

## شناسایی و فراوانی گونه‌های کاندیدا در بیماران مبتلا به اشکال مختلف کاندیدیازیس در شهر اصفهان با استفاده از روش PCR-RFLP

رسول محمدی<sup>۱</sup>، دکتر سید حسین میرهندي<sup>۲</sup>، دکتر محمد حسین یادگاری<sup>۳</sup>،  
دکتر شهلا شادزی<sup>۴</sup>، نیلوفر جلالی‌زند<sup>۵</sup>

### خلاصه

**مقدمه:** کاندیدیازیس بیماری قارچی شایعی است که توسط گونه‌های مختلف جنس کاندیدا ایجاد می‌شود. از آن جایی که روش‌های سنتی برای شناسایی این مخمرها وقت‌گیر و در مواردی ناموفق است، تکنیک‌های جدید مولکولی مبتنی بر تفاوت‌های DNA رویکردی مفیدتر و دقیق‌تر است. هدف از مطالعه حاضر شناسایی گونه‌های رایج عامل ایجادکننده این بیماری و بررسی شیوع آن‌ها در شهر اصفهان با استفاده از روش PCR-RFLP بود.

**روش‌ها:** DNA ژنومی مخمر از کشت تازه و با استفاده از فیلترهای FTA استخراج و ناحیه‌ی ITS1-ITS2 با روش PCR تکثیر و با استفاده از آنزیم محدودالتر MspI برش داده شد. محصولات RFLP روی ژل آگارز الکتروفورز گردید و گونه‌ی مخمر بر حسب تفاوت الگوی باندهای به دست آمده شناسایی شد.

**یافته‌ها:** ۱۸۲ جدایه از نقاط مختلف بدن مورد بررسی قرار گرفت. ۸۶ جدایه (۴۷/۲ درصد) به عنوان کاندیدا آلیکنس، ۳۱ جدایه (۱۷ درصد) کاندیدا پاراپسیلوزیس، ۱۹ جدایه (۱۰/۴ درصد) کاندیدای کفیر، ۱۵ جدایه (۸/۲ درصد) کاندیدا تروپیکالیس، ۱۴ جدایه (۷/۷ درصد) کاندیدا گلابراتا، ۱۴ جدایه (۷/۷ درصد) کاندیدا کروزه‌ای و ۳ جدایه (۱/۶ درصد) کاندیدا گیلیومندی شناسایی شدند. در مجموع ۴۷/۲ درصد گونه‌های آلیکنس و ۵۲/۸ درصد گونه‌ها غیر آلیکنس بودند.

**نتیجه‌گیری:** افزایش گونه‌های غیر آلیکنسی به دلیل مقاومت‌های دارویی بیشتر آن‌ها به داروهای ضد قارچی نسبت به گونه‌ی آلیکنس از موضوعات مهم عفونت‌های قارچی است که بیانگر ضرورت بررسی‌های دقیق‌تر اپیدمیولوژیک است. این مطالعه می‌تواند راه‌گشای محققان برای مطالعات کاربردی‌تر باشد.

**واژگان کلیدی:** شناسایی، فراوانی، کاندیدا، PCR-RFLP.

### مقدمه

کاندیدیازیس در نظر گرفته می‌شد اما در دهه‌های اخیر شیوع گونه‌های دیگر از قبیل کاندیدا پاراپسیلوزیس، کاندیدا گلابراتا، کاندیدا کفیر، کاندیدا تروپیکالیس و دیگر گونه‌های غیر آلیکنسی رو به افزایش است (۲-۳). برخی از این گونه‌ها دارای مقاومت ذاتی یا اکتسابی نسبت به داروها هستند. شواهدی وجود دارد که کاندیدا

کاندیدیازیس بیماری قارچی شایعی است که به وسیله‌ی گونه‌های مختلف جنس کاندیدا ایجاد می‌شود. جنس کاندیدا شامل حدود ۱۵۰ گونه می‌باشد (۱). این مخمرها اغلب ارگان‌های بدن انسان را مبتلا می‌نمایند. مدت‌های طولانی کاندیدا آلیکنس به عنوان عامل اصلی

<sup>۱</sup> دانشجوی دکتری تخصصی، گروه قارچ شناسی پزشکی، دانشگاه تربیت مدرس، تهران، ایران.

<sup>۲</sup> دانشیار، گروه انگل شناسی و قارچ شناسی، دانشکده‌ی بهداشت و مؤسسه‌ی ملی تحقیقات سلامت، دانشگاه علوم پزشکی تهران، تهران، ایران.

<sup>۳</sup> دانشیار، گروه قارچ شناسی پزشکی، دانشکده‌ی پزشکی، دانشگاه تربیت مدرس، تهران، ایران.

