

بیماریهای گیاهی، جلد ۴۰، ۱۳۸۳

بررسی روند پیشرفت بیماری لکه‌گرد برگ چغندرقند با استفاده از * مدل‌های اپیدمیولوژیکی

Modeling of disease progress in Cercospora leaf spot of sugar beet

ریحانه مدینان محمدی^{*}، واهه میناسیان^{**}، ناصر صفائی، سیدباقر محمودی و حمید شریفی
بخش گیاهپژوهی دانشکده کشاورزی دانشگاه شهید چمران، گروه بیماری‌شناسی گیاهی،
دانشکده کشاورزی دانشگاه تربیت مدرس، موسسه تحقیقات اصلاح و تهیه بذر چغندرقند،
مرکز تحقیقات کشاورزی صفوی آباد-دزفول

دریافت ۸۲/۷/۱ پذیرش ۸۳/۴/۱۷

چکیده

مطالعه روند پیشرفت بیماری لکه گرد برگ چغندرقند ناشی از *Cercospora beticola* با ایجاد اپیدمی مصنوعی، در یک رقم مقاوم خارجی و لاینهای ۷۱۱۲، ۲۶۱، ۱۹۱ و ۲۳۶ در قالب یک طرح بلوكهای کامل تصادفی با چهار تکرار در منطقه صفوی آباد دزفول و در دو سال زراعی متوالی ۱۳۷۹-۸۰ و ۱۳۸۰-۸۱ انجام شد. مقایسه برآزش مدل‌های شناخته شده در اپیدمیولوژی بیماریهای گیاهی با استفاده از مدل‌های تکمولکولی، لوگستیک، گومپرتز، لوگ-لوگستیک و ویبول صورت گرفت. نتایج برآزش داده‌های مربوط به پیشرفت بیماری در رقم و لاینهای مذکور نشان داد که در سال اول مدل‌های لوگستیک و لوگ‌لوگستیک بیشترین برآزش را با داده‌های واقعی مربوط به پیشرفت بیماری نشان دادند. در سال دوم مدل‌های

* قسمتی از پایان‌نامه کارشناسی نگارنده اول ارائه شده به دانشگاه شهید چمران اهواز

** مسئول مکاتبه

لوجستیک، لوگ‌لوجستیک و گومپرتز کارآیی بیشتری در توصیف پیشرفت بیماری داشتند. در تجزیه و تحلیل داده‌های مربوط به هر دو سال مدل لوگ‌لوجستیک در مقایسه با سایر مدل‌ها بیشترین کارآیی را در توصیف مراحل پیشرفت بیماری نشان داد و مدل‌های تک مولکولی و ویبول فاقد کارآیی لازم در این زمینه بودند.

طی دو سال تحقیق حاضر مشخص شد که بیماری از اواسط اسفندماه ظاهر شده و تا اواسط خرداد پیشرفت می‌کند. با توجه به اینکه برداشت چغندرقند در خوزستان همه ساله از اوایل اردیبهشت ماه شروع می‌شود، به منظور کاهش میزان خسارت بیماری تاریخ برداشت مزارع آلوده بایستی در اولویت قرار گیرد.

واژه‌های کلیدی: چغندرقند، لکه‌گرد برگ، *Cercospora beticola*، مدل‌های اپیدمیولوژی، تک مولکولی،
لوجستیک، لوگ‌لوجستیک، گومپرتز، ویبول

مقدمه

بیماری لکه‌گرد برگ چغندرقند یکی از مهمترین بیماریهای قارچی این گیاه است که در مناطق گرم و مرطوب شیوع داشته و خسارات قابل توجهی از نظر کمی و کیفی به زراعت چغندرقند وارد می‌کند (Holtschutte 2000). این بیماری اولین بار در سال ۱۸۷۶ گزارش شده و در تمام دنیا بویژه در اروپا و آمریکا شایع است. در ایران بیماری ابتدا توسط اسفندياری در سال ۱۳۲۶ جمع‌آوری و سپس از مناطق اردبیل، بندرعباس، خوزستان، بجنورد، سواحل دریای خزر، کازرون، خرم‌آباد، خوی و ارومیه نیز گزارش شد (Ershad 1995). عامل بیماری لکه‌گرد برگ چغندرقند قارچ *Cercospora beticola* است، که علاوه بر چغندرقند سایر گونه‌های متعلق به جنس *Beta* را آلوده می‌کند. بیمارگر در ایران از روی گیاهان سلمک، کاهو، کرفس، اسفناج، سیبازمینی و سویا نیز جمع‌آوری شده است (Ershad 1995).

خشارت ناشی از این بیماری با کاهش در وزن ریشه و محتوای شکر که منجر به پایین آمدن عملکرد ریشه و شکر سفید استحصالی می‌شود همراه است (Rossi et al. 2000) و از طرف دیگر با افزایش املاح یا مواد غیرقدی خصوصاً سدیم، پتاسیم و ازت مضر باعث کاهش

ارزش تکنولوژیک چغدرقند می شود (Shane & Teng 1992). برآورد میزان خسارت از ۸ درصد تا بالغ بر ۵۵ درصد (Mikhailov 1975) از کشورهای مختلف گزارش شده است (Rossi *et al.* 2000) و کاهش محصول از مزارع آلوده بین ۱۰ تا ۴۰ درصد از کشورهایی چون استرالیا، فرانسه، آلمان، یونان، ایتالیا، هلند، اسپانیا و ترکیه گزارش شده است (Byford 1996). در سال ۱۹۹۸ پانسیل تخربی بیماری در شمال ایتالیا بالغ بر صد میلیون یورو برآورد شده است (Meriggi *et al.* 2000).

