

## افتراء بین بیان طبیعی و بیان افزايش یافته ژن مقاومت دارویی چندگانه (MDR1) بوسیله روش RT-PCR

فاطمه نادعلی<sup>\*</sup>، دکتر علی اکبر پورفتح‌الله<sup>\*\*</sup>، دکتر کامران علی‌مقدم<sup>\*\*\*</sup>، دکتر عبدالخالق دیزجی<sup>\*\*\*\*</sup> دکتر علیرضا زمردی‌پور<sup>\*\*\*\*\*</sup>، شهربانو رستمی<sup>\*\*\*\*\*</sup>، دکتر ابوالحیم عزیزی<sup>\*\*\*\*\*</sup>، دکتر اردشیر قوامزاده<sup>\*\*\*</sup>

### چکیده مقاله

**مقدمه.** مقاومت نسبت به شیمی درمانی یکی از موانع اصلی در درمان سرطانهاست. هنگامی که مقاومت نسبت به داروهای با ترکیبات شیمیایی و مکانیسم عمل متفاوت بوجود می‌آید، اصطلاحاً مقاومت دارویی چندگانه یا Multi Drug Resistance (MDR) نامیده می‌شود. یکی از مکانیسم‌های اصلی مقاومت دارویی بیان افزايش یافته ژن MDR1 است که محصول آن بنام گلیکوپروتئین P- باعث خروج دارو از سلول می‌شود. هدف از انجام این مطالعه راه اندازی RT-PCR و تشخیص بیان افزايش یافته ژن MDR1 و مقاومت دارویی ناشی از این مکانیسم در نمونه‌های بالینی مقاوم به دارو می‌باشد.

**روشها.** در این مطالعه گلوبولهای سفید خون محیطی ۱۶ فرد طبیعی به صورت Total White blood cells، T Cell Fraction و سلولهای تک هسته‌ای غیر cell و گرانولوسیتها برای بیان ژن MDR1 به روش RT-PCR مورد بررسی قرار گرفته است. همچنین سلولهای تک هسته‌ای از ۵ نمونه خون بند ناف و سلولهای تک هسته‌ای خون طبیعی ۵ نفر اهداء کننده سلولهای بنیادی که تحت درمان با GM-CSF قرار داشتند با استفاده از گریدایانت فایکول جدا شد و به همراه سلول K562 (اریترولوکمیا) به عنوان سلول کنترل منفی و سلول K562 مقاوم به داروی دوکسوروپیسین به عنوان سلول کنترل مثبت مورد بررسی قرار گرفت.

**نتایج.** بیان ژن MDR1 در سلولهای تک هسته‌ای جدا شده از خون محیطی افراد طبیعی و در PCR با ۳۵ سیکل مشاهده ولی در ۳۰ سیکل دیده نشد. همچنین بیان ژن در لنفوسيت‌های T و سلولهای تک هسته‌ای جدا شده از خون بند ناف و سلولهای تک هسته‌ای جدا شده از خون محیطی اهداء کنندگان سلول بنیادی تحت درمان با GM-CSF در ۳۰ سیکل PCR مشاهده شد ولی بیان ژن در گرانولوسیتها تحت همین شرایط دیده نشد.

**بحث.** به علت حساسیت بسیار بالای روش RT-PCR و بیان ژن MDR1 در لکوستیت‌های طبیعی خون محیطی، روش RT-PCR ساده برای بررسی MDR یا مقاومت دارویی چندگانه در بدھیمیهای خونی کافی نیست و باید سیکلهای PCR طوری تنظیم شود که ژن MDR1 با بیان طبیعی تکثیر نشود و یا این که RT-PCR به صورت تیمه کمی و یا کمی انجام شود. در ضمن در بررسی نمونه‌های بالینی، سلولهای با بیان طبیعی ژن MDR1 از جمله لنفوسيت‌های T باید از نمونه حذف شوند.