<sup>۴</sup> استاد، گروه قارچ شناسی، دانشکده‌ی پزشکی، دانشگاه علوم پزشکی اصفهان، اصفهان، ایران.

<sup>۵</sup> کارشناس، مؤسسه‌ی ملی تحقیقات سلامت، دانشگاه علوم پزشکی تهران، تهران، ایران.

شده و در ۳۲ درجه‌ی سانتی‌گراد به مدت ۴۸ ساعت انکوبه شدند. سوسپانسیون غلیظ از هر قارچ در محلول آب-گلیسرول ۲۰ درصد تهیه و به ۲۰- درجه‌ی سانتی‌گراد منتقل شد تا در صورت نیاز قارچ مورد نظر بازیابی گردد. برخی از جدایه‌های مشکوک ابتدا با آزمایش مستقیم میکروسکوپی بررسی و سپس نگهداری شدند.

**استخراج DNA** با توجه به این که FTA-card، روشی حساس و سریع برای استخراج DNA محسوب می‌شود (۱۱-۱۰)، در مطالعه‌ی حاضر از این سیستم برای استخراج DNA استفاده شد. در ابتدا با استفاده از دستگاه پانچر، دیسک‌هایی در اندازه‌های ۲ میلی‌متر از FTA-card ها جدا کرده و مقدار ۴ میکرولیتر از سوسپانسیون غلیظ تهیه شده از سلول‌های تازه مخمری به دیسک‌های آماده شده منتقل گردید. دیسک‌ها ۳-۴ ساعت در دمای آزمایشگاه انکوبه شدند تا خشک شوند. هر دیسک در ۵۰۰ میکرولیتر آب مقطر استریل به مدت ۳ تا ۵ ثانیه شستشو داده شد تا بقایای سلولی از آن جدا شوند. سپس هر دیسک به تیوب‌های حاوی ۳۰ میکرولیتر آب مقطر درجه‌ی مولکولی انتقال و به مدت ۲۰ دقیقه در دمای ۹۵ درجه‌ی سانتی‌گراد در دستگاه Thermal cycler گذاشته شد. آنگاه تیوب‌ها به مدت چند ثانیه میکروپیوژ شد و پس از خارج کردن و دور انداختن دیسک‌های FTA، مایع داخل تیوب حاوی DNA تا مصارف بعدی در ۲۰- سانتی‌گراد نگهداری شد.

**PCR** از این روش برای تکثیر قسمتی از DNA ریپوزومال (rDNA) به نام ITS1-5.6S-ITS2 استفاده شد. در ابتدا مخلوط اصلی PCR شامل ۲/۵ میکرولیتر بافر ۱۰X بدون منیزیم، ۱/۵ میکرومولار  $MgCl_2$ ، ۰/۲ میکرومولار پرایمر رفت: ITS1 (5'-TCC GTA GGT

پاراپسیلوزیس‌های مقاوم به عوامل ضد قارچی امکان انتقال عفونت‌های بیمارستانی را در محیط‌های بیمارستانی از طریق دستان پرسنل بیمارستان، وسایل داخل رگی و مایعات، افزایش می‌دهد (۴-۵). بنابراین تشخیص دقیق گونه‌های کاندیدا در مطالعات اپیدمیولوژیک و در پیشگیری و مهار این عفونت‌ها نقش به‌سزایی دارد. شناسایی گونه‌های کاندیدا با استفاده از روش‌های مرسوم و سنتی از قبیل مشاهده‌ی مستقیم، کشت، جذب و تخمیر قندها هزینه‌بر بوده و به ۳ تا ۵ روز زمان نیاز دارد، ضمن این که تشخیص برخی گونه‌های غیرمعمول با این روش‌ها کاری مشکل و گاه غیرممکن است (۶-۷)، در حالی که با استفاده از روش‌های مولکولی نوظهور می‌توان گونه‌های کاندیدا را با دقت بالا از یکدیگر افتراق داد (۸-۹). هدف از مطالعه‌ی حاضر استفاده از روش مولکولی Polymerase Chain Reaction-Restriction Fragment Length Polymorphism یا PCR-RFLP در بررسی اپیدمیولوژیک گونه‌های مختلف جنس کاندیدا در شهر اصفهان بود. نتایج به دست آمده می‌تواند سرآغازی برای مطالعات جامع‌تر در این زمینه باشد و داده‌هایی مفید برای مسئولین بهداشتی، درمانی و آزمایشگاهی فراهم آورد.

