

## بررسی مقایسه‌ای بروز پروتئین مهار کننده‌ی تومور DAL-1 در نمونه‌های سرطانی و سالم تخدمان

دکتر مهدی نیکبخت دستجردی<sup>۱</sup>، زهرا عبدالعالی<sup>۲</sup>

### مقاله پژوهشی

چکیده

**مقدمه:** ژن DAL-1 (Differentially expressed in adenocarcinoma of the lung-1) که بر روی کروموزوم شماره‌ی ۱۸ (18p11.3) واقع است، به عنوان یک ژن مهار کننده‌ی تومور شناخته می‌شود. این ژن از اجزای Cell adhesion molecules است که در سازمان‌دهی اسکلت سلولی با ایجاد اتصالات محکم بین سلولی نقش ایفا می‌نماید. غیرفعال شدن این ژن می‌تواند چسبندگی بین سلولی و نیز اتصال بین غشا و اسکلت سلولی را از بین برده، باعث بروز بدخیمی و متاستاز گردد. این مطالعه با هدف بررسی مقایسه‌ای بروز پروتئین مهار کننده‌ی تومور DAL-1 در نمونه‌های سرطانی و سالم تخدمان انجام گرفت.

**روش‌ها:** در این مطالعه، از ۶۰ نمونه‌ی سرطانی تخدمان و ۶۰ نمونه‌ی بافت سالم مجاور از همان نمونه‌ها استفاده شد. همچنین، از روش ایمونوھیستوشیمی برای بررسی بروز پروتئین DAL-1 استفاده گردید. بررسی درصد سلول‌های رنگ‌آمیزی شده در مقاطع باقی با استفاده از میکروسکوپ نوری و نرم‌افزار 2 Motic Advanced Plus. حضور رنگ قهوه‌ای سیتوپلاسم، همراه با رنگ قهوه‌ای غشا و یا بدون آن، برای بیان DAL-1 مثبت در نظر گرفته شد.

**یافته‌ها:** بیان این پروتئین در بافت‌های سرطانی در مقایسه با بافت‌های سالم مجاور، به طور معنی‌داری کاهش یافته بود ( $P < 0.001$ ). همچنین، کاهش بیان این پروتئین از لحاظ آماری به طور معنی‌داری با متاستاز به غدد لنفاوی مرتبط بود ( $P = 0.036$ ).

**نتیجه‌گیری:** با توجه به کاهش بروز پروتئین DAL-1 در نمونه‌های سرطانی نسبت به نمونه‌های سالم در این مطالعه، به نظر می‌رسد بیان پروتئین DAL-1 بتواند با پاتوژن سرطان تخدمان مرتبط باشد. از طرف دیگر، فقدان یا کاهش بروز معنی‌دار این پروتئین در نمونه‌های سرطانی با متاستاز به غدد نشان می‌دهد که می‌توان DAL-1 را به عنوان یک نشان‌گر تشخیصی برای بیماران مبتلا به سرطان تخدمان مورد استفاده قرار داد.

**وازگان کلیدی:** سرطان تخدمان، ژن DAL-1، ژن مهار کننده‌ی تومور، ایمونوھیستوشیمی

**ارجاع:** نیکبخت دستجردی مهدی، عبدالعالی زهرا. بررسی مقایسه‌ای بروز پروتئین مهار کننده‌ی تومور DAL-1 در نمونه‌های سرطانی و سالم تخدمان. مجله دانشکده پزشکی اصفهان ۱۳۹۲؛ ۳۱ (۲۵۰): ۱۳۵۰-۱۳۳۹.

### مقدمه

یکی از مهم‌ترین بیماری‌های شناخته شده در طب، سرطان است که مسؤول ۱۲/۵۰-۲۰/۰ درصد از موارد مرگ و میر می‌باشد. بر طبق گزارش انجمن بهداشت آمریکا، ۷/۶ میلیون نفر بر اثر سرطان در سال ۲۰۰۷ مرده‌اند. از این‌رو، تشخیص به موقع و

\* این مقاله هاصل پایان‌نامه‌ی دوctorate در تاریخ ۱۳۹۰/۶/۷ در دانشگاه علوم پزشکی اصفهان است.

۱- دانشیار، گروه علوم تشریحی و بیولوژی مولکولی، دانشکده پزشکی، دانشگاه علوم پزشکی اصفهان، اصفهان، ایران

۲- دانشجوی پزشکی، دانشکده پزشکی و کمیته تحقیقات دانشجویی، دانشگاه علوم پزشکی اصفهان، اصفهان، ایران

نویسنده‌ی مسؤول: دکتر مهدی نیکبخت دستجردی

Email: nikbakht@med.mui.ac.ir

این مرحله‌بندی برای تعیین پیش‌آگهی و بقای طولانی مدت بیمار و همچنین در انتخاب رژیم درمانی مناسب بعد از جراحی، بسیار مهم و اساسی می‌باشد. منشأ بیش از ۹۰ درصد سلول‌های سرطانی تخدمان، از سلول‌های پوششی یا اپی‌تیالی سطح تخدمان است و در ۹۰-۹۵ درصد موارد، از نوع اسپورادیک (Sporadic) و مابقی ارشی می‌باشد (۴-۵).

از طرف دیگر، پروتئین‌های کد شده توسط ژنهای مهار کننده‌ی تومور، رشد بیش از حد سلولی را مهار کرده، باعث ثبات در نقشه‌ی ژنومی می‌شوند (۷). در این میان، می‌توان به ژن DAL-1 (Differentially expressed in adenocarcinoma of the lung) اشاره کرد که بر روی بازوی کوتاه کروموزوم شماره‌ی ۱۸ (۱۸p11/۳) واقع است و ابتدا به وسیله‌ی RT-PCR (Real time polymerase chain reaction) به عنوان یک قطعه ژن ۷۵۰ جفت باز شناسایی شد. این پروتئین، متعلق به Protein ۴/۱ superfamily می‌باشد که تشکیل دهنده‌ی گروهی از پروتئین‌های اسکلتی غشا می‌باشد. DAL-1 تجزیه و تحلیل‌های بعدی نشان داد که بیان کننده‌ی قطعه‌ای از ژن پروتئین ۴/۱B می‌باشد و این پروتئین، القا کننده‌ی آپوپتوز است و چسبندگی سلولی را به ماتریکس خارج سلولی کنترل می‌نماید. با هم تراز کردن DAL-1 و پروتئین ۴/۱B، نشان داده شد که پروتئین ۴/۱B حاوی توالی‌های منحصر به فردی است که در DAL-1 یافت نمی‌شود. این ژن، یک حذف در C-terminal domain و N-terminal domain SAB domain دارد (شکل ۱). با وجود این حذف‌ها، DAL-1 تمام خصوصیات لازم برای مهار کنندگی تومور را مانند پروتئین ۴/۱B دارا می‌باشد.

