعه‌کنندگان به درمانگاه سرپایی روماتولوژی دو بیمارستان شهر مشهد انتخاب شدند. ژنتیک‌های

پلی مورفیسم BSMI ژن گیرنده ویتامین D به روش PCR/RFLP تعیین شد. داده‌ها با آزمون آماری مجدول کای اجزیه و تحلیل شدند.

**یافته‌ها:** توزیع ژنتیک BSMI ژن گیرنده ویتامین D در بیماران لوپوسی شامل BB ۲۳/۳٪، Bb ۶۰٪ و bb ۱۶/۷٪ و در گروه شاهد BB ۳۳/۳٪، Bb ۴۶/۷٪ و bb ۲۰٪ بود و اختلاف بین دو گروه از نظر آماری معنی دار نبود.

**نتیجه‌گیری:** شیوع نسبی پلی مورفیسم‌های BSMI ژن گیرنده ویتامین D در بیماران لوپوس اختلاف معنی‌داری با افراد سالم نداشت.

**کلیدواژه‌ها:** لوپوس اریتماتوزسیستمیک، پلی مورفیسم، ویتامین D، ژن گیرنده

### \*مقدمه:

تجمع mRNA برای ایترفرون گاما (INF $\gamma$ ) و ایترلوکین ۲ (IL2) عامل محرک گرانولوسیت و منوسیت (GMCSF) را در سلول‌ها مهار کند.<sup>(۱)</sup> همچنین این ویتامین به عنوان یک هورمون سرکوب‌گر اینمی می‌تواند به طور منفی با کاهش فعالیت عامل هسته‌ای KB (NF-KB) (P40-KB) و باند به توالی INF و IL<sub>12</sub> را تنظیم و به طور مستقیم تولید γ INF و IL<sub>2</sub> را توسط کلون‌های Th1 مهار می‌کند.<sup>(۲)</sup> در مطالعه‌های اخیر عنوان شده که بیماران لوپوسی نسبت به افراد سالم سطوح پایین‌تری از ۱/۲۵(OH)2D3 را دارند و واریانهای آللی گیرنده ویتامین D در عملکرد

لوپوس اریتماتوزسیستمیک (SLE) یک بیماری چند سیستمی التهابی و اتوایمیون بافت همبند با علت ناشناخته است. عوامل متعددی شامل علل آندوکرین و متابولیک، محیطی و ژنتیکی در ایجاد بیماری مطرح هستند. در حال حاضر بیشتر از ۲۰ جزء ژنتیکی متفاوت در ایجاد این بیماری شناخته شده است.<sup>(۱)</sup> دخالت سیتوکین‌های مختلف در بیماری لوپوس مطرح است و گزارش‌های متعدد از نقش عدم تعادل بین یستوکین‌های Th<sub>1</sub>/Th<sub>2</sub> در ایجاد لوپوس حمایت می‌کنند. اخیراً ویتامین D به عنوان یک ایمنومدولاتور مطرح و نشان داده شده که این ویتامین در سطح مولکولی قادر است

Backward: 5' GGA GAG GAG CCT GTG TCC CAT TAG3'

استفاده شد. طول باند محصول PCR : 813 bp Mval 269 I (BSMI) که با آنزیم (Canada Fermentus) برش خورده و قطعه های 477bp و 318bp محصول آن بود.

ژنتیپ آل ها شامل هموژیگوت bb (برش خورده)، هموژیگوت BB (برش نخورده) و هتروژیگوت Bb (یک آل برش خورده و دیگری برش نخورده) بود. پس از انجام آزمایش روی کل نمونه ها، اطلاعات در برگه های مخصوص ثبت شد.

اطلاعات مربوط به سن، جنس و سابقه بیماری های قبلی یا هم زمان نیز در پرسش نامه درج شد. داده ها با نرم افزار SPSS<sup>14</sup> و فراوانی هر یک از ژنتیپ ها در دو گروه بیمار و شاهد با آزمون آماری محدود کار مقایسه شد، برای مقایسه میانه مدت ابیلا به بیماری و سن بیماران از آزمون کروس کال والیس استفاده شد.

#### \* یافته ها:

از ۶۰ بیمار گروه مورد، ۵۴ نفر (۹۰ درصد) زن و ۶ نفر (۱۰ درصد) مرد و از ۴۵ فرد سالم گروه شاهد، ۲۶ نفر (۵۸٪) زن و ۹ نفر (۲۰٪) مرد بودند که بین دو گروه بیمار و شاهد از نظر جنسیت اختلاف آماری معنی داری وجود نداشت.

بین دو گروه از نظر فراوانی ژنتیپ های مختلف پلی مورفیسم اختلاف معنی دار وجود نداشت (جدول شماره ۱۵).