## روش‌ها

از اواسط سال ۱۳۸۸ تا انتهای سال ۱۳۸۹، ۱۸۲ جدایه‌ی کاندیدا تهیه گردید. نمونه‌ها اغلب از مراجعه‌کنندگان به یک آزمایشگاه اختصاصی قارچ‌شناسی و برخی از آن‌ها نیز از نمونه‌های آزمایشگاه مرکزی یک بیمارستان بزرگ در شهر اصفهان جداسازی، جمع‌آوری و نگهداری شد. کلیه‌ی جدایه‌ها بر روی محیط سابورو دکستروز آگار (Sabouraud Dextrose Agar یا SDA) منتقل

عکس برداری شد.

با توجه به اطلاعات قبلی (۸) در کاندیدا آلیکنس اندازه‌ی ناحیه‌ی ITS1-ITS4 قبل از اثر آنزیم MspI، ۵۳۵ جفت باز (bp) و بعد از اثر آن ۲۳۸ و ۲۹۷ می‌باشد. این مقادیر در سایر گونه‌ها به ترتیب تروپیکالیس ۵۲۴ (۱۸۴ و ۳۴۰)، گلابراتا ۸۷۱ (۵۵۷ و ۳۱۴)، کروزه‌ای ۵۱۰ (۲۶۱ و ۲۴۹)، گیلیرموندی ۶۰۸ (۸۲ و ۱۵۵ و ۳۷۱)، پاراپسیلوویس ۵۲۰ (۵۲۰) و کفیر ۷۲۲ (۷۲۲) می‌باشد.

#### یافته‌ها

۱۸۲ جدایه‌ی مخمیری از بیماران مبتلا به کاندیدیازیس در شهر اصفهان جدا شد. ۴۶ جدایه (۲۵/۲ درصد) از مردان و ۱۳۶ جدایه (۷۴/۸ درصد) از زنان به دست آمد. پس از انجام PCR بر روی DNAهای جدا شده با استفاده از پرایمرهای عمومی ITS1 و ITS4، باندهایی با اندازه‌ی ۴۰۰ تا ۹۰۰ جفت باز ایجاد شد. پس از برش این باندها با آنزیم MspI نواحی واجد توالی CCGG بریده می‌شود (۱۲). هضم ناحیه‌ی ITS گونه‌های کاندیدا توسط آنزیم MspI در کاندیدا آلیکنس، کاندیدا کروزه‌ای، کاندیدا تروپیکالیس و کاندیدا گلابراتا دو باند و در کاندیدا گیلیرموندی سه باند ایجاد می‌کند ولی در کاندیدا پاراپسیلوویس و کاندیدا کفیر اندازه‌ی محصول PCR و RFLP یکسان است و در حقیقت محصول PCR در دو گونه‌ی اخیر توسط آنزیم MspI بریده نمی‌شود (شکل ۱).

کاندیدا آلیکنس گونه‌ی غالب جدا شده از نمونه‌های بالینی بود که از ۸۶ مورد (۴۷/۲ درصد) جدا شد. پس از آن کاندیدا پاراپسیلوویس از ۳۱ مورد (۱۷ درصد)، کاندیدای کفیر از ۱۹ مورد (۱۰/۴ درصد)، کاندیدا

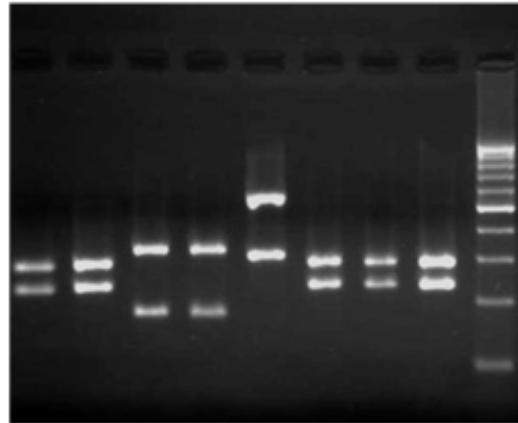
(GAA CCT GCG G-3')، ۰/۲ میکرومولار پرایمر برگشت: ITS4 (5'-TCC TCC GCT TAT TGA TAT GC-3')، ۴۰۰ میکرومولار مخلوط دزوکسی نوکلئوزید تری فسفات (dNTP) و ۱/۲۵ واحد آنزیم Taq DNA polymerase در حجم نهایی ۲۵ میکرولیتر تهیه شد. آن‌گاه به هر تیوب PCR، ۲۳ میکرولیتر پرمیکس مذکور و ۲ میکرولیتر DNAی استخراج شده از هر قارچ اضافه شد. در مرحله‌ی بعدی تیوب‌ها در دستگاه Thermal cycler قرار داده شد و مراحل PCR شامل ۵ دقیقه در ۹۵ درجه به منظور جدا شدن دو رشته‌ی DNA (DNA Denaturation)، ۳۰ سیکل شامل ۴۵ ثانیه‌ی ۹۴ درجه‌ی سانتی‌گراد، ۱ دقیقه‌ی ۵۵ درجه‌ی سانتی‌گراد (Annealing)، ۱ دقیقه‌ی ۷۲ درجه‌ی سانتی‌گراد (Extension) و در نهایت ۷ دقیقه‌ی ۷۲ درجه‌ی سانتی‌گراد (Final extension) برنامه‌ریزی و انجام شد.