**واژه‌های کلیدی.** ژن، RT-PCR، گلیکوپروتئین P، مقاومت دارویی چندگانه (MDR)

### چندگانه بیان ژن MDR1 و محصول آن به صورت بیان گلیکوپروتئین

بر روی غشاء سلول است (۲، ۳).  
Ling و Juriano این پروتئین را در سال ۱۹۷۶ معرفی کردند که از تقویز دارو به داخل سلول اقتباس شده است. گلیکوپروتئین P یک عضوی از پروتئینهای ناقل از خانواده

**مقدمه**  
مقاومت دارویی چندگانه (MDR)، شایعترین مانع در برابر موفقیت شیمی درمانی در تعدادی از سرطانهاست (۱).

اگرچه سرانجام بالینی لوسمی‌های حاد با پیشرفت‌های اخیر در شیمی درمانی اصلاح شده است ولی درمان این بیماری هنوز با مشکل روبروست و مشکل اصلی این است که سلولهای لوسمیک از شیمی درمانی فرار می‌کنند و در نهایت باعث نارسایی درمان می‌شوند. مکانیسم مقاومت دارویی چندگانه (MDR)، ممکن است در اثر تغییر متابولیسم دارو، هدف دارو، مکانیسم‌های تغییر سلولی و توانایی تشخیص سلول نسبت به عوامل توکسیک و همچنین اختلالات آپیتوز شرح داده شده است. یک علت شاخص مقاومت دارویی

\* دانشجوی دکترای هماتولوژی، دانشگاه تربیت مدرس  
\*\* Ph.D. ایمینولوژی، دانشگاه تربیت مدرس  
\*\*\* فرق تخصص خون و انکولوژی، دانشگاه تهران  
\*\*\*\* Ph.D. بیوشیمی، مرکز تحقیقات ملی ژنتیک و تکنولوژی زیستی  
\*\*\*\*\* Ph.D. مولکولی، مرکز تحقیقات ملی ژنتیک و تکنولوژی زیستی  
\*\*\*\*\* فرق بیانس هماتولوژی، دانشگاه تهران  
\*\*\*\*\* سمت‌شناسی، دانشگاه تهران  
\*\*\*\*\* Ph.D. سمت‌شناسی، دانشگاه تهران

P (Dako) دارای بیان گلیکوپروتئین P بودند.

لکوسیت‌های طبیعی خون: خون محیطی ۱۶ فرد طبیعی روی ضد لکوسیت‌های EDTA گرفته شد و سپس ساتریفوژ و لایه گلوبول سفید آن جدا و توسط فایکول (۱/۰۷۷) سلولهای تک هسته‌ای آن جدا گردید. همچنین سلولهای تک هسته‌ای ۵ نمونه خون بند ناف و ۵ نمونه خون محیطی افراد اهدا کننده سلولهای بنیادی که تحت درمان با GM-CSF بودند با استفاده از فایکول جدا و سپس سلولها با سالین فسفات شستشو داده شد. سلولهای T با استفاده از روش روزت و استفاده از گلوبولهای قرمز گوسفند جدا گردیدند. در نهایت چهار بخش از گلوبولهای سفید شامل، کل گلوبولهای سفید، سلولهای T، سلولهای تک هسته‌ای غیر T و گرانولوسیت‌ها حاصل شد.

استخراج RNA: کل از ده میلیون سلول جدا گردید بدین ترتیب که ۱ ml از محصول Trizol را روی سلولها ریخته و به مدت ۵ دقیقه در حرارت اطاق قرار دادیم و سپس روی  $\frac{ml}{2}$  از کلروفرم به مدت ۵ دقیقه در حرارت اتاق انکوبه نمودیم. به منظور جدا شدن پروتئین، DNA و فاز آبی حاوی RNA به مدت ۱۵ دقیقه در  $30^{\circ}\text{C}$  با ۱۲۰۰ دور در دقیقه ساتریفوژ شد و سپس فاز آبی به لوله‌ای حاوی  $\frac{ml}{5}$  از ایزوبروپانول منتقل گردید و به مدت ۱۰ دقیقه در  $4^{\circ}\text{C}$  با ۱۲۰۰ دور در دقیقه ساتریفوژ شد. سپس رسوب RNA با ۱ ml از اتانول  $75\%$  دارای  $1\text{ }\mu\text{l}$  مولار سدیم استات شسته شد و به مدت ۱۰-۵ دقیقه در حرارت اتاق قرار داده شد تا خشک شود. سپس رسوب در  $50$  میکرومیتر آب فاقد نوکلئاز حل شده و به مدت ۱۰ دقیقه در حرارت  $30^{\circ}\text{C}$   $55\text{--}60$  دقیقه قرار گرفته و پس از آن غلظت RNA در طول موج  $26$  نانومتر توسط فوتومتر خوانده شد و میزان RNA محاسبه گردید. سنتز cDNA و انجام PCR: سنتز cDNA با استفاده از  $1$  میکروگرم از کل RNA در حجم  $20$  میکرومیتر با استفاده از  $200$  واحد آنزیم،  $1$  X First strand MMLV Reverse transcriptase dNTPs (یک میلی مولار،  $40$  واحد از DTT و RNase out و  $1$  میکرومول ساخته شد. برآنامه سنتز شامل انکوباسیون به مدت  $10$  دقیقه در  $37^{\circ}\text{C}$   $55$  دقیقه در  $42^{\circ}\text{C}$  و  $10$  دقیقه در  $75^{\circ}\text{C}$  باشد و سپس cDNA تا موقع مصرف در  $20^{\circ}\text{C}$ -نگهداری شد.