درمان زودرس سرطان اهمیت زیادی دارد و یکی از اهداف مهم تحقیقاتی، شناسایی افراد در معرض خطر، قبل از ابتلا به سرطان می‌باشد (۱).

از مهم‌ترین علت‌های مرگ و میر ناشی از سرطان دستگاه تناسلی زنانه، سرطان تخدمان می‌باشد. این سرطان، ششمین سرطان شایع در زنان است (۲). از علل افزایش بروز این سرطان، می‌توان به افزایش سن، مصرف سیگار و الکل، قاعدگی زودرس و یائسگی دیررس، ناباروری و همچنین سابقه‌ی خانوادگی اشاره کرد. در حالی که حاملگی، شیردهی و استفاده از قرص‌های ضد بارداری، بروز سرطان تخدمان را کاهش می‌دهند (۳).

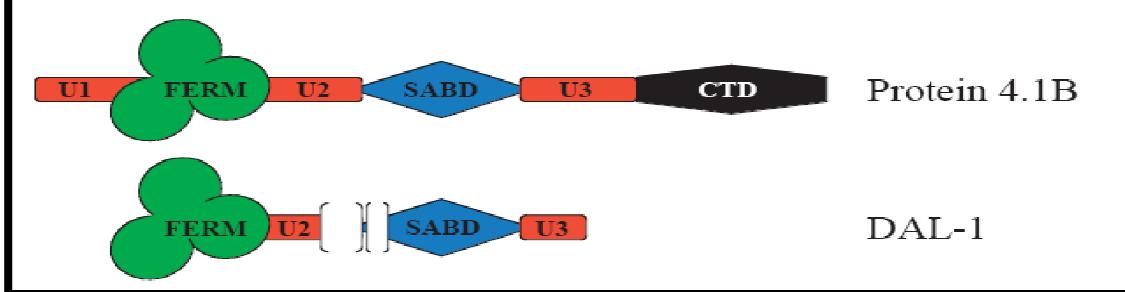
همچنین بروز آن بر اساس نژاد و منطقه‌ی جغرافیایی متفاوت می‌باشد؛ به این صورت که شبوغ آن در آمریکا، کانادا و اروپای شمال غربی بالا و در آمریکای لاتین پایین است (۴).

سرطان تخدمان اغلب به صورت تودهی کیستی در لگن دیده می‌شود. در بیشتر موارد، کیست‌های تخدمان با گذشت زمان برطرف می‌شوند. اما گاهی پزشک، کیستی را مشاهده می‌کند که با گذشت زمان از بین نرفته یا بزرگ‌تر شده است. تومور بدخیم تخدمان، می‌تواند رشد کند و به اندام‌های مجاور تخدمان‌ها نظیر لوله‌های فالوپ و رحم حمله کند و از طریق دستگاه لنفاوی، در غدد لنفاوی ناحیه‌ی لگن، شکم و قفسه‌ی سینه منتشر شود. همچنین این سلول‌های سرطانی به وسیله‌ی جریان خون به اعضایی از بدن نظیر کبد یا ریه‌ها و از طریق عروق لنفاوی به کلیه‌ی متاستاز می‌دهند (۴-۵).

بر اساس یافته‌های جراحی، تومور بر طبق اندازه، گسترش و محل، مرحله‌بندی می‌شود (جدول ۱) (۶).

## جدول ۱. مرحله‌بندی (Staging) تومور تخدمان بر اساس (Federation of gynecology and obstetrics) FIGO

<p>- تومور محدود به تخدمان یا تخدمان یا تخدمانها می‌باشد.</p> <p>فقط یک تخدمان توسط تومور تحت تأثیر قرار گرفته و کپسول تخدمان دست نخورده است.</p> <p>هیچ توموری در سطح تخدمان تشخیص داده نشده است.</p> <p>سلول‌های بدخیم در آسیت یا شستشوی صفاقی قابل شناسایی نیستند.</p> <p>هر دو تخدمان در گیر هستند، اما کپسول تخدمان دست نخورده است.</p> <p>هیچ توموری در سطح تخدمان تشخیص داده نشده است.</p> <p>سلول‌های بدخیم در آسیت یا شستشوی صفاقی، قابل شناسایی نیستند.</p> <p>تومور محدود به یک یا هر دو تخدمان با هر یک از موارد زیر است:</p> <p>کپسول تخدمان پاره شده است.</p> <p>تومور در سطح تخدمان تشخیص داده شده است.</p> <p>سلول‌های بدخیم مثبت در آسیت یا شستشوی صفاقی شناسایی شده‌اند.</p>	Stage 1 1A 1B 1C
<p>- تومور یک یا هر دو تخدمان را در گیر کرده و به لگن گسترش یافته است.</p> <p>تومور تخدمان به رحم یا لوله فالوب گسترش یافته و یا کاشته شود.</p> <p>سلول‌های بدخیم در آسیت یا شستشوی صفاقی قابل شناسایی نیستند.</p> <p>تومور به دیگر اعضا در لگن گسترش یافته است.</p> <p>سلول‌های بدخیم در آسیت یا شستشوی صفاقی قابل شناسایی نیستند.</p> <p>تومور در ۲A/B تعریف شده است و سلول‌های بدخیم در آسیت یا شستشوی صفاقی شناسایی شده‌اند.</p>	Stage 2 2A 2B 2C
<p>- در گیری یک یا هر دو تخدمان و متاستاز صفاقی خارج از لگن با تأیید میکروسکوپی و/یا متاستاز لنفاوی منطقه‌ای / متاستاز به کپسول کبد</p> <p>متاستاز صفاقی میکروسکوپی فراتر از لگن</p> <p>متاستاز صفاقی میکروسکوپی فراتر از لگن، ۲ cm یا کمتر در بزرگترین ابعاد</p> <p>متاستاز صفاقی میکروسکوپی فراتر از لگن، بیش از ۲ cm در بزرگترین ابعاد و/یا متاستاز به غدد لنفاوی منطقه‌ای</p>	Stage 3 3A 3B 3C
<p>- متاستاز دوردست فراتر از حفره صفاقی و متاستاز به پارانشیم کبد</p>	Stage 4 4