**RFLP** ۱۰ میکرولیتر از محصولات PCR هر کدام از جدایه‌های کلینیکی، در واکنش ۱۵ میکرولیتری RFLP حاوی ۳ میکرولیتر آب مقطر، ۱/۵ میکرولیتر بافر و ۱ واحد آنزیم MspI (Fast Digest, Fermentas Lithuania) اضافه شد و به مدت ۲۰ دقیقه در ۳۷ درجه‌ی سانتی‌گراد انکوبه شد.

**الکتروفورز:** ۵ میکرو لیتر از DNAی تکثیر شده و ۷ میکرولیتر از DNAی هضم شده در ژل آگارز ۱/۵ درصد (برای محصولات PCR) و ۲ درصد (برای محصولات RFLP) در تانک الکتروفورز حاوی ۹۰ میکرومولار تریس، ۹۰ میکرومولار بوریک اسید و ۲ میکرومولار EDTA (بافر TBE) بارگذاری گردید. پس از رنگ آمیزی باندهای DNA با محلول اتیريوم بروماید، با استفاده از اشعه‌ی ماورای بنفش مشاهده و

جدول ۲. فراوانی گونه‌های کاندیدای جدا شده از نقاط مختلف بدن

محل ضایعه	گونه کاندیدا (تعداد)	(درصد) تعداد
ناخن	ک.ک. آلیکنس (۳۴)	۱۰۰ (۵۴/۹)
	ک.ک. پاراپسیلوزیس (۲۶)	
	ک.ک. تروپیکالیس (۱۴)	
	ک.ک. کفیر (۱۱)	
	ک.ک. کروزه‌ای (۱۰)	
	ک.ک. گیلیرموندی (۳)	
	ک.ک. گلابراتا (۲)	
واژن	ک.ک. آلیکنس (۲۳)	۳۷ (۲۰/۳)
	ک.ک. گلابراتا (۱۰)	
	ک.ک. کفیر (۲)	
	ک.ک. پاراپسیلوزیس (۱)	
پوست	ک.ک. آلیکنس (۵)	۱۱ (۶)
	ک.ک. پاراپسیلوزیس (۳)	
	ک.ک. کفیر (۲)	
	ک.ک. کروزه‌ای (۱)	
مایع شستشوی برونش (BAL)	ک.ک. آلیکنس (۸)	۹ (۴/۹)
	ک.ک. گلابراتا (۱)	
خلط	ک.ک. آلیکنس (۴)	۸ (۴/۳)
	ک.ک. کروزه‌ای (۱)	
	ک.ک. پاراپسیلوزیس (۱)	
	ک.ک. گلابراتا (۱)	
کشاله‌ی ران	ک.ک. آلیکنس (۴)	۶ (۳/۲)
	ک.ک. کفیر (۲)	
زخم	ک.ک. آلیکنس (۳)	۴ (۲/۲)
	ک.ک. کفیر (۱)	
گلو	ک.ک. آلیکنس (۲)	۴ (۲/۲)
	ک.ک. کفیر (۲)	
ادرار	ک.ک. آلیکنس (۱)	۲ (۱/۱)
	ک.ک. تروپیکالیس (۱)	
خون	ک.ک. آلیکنس (۱)	۱ (۰/۵)



شکل ۱. الکتروفورز محصولات RFLP برخی از ایزوله‌های مخمری در این مطالعه. ردیف ۱ تا ۹ به ترتیب از چپ به راست گونه‌های آلیکنس، آلیکنس، تروپیکالیس، تروپیکالیس، گلابراتا، آلیکنس، آلیکنس، آلیکنس، مارکر ۱۰۰ جفت بازی (bp)

تروپیکالیس از ۱۵ مورد (۸/۲ درصد)، کاندیدا گلابراتا از ۱۴ مورد (۷/۷ درصد)، کاندیدا کروزه‌ای از ۱۴ مورد (۷/۷ درصد) و کاندیدا گیلیرموندی از ۳ مورد (۱/۶ درصد) جدا شد. نتایج نشان داد که گروه سنی ۲۱ تا ۳۰ سال بیش‌ترین و گروه سنی ۷۱ تا ۸۰ سال کم‌ترین موارد ابتلا را به خود اختصاص دادند (جدول ۱).