PCR: پس از افزودن Taq polymerase و dNTPs و پرایمرها و بافر و  $\text{MgCl}_2$  با استفاده از ترموسایکلرایندرف انجام شد. تکثیر MDR1 و B2 میکروگلوبولین (به عنوان استاندارد داخلی) در یک لوله انجام شد. برنامه PCR شامل  $5$  دقیقه در  $95^{\circ}\text{C}$  و  $35$  سیکل در  $95^{\circ}\text{C}$  به مدت  $1$  ثانیه،  $30^{\circ}\text{C}$  به مدت یک دقیقه و  $72^{\circ}\text{C}$  به مدت  $1/5$  دقیقه می‌باشد. محصول PCR روی ژل آکاروز  $2\%\text{--}5\%$  درصد اتیدیوم بروماید مورد بررسی قرار گرفت. اندازه محصول تکثیر ژن B2 میکروگلوبولین  $135$  bp و ژن MDR1 برابر  $1025$  bp می‌باشد.

بزرگ اتصال دهنده ATP است که دارای  $170$  کیلو دالتون وزن مولکولی و دو جایگاه اتصال ATP می‌باشد. این گلیکوپروتئین روی غشاء سلولی قرار گرفته و باعث خروج تعادلی از داروهای ضد سرطان هیدروفوبیک بر خلاف گرادیانت غلظت دارو از سلول می‌شود. گلیکوپروتئین P نه تنها باعث خارج شدن دارو از سلول با صرف انرژی ATP می‌شود بلکه از ورود دارو به سلول نیز ممانعت می‌کند (۵).

ژن MDR1 روی کروموزوم شماره ۷ (۲۱۰۱) قرار دارد و mRNA آن برابر  $kb 4/5$  است و در سلولهای توموری مقاوم به دارو بیان می‌شود. بیان گلیکوپروتئین محصول این ژن همراه با مقاومت نسبت به چندین گروه از داروهای ضد سرطان مثل آنتراسیلکن (دانوروبیسین و دوکسوروبیسین)، وینکاalkaloidها (وین بلاستین، وین کریستین) و اپی بودوفیلو توکسین‌ها (اتوپوزاید) می‌باشد (۳، ۴).

گلیکوپروتئین P روی سطح سلولهای آندوتیال سدمغزی - خونی به طور طبیعی بیان می‌شود و بیان کننده یک نقش طبیعی آن در انتقال متابولیت‌ها یا مواد خارجی است. همچنین بر روی غدد آدرنال، آندومتر، تخمدان، بیضه‌ها و روی سلولهای CD34+ مغز استخوان بیان می‌شود (۸). در خون محیطی، گلیکوپروتئین P بر روی لنفوسيت‌های T (CD8، CD4) و سلولهای کشنده طبیعی (CD56) و به مقدار جزئی روی منوسيت‌ها و گرانولوسیت‌ها بیان می‌شود (۹).