در گروه بیماران، ۶۳ مورد (۵۲/۵ درصد) آل B و ۵۷ مورد (۴۷/۵ درصد) آل b و در گروه شاهد، ۵۱ مورد b (۴۳/۴ درصد) آل B و ۳۹ مورد (۵۶/۷ درصد) آل b وجود داشت که این اختلاف از نظر آماری معنی دار نبود. ژنتیپ ها در سنین مختلف اختلاف معنی دار آماری داشتند و بیماران با ژنتیپ Bb که شایع ترین ژنتیپ گزارش شده هم بود، میانگین سنی پایین تری از سایر گروه ها داشتند (جدول شماره ۲).

آن دخالت می کنند و احتمالاً به عنوان یک هورمون سرکوب گرایمنی موجب اختلال هایی در عملکرد آن می شوند.<sup>(۳-۶)</sup> از شایع ترین پلی مورفیسم های نوکلوتیدی منفردی (SNP) که در ژن گیرنده ویتامین D برسی شده است پلی مورفیسم در ایتررون ۸ یا BSMI است.<sup>(۳-۵)</sup>

این فرض مطرح است که یک ژنتیپ خاص این پلی مورفیسم، یعنی BB، می تواند از طریق مهار ترانس کرپتاسیون ژن IL2 و تنظیم منفی تولید IL12، عدم تعادل سیتوکینی Th<sub>1</sub>/Th<sub>2</sub> را تحریک کند.<sup>(۳)</sup> در همین زمینه مطالعه های محدودی برای بررسی پلی مورفیسم فوق در بیماران لوپوسی در نژادهای مختلف انجام شده که نتایج متفاوتی داشته اند.<sup>(۳-۵)</sup>

این مطالعه به منظور مقایسه فراوانی ژنتیپ های پلی مورفیسم BSMI ژن گیرنده ویتامین D در بیماران لوپوسی با افراد سالم انجام شد.

#### \* مواد و روش ها:

این مطالعه مورد شاهدی بر روی ۶۰ بیمار مبتلا به لوپوس اهل استان خراسان و ۴۵ فرد سالم هم نژاد انجام شد. ابتلای بیماران به لوپوس طبق معیارهای انجمن روماتیسم آمریکا (ACR) تعیین شده بود.<sup>(۱)</sup> افراد گروه شاهد با روش سرشماری از بین بیماران مراججه کننده (بستری و سریپایی) به بیمارستان های قائم (عج) و امام رضا (ع) مشهد از آذر ۱۳۸۵ تا خرداد ۱۳۸۶ انتخاب شدند. پس از کسب مجوز از کمیته اخلاق در پژوهش های علوم پزشکی دانشگاه علوم پزشکی مشهد و اخذ رضایت آگاهانه از بیماران، ۵ سی سی خون وریدی از هر بیمار تهییه شد. نمونه ها در لوله های حاوی ماده ضد انعقاد و پس از فریز کردن در دمای -۸ درجه سانتی گراد جهت انجام PCR DNA به پژوهش کده بوعلی ارسال شدند. PCR با کیت استخراج DNA (بیوژن - ایران) انجام و از سکانس پرایمر:

Forward: 5' AAC TTG CAT GAG GAG GAG CAT GTC3'

جدول ۱- فراوانی ژنوتیپ‌های مختلف پلی مورفیسم BSMI ژن گیرنده ویتامین D در دو گروه مطالعه

سطح معنی‌داری	شاهد		بیمار		گروه ژنوتیپ
	درصد	تعداد	درصد	تعداد	
$p=0.334$	۳۳/۳	۱۵	۲۳/۳	۱۴	BB
	۴۶/۷	۲۱	۶۰/۰	۳۶	Bb
	۲۰/۰	۹	۱۶/۷	۱۰	bb
	۱۰۰/۰	۴۵	۱۰۰/۰	۶۰	کل

جدول ۲- میانگین و میانه مدت ابتلا و سن بیماران بر حسب ژنوتیپ

نتیجه آزمون کروسکال-والیس	bb		Bb		BB		متغیر ژنوتیپ سن (سال)
	میانگین	میانه	میانگین	میانه	میانگین	میانه	
$p=0.034$	$33/40 \pm 8/54$	۳۲/۵۰	$25/63 \pm 7/25$	۲۵/۵۰	$30/42 \pm 11/8$	۲۸/۵۰	(سن) (سال)
$p=0.056$	$5/2 \pm 3/58$	۴/۵۰	$2/83 \pm 3/56$	۱/۰	$2/28 \pm 2/43$	۲	مدت ابتلا (سال)

### \*بحث و نتیجه گیری:

طريق مهار نسخه برداری ژن IL2 و تنظیم منفی تولید IL12 تشدید کند.<sup>(۵)</sup>

در مطالعه هوانگ بر روی بیماران چینی نیز بیشترین فراوانی در گروه بیمار متعلق به ژنوتیپ Bb (۷۰/۲) درصد در بیماران و ۱۰ درصد در افراد سالم) و کمترین فراوانی در هر دو گروه بیمار و شاهد مربوط به ژنوتیپ bb بود.