جدایه‌ها از نقاط مختلف بدن بیماران به دست آمدند که بیش‌تر آن‌ها متعلق به ناخن (۱۰۰ مورد معادل ۵۴/۹ درصد)، واژن (۳۷ مورد معادل ۲۰/۳ درصد) و کم‌ترین آن‌ها متعلق به خون (۱ مورد معادل ۰/۵ درصد) بود (جدول ۲).

جدول ۱. فراوانی موارد ابتلا به کاندیدیازیس در گروه‌های سنی مختلف

محدوده‌ی سنی (سال)	(درصد) تعداد
۱-۱۰	۱۱ (۶)
۱۱-۲۰	۱۰ (۵/۴)
۲۱-۳۰	۴۳ (۲۳/۶)
۳۱-۴۰	۳۸ (۲۰/۸)
۴۱-۵۰	۲۵ (۱۳/۷)
۵۱-۶۰	۲۶ (۱۴/۲)
۶۱-۷۰	۲۱ (۱۱/۵)
۷۱-۸۰	۸ (۴/۳)

کاندیدا آلیکنس در همه‌ی نمونه‌های بالینی دیده شد. کاندیدا کفیر از همه‌ی نمونه‌ها به جز مایع شستشوی برونش (Bronchoalveolar Lavage یا BAL)، ادرار و خون جدا شد. شایع‌ترین گونه در همه‌ی نمونه‌های بالینی کاندیدا آلیکنس بود. کاندیدا گیلرموندی تنها از نمونه‌های ناخن جدا شد. در مجموع ۸۶ مورد (۴۷/۲ درصد) از جدایه‌ها کاندیدا آلیکنس و ۹۶ مورد (۵۲/۸ درصد) از جدایه‌ها غیرآلیکنس بودند.

### بحث

روش‌های متفاوتی برای تعیین گونه‌های قارچی از جمله کاندیدا وجود دارد که در این بین روش‌های مولکولی به دلیل سرعت و دقت بالا از توجه ویژه‌ای برخوردارند. استخراج DNA به منظور انجام PCR با روش‌های مختلفی انجام می‌شود که در این تحقیق استخراج DNA با روش FTA-card انجام شد. FTA-card فیلترهای کاغذی حاوی مواد شیمیایی هستند که برای استخراج و تلخیص DNA و حذف مهارکننده‌ها طراحی شده‌اند. در این روش نیازی به مراحل فیزیکوشیمیایی آماده‌سازی و استخراج DNA که در روش‌های دیگر از قبیل فنل-کلروفرم وجود دارد، نمی‌باشد. این کاغذها باعث تخریب دیواره‌ی سلولی و لیز غشای سلولی قارچ شده و به DNA اجازه می‌دهد از سلول خارج شده و در ماتریکسی از سلولز به دام افتد (۱۰-۱۱). DNA ریوزومی دارای نواحی متعددی می‌باشد. اندازه‌ی نواحی ۵/۸S، ۱۸S و ۲۶S در گونه‌های مختلف کاندیدا اغلب برابر است در حالی که اندازه‌ی ناحیه‌ی ITS بسته به نوع گونه تا حدود زیادی متفاوت است. ناحیه‌ی ITS بین ژن ۱۸S و rDNA۲۸S واقع شده است. اختلاف موجود در اندازه و نوع توالی

این ناحیه فرصتی عالی برای تعیین هویت قارچ‌ها از جمله مخمرها را در سطح گونه فراهم می‌کند. کاندیدا گلابراتا، کاندیدا گیلرموندی و کاندیدا کفیر بدون نیاز به برش آنزیمی در RFLP و تنها از روی ساینز محصول PCR با اطمینان بالایی قابل شناسایی هستند اما وزن مولکولی محصولات PCR در کاندیدا تروپیکالیس، کاندیدا آلیکنس، کاندیدا پاراپسیلوزیس و کاندیدا کروزه‌ای نزدیک به هم بوده و نیازمند برش با آنزیمی افتراق‌دهنده می‌باشد که در این بین آنزیم محدودالتر MspI گزینه‌ی مناسبی است (۱۳، ۸). تشخیص این هفت گونه‌ی مهم پزشکی با استفاده از این آنزیم در روش PCR-RFLP در خلال یک روز میسر می‌باشد. در این مطالعه کاندیدا آلیکنس بیش‌ترین گونه‌ی جدا شده از نمونه‌های بالینی بود اما افزایش گونه‌های غیر آلیکنس نسبت به گذشته از جمله کاندیدا پاراپسیلوزیس، کاندیدا کفیر و کاندیدا تروپیکالیس به نوبه‌ی خود دارای اهمیت ویژه‌ای است. به دلیل مقاومت بیش‌تر گونه‌های غیر آلیکنس به داروهای ضد قارچی نسبت به گونه‌ی آلیکنس (۱۴، ۹)، مطالعات مداوم و پی‌گیرانه‌ی اپیدمیولوژیک در هر جامعه‌ای ضروری می‌باشد. برای مثال کاندیدا تروپیکالیس یکی از عوامل مهم کاندیدیازیس مهاجم است که وفور آن در نمونه‌های مختلف بالینی روبه فزونی است (۱۵).