یکی از ابزارهای مهم مدیریت این بیماری مطالعات اپیدمیولوژیک می باشد. یکی از جنبه های بررسیهای کمی اپیدمیکها، آنالیز زمانی آنها و انتخاب یک مدل مناسب جهت توصیف داده های پیشرفت بیماری است. انتخاب مدل از این جهت مهم است که پارامترهای محاسبه شده مدل، پایه ای آنالیز آماری را تشکیل داده و مقایسه منحنی های پیشرفت بیماری را ممکن می سازند (Campbell & Madden 1990). منحنی پیشرفت بیماری (منحنی شدت بیماری در مقابل زمان) با اندازه گیری مقدار بیماری موجود در یک جمعیت گیاهی در زمانهای مختلف بدست می آید.

از جمله مدل هائی که برای آنالیز داده های پیشرفت بیماری گیاهی بکار رفته اند، مدل نمایی (exponential)، تک مولکولی (monomolecular)، لو جستیک (logistic)، گومپرتز (Gompertz)، لوگ-لوجستیک (log-logistic)، ویبول (Weibull)، فون بر-الانفی-ریچارد (Von Bertalanffy-Richards) و پلی‌نومیمال (polynomial) می باشند (Campbell & Madden 1990, Vander plank 1963). مدل لو جستیک به خاطر کارآئی بالا و کاربرد وسیعی در تشریح بسیاری از اپیدمی ها، احتمالاً مهمترین مدل جهت آنالیز زمانی پیشرفت بیماریها است. گومپرتز (Gompertz 1825) مدلی را جهت رشد جمعیت حیوانات پیشنهاد داد. برگر (Berger 1981) کارآئی این مدل را نسبت به مدل لو جستیک در توصیف ۱۱۳ اپیدمی از بیماری گیاهی به اثبات رساند (Madden 1980, Campbell & Madden 1990). اخیرا مطالعات ارزندهای بر روی برآورد آستانه های اپیدمیک برای پیش بینی خسارت بیماری لکه گرد چغدرقند انجام شده است. در این مطالعات زمان سمپاشی با استفاده از منحنی های پیشرفت بیماری تعیین گردیده است (Wolf and Verreet, 2002).

در این تحقیق روند پیشرفت بیماری لکه گرد برگ چغnderقند در شرایط طبیعی منطقه دزفول مورد بررسی قرار گرفت و از طریق مقایسه‌ی برازش داده‌های پیشرفت بیماری با مدل‌های شناخته شده در اپیدمیولوژی بیماریهای گیاهی، بهترین مدل برای این بیماری انتخاب شد. این اولین مطالعه از زاویه اپیدمیولوژی کمی بر روی این بیماری در ایران است.

روش بررسی

به منظور انجام مطالعات مربوط به توسعه بیماری در شرایط طبیعی نیاز به مایه‌زنی مصنوعی با مایه تلقیح قارچ می‌باشد تا آلدگی یکنواخت در تمام ارقام آزمایشی حاصل شود. تهیه و آماده سازی مایه تلقیح

به این منظور بعد از خالص‌سازی جدایه‌ی تک اسپور در محیط آب-آگار-پنی‌سیلین، قارچ جهت رشد به محیط کشت عصاره هشت گیاه (۲۰۰ میلی‌لیتر عصاره ۷۸ در یک لیتر آب، ۳ گرم کربنات‌کلسیم و ۲۰ گرم آگار) یا عصاره برگ چغnderقند-آگار منتقل گردید. سپس ظروف پتی در نور مداوم و دمای ۱۵ تا ۱۷ درجه سانتیگراد نگهداری شد. جهت مایه‌زنی از کشت ۴ تا ۶ روزه‌ی قارچ استفاده گردید. هر ظرف پتی برای آلدگی ۱۰ مترمربع زمین مزرعه استفاده و سماپاش برای ۴۰۰ لیتر آب در هکتار کالبیره شد. به منظور کمک به تنفس و نفوذ اسپور، یک روز قبل از مایه‌زنی و دو روز بعد از آن، مزرعه آزمایشی به صورت بارانی آبیاری شد. تعداد دفعات اسپورپاشی (مایه‌زنی) بین یک تا سه مرتبه و زمان آن از نیمه دوم اسفند ماه شروع شد. این زمان مصادف با ظهور علائم لکه برگی به طور طبیعی روی بعضی از برگهای خارجی بوته‌ها بود.