شکل ۱. تفاوت‌ها و شباهت‌های ساختاری DAL-1 و Protein 4.1B

بیان پروتئین DAL-1 ناشی از Hypermethylation نابه‌جا در ۵۵ درصد از سرطان‌های ریه و ۴۵ درصد از کارسینوماهای کلیه دیده شده است (۱۰). مدارک متعددی نشان می‌دهند که بروز تغییرات در ویژگی‌های

اولین بار عدم بیان این ژن در سلول‌های سرطانی تومور Non-small cell ریه نشان داد که عملکرد ژن DAL-1 به عنوان یک تنظیم کننده‌ی منفی رشد یا مهار کننده‌ی تومور می‌باشد (۸-۹). از طرفی، کاهش

### معیارهای قابل قبول

- ۱) معیارهای ورود به مطالعه: نمونه‌های با تشخیص سرطان تخدمان که بافت سالم مجاور آن نیز موجود باشد (صرف نظر از فامیلیال بودن یا نبودن آن‌ها).
- ۲) معیارهای خروج از مطالعه: نمونه‌های تخدمان با تشخیصی غیر از سرطان و یا نمونه‌های سرطانی تخدمان که بافت سالم مجاور آن در دسترس نباشد.

#### تهیه‌ی لام ایمونوھیستوشیمی

پس از تأیید تشخیص پاتولوژی نمونه‌ها توسط رنگ‌آمیزی H & E (Hematoxylin and eosin)، مراحل زیر جهت تهیه‌ی لام ایمونوھیستوشیمی به ترتیب انجام گرفت:

الف) آماده‌سازی بافت: ابتدا نمونه‌ها توسط اتانول صعودی (۹۵ و ۷۰ درصد) آبگیری، سپس توسط گزیلن شفاف سازی و در نهایت، به وسیله‌ی پارافین قالب‌گیری گردید.

ب) برش‌گیری: در این مرحله، برش‌های بافتی به ضخامت ۴-۵ میکرون تهیه شد.

ج) رنگ‌آمیزی ایمونوھیستوشیمی: در این مرحله، نمونه‌ها با غوطه‌ور سازی در گریلر، پارافین زدایی شده، بعد از آن توسط اتانول‌های نزولی (۹۹، ۹۵ و ۷۰ درصد) آب‌دهی شد. در مرحله‌ی بعد، به منظور توقف فعالیت Endogenous peroxide برش‌ها به مدت ۱۰ دقیقه در مجاورت پراکسید هیدروژن ۰/۰۵ درصد انکوبه شد.

پس از آن، در آب جاری شستشو داده شد و به مدت ۱ دقیقه، در دمای ۹۸ درجه در بافر ۰/۰۱ مولار سیترات سدیم در یک اون میکروویو، Antigen retrieval انجام گرفت. بعد از این مراحل، فعالیت Endogenous peroxide توسط سرم نرمال

چسبندگی سلول‌های سرطانی، دارای نقشی محوری در ایجاد، پیشرفت و متاستاز سرطان دارد.

بنابراین، فقدان چسبندگی بین سلولی و جدا شدن سلول‌ها از غشاء قاعده‌ای زیرین، به سلول‌های سرطانی این امکان را می‌دهد تا از ناحیه‌ی اولیه‌ی خود رها شوند؛ ماتریکس خارج سلولی را تخریب نمایند و در نهایت، یک فنوتیپ تهاجمی کسب نمایند و به بافت‌های اطراف خود متاستاز بدهند (۱۱).

با توجه به این که سرطان تخدمان یکی از سرطان‌های بدخیم در شهرستان اصفهان می‌باشد، بررسی بروز ژن DAL-1 به عنوان یکی از اجزای Cell adhesion molecules تعیین پیش‌آگهی داشته باشد.

### روش‌ها

#### روش اجرا

مراحل مختلف اجرای این مطالعه به ترتیب زیر بود:

#### تعیین و تخمین حجم نمونه

بر اساس مطالعات قبلی، تعداد ۶۰ نمونه‌ی سرطانی و بافت طبیعی مجاور تومور برای این مطالعه در نظر گرفته شد. نمونه‌ها به صورت بلوک پارافینی آماده از بخش پاتولوژی بیمارستان الزهرا (س)، شهید بهشتی، دکتر شریعتی و مهرگان اصفهان تهیه گردید. برای این کار، ابتدا با حفظ اصول اخلاقی و حفظ مشخصات بیماران به پرونده‌های موجود در بایگانی بیمارستان‌ها بررسی و پس از تعیین افراد مبتلا، سن و شماره‌ی پاتولوژی آن‌ها نوشته شد. سپس لام‌ها و بلوک‌های آن‌ها از انبار مربوط بازیابی گردید. پس از آن به کمک پاتولوژیست، لام‌های سالم و سرطانی تعیین و اطلاعات کلینیکوپاتولوژیک نمونه‌ها ثبت شد.

(۲) کاهش بروز: ۲۰-۵۰ درصد سلول‌های سرطانی برای رنگ‌آمیزی (DAL-1) مثبت بودند.

(۳) فقدان بروز: کمتر از ۲۰ درصد سلول‌های سرطانی در رنگ‌آمیزی (DAL-1) مثبت بودند.

#### تجزیه و تحلیل یافته‌ها

اطلاعات به دست آمده از طریق نرم‌افزار SPSS (SPSS Inc., Chicago, IL) مورد تجزیه و تحلیل آماری قرار گرفت. مقایسه‌ی بین بروز پروتئین در نمونه‌های سرطانی با بروز پروتئین در نمونه‌های بافت سالم مجاور تومور از طریق  $\chi^2$  مشخص گردید.  $P < 0.05$  معنی‌دار تلقی گردید.

#### یافته‌ها

در این مطالعه، از ۶۰ نمونه‌ی سرطانی تخدمان و ۶۰ نمونه‌ی بافت سالم مجاور همان نمونه‌ها و از روش ایمونو‌هیستوشیمی برای بررسی بروز پروتئین DAL-1 استفاده شد.