Irobi و همکاران با استفاده از روش RFLP گونه‌های آلیکنس، دابلینینسیس و کروزه‌ای را در بین ۱۱۴ جدایه کاندیدا از هم افتراق دادند (۱۶).

Okungbowa و همکاران در مطالعه‌ای گزارش کردند که محدوده‌ی سنی ۲۶ تا ۳۰ سال بیش‌تر موارد مثبت کاندیدا را به خود اختصاص داده‌اند (۱۷)، در حالی که در تحقیق حاضر این محدوده‌ی سنی ۲۱ تا

۳۰ سال می‌باشد.

Sehgal گزارش کرد که ۵۴ درصد عفونت‌های دستگاه تناسلی در نیجریه مربوط به محدوده‌ی سنی ۲۱ تا ۳۰ سال است (۱۸)، که این میزان مشابه با میزان شیوع عفونت‌های کاندیدیایی در تحقیق حاضر می‌باشد. در مطالعه‌ی Okungbowa و همکاران گونه‌ی غالب گلابراتا گزارش شد (۱۷)، در حالی که در مطالعه‌ی حاضر گونه‌ی آلیکنس بیش‌ترین جدایه به دست آمده از نمونه‌های کلینیکی بود. Enweani و همکاران گونه‌ی غالب جدا شده از زنانی که داروهای ضد بارداری مصرف می‌کنند را گیلیرموندی گزارش کردند (۱۹).

Clark و همکاران در تحقیقی که بر روی خون ۳۸ بیمار مبتلا به کاندیدیازیس انجام دادند، گزارش کردند که عامل کاندیدیازیس ۲۲ بیمار (۵۷/۸ درصد) کاندیدا پاراپسیلویزس است (۲۰).

در این راستا، هیچ‌گونه مطالعه‌ای راجع به بررسی‌های اپیدمیولوژیک مبتنی بر روش‌های مولکولی در اصفهان یافت نشد اما در شهرهای دیگر ایران تحقیقاتی انجام شده است. به عنوان مثال قهری و همکاران ۱۳۸ جدایه‌ی کاندیدیای به دست آمده از ضایعات اونیکومایکوزیس در شهر تهران را با روش PCR-RFLP تعیین گونه کردند که گونه‌ی غالب کاندیدا آلیکنس (۴۵/۶ درصد) بود و بیش‌ترین شیوع اونیکومایکوزیس مربوط به گروه سنی ۴۰ تا ۷۰ سال گزارش شد (۲۱).

در مطالعه‌ی دیگری در مازندران فتاحی و همکاران با روش PCR و استفاده از پرایمرهای NL1/NL4 منطقه‌ی

متغیر D1/D2 را در ۶۲ جدایه‌ی کاندیدا آلیکنس تقویت کرده و با استفاده از نرم‌افزار BLAST چهار نژاد برای گونه‌ی آلیکنس شناسایی کردند (۲۲).

اسکندری و همکاران در تحقیقی که بر روی ۶۰ جدایه کاندیدا انجام دادند با استفاده از روش PCR و تک جفت پرایمر ویژه ژن CHS1، نشان دادند که ۸۰ درصد جدایه‌ها کاندیدا آلیکنس بود. در این گزارش کاندیدا گلابراتا با فراوانی ۱/۶ درصد کم‌ترین مقدار را به خود اختصاص داد (۲۳). به طور خلاصه می‌توان ذکر کرد که افزایش گونه‌های غیر آلیکنسی و مقاومت بیش‌تر این گونه‌ها به ترکیبات ضد قارچی و در نتیجه افزایش میزان مرگ و میر در مبتلایان به کاندیدیازیس هشدار برای جامعه‌ی پزشکی بوده است و مطالعات بیش‌تر محققان این راه را مطالبه می‌نماید (۲۴). همچنین به دلیل آن که بسیاری از مطالعات مولکولی انجام شده در ایران جنبه‌ی متدلوزی داشته (۲۵-۲۶) و یا بررسی‌های اپیدمیولوژیک با روش‌های سنتی است (۲۷)، انجام مطالعات مستمر در رابطه با بررسی‌های اپیدمیولوژیک با استفاده از روش‌های مولکولی ضروری به نظر رسیده و رواج این تست‌ها در آزمایشگاه‌های بالینی توصیه می‌گردد.

### تشکر و قدردانی

از کلیه‌ی کارکنان آزمایشگاه قارچ‌شناسی شفا، بیمارستان الزهرا (س) و پرسنل و مدیریت مؤسسه‌ی ملی تحقیقات سلامت که صمیمانه در این تحقیق ما را یاری دادند، صمیمانه سپاسگزاریم.