بررسی روند پیشرفت بیماری در مزرعه

این آزمایش در دو سال زراعی متوالی ۱۳۷۹-۸۰ و ۱۳۸۰-۸۱ در مرکز تحقیقات صفت‌آباد دزفول در قالب طرح بلوك کامل تصادفی صورت پذیرفت. در سال اول آزمایش از یک رقم و چهار لاین چغnderقند شامل مونودرا (رقم مقاوم خارجی) و لاینهای ۷۱۱۲، ۲۶۱، ۱۹۱ و ۲۳۶ در چهار تکرار و هر تکرار شامل سه خط به طول ۸ متر و با فاصله ۶۰ سانتیمتر بوده که در اواخر شهریور ماه کشت گردید. در سال دوم رقم مقاوم خارجی HM-1836 جایگزین رقم

مونودرا شد. آماربرداری و ثبت شدت بیماری براساس مقیاس نمره‌دهی عددی ۰ تا ۵ (Anonymous 1994) بعد از ظهور اولین علائم روی برگهای خارجی شروع و تا زمانی که در دو تاریخ متوالی شدت بیماری ثابت باقی ماند، ادامه یافت. این زمان مصادف با زمان برداشت چغندرقد در اوخر خرداد ماه بود.

مشخصات مدل‌های مورد استفاده در تجزیه و تحلیل پیشرفت بیماری
معادلات دیفرانسیلی، انتگرالی و شکل خطی مدل‌های مورد استفاده در این تحقیق در مقاله

علیزاده و همکاران به تفصیل شرح داده شده است (Alizadeh *et al.* 2004).

تجزیه و تحلیل داده‌ها

تجزیه آماری داده‌ها با استفاده از نرم‌افزار Stat Graphics و رسم نمودارهای پیشرفت بیماری جهت بررسی برآذش مدل‌های اپیدمیولوژیکی با استفاده از نرم‌افزار Harward Graphics صورت پذیرفت. به این ترتیب روند پیشرفت بیماری در طول زمان برای هر یک از ارقام مورد آزمایش به دست آمد.

نتیجه و بحث

آزمایش سال زراعی ۱۳۷۹-۸۰

داده‌های مربوط به شدت بیماری لکه گرد برگ ارقام مورد آزمایش چغندرقد در طول دوره رشد در جدول شماره ۱ خلاصه شده است. این نتایج نشان داد که رقم مونودرا مقاومترین و لاینهای ۱۹۱ و ۲۳۶ حساس ترین ارقام مورد آزمایش بودند. زمان ظهور علائم لکه برگی روی تمامی ارقام یکسان بود ولی شدت نهایی بیماری متناسب با سطح حساسیت مواد ژنتیکی متفاوت بود (جدول ۱).

خلاصه نتایج این ارزیابی که با استفاده از دو شاخص مهم ضریب تبیین (Coefficient of determination (R^2) و میانگین مربعات خطا (MSe) (mean square error) صورت گرفته است. در جدول ۲ ارایه شده است. با مقایسه R^2 و MSe در مدل‌های تست شده کارآیی هرکدام از این مدل‌ها جهت پیشرفت بیماری و برآذش آنها با داده‌های واقعی مربوط به پیشرفت بیماری تعیین می‌گردد. شایان ذکر است که در ارزیابی یک مدل، R^2 معیار بسیار مهمی بوده و MSe از

اهمیت کمتری برخوردار است. بنابراین جهت مقایسه مدل‌های مورد نظر ابتدا به R^2 توجه می‌شود و چنانچه به علت تشابه R^2 مدل‌ها، امکان انتخاب مدل مناسب وجود نداشته باشد در مرحله بعد به MSe توجه می‌شود.

جدول ۱- میانگین شدت بیماری مشاهده شده در آزمایش سال زراعی ۱۳۷۹-۸۰

Table 1. Averages of observed disease severity in the experiment of 2000-2001

Variety	Date						Mean of DS%
	13 April	17 April	24 April	2 May	12 May	17 May	
Monodera	0.62	0.87	1.23	2.12	2.6	2.78	9.05B
7112	0.85	1.11	1.73	2.7	3.15	3.21	22.53AB
261	0.88	1.24	1.75	2.85	3.33	3.46	26.06A
191	1	1.66	1.69	2.74	3.8	4	31.05A
236	1	1.38	1.6	2.86	3.78	3.8	39.91A**

*Disease Severity ; **Comparison of DS means by Duncan test; figures with same letter are not significantly different at $P = 0.01$

بهمنظور تعیین برازش پنج مدل رشدی فوق الذکر برای داده‌های مربوط به پیشرفت بیماری در رقم مونودرا، با ملاحظه‌ی جدول شماره ۲ نتیجه‌گیری می‌شود که مدل‌های لوگستیک و لوگ-لوگستیک با داشتن بالاترین R^2 بیشترین برازش را با داده‌های واقعی مربوط به پیشرفت بیماری دارند. مدل گومپرتر نیز در سطح بعدی قرار می‌گیرد که با آزمون t مشخص شد که بین این سه مدل از لحاظ آماری اختلاف معنی‌داری وجود ندارد. (شکل ۱) پیش‌بینی روند توسعه‌ی بیماری را در این رقم (مونودرا) و برازش آن با داده‌های واقعی مربوط به پیشرفت بیماری در مدل لوگستیک* را نشان می‌دهد. در این شکل نرخ مطلق (dy/dt) نسبت به زمان مربوط به پیشرفت بیماری که سرعت پیشرفت بیماری در طی زمان را نشان می‌دهد نیز ترسیم شده است. همانطور که ملاحظه می‌شود از اوایل اردیبهشت (t=35) منحنی شدت بیماری (y) حالت تصاعدی به خود گرفته و بیشترین تغییر در شدت بیماری نسبت به زمان (dy/dt) در

* از میان ۵ مدل مورد استفاده طی هر دو سال آزمایش فقط نمودار مدلی که بهترین تبیین را برای هر کدام از ارقام و لاین‌های چندر داشتند، در شکل‌های ۱ تا ۵ نشان داده شده است.