همچنین از میکروسکوپ نوری و نرم‌افزار Motic Advanced Plus ۲ برای بررسی درصد سلول‌های رنگ‌آمیزی شده از مقاطع بافتی استفاده شد که در ۱۰ محدوده‌ی متفاوت، عکس‌برداری انجام و جهت بررسی کمی از مانیتور LCD استفاده گردید. در این بررسی، حداقل ۱۰۰۰ سلول در هر لام شمارش شد. درصد سلول‌هایی که به رنگ قهوه‌ای رنگ‌آمیزی شده بود، تعیین گردید و بر اساس سه گروه درجه‌بندی شده و بیان این پروتئین در بافت‌های سرطانی و بافت‌های طبیعی مجاور بررسی شد.

حضور رنگ قهوه‌ای سیتوپلاسم همراه با رنگ قهوه‌ای غشا و یا بدون آن، هر دو برای بیان DAL-1 مثبت در نظر گرفته شد (شکل‌های ۲ و ۳).

(Tris-buffered saline) در Goat (Goat TBS) در به مدت پنج دقیقه متوقف شد و سپس سرم اضافی برداشته و آنتی‌بادی اولیه با رقت ۱:۲۰۰ به مدت یک ساعت در درجه‌ی حرارت  $4^{\circ}\text{C}$  اضافه شد. مراحل بعدی، شامل شستشو با TBS دو بار و هر بار پنج دقیقه، انکوبه کردن با آنتی‌بادی ثانویه با رقت ۱:۵۰۰ به مدت ۴۵ دقیقه و شستشوی مجدد با TBS دو بار و هر بار، پنج دقیقه بود.

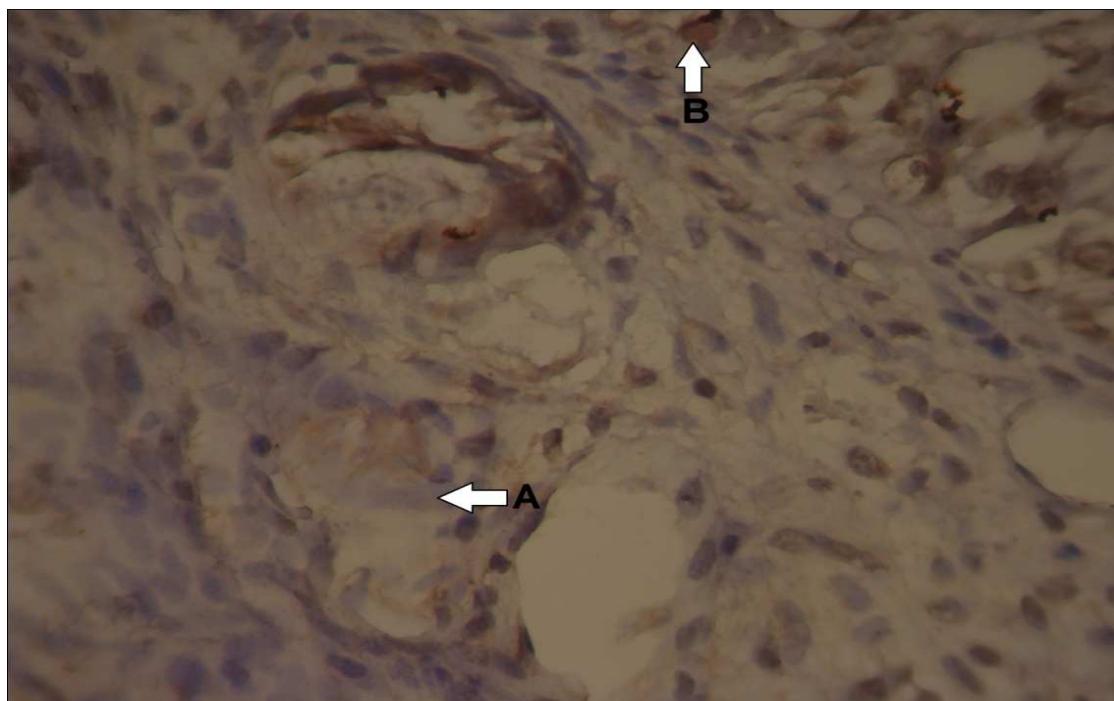
همچنین واکنش کروموزنیک توسط Diaminobenzidine انجام پذیرفت. رنگ‌آمیزی مخالف نیز با Hematoxilin انجام شد و در نهایت، نمونه‌ها زیر میکروسکوپ نوری بررسی شد که در Phosphate (PBS) گروه‌های شاهد منفی، از buffered saline استفاده گردید.

#### بررسی میکروسکوپیک مقاطع نشان‌دار شده با آنتی‌بادی

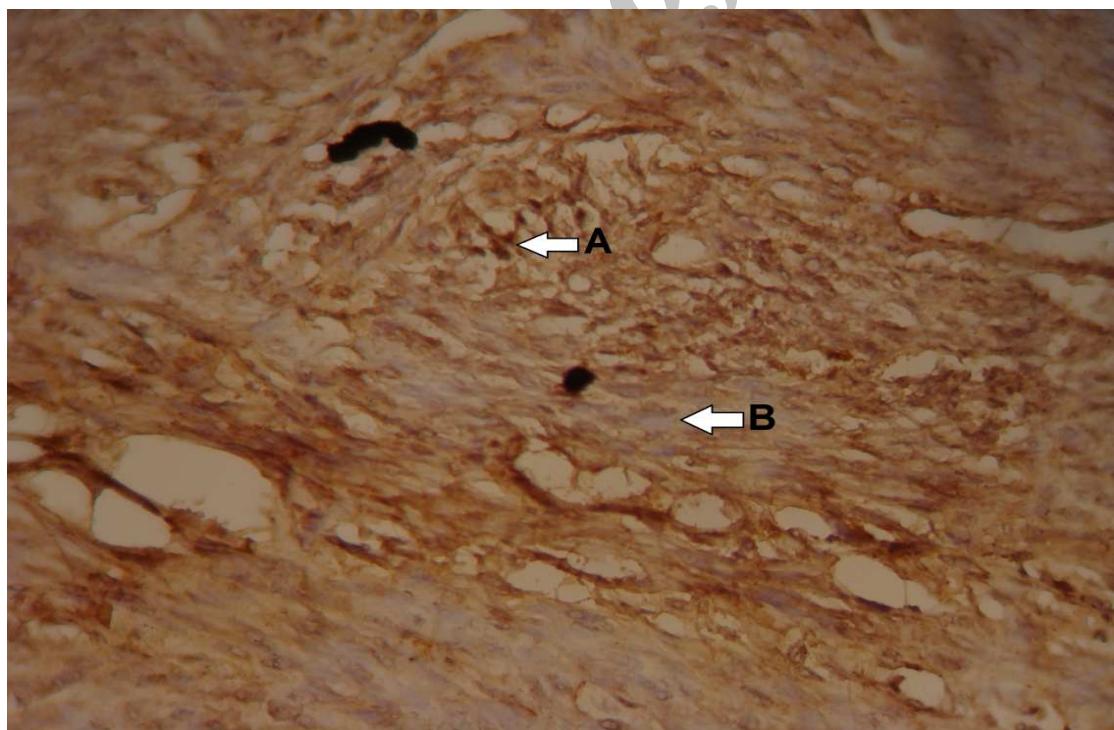
مقاطع نشان‌دار شده با آنتی‌بادی به منظور بررسی میکروسکوپیک با استفاده از میکروسکوپ نوری و به کارگیری نرم‌افزار Motic advance plus ۲ در ۱۰ محدوده‌ی متفاوت تصویربرداری شد، سپس جهت بررسی کمی، از مانیتور LCD استفاده گردید.