### References

1. Ayatollahi Mousavi S A, Khalesi E, Shahidi Bonjar G H, Aghighi S, Sharifi F, Aram F. Rapid molecular diagnosis for Candida species using PCR-RFLP. *Biotechnol* 2007; 6: 583-587.
2. Tortorano AM, Peman J, Bernhardt H, Klingspor L, Kibbler CC, Faure O, et al. *Epidemiology of*

- candidaemia in Europe: results of 28-month European Confederation of Medical Mycology (ECMM) hospital-based surveillance study. *Eur J Clin Microbiol Infect Dis* 2004; 23(4): 317-22.
3. Marchetti O, Bille J, Fluckiger U, Eggimann P, Ruef C, Garbino J, et al. Epidemiology of candidemia in Swiss tertiary care hospitals: secular trends, 1991-2000. *Clin Infect Dis* 2004; 38(3): 311-20.
  4. Fridkin SK, Jarvis WR. Epidemiology of nosocomial fungal infections. *Clin Microbiol Rev* 1996; 9(4): 499-511.
  5. Pfaller MA. Epidemiology of candidiasis. *J Hosp Infect* 1995; 30(Suppl): 329-38.
  6. Kwok S, Higuchi R. Avoiding false positives with PCR. *Nature* 1989; 339(6221): 237-8.
  7. Elie CM, Lott TJ, Reiss E, Morrison CJ. Rapid identification of *Candida* species with species-specific DNA probes. *J Clin Microbiol* 1998; 36(11): 3260-5.
  8. Mirhendi H, Makimura K, Khoramizadeh M, Yamaguchi H. A one-enzyme PCR-RFLP assay for identification of six medically important *Candida* species. *Nippon Ishinkin Gakkai Zasshi* 2006; 47(3): 225-9.
  9. Cirak MY, Kalkanci A, Kustimur S. Use of molecular methods in identification of *Candida* species and evaluation of fluconazole resistance. *Mem Inst Oswaldo Cruz* 2003; 98(8):1027-32.
  10. Ferrer C, Colom F, Frases S, Mulet E, Abad JL, Alio JL. Detection and identification of fungal pathogens by PCR and by ITS2 and 5.8S ribosomal DNA typing in ocular infections. *J Clin Microbiol* 2001; 39(8): 2873-9.
  11. Borman AM, Linton CJ, Miles SJ, Campbell CK, Johnson EM. Ultra-rapid preparation of total genomic DNA from isolates of yeast and mould using Whatman FTA filter paper technology - a reusable DNA archiving system. *Med Mycol* 2006; 44(5): 389-98.
  12. Shokohi T, Hashemi Soteh MB, Pouri ZS, Hedayati MT, Mayahi S. Identification of *Candida* species using PCR-RFLP in cancer patients in Iran. *Indian J Med Microbiol* 2010; 28(2): 147-51.
  13. Williams DW, Wilson MJ, Lewis MA, Potts AJ. Identification of *Candida* species by PCR and restriction fragment length polymorphism analysis of intergenic spacer regions of ribosomal DNA. *J Clin Microbiol* 1995; 33(9): 2476-9.
  14. Nho S, Anderson MJ, Moore CB, Denning DW. Species differentiation by internally transcribed spacer PCR and HhaI digestion of fluconazole-resistant *Candida krusei*, *Candida inconspicua*, and *Candida norvegensis* strains. *J Clin Microbiol* 1997; 35(4): 1036-9.
  15. Graybill JR, Najvar LK, Holmberg JD, Luther MF. Fluconazole, D0870, and flucytosine treatment of disseminated *Candida tropicalis* infections in mice. *Antimicrob Agents Chemother* 1995; 39(4): 924-9.
  16. Irobi J, Schoofs A, Goossens H. Genetic identification of *Candida* species in HIV-positive patients using the polymerase chain reaction and restriction fragment length polymorphism analysis of its DNA. *Mol Cell Probes* 1999; 13(6): 401-6.
  17. Okungbowa FI, Isikhuemhen OS, Dede AP. The distribution frequency of *Candida* species in the genitourinary tract among symptomatic individuals in Nigerian cities. *Rev Iberoam Micol* 2003; 20(2): 60-3.
  18. Sehgal SC. Epidemiology of male urethritis in Nigeria. *J Trop Med Hyg* 1990; 93(2): 151-2.
  19. Enweani IB, Ogbonna CI, Kozak W. The incidence of candidiasis amongst the asymptomatic female students of the University of Jos, Nigeria. *Mycopathologia* 1987; 99(3):135-41.
  20. Clark TA, Slavinski SA, Morgan J, Lott T, Arthington-Skaggs BA, Brandt ME, et al. Epidemiologic and molecular characterization of an outbreak of *Candida parapsilosis* bloodstream infections in a community hospital. *J Clin Microbiol* 2004; 42(10): 4468-72.
  21. Ghahri M, Mirhendi H, Yadegari M H, Hajizadeh E, Shidfar M. Identification of pathogenic yeasts isolates from nail fungal infections in Tehran using PCR and enzyme digestion. *J Med Sci*. 2010; 1: 79-91
  22. Fattahi M, Shokohi T, Hashemi Soteh MB. Molecular identification of *C. albicans* isolates from oncology patients in four educational-therapeutic centre in Mazandaran. *Journal of Mazandaran University of Medical Sciences* 2007; 17:10-1.
  23. Scandari A, Mesbah Namin A R, Yadegari M H. Usage of PCR method for identification of main pathogenic species of candida in patients with acute candidiasis. *J Kosa Med*. 2008; 13: 115-124.
  24. Capoor MR, Nair D, Deb M, Verma PK, Srivastava L, Aggarwal P. Emergence of non-*albicans* *Candida* species and antifungal resistance in a tertiary care hospital. *Jpn J Infect Dis* 2005; 58(6): 344-8.
  25. Mirhendi S H, Adin H, Shidfar MR, Kordbacheh P, Hashemi SJ, Moazeni M, Hosseinpur L, Rezaie Matehkolaie A. Identification of pathogenic *Candida* species: PCR-FSP method. *Tehran University Medical Journal* 2008; 9: 639-645.
  26. Mirhendi SH, Kordbacheh P, Pezeshki M, Khoramizadeh R. Simple and rapid identification medically important *Candida* species by a PCR restriction enzyme method. *Acta Medica Iranica*. 2003; 41(2): 79-83.
  27. Pakshir K, Yazdani M, Kimiaghali R. Etiology of vaginal candidiasis in Shiraz, southern Iran. *Research J of Microb*. 2007; 2(9): 696-700.