اواخر اردیبهشت (t=53) ماه رخ می‌دهد و بعد از آن منحنی پیشرفته ندارد. مدل ویبول به علت اختلاف بسیار زیاد دو منحنی y و y_p (شدت بیماری پیش‌بینی شده) توانایی ارائه خوبی از تفسیر بیماری نداشت. مدل تک مولکولی هم چون جهت توصیف بیماریهای تک چرخه‌ای (Monocyclic) کاربرد دارد، این آزمایش نشان داد که قادر به توصیف مراحل پیشرفته این بیماری چند چرخه‌ای در شرایط استان خوزستان نمی‌باشد.

جدول ۲- مقایسه ضریب تبیین (R²) و (MSe) رقم Monodera و چهار لاین 7112 و 261 و 191 و 236 برای هر یک از مدل‌های اپیدمی‌شناسی در سال زراعی ۷۹-۸۰

Table 2. Coefficient of determination and MSe in different epidemiological models for Monodera variety and four lines including 7112, 261, 191 and 236 in 2000-2001

Variety or Line	Monomolecular		Logistic		Loglogistic		Gompertz		Weibull	
	R ² %	MSe								
Monodera	41.04	0.02	87.27	0.65	87.97	0.62	79.02	0.1	69.71	0.01
7112	68.58	0.07	90.45	0.69	91.33	0.63	89.03	0.12	86.67	0.02
261	77.44	0.06	94.09	0.38	93.94	0.39	90.93	0.11	89.25	0.02
191	70.91	0.17	96.81	0.23	94.08	0.44	87.83	0.22	85.57	0.04
236	59.88	0.23	76.4	1.95	75.57	2.02	73.44	0.51	72.42	0.07

با توجه به جدول ۲ و منحنی‌های پیشرفته بیماری در مقابل زمان (شکل ۱-B) محرز است که در لاین ۷۱۱۲ مدل‌های لوگ-لوجستیک، لوجستیک و گومپرترز به ترتیب با ضریب تبیین‌های ۹۱/۳۳، ۹۰/۴۵ و ۸۹/۹۰ درصد برازش بالایی با داده‌های واقعی مربوط به پیشرفته بیماری دارند. از لحاظ آماری در سطح یک درصد اختلاف معنی‌داری بین مدل‌ها وجود ندارد و روند پیشرفته بیماری در این لاین مشابه رقم مقاوم مونوکلور می‌باشد. نیز با مشاهده جدول ۲ مشخص می‌شود که در لاین ۲۶۱ که مدل لوچستیک ($R^2 = 94\%$) بالاترین ضریب تبیین را داراست و مدل‌های لوگ-لوچستیک ($R^2 = 93/94\%$) و گومپرترز ($R^2 = 91\%$) در رده‌های بعدی قرار می‌گیرند و آزمون t اختلاف معنی‌داری را بین مدل‌ها نشان نداد. این لاین نیز روند پیشرفته مشابهی با رقم موونوکلور و لاین ۷۱۱۲ دارد با این تفاوت که شدت نهایی بیماری در

این لاین بیشتر است. (شکل A-۲) نمودارهای مقدار بیماری پیش‌بینی شده و مشاهده شده در مقابل زمان و نرخ افزایش بیماری در طی زمان در لاین ۲۶۱ را نشان می‌دهد. در لاین ۱۹۱ نیز مدل لوگستیک با داشتن بالاترین $R^2 = 0.81$ درصد) و کمترین خطای (MSe = ۰/۲) بیشترین برآورد را با داده‌های واقعی مربوط به پیشرفت بیماری دارد (شکل B-۲). در لاین ۲۳۶ نیز همانند دو لاین قبلی مدل لوگستیک بالاترین R^2 را دارد. این مدل نشان می‌دهد که اوایل اردیبهشت نمودار شدت بیماری (y) سیر صعودی را طی می‌کند و بیشترین آن در اواخر اردیبهشت رخ می‌دهد و بعد از آن پیشرفت منحنی متوقف می‌شود (شکل A-۳).

آزمایش سال زراعی ۱۳۸۰-۸۱

نتایج حاصل از یادداشت برداری سال زراعی ۱۳۸۰-۸۱ در جدول ۳ خلاصه شده است. این نتایج نشان داد که رقم HM-1836 که جایگزین رقم مقاوم مونودرا شده بود، مقاومترین رقم و لاینهای ۱۹۱، ۲۳۶ همچون سال گذشته حساسترین مواد ژنتیکی مورد آزمایش بودند.