در لوسمی حد میلتوئید، بیان گلیکوپروتئین P در هنگام تشخیص بیماری برابر با  $20\text{--}40$  درصد تشخیص داده شده است (۱۰، ۱۱) که در زیرگروه M4 و M5 شیوع بیشتر (۱۲) و در زیرگروه M3 (۱۳) و در لوسمی حد لنفوبلاستیک شیوع کمتری دارد (۱۴). برای تشخیص بیان ژن MDR1 و گلیکوپروتئین P در نمونه‌های بالینی بیماران مبتلا به مقاومت دارویی چندگانه باید از یک روش حساس استفاده شود زیرا که بیان گلیکوپروتئین P در نمونه‌های بالینی نسبت به رده‌های سلولی (cell line) ضعیفتر است (۱۵، ۱۶). چندین روش برای تعیین، گلیکوپروتئین P و بیان ژن MDR1 وجود دارد از جمله فلوسیتمتری، ایمینوسیتوشیمی و واکنش زنجیره‌ای پلیمراز معکوس (RT-PCR). روش شاخص برای تعیین میزان بیان ژن MDR1 در سطح mRNA در نمونه‌های بالینی، همان روش RT-PCR است.

هدف از انجام این مطالعه تعیین افتراق بین بیان افزایش یافته ژن مقاومت دارویی چندگانه به وسیله روش RT-PCR می‌باشد.

### روشها

رده سلولی: سلول لوسمیک انسانی میلتوئیدی اریترولوكمیا (K562) و زیرگروه مقاوم آن نسبت به داروی دوکسوروبیسین (KD3 $^0$ ) که به صورت هدیه از خانم دکتر Selina Raguz از دانشگاه لندن گرفته شد در محیط (Gibco) RPMI-۱۶۴۰ رشد داده شد.  $80\%$  سلولهای رده سلولی KD3 $^0$  با استفاده از آنتی‌بادی منوکلونال ضد گلیکوپروتئین

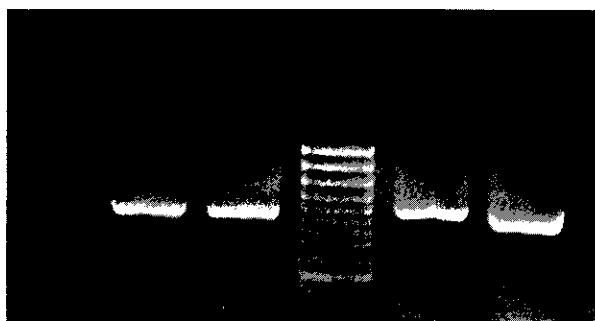
## نتایج

در RT-PCR انجام شده بر روی کل گلبوهای سفید خون افراد طبیعی ۱۰۲۵ bp Parental K562 بیان ژن MDR1 به صورت یک باند متوسط ۳۵ سیکل از PCR دیده شد ولی بیان آن در Parental K562 به صورت هدیه از دکتر Raguz از دانشگاه لندن گرفته شده بود دیده نشد (شکل ۱ و ۲).

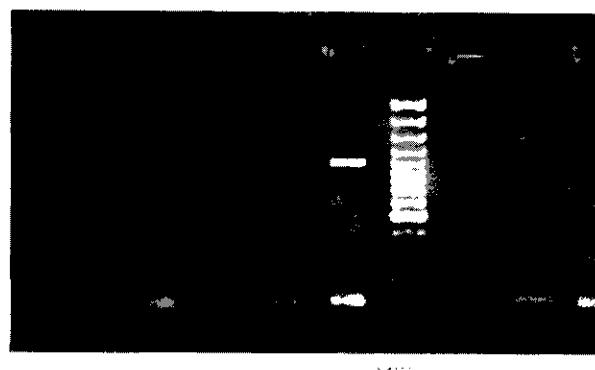
در یک بررسی برای یافتن مقدار سیکل مناسب PCR، بیان ژن MDR1 بر روی لکوسیت‌های طبیعی خون افراد طبیعی (۱) سلول مقاوم KD35 (۴-۶) و یک بیان ضعیف در (۸-۱۰) Parental K562 سیکل مورد بررسی قرار گرفته و یک بیان ضعیف در ۳۰ سیکل در افراد طبیعی و یک بیان ضعیف در ۲۵ سیکل برای سلول مقاوم و یک بیان قوی برای سلول مقاوم در ۳۰ سیکل دیده شد و در Parental K562 و کنترل منفی (۱۱) بیان دیده نشد. بر طبق این نتایج ما دریافتیم که تعداد ۳۰ سیکل در PCR بهترین مقدار سیکل برای افتراق بین بیان طبیعی و بیان افزایش یافته ژن MDR1 است (شکل ۳).