## Identification and Frequency of *Candida* Species in Patients with Different Forms of Candidiasis in Isfahan, Using PCR-RFLP Method

Rasoul Mohammadi<sup>1</sup>, Hossein Mirhendi PhD<sup>2</sup>, Mohammad Hossein Yadegari PhD<sup>3</sup>, Shahla Shadzi PhD<sup>4</sup>, Nilufar Jalalizand<sup>5</sup>

### Abstract

**Background:** Candidiasis is a widespread fungal disease caused by different *Candida* spp. Traditional methods for these yeasts, are time-consuming and in some cases are not successful. New molecular techniques based on differences in DNA targets are faster and more useful. The aim of this study was identification of the most medically common *Candida* species by PCR-RFLP analysis and their prevalence in Isfahan, central Iran.

**Methods:** Yeast genomic DNA was extracted from living cultures using FTA-filters and ITS1-ITS2 region was amplified by PCR and was digested by the restriction enzyme MspI. RFLP products were loaded on agarose gel and yeast species were identified according to differences in their band patterns.

**Findings:** One hundred and eighty two isolates were evaluated from different body locations comprising nail, vagina, groin, blood, wound etc, from which 86 isolates (47.2%) were identified as *C. albicans*, 31 (17%) as *C. parapsilosis*, 19 (10.4%) as *C. kefyr*, 15 (8.2%) as *C. tropicalis*, 14 (7.7%) as *C. glabrata*, 14 isolates (7.7%) as *C. krusei*, 3 isolates (1.6%) as *C. guilliermondii*. Totally 47.2% isolates were *C. albicans* and 52.8% isolates were non-*albicans* spp.

**Conclusion:** Increasing of non-*albicans* species and their more resistance to antifungal drugs than *C. albicans* is an important topic of fungal infections that needed precise epidemiological surveys. This study can be a leader for more applicable studies.

**Key words:** Identification, Frequency, *Candida*, PCR-RFLP.

<sup>1</sup> PhD Student, Department of Medical Mycology, Tarbiat Modares University, Tehran, Iran.

<sup>2</sup> Associate Professor, Department of Parasitology and Mycology, School of Public Health and National Institute of Health Research, Tehran University of Medical Sciences, Tehran, Iran.

<sup>3</sup> Associate Professor, Department of Medical Mycology, Tarbiat Modares University, Tehran, Iran.

<sup>4</sup> Professor, Department of Medical Mycology, School of Medicine, Isfahan University of Medical Sciences, Isfahan, Iran.

<sup>5</sup> National Institute of Health Research, Tehran University of Medical Sciences, Tehran, Iran.

**Corresponding Author:** Hossein Mirhendi PhD, Email: mirhendi@tums.ac.ir