جدول ۳- میانگین شدت بیماری مشاهده شده در آزمایشات سال زراعی ۱۳۸۰-۸۱

Table 3. Averages of observed disease severity in 2001- 2002

Variety \ Day	16 March	26 March	6 April	20 April	26 April	20 May	3 June	Mean of DS%
HM-1836	0.16	0.33	0.43	0.73	1.25	1.48	1.8	0.96B**
7112	0.66	0.9	1.61	2.1	2.55	2.43	3.16	16.92A
261	0.48	0.75	1.41	1.98	2.48	2.68	3	12.98A
191	0.3	0.6	1.131	1.4	2.15	2.71	3.7	19.20A
236	0.36	0.53	1.25	1.56	2.41	2.41	3.6	14.93A

*Disease Severity ; **Comparison of DS means by Duncan test; figures with same letter are not significantly different at $P = 0.01$

در این آزمایش نیز مدل‌های قبلی برای تمامی ارقام مورد ارزیابی قرار گرفت. مقادیر ضریب تبیین (R^2) و میانگین مربعات اشتباہ آزمایش (MSe) در جدول ۴ آورده شده است. با توجه به مقادیر R^2 ، MSe و نمودارهای مربوط به پیشرفت بیماری (شکل A-۴) در رقم HM-1836، مدل لوگستیک ($R^2 = 0.81$) بیشترین برآورد را با داده‌های واقعی مربوط به پیشرفت بیماری دارد. پس از آن به ترتیب مدل‌های گومپرتر و لوگ-لوگستیک قرار دارند که با آزمون t

اختلاف معنی‌داری بین این مدل‌ها دیده نمی‌شود. با ملاحظه جدول ۴ مشخص می‌شود که، در لاین ۷۱۱۲ مدل‌های گومپرتز و لوگ-لوجستیک به ترتیب با ضریب تبیین‌های ۹۳ و ۹۲/۵ درصد و میزان MSe پایین، بیشترین برآش را با داده‌های واقعی مربوط به پیشرفت بیماری دارند (شکل ۴-B). مدل لوچستیک ($R^2=90/7\%$) در رده بعدی قرار دارد که مقایسه میانگین‌ها با آزمون t اختلاف معنی‌داری را بین این سه مدل نشان نمی‌دهد. در این لاین تا اوایل اردیبهشت روند پیشرفت بیماری بسیار کند بوده و تا اواخر اردیبهشت بیشترین تغییر در شدت بیماری به وجود می‌آید (شکل ۴-B). براساس مقادیر MSe و R^2 در لاین ۲۶۱ مدل لوگ-لوچستیک بالاترین R^2 ($R^2=93/21\%$) را به خود اختصاص داده است (شکل ۴-A) و مدل‌های گومپرائز ($R^2=90/88\%$) و لوچستیک ($R^2=89/7\%$) در سطوح بعدی قرار می‌گیرند و اختلاف معنی‌داری ندارند. در لاین ۱۹۱ بالاترین R^2 مربوط به مدل لوچستیک ($R^2=96\%$) است و پس از آن مدل‌های لوگ-لوچستیک ($R^2=91\%$) و گومپرائز ($R^2=89\%$) قرار می‌گیرند (شکل ۴-B). بالاخره با توجه به جدول ۴ نتیجه‌گیری می‌شود که در لاین ۲۳۶ مدل لوچستیک ($R^2=79/38\%$) بالاترین ضریب تبیین را داشته و بعد از آن مدل گومپرائز ($R^2=77/67\%$) قرار می‌گیرد. براساس (شکل ۴-B) اوج بیماری یا بیشترین مقدار شدت بیماری در لاین ۲۳۶ در اواخر اردیبهشت ماه رخ می‌دهد و بعد از آن منحنی سیر نزولی را طی می‌کند.

جدول ۴- مقایسه ضریب تبیین (R^2) و MSe (RHM-1836) و لاین‌های ۷۱۱۲ و ۲۶۱ و ۱۹۱ و

۲۳۶ برای هر یک از مدل‌های اپیدمی‌شناسی در سال زراعی ۸۰-۸۱

Table 4. Coefficient of determination and MSe in different epidemiological models for HM-1836 variety and four lines including 7112, 261, 191 and 236 in 2001-2002

Variety Or Line	Monomolecular $R^2\%$	Log-logistic MSe $R^2\%$	Log-logistic MSe $R^2\%$	Gompertz MSe $R^2\%$	Weibull MSe $R^2\%$
Hm-1836	53.24	0.001	81.79	0.38	75.61
7112	79.89	0.017	90.68	0.55	92.54
261	72.28	0.009	89.69	0.5	93.21
191	69.62	0.07	96.07	0.33	91.62
236	56.43	0.08	79.38	1.7	71.13

با توجه به نتایجی که در آزمایشات سال‌های زراعی ۸۰-۸۱ و ۷۹-۸۰ به آنها اشاره

شد، مشخص می‌شود که در سال اول مدل لوگستیک بالاترین R^2 را برای سه لاین ۲۶۱، ۱۹۱، ۲۳۶ داشته و اختلاف بسیار ناچیزی با مدل لوگ-لوگستیک در رقم مونودرا دارد. در سال دوم نیز برای سه رقم ۱۸۳۶-HM، ۱۹۱ و ۲۳۶ مدل لوگستیک بیشترین ضریب تبیین را به خود اختصاص می‌دهد. همچنین اگر از مقادیر R^2 مربوط به پنج رقم آزمایشی برای هر یک از مدل‌های مورد مطالعه بطری جدآگانه میانگین گیری شود، برای هر یک از مدل‌ها یک R^2 بدست می‌آید. مقایسه‌ی میانگین نهایی R^2 نشان می‌دهد که در سال اول مدل لوگستیک با متوسط ضریب تبیین ۸۹ درصد و در سال دوم با متوسط ۸۷/۵ درصد بالاترین R^2 را داشته و بیشترین برآش را با داده‌های واقعی مربوط به پیشرفت بیماری لکه گرد برگ چغندرقند دارا می‌باشد. این مطالعات نشان داد که مدل‌های تک مولکولی و ویبول کارآیی لازم را در توصیف روند پیشرفت این بیماری ندارند (جداول ۲ و ۴).