در مجموع در مطالعه حاضر ارتباط معنی‌داری بین ژنوتیپ‌های مختلف پلی‌مورفیسم BSMI ژن گیرنده ویتامین D و بیماری لوبوس در بیماران ایرانی منطقه شمال شرقی (استان خراسان) یافت نشد. بیماران با ژنوتیپ Bb که شایع ترین ژنوتیپ گزارش شده بود، میانگین سنی پایین تری از سایر گروه‌ها داشتند که می‌تواند به عنوان یک عامل استعداد ژنتیکی برای ابتلای زودتر به لوبوس در مطالعه‌های بعدی با وسعت بیشتر بررسی شود. لذا با توجه به اختلاف‌های واضح گزارش

در مطالعه حاضر بین بیماران مبتلا به لوبوس و افراد سالم از نظر توزیع فراوانی ژنوتیپ‌های پلی‌مورفیسم BSMI ژن گیرنده ویتامین D اختلاف معنی‌دار آماری وجود نداشت و در هر دو گروه بیمار و شاهد، بیشترین فراوانی متعلق به ژنوتیپ Bb و کمترین فراوانی مربوط به ژنوتیپ bb بود.

در مطالعه ساکولپیپاستین بر روی بیماران تایلندی، بیشترین فراوانی مربوط به ژنوتیپ bb بوده است (۷۶/۲۳) درصد در بیماران و ۸۲/۹۹ درصد در افراد سالم)<sup>(۳)</sup> در حالی که در مطالعه اوزاکی بر روی بیماران ژاپنی نیز مانند مطالعه حاضر، بیشترین فراوانی در گروه بیمار مربوط به ژنوتیپ Bb (۴۳/۱) درصد در بیماران و ۱۱/۵ درصد در افراد سالم) و کمترین فراوانی در هر دو گروه بیمار و شاهد مربوط به ژنوتیپ BB بوده (۱۵/۵ درصد در بیماران و ۵/۷ درصد در افراد سالم) و تفاوت بین ژنوتیپ‌ها در گروه بیمار و شاهد معنی‌دار بوده است (۱<۰.۰۰۱). آنها نتیجه گرفتند که ژنوتیپ BB ممکن است عدم تعادل سیتوکینی Th1/Th2 را از

3. Sakulpipatsin W, Veraserntiyom O, Nantiruj K, et al. Vitamin D receptor gene Bsm1 polymorphisms in Thai patients with systemic lupus erythematosus. *Arthritis Res Ther* 2006; 8(2): R 48
4. Huang CM, Wu MC, Wu JK, Tsai FJ. Association of vitamin D receptor gene Bsm1 polymorphisms in Chinese patients with systemic lupus erythematosus. *Lupus* 2002; 11(1):31-4
5. Ozaki Y, Nomura S, Nagahana M, et al. Vitamin-D receptor genotype and renal disorder in Japanese patients with systemic lupus erythematosus. *Nephron* 2000 May; 85(1):86-91
6. Huang CM, Wu MC, Wu JY, Tsai FJ. No association of vitamin D receptor gene start codon fok 1 polymorphisms in Chinese patients with systemic lupus erythematosus. *J Rheumatol* 2002 Jun; 29(6): 1211-3

شده در مطالعه نژادهای مختلف، بررسی وسیع تر ژنتیک پلی مورفیسم BSMI ژن گیرنده ویتامین D در مناطق مختلف کشورمان و در افراد با نژادهای متفاوت و همچنین بررسی ارتباطهای احتمالی این پلی مورفیسم با نفریت لوپوسی و درگیری های سایر اعضای بدن در مبتلایان به لوپوس ارزشمند به نظر می رسد.

#### \*مراجع:

1. Petri M. Systemic Lupus Erythematosus clinical aspects. In: Koopman WJ, Moreland LW. Arthritis and allied condition, a textbook of rheumatology. 15<sup>th</sup> ed. Philadelphia: Lippincott Williams and Wilkins; 2005. 1473-97
2. Muller K, Kriegbaum NJ, Baslund B, et al. Vitamin D3 metabolism in patients with rheumatic diseases: Low serum levels of 25-hydroxyvitamin D3 in patients with systemic lupus erythematosus. *Clin Rheumatol* 1995 Jul; 14(4):397-400