در این بررسی، حداقل ۱۰۰۰ سلول در هر لام شمارش شد و درصد سلول‌هایی که رنگ قهوه‌ای گرفته بود، تعیین گردید و شمارش سلول‌های رنگ‌آمیزی شده بدون اطلاع قبلی از هویت نمونه‌ها توسط دو نفر انجام گرفت.

بر همین اساس، نمونه‌ها به سه گروه تقسیم شدند:  
 ۱) بروز طبیعی: بیش از ۵۰ درصد سلول‌های سرطانی در رنگ‌آمیزی (DAL-1) مثبت بودند.



شکل ۲. بروز پروتئین DAL-1 در یک نمونه از بافت سرطانی تخدمان. A، بخش اعظم سلول‌ها به رنگ آبی (عدم بروز پروتئین) و B، بخش کمتری از سلول‌ها به رنگ قهوه‌ای (بروز پروتئین) رنگ‌آمیزی شده‌اند (بزرگنمایی  $\times 400$ ).



شکل ۳. بروز پروتئین DAL-1 در یک نمونه از بافت سالم تخدمان. A، بخش اعظم سلول‌ها به رنگ قهوه‌ای (بروز پروتئین) و B، بخش کمتری از سلول‌ها به رنگ آبی (عدم بروز پروتئین) رنگ‌آمیزی شده‌اند (بزرگنمایی  $\times 400$ ).

جدول ۲. بروز پروتئین DAL-1 در نمونه‌های سرطانی (مورد) و بافت سالم مجاور تومور (شاهد). کاهش معنی‌دار بروز پروتئین در نمونه‌های سرطانی نسبت به نمونه‌های شاهد مشاهده شد (آزمون  $\chi^2$ ).

نمونه‌ها	تعداد کل	فقدان بروز تعداد (درصد)	کاهش بروز تعداد (درصد)	بروز طبیعی تعداد (درصد)	مقدار P
شاهد	۶۰	۰ (۰)	۰ (۰)	۶۰ (۱۰۰)	< ۰/۰۰۱
مورد	۶۰	۱۳ (۲۱/۷)	۱۳ (۲۱/۷)	۱۷ (۲۸/۳)	

جدول ۳. ارتباط بروز پروتئین TSLC1 با ویژگی‌های کلینیکوپاتولوژیک نمونه‌های سرطانی (آزمون  $\chi^2$ )

نمونه‌های سرطانی	ویژگی‌های کلینیکوپاتولوژیک	تعداد کل	فقدان بروز تعداد (درصد)	کاهش بروز تعداد (درصد)	بروز طبیعی تعداد (درصد)	مقدار P
سن		۵۰ ≥	۷ (۲۱/۹)	۱۴ (۴۳/۸)	۱۱ (۳۴/۴)	۰/۲۶۰
		۵۰ <	۶ (۲۱/۴)	۱۶ (۵۷/۲)	۶ (۲۱/۴)	*
متاستاز به غدد لنفاوی	بدون متاستاز	۲۸ (۴۶/۷)	۳ (۱۱/۵)	۱۲ (۴۶/۲)	۱۱ (۴۲/۳)	۰/۰۳۶
	دارای متاستاز	۲۶ (۴۳/۳)	۱۰ (۲۹/۴)	۱۸ (۵۳/۰)	۶ (۱۷/۶)	
Stage	I	۱۰ (۱۶/۷)	۰ (۰)	۵ (۵۰/۰)	۵ (۵۰/۰)	۰/۱۱۰
	II	۶ (۱۰/۰)	۱ (۱۶/۷)	۳ (۵۰/۰)	۲ (۳۳/۳)	
	III	۳۵ (۵۸/۳)	۹ (۲۵/۷)	۱۷ (۴۸/۶)	۹ (۲۵/۷)	
	IV	۹ (۱۵/۰)	۳ (۳۳/۳)	۵ (۵۵/۶)	۱ (۱۱/۱)	

\* بین کاهش بیان پروتئین DAL-1 و متاستاز به غدد لنفاوی رابطه معنی‌داری از نظر آماری مشاهده شد.

تهما ۲۵ درصد) مبتلایان می‌باشد (۵). با وجود بهبود در عمل جراحی و پاسخ اولیه‌ی خوب بیماران به شیمی درمانی مبتنی بر پلاتین، میزان بقای بیماران مبتلا به سرطان تخدمان برای بیش از سه دهه پس از تشخیص، بهبود کمی داشته است (۱۲).