بررسی برآش مدل‌های اپیدیوپلوزیک به منظور انتخاب بهترین مدل توسط محققین مختلف صورت گرفته است از جمله می‌توان در ایران به مطالعات مليحی‌پور و همکاران (۱۳۷۹) بر روی بلایت فوزاریومی سنبله گندم اشاره کرد. آنها روند توسعه بیماری را در دماه‌های ۲۱، ۱۸، ۲۴ و ۲۰ درجه سانتیگراد بررسی کردند و دریافتند که در هر سه رقم گندم مدل گومپترز با داشتن بالاترین میانگین R^2 و کمترین میانگین MSE، بیشترین کارآیی را در توصیف بیماری دارا است. مطالعات میرزا (۱۳۸۰) بر روی بیماری بلایت فوزاریومی سنبله گندم تحت شرایط میست و خارج از میست روی چهار رقم گندم نشان داد که مدل‌های مونومولکولار و ویبول (C=2) نسبت به سایر مدل‌ها کارآیی بالاتری دارند. زادوکس در سال ۱۹۶۱ معادله لوگستیک را در یک مطالعه بر روی رنگ زرد گندم به کاربرد و یک روش گرافیکی برای تنظیم طول متغیر در دوره نهان معرفی نمود (Campbell & Madden 1990).

کارآیی مدل لوگستیک در توصیف اثر دوره رطوبت و دما بر روی آلدگی گل شمعدانی توسط Corky bark (Sirjusingh & Sutton 1996) *Botrytis cinerea*، آنالیز پیشرفت زمانی بیماری (Septoria lycopersici) در انگور (Tanne et al. 1996)، ارزیابی شدت بیماری لکه برگی سپتوریا (Parker et al. 1997) و تعیین زمان و فراوانی کاربرد قارچکش برای مدیریت و کنترل بیماری لکه برگی خاکستری ذرت ناشی از *Cercospora zea - maydis*

(Ward *et al.* 1997) نیز به اثبات رسیده است.

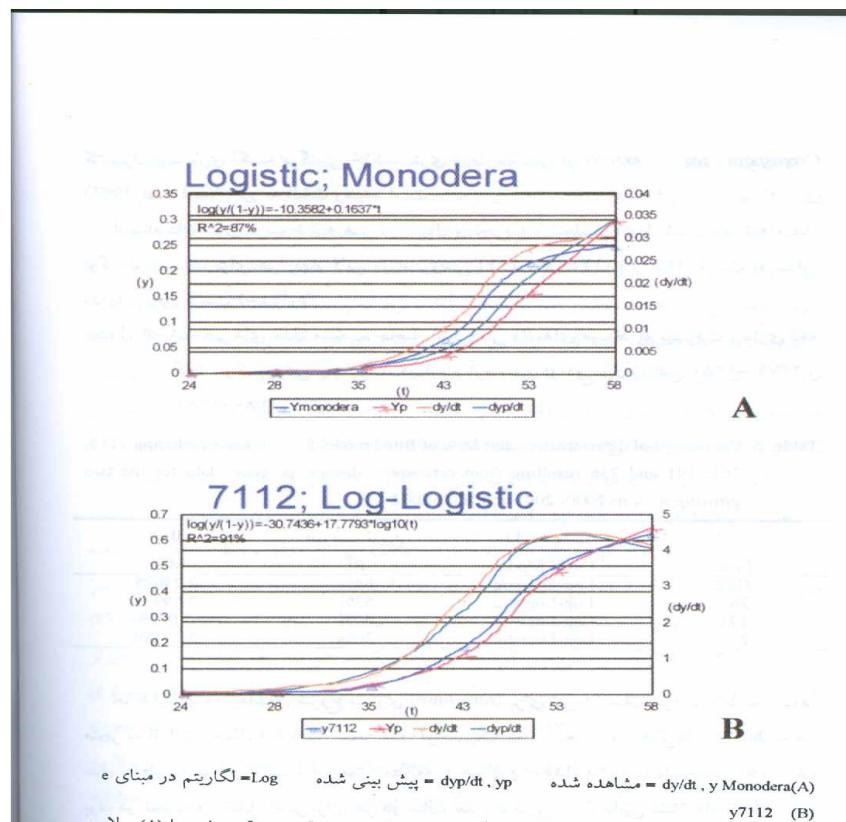
ادغام داده‌های مربوط به هر دو سال و تجزیه و تحلیل آنها نشان داد که مدل لوگ-لوجستیک برای هر چهار لاین مورد بررسی (۱۹۱، ۲۶۱، ۷۱۱۲ و ۲۳۶) نسبت به سایر مدل‌ها برتری داشت (جدول ۵).