در شکل ۴ یک بیان قوی ژن MDR1 در سلول مقاوم KD30 سلولهای T و سلولهای تک هسته‌ای غیر T و سلولهای تک هسته‌ای جدا شده از خون محیطی افراد تحت داروی GM-CSF و سلولهای ۳۰ K562 تحت داروی دوکسورو بیسین در PCR با ۳۰ سیکل دیده شد در حالی که بیان ژن MDR1 در گلبوهای سفید افراد طبیعی گرانولوسیت‌ها و سلولهای Parental K562 در ۳۰ سیکل PCR دیده نشد (شکل ۴).

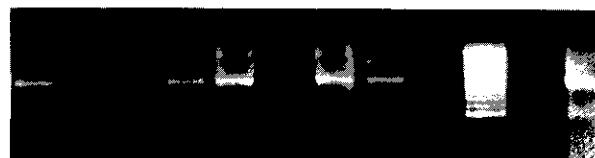
در شکل ۵، بیان ژن MDR1 در سلولهای تک هسته‌ای خون بند ناف و خون محیطی افراد تحت داروی GM-CSF در ۳۰ سیکل PCR در سلولهای Parental K562 دیده شد ولی این بیان در سلولهای مشاهده نگردید. همچنین مشخص شد که بیان ژن MDR1 در سلولهای مقاوم (KD30) قوی‌تر از سلولهای تک هسته‌ای خون بند ناف و خون محیطی افراد تحت درمان با داروی GM-CSF می‌باشد (شکل ۵).



شکل ۲. گلبوهای سفید افراد طبیعی (۱-۳)، KD30 (۴-۶)، Parental K562 (۷-۹)، Raguz (۱۰). شناساگر مولکولی (MW) (۱۱). کنترل منفی (۱۲).



شکل ۳. گلبوهای سفید افراد طبیعی (۱-۳)، KD30 (۴-۶)، Parental K562 (۷-۹)، Raguz (۱۰). شناساگر مولکولی (MW) (۱۱). کنترل منفی (۱۲).



شکل ۴. گلبوهای سفید افراد طبیعی (۱-۳)، سلولهای T Cell (۴)، سلولهای گرانولوسیت‌ها (۵)، سلولهای تک هسته‌ای در گردش خون اهداء (۶)، کنتره تحت داروی GM-CSF (۷-۸)، شناساگر مولکولی (MW) (۹)، K562 تحت داروی دوکسورو بیسین (۱۰)، کنترل منفی (۱۱).

شکل ۱. افراد طبیعی (۱-۶)، Parental K562 تهیه شده از مرکز ملی تحقیقات ژنتیک و تکنولوژی زیستی (۷)، Parental K562 تهیه شده از سازمان انتقال خون ایران (۸)، شناساگر مولکولی (MW) (۹)، کنترل منفی (۱۰).

## است (۱۷).

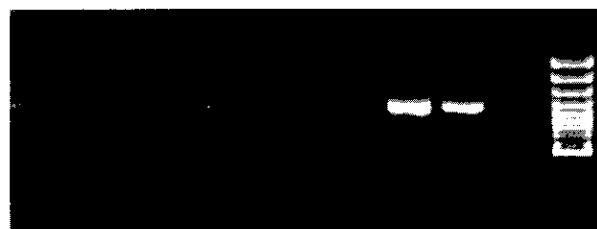
با استفاده از سلول K562 مقاوم به دارو در این مطالعه (KD<sup>۳۰</sup>) ما دریافتیم که در برسیهای چند پارامتری باید از رده سلولی مقاوم به دارو به عنوان کنترل و به عنوان یک استاندارد طلایی استفاده شود که دیگر محققین نیز قبلاً بر لزوم استفاده از آن تأکید کرده‌اند (۱۵). در مطالعه حاضر نشان داده شد که بیان ژن MDR1 در سلولهای تک هسته‌ای خون محیطی و سلولهای T قوی‌تر از سلولهای تک هسته‌ای غیر T است. همچنین بیان ژن MDR1 در سلولهای تک هسته‌ای جدا شده از خون محیطی افراد تحت داروی GM-CSF و سلولهای تک هسته‌ای خون بند ناف مشاهده شد (شکل ۵). این بیان ممکن است به علت وجود سلولهای T و سلولهای CD34+ که تحت تاثیر داروی GM-CSF از مغز استخوان وارد خون محیطی شده‌اند باشند. دو نفر محقق به نامهای Chaudhary و Roninson مطالعه خود بیان گلیکوپروتئین P را در سلولهای CD34+ مغز استخوان نشان داده‌اند (۱۸).