از آن جایی که این سرطان همانند سرطان‌های دیگر از یک روند تدریجی شروع، پیشرفت موضعی و در نهایت متاستاز پیروی می‌کند، شناسایی مارکرهای ژنتیکی از اهمیت بالایی برخوردار می‌باشد (۱۳). پروتئین DAL-1 یکی از این مارکرهای DAL-1/ Protein ۴/1B عملکرد مهار کنندگی تومور ۴/1B در مطالعات اخیر اثبات شده است. دانشمندان با استفاده از آنتی بادی‌های خاص، مشاهده کرده‌اند که پروتئین ۴/1B یک مولکول ۱۴۵-۱۲۵ kDa می‌باشد

در تحقیق حاضر، بیان این پروتئین در بافت‌های سرطانی در مقایسه با بافت‌های طبیعی مجاور به طور معنی‌داری کاهش یافته بود ( $P < 0/001$ ) (جدول ۲). همچنین کاهش بیان این پروتئین از لحاظ آماری به طور معنی‌داری با متاستاز به غدد لنفاوی ( $P = 0/036$ ) مرتبط بود (جدول ۳).

## بحث

از آن جایی که تومور تخدمان، از مهم‌ترین علت‌های مرگ و میر ناشی از سرطان دستگاه تناسلی زنانه و فاقد عالیم زودرس قابل شناسایی می‌باشد، این بدینخیمی در بیشتر بیماران مبتلا، در مراحل یا Stage‌های بالاتری تشخیص داده می‌شود و به دنبال آن تحت درمان قرار می‌گیرد که نتیجه‌ی آن بقای نه چندان زیاد (بقای ۵ ساله

را با هفت کروموزوم (۴، ۵، ۶، ۱۳، ۱۴، ۱۵ و ۱۸)، که غالب در سرطان‌های اولیه‌ی تخمدان به طور متعدد حذف می‌شدن، گزارش کرده‌اند (۱۶-۱۹).

آن‌ها دریافتند که کروموزوم ۱۸ باعث مهار شدن فنوتیپ نوپلاستیک رده‌های سلولی سرطان تخمدان می‌شود (۲۰-۲۱). یکی از ژن‌های کاندید بر روی کروموزوم ۱۸ در تحقیق مذکور، EPB41L<sup>3</sup> یا DAL-1 بوده است که ارزیابی عملکردی بیشتر دربارهٔ تومورهای اولیه‌ی تخمدان انجام گرفت و در مدل‌های سه بعدی از سرطان تخمدان، منجر به ارایهٔ شواهد متعددی از نقش DAL-1 در پیشرفت سرطان تخمدان شد. آن‌ها این ژن را، یک ژن کاندید مهار کننده‌ی تومور سرطان تخمدان شناسایی کردند. این ژن به صورت گسترده در رده‌های سلول سرطانی تخمدان و بافت‌های اولیه‌ی تومور در مقایسه با سلول‌های اپی‌تیال طبیعی تخمدان، متیله شده و بیان این ژن در ۶۵ درصد کل تومورهای مهاجم اولیه‌ی تخمدان و در ۷۹ درصد رده‌های سلول‌های سرطانی تخمدان از دست رفته است (۱۳).

از طرفی، بیان مجدد ژن در مدل‌های سه بعدی سلول‌های سرطانی تخمدان، باعث مهار شدن رشد و افزایش آپوپتوز آن‌ها شده است. بر اساس این مطالعه، که تجزیه و تحلیل‌های آن بر اساس عملکرد های شناخته شده و آنالیز مولکولی چندین رده سلول سرطانی تخمدان بوده است، اما این امکان وجود دارد که ژن‌های دیگر شناخته شده یا حتی ژن ناشناسی، عامل اصلی مهار شدن تومور باشند. بر اساس نظر آن‌ها، پیگیری یک یا چند ژن دیگر شناخته شده (اگر نقشی در سرطان زایی در تخمدان

که در غشای پلاسمایی نزدیک نقاط تماس سلول به سلول لوکالیزه می‌شود و این، نشان دهنده‌ی نقش این پروتئین در فرایندهای واسطه‌ای سلول-غشا است. این حقیقت که بیان بیش از حد DAL-1 باعث اختلال در حرکت سلول و در هم گسیختگی اکتنین اسکلت سلولی در طی گسترش سلول می‌شود، مؤید این ایده نیز می‌باشد. فقدان هتروزیگوتی (LOH) یا (Loss of heterozygosity) در محل ۱۱/۳، جایی که نقشه‌ی ژن DAL-1 موجود می‌باشد، در ۳۸ درصد تومورهای ریه، مغز و پستان یافته شده است. علاوه بر این، ورود مجدد DAL-1 به سلول‌های سرطانی ریه‌ی فاقد این ژن و رده‌های سلولی منتثیوماً، باعث کاهش تکثیر سلولی شده است (۱۴).

در سال‌های اخیر مشخص شده است که DAL-1 با مولکول‌های ۱۴-۳-۳ (که در تنظیم چرخه‌ی سلولی نقش دارند) در هر دو محیط In vivo و In vitro واکنش می‌دهد. به علاوه، این واکنش مخصوص DAL-1 می‌باشد و در سایر اعضای خانواده پروتئین ۴/۱B مشاهده نشده است. از آن جا که CD44 و ۱۴-۳-۳ هر دو در مسیرهای سیگنالینگ میتوژنیک دخیل هستند، ممکن است همراهی پروتئین ۱B/۴ با این پروتئین‌ها برای عبور سیگنال‌های مهار کننده‌ی رشد پروتئین ۴/۱B مهم باشد (۱۵).

در برخی مطالعات، دانشمندان از روش MMCT (Microcell-mediated chromosome transfer) برای شناسایی مناطق کروموزومی که در توسعه‌ی سرطان تخمدان نقش دارند، همچنین تشخیص کروموزوم‌ها و مناطق ساب کروموزومی که باعث سرکوب نوپلاستیک در سلول‌های سرطان تخمدان می‌شوند، استفاده کرده‌اند. آن‌ها ارتباط سرطان تخمدان

بیشتر بوده و با مراحل بالاتر تومور، رابطه معنی‌داری داشته است (۱۳).

مشابه با نتایج پژوهش حاضر، تجزیه و تحلیل ایمونوہیستوشیمی بیش از ۸۰۰ تومور تخدمان نشان داد که در حدود دو سوم از نمونه‌های سرطانی تخدمان، DAL-1 دچار کاهش بروز شده است؛ اما به شدت در اپیتلیوم طبیعی تخدمان بیان شده است (۲۲). مطالعات قبلی نشان داده است که DAL-1 در منثیوما، سرطان ریه، پروستات و کبد، هایپر متیله می‌شود. دانشمندان شواهدی از هایپر متیلاسیون وسیع پرومотор DAL-1 در سرطان‌های اولیه‌ی تخدمان در مقایسه با سلول‌های طبیعی را مشاهده و اظهار کرده‌اند که این مشاهده، علت احتمالی کاهش DAL-1 در تومورهای تخدمان می‌باشد (۲۵-۲۳).