جدول ۵- شاخص‌های مدل منتخب حاصل از بررسی داده‌های مربوط به پیشرفت بیماری لکه گرد سرکسپورایی چغندر قند در ارقام آزمایشی در دو سال زراعی ۱۳۸۰-۱۳۸۹ و ۱۳۸۰-۱۳۸۱

Table. 5. Coefficient of determination and MSE of fitted model for four lines including 7112, 261, 191 and 236 resulting from cercospora disease progress data for the two growing seasons 2000- 2001 and 2001-2002

لاین Line	مدل منتخب Fitted Model	ضریب تبیین R^2	خطا MSE
7112	Log-Logistic	64%	2.29695
261	Log-Logistic	53%	2.69975
191	Log-Logistic	60%	3.0929
236	Log-Logistic	36%	5.49489

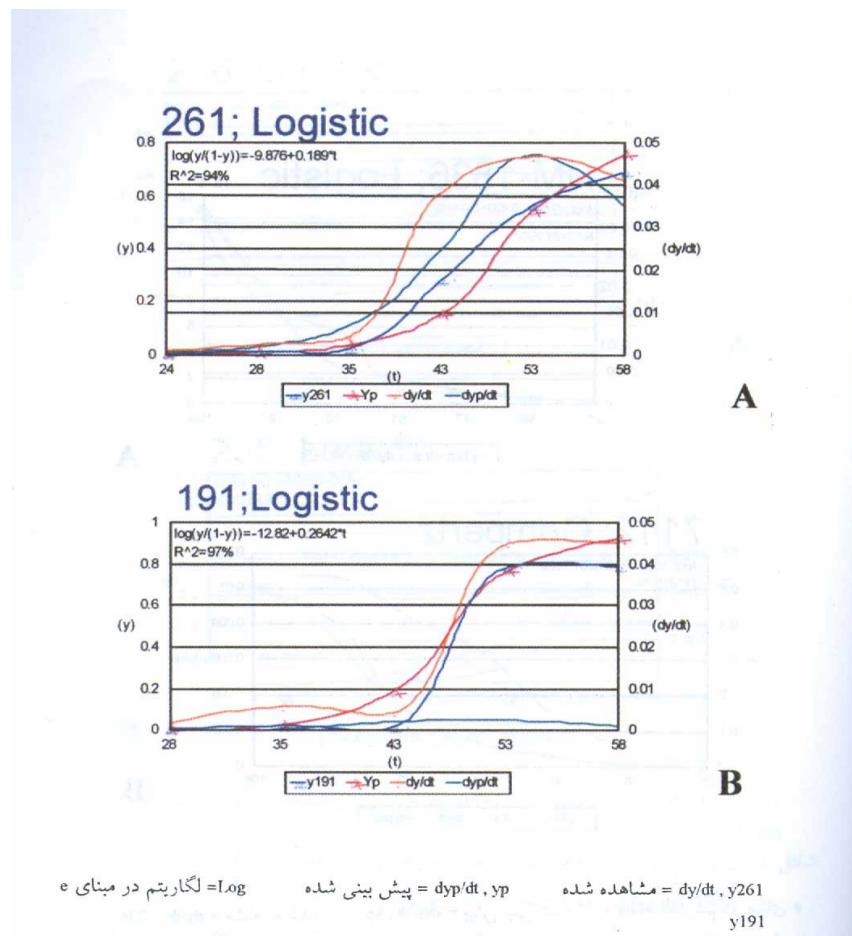
اما بدلیل اینکه زمانهای شروع بیماری (zero time) برای این دو سال برهمنطبق نبود، منجر به افزایش خطا (ε) و در نتیجه مدل لوگستیک که در تجزیه و تحلیل‌های مربوط به هر سال به طور مجزا در غالب ارقام مطالعه به عنوان یک مدل مناسب تشخیص داده شده بود، در تجزیه و تحلیل اخیر برای هر دو سال، ضریب تبیین بسیار پایین نشان داد به طوریکه بعنوان مدل منتخب برگزیده نشد. مضارفا اینکه مدل لوگ-لوجستیک که در تجزیه و تحلیل سال اول برای رقم مونودرا و لاین ۷۱۱۲ بهترین برازش را دارا بود (با ضریب تبیین بیش از ۸۸ درصد)، در تجزیه و تحلیل داده‌های ادغام شده دو سال به کمتر از نصف تقلیل یافت (جدول ۵). همین روند در مورد داده‌های مربوط به سال دوم نیز مشاهده می‌شود. لذا با توجه به نتایج مربوط به تجزیه و تحلیل داده‌های هر سال به تنها یک و عدم تطابق زمان شروع اپیدمی در این دو سال، به نتایج مربوط به تجزیه و تحلیل داده‌های دو سال برای لاین‌هایی که مدل



شکل ۱- پیش بینی روند توسعه بیماری لکه برگی سرکوببرایی چغندرقند در رقم مونودرا (A) و لاین 7112 (B) و برآذش آن با داده های واقعی مربوط به پیشرفت بیماری در سال زراعی ۱۳۷۹-۸۰.

اعداد محور افقی (t) نشانگر تاریخ های یادداشت برداری است (از ۲۴ فروردین تا ۲۷ اردیبهشت ۱۳۸۰).

Fig.1. Observed mean and predicted Cercospora leaf spot disease severity(y) and absolute rate (dy/dt) values versus time for Monodera varity(A) and line 7112(B) in 2000-2001. Horizontal axes (t) shows the recording dates of disease severity cf Table 1 (13 April through 17 May).