محققین شیوه بیان گلیکوپروتئین P را در سلولهای طبیعی خون محیطی بسیار متغیر گزارش کرده‌اند و در یک مطالعه ده نفری هر ده نفر بیان داشته‌اند و در مطالعه‌ای دیگر از ۲۰ نفر در هیچ‌کدام بیان دیده نشده است (۱۹، ۲۰).

ما بیان ژن MDR1 را در خون محیطی تمام افراد طبیعی در ۳۵ سیکل PCR مشاهده کردیم ولی در ۳۰ سیکل از PCR مشاهده نشد. بنابراین تعداد سیکل PCR در جستجوی بیان ژن MDR1 بسیار مهم است.

## تقدیر و تشکر

از خانم دکتر Selina Raguz مسئول مرکز علوم بالینی امپریال کالج دانشگاه لندن به دلیل در اختیار قرار دادن K562, Parental K562, مقاوم به داروی دوکسوروبیسین (KD<sup>۳۰</sup>) تشکر و قدردانی می‌شود.



شکل ۵ خون بند ناف (۳)، سلولهای تک هسته‌ای اهداء کننده تحت درمان GM-CSF (۴-۶) (Parental K562) (۷)، بدون (۸-۹) (MW cDNA ۱۰)، شناساگر مولکولی (MW)

## بحث

در این مطالعه بیان ژن MDR1 در گلوبولهای سفید خون محیطی در همه افراد طبیعی و سلولهای K562 Parental که از منابع بانک سلولی ایرانی تهیه شده بود در ۳۵ سیکل PCR دیده شد (شکل ۱) در حالی که این بیان در سلول K562 که از دانشگاه لندن تهیه گردیده بود با ۳۵ سیکل PCR مشاهده نشد (شکل ۲). علت این اختلاف ممکن است به علت پاساژهای زیادی که روی سلول K562 گرفته شده از منابع ایرانی انجام شده است باشد که باعث تغییر در کاریوتیپ و رفتار سلولی در طول زمان می‌شود بنابراین برای تحقیقات حساس باید از original cell line استفاده شود.

در بخش دیگری از این تحقیق ما دریافتیم که تعداد سیکلهای PCR در افتراء بین بیان طبیعی و بیان افزایش یافته ژن MDR1 مهم است و ۳۰ سیکل برای این منظور بهترین است و در ۲۵ سیکل هیچ‌گونه بیانی دیده نشد (شکل ۳). یافته ما شبیه به مطالعه‌ای است که در آن بررسی ۱۲ نمونه از خون محیطی و مغز استخوان با استفاده از ۲۵ سیکل در PCR هیچ گونه بیانی از ژن MDR1 مشاهده نشده

## منابع

- Yage E, Armesilla AL, Harrison G, Elliott J, Sardini A, Higgins CF, and Raguz S. P-glycoprotein (MDR1) Expression in leukemic cells is regulated at two distinct steps, mRNA stabilization and translational initiation. *J. Biol. Chem.*, March 21, 2003 ; 278(12): 10344-10352.
- Campos L, Guyotat D, Archimbaud E, Calmard- Oriol P, Tsuruo T, Treille D, Fiere D. Clinical significance of multidrug resistance P-glycoprotein expression on acute nonlymphoblastic leukemia cells at diagnosis. *Blood*. 1992 Jan 15; 79(2) : 473-6.
- Motoji T, Motomura S, Wang YH. Multidrug resistance of acute leukemia and a strategy to overcome it. *Int J Hematol.* 2000 Dec; 72(4) : 418-24.
- Juliano RL, Ling V. A surface glycoprotein modulating drug permeability in Chinese hamster ovary cell mutants. *Biophys Acta*. 1976 Nov 11; 455(1): 152-625.
- Gemann UA. Molecular analysis of the multidrug transporter. In: Clynes M, ed. *Multidrug resistance in cancer*. Dordrecht, Dordrecht, the Netherlands: Kluwer Academic, 1994, 33-62.