در پایان، باید به این نکته اشاره کرد که برای درک هر چه بهتر مکانیسم‌های احتمالی دیگر برای غیر فعال شدن این پروتئین و همچنین بررسی سریع‌تر و دقیق‌تر بروز این پروتئین در سرطان تخدمان، نیاز به تحقیقات و مطالعات بیشتری وجود دارد.

### نتیجه‌گیری

با توجه به کاهش بروز پروتئین DAL-1 در نمونه‌های سرطانی نسبت به نمونه‌های سالم در این مطالعه، بیان پروتئین DAL-1 می‌تواند با پاتولوژن سرطان تخدمان مرتبط باشد. از طرف دیگر، فقدان یا کاهش بروز این پروتئین، به طور معنی‌داری در نمونه‌های سرطانی با متاستاز به غدد لنفاوی بیش از سایر نمونه‌ها بوده است. بنابراین، می‌توان DAL-1 را به عنوان یک مارکر تشخیصی برای بیماران مبتلا به سرطان تخدمان مورد استفاده قرار داد.

داشته باشند)، نیاز به آنالیزهای عملکردی گسترد و اضافی دارد (۱۳).

در مطالعه‌ی حاضر، برای بررسی بررسی بروز پروتئین DAL-1 در سرطان تخدمان، بروز این پروتئین با رنگ‌آمیزی (Interstate highway construction) IHC در ۶۰ نمونه‌ی سرطانی بررسی شد و از ۶۰ نمونه از بافت سالم مجاور همان نمونه‌های توموری به عنوان نمونه‌ی شاهد استفاده شد. از اطلاعات کلینیکوپاتولوژیک نمونه‌ها نیز برای بررسی و ارتباط آن با نتایج رنگ‌آمیزی استفاده گردید.

نتایج پژوهش حاضر نشان داد که در تمام بافت‌های طبیعی تخدمان، پروتئین DAL-1 در سطوح بالایی بروز کرده است. در مقابل، در گروه نمونه‌های سرطانی تخدمان، کاهش و یا فقدان بروز پروتئین مورد بحث، مشاهده گردید. از طرف دیگر، فقدان یا کاهش بروز این پروتئین به طور معنی‌داری در نمونه‌های سرطانی با متاستاز به غدد لنفاوی بیش از سایر نمونه‌ها بود. بنابراین، بر طبق این یافته‌ها، فقدان یا کاهش بروز پروتئین DAL-1 در سرطان تخدمان می‌تواند باعث یک اتفاق اکتسابی در سطح مولکولی باشد که توسط آن، سلول‌های سرطانی بیشتر در معرض متاستاز دور دست قرار می‌گیرند. از طرف دیگر، پروتئین DAL-1 ممکن است عملکردی به عنوان Cell adhesion molecule داشته باشد و در نتیجه‌ی کاهش یا فقدان بیان آن، متاستاز دور دست اتفاق بیفتد.

اما طبق مطالعه و بررسی حاضر، رابطه معنی‌داری بین بروز این پروتئین و Stage های بالاتر بیماری وجود نداشت؛ در حالی که در مطالعه‌ای دیگر، بروز DAL-1 در Stage های بالاتر تومور

## References

1. Nussbaum R, McInnes RR, Willard HF. Cancer genetics and genomics. In: Nussbaum R, McInnes RR, Willard HF, editors. Thompson and Thompson genetics in medicine. 6<sup>th</sup> ed. Philadelphia, PA: W.B. Saunders; 2001. p. 125-50.
2. Gayet J, Zhou XP, Duval A, Rolland S, Hoang JM, Cottu P, et al. Extensive characterization of genetic alterations in a series of human colorectal cancer cell lines. *Oncogene* 2001; 20(36): 5025-32.
3. Nishisho I, Nakamura Y, Miyoshi Y, Miki Y, Ando H, Horii A, et al. Mutations of chromosome 5q21 genes in FAP and colorectal cancer patients. *Science* 1991; 253(5020): 665-9.
4. Kinzler KW, Nilbert MC, Su LK, Vogelstein B, Bryan TM, Levy DB, et al. Identification of FAP locus genes from chromosome 5q21. *Science* 1991; 253(5020): 661-5.
5. Shahshahan Z. Distribution and staging of 250 patients with ovarian cancer. *Iran J Surg* 2013; 12(33): 30-4.
6. Benedet JL, Bender H, Jones H, III, Ngan HY, Pecorelli S. FIGO staging classifications and clinical practice guidelines in the management of gynecologic cancers. FIGO Committee on Gynecologic Oncology. *Int J Gynaecol Obstet* 2000; 70(2): 209-62.
7. Gudmundsdottir K, Ashworth A. The roles of BRCA1 and BRCA2 and associated proteins in the maintenance of genomic stability. *Oncogene* 2006; 25(43): 5864-74.
8. Tran YK, Bogler O, Gorse KM, Wieland I, Green MR, Newsham IF. A novel member of the NF2/ERM/4.1 superfamily with growth suppressing properties in lung cancer. *Cancer Res* 1999; 59(1): 35-43.
9. Gutmann DH, Hirbe AC, Huang ZY, Haipek CA. The protein 4.1 tumor suppressor, DAL-1, impairs cell motility, but regulates proliferation in a cell-type-specific fashion. *Neurobiol Dis* 2001; 8(2): 266-78.
10. Tsujiuchi T, Sugata E, Masaoka T, Onishi M, Fujii H, Shimizu K, et al. Expression and DNA methylation patterns of Tslc1 and Dal-1 genes in hepatocellular carcinomas induced by N-nitrosodiethylamine in rats. *Cancer Sci* 2007; 98(7): 943-8.
11. Uchino K, Ito A, Wakayama T, Koma Y, Okada T, Ohbayashi C, et al. Clinical implication and prognostic significance of the tumor suppressor TSLC1 gene detected in adenocarcinoma of the lung. *Cancer* 2003; 98(5): 1002-7.
12. Cannistra SA. Cancer of the ovary. *N Engl J Med* 2004; 351(24): 2519-29.
13. Dafou D, Grun B, Sinclair J, Lawrenson K, Benjamin EC, Hogdall E, et al. Microcell-mediated chromosome transfer identifies EPB41L3 as a functional suppressor of epithelial ovarian cancers. *Neoplasia* 2010; 12(7): 579-89.
14. Perry A, Cai DX, Scheithauer BW, Swanson PE, Lohse CM, Newsham IF, et al. Merlin, DAL-1, and progesterone receptor expression in clinicopathologic subsets of meningioma: a correlative immunohistochemical study of 175 cases. *J Neuropathol Exp Neurol* 2000; 59(10): 872-9.
15. Yu T, Robb VA, Singh V, Gutmann DH, Newsham IF. The 4.1/ezrin/radixin/moesin domain of the DAL-1/Protein 4.1B tumour suppressor interacts with 14-3-3 proteins. *Biochem J* 2002; 365(Pt 3): 783-9.
16. Wan M, Sun T, Vyas R, Zheng J, Granada E, Dubeau L. Suppression of tumorigenicity in human ovarian cancer cell lines is controlled by a 2 cM fragment in chromosomal region 6q24-q25. *Oncogene* 1999; 18(8): 1545-51.
17. Kruzelock RP, Cuevas BD, Wiener JR, Xu FJ, Yu Y, Cabeza-Arvelaiz Y, et al. Functional evidence for an ovarian cancer tumor suppressor gene on chromosome 22 by microcell-mediated chromosome transfer. *Oncogene* 2000; 19(54): 6277-85.
18. Cao Q, Abeysinghe H, Chow O, Xu J, Kaung H, Fong C, et al. Suppression of tumorigenicity in human ovarian carcinoma cell line SKOV-3 by microcell-mediated transfer of chromosome 11. *Cancer Genet Cytogenet* 2001; 129(2): 131-7.
19. Stronach EA, Sellar GC, Blenkiron C, Rabiasz GJ, Taylor KJ, Miller EP, et al. Identification of clinically relevant genes on chromosome 11 in a functional model of ovarian cancer tumor suppression. *Cancer Res* 2003; 63(24): 8648-55.
20. Yaqinuddin A, Abbas F, Naqvi SZ, Bashir MU, Qazi R, Qureshi SA. Silencing of MBD1 and MeCP2 in prostate-cancer-derived PC3 cells produces differential gene expression profiles and cellular phenotypes. *Biosci Rep* 2008; 28(6): 319-26.
21. Yi C, McCarty JH, Troutman SA, Eckman MS, Bronson RT, Kissil JL. Loss of the putative tumor suppressor band 4.1B/Dal1 gene is dispensable for normal development and does not predispose to cancer. *Mol Cell Biol* 2005; 25(22): 10052-9.