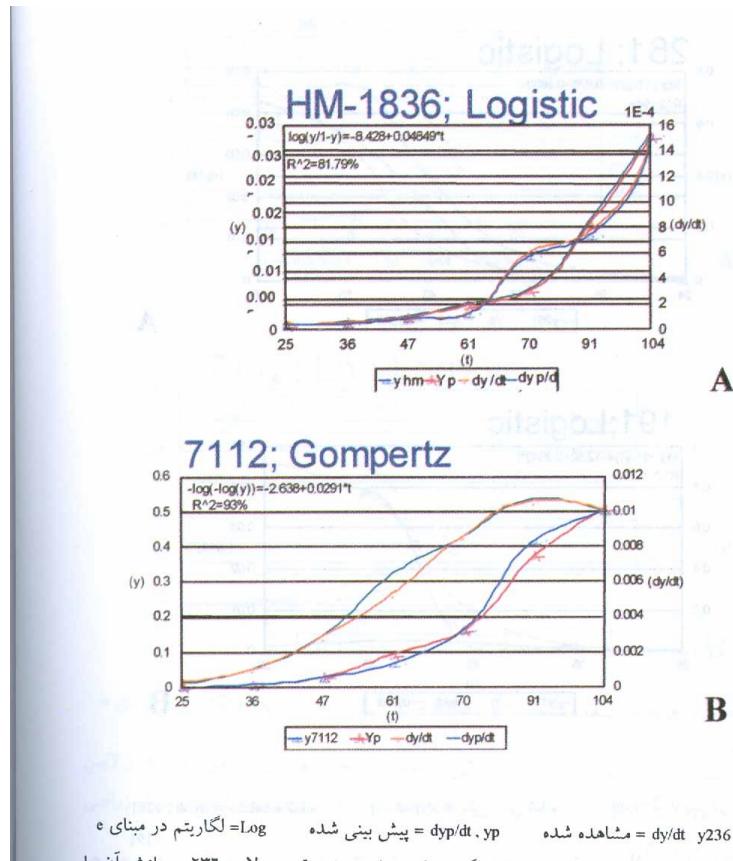
e = لگاریتم در مبنای e
 Log = لگاریتم در مبنای e
 پیش بینی شده = dyp/dt , yp
 مشاهده شده = dy/dt , $y261$
 $y191$

شکل ۲- پیش بینی روند توسعه بیماری لکه برگی سرکوسپرایی چند رقند در لاین های ۲۶۱ و

۱۹۱ (B) و برآذش آن با داده های واقعی مربوط به پیشرفت بیماری در سال زراعی ۸۰-۸۱

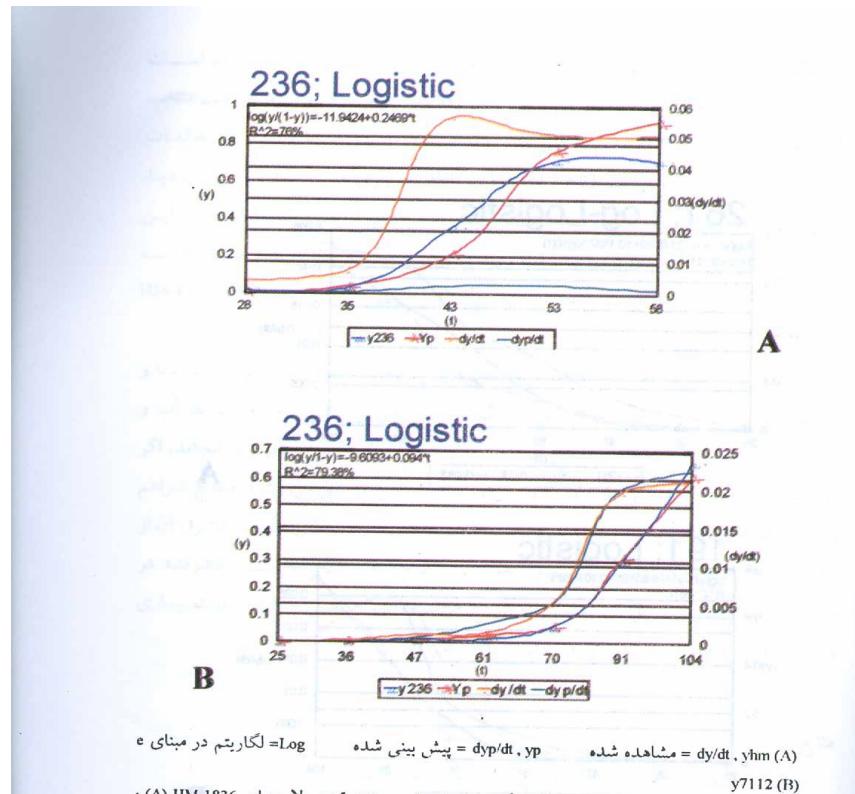
.۱۳۷۹

Fig. 2. Observed mean and predicted Cercospora leaf spot disease severity(y) and absolute rate (dy/dt) values versus time for lines 261 (A) & 191 (B) in 2000-2001.



e = مشاهده شده = $\frac{dy}{dt}$, y_{236}
 Log = پیش بینی شده = $\frac{dyp}{dt}$, yp
 ۳- پیش بینی روند توسعه بیماری لکه برگی سرکوسپرازی چغندرقند در لاین ۲۳۶ و برآش آن با داده های واقعی مربوط به پیشرفت بیماری در سالهای زراعی (A) ۱۳۷۹-۸۰ و (B) ۱۳۸۰-۸۱