*Archive of SID*

6. Paietta E. Classical multidrug resistance in acute myeloid leukemia. *Med Oncol.* 1997 Mar ; 14(1) : 53-60.
7. Drach D, Zhao S, Srach J, Mahadevia R, Gattringer C, Huber H, Andreeff M. Subpopulations of normal peripheral blood and bone marrow cells express a functional multidrug resistant phenotype. *Blood.* 1992 Dec 1; 80(11) : 2729-34.
8. Takeshita A, Shinjo K, Ohnishi K, Ohno R. Expression of multidrug resistance P-glycoprotein in myeloid progenitor cells of different phenotype: comparison between normal bone marrow cells and leukaemia cells. *Br Haematol.* 1996 Apr; 93(1): 18-21.
9. Klimecki WT, Futscher BW, Grogan TM, and Dalton WS. P-glycoprotein expression and function in circulating blood cells from normal volunteers. *Blood.* 1994 ; 83 : 2451-2458.
10. Hunault M, Zhou D, Delmer A, Ramond S, viguie F, Cadiou M, Perrot JY, Levy V, Rio B, Cymbalista F, Zittoun R, Marie JP. Multidrug resistance gene expression in acute myeloid leukemia : major prognosis significance for in vivo drug resistance to induction treatment. *Ann Hematol.* 1997 Feb; 74(2) : 65-71.
11. Del Poeta G, Stasi R, Aronica G, Venditti A, Cox MC, Bruno A, Buccisano F, Masi M, Tribaldo M, Amadori S, Papa G. Clinical relevance of P-glycoprotein expression in de novo acute myeloid leukemia. *Blood* 1996 Mar 1; 87(5) : 1997-2004.
12. Nusster V, Peika-Fleischer R, Zwierzina H, Nerl C, Beckert B, Gieseler F, Diem H, Ledderose G, Gullis E, Saure H, Wilmanns W, P-glycoprotein expression in patients with acute leukemia- clinical relevance. *Leukemia.* 1996 Jul; 10 Suppl 3: S23-S31.
13. Paietta E, Anderson J, Racerskis J. Significantly lower P-glycoprotein expression in acute promyelocytic leukemia than in other types of acute myeloid leukemia. Immunological molecular and functional assays. *Leukemia* 1994, 8, 968-973.
14. Ludescher C, Eisterer W, Hilbe W, Gotwald M, Hofmann J, Zabernigg A, Cianfriglia M, Thaler J. Low frequency of activity of P-glycoprotein (P-170) in acute lymphoblastic leukemia compared to acute myeloid leukemia. *Leukemia.* 1995 Feb ; 9(2) : 350-6.
15. Beck WT, Grogan TM, Willman CL, et al. Methods to detect P-glycoprotein- associated multidrug resistance in patients' tumors: consensus recommendations. *Cancer Res.* 1996 Jul 1; 56(13) : 3010-20.
16. Nørgaard JM, Hokland P. Biology of multiple drug resistance in acute leukemia. *Int J Hematol.* 2000 ; 72 : 290-297.
17. Gurbuxani S, Singh Arya I, Raina V, Sazawal S, Khattar A, Magrath I, Marie J, Bhargava M. Significance of MDR1, MRP1, GSTpi and GSTmu mRNA expression in acute lymphoblastic leukemia. *Cancer Lett.* 2001 Jun 10; 167(1) : 73-83.
18. Chaudhary PM, Roninson IB. Expression and activity of P-glycoprotein, a multidrug efflux pump, in human hematopoietic stem cell. *Cell* 1991 Jul 12; 66(1) : 85-94.
19. Holmes JA, Jacobs A, Carter G, Whittaker JA, Bentley DP, Padua RA. Is the mdrl gene relevant in chronic lymphoblastic leukemia? *Leukemia.* 1990 Mar ; 4(3) : 216-8.
20. Weide R, Dowding C, Paulsen W, Goldman J. The role of the MDR1 / P-170 mechanism in the development of multidrug resistance in chronic myeloid leukemia. *Leukemia.* 1990 Oct ; 4(10) : 695-9.