22. Kobel M, Huntsman D, Gilks CB. Critical molecular abnormalities in high-grade serous carcinoma of the ovary. *Expert Rev Mol Med* 2008; 10: e22.
23. Kikuchi S, Yamada D, Fukami T, Masuda M, Sakurai-Yageta M, Williams YN, et al. Promoter methylation of DAL-1/4.1B predicts poor prognosis in non-small cell lung cancer. *Clin Cancer Res* 2005; 11(8): 2954-61.
24. Yamada D, Kikuchi S, Williams YN, Sakurai-Yageta M, Masuda M, Maruyama T, et al. Promoter hypermethylation of the potential tumor suppressor DAL-1/4.1B gene in renal clear cell carcinoma. *Int J Cancer* 2006; 118(4): 916-23.
25. Schulz WA, Alexa A, Jung V, Hader C, Hoffmann MJ, Yamanaka M, et al. Factor interaction analysis for chromosome 8 and DNA methylation alterations highlights innate immune response suppression and cytoskeletal changes in prostate cancer. *Mol Cancer* 2007; 6: 14.

Archive of SID

## Comparative Investigation of DAL-1 Tumor Suppressor Protein Expression in Cancerous and Normal Ovarian Specimens

Mehdi Nikbakht Dastjerdi PhD<sup>1</sup>, Zahra Abdolali<sup>2</sup>

### Original Article

#### Abstract

**Background:** DAL-1 (differentially expressed in adenocarcinoma of the lung-1), located on chromosome 18 (18p11.3), has been identified as a tumor suppressor gene. DAL-1 is one member of cell adhesion molecules, play role in cytoskeleton organization with intracellular tight junctions. Inactivation of this gene can destroy the intracellular and cell-cytoskeleton adhesion, which induces malignancy and metastasis. We aimed to compare the DAL-1 tumor suppressor protein expression in cancerous and normal ovarian specimens.

**Methods:** 60 samples of ovarian cancer and 60 adjacent normal tissues from the same tumor samples were used. Immunohistochemistry method used to investigate the expression of DAL-1 protein. For scrutiny of percentage of cells in stained tissue sections, we took advantage of optical microscope and motic advanced plus 2 software. The presence of brown cytoplasm, with or without brown membrane, was considered positive for the expression of DAL-1.

**Findings:** Significantly, expression of DAL-1 protein was reduced in tumoral tissues compared with adjacent normal tissues ( $P < 0.001$ ). Also, the decrease of protein expression was statistically related with lymph node metastasis ( $P = 0.036$ ).

**Conclusion:** According to the low incidence of DAL-1 protein in tumor samples compared to normal samples in this study, DAL-1 protein expression can be related with the pathogenesis of ovarian cancer. On the other hand, significantly relation of the absence or reduce expression of this protein in cancerous samples with lymph node metastasis reveals that DAL-1 can be used as a diagnostic marker for ovarian cancer patients.

**Keywords:** Ovarian cancer, DAL-1, Tumor suppressor gene, Immunohistochemistry

**Citation:** Nikbakht Dastjerdi M, Abdolali Z. Comparative Investigation of DAL-1 Tumor Suppressor Protein Expression in Cancerous and Normal Ovarian Specimens. J Isfahan Med Sch 2013; 31(250): 1339-50

\* This paper is derived from a medical doctorate thesis No. 390607 in Isfahan University of Medical Sciences.  
1- Associate Professor, Department of Anatomical Sciences and Molecular Biology, School of Medicine, Isfahan University of Medical Sciences, Isfahan, Iran

2- Student of Medicine, School of Medicine AND Student Research Committee, Isfahan University of Medical Sciences, Isfahan, Iran  
**Corresponding Author:** Mehdi Nikbakht Dastjerdi PhD, Email: nikbakht@med.mui.ac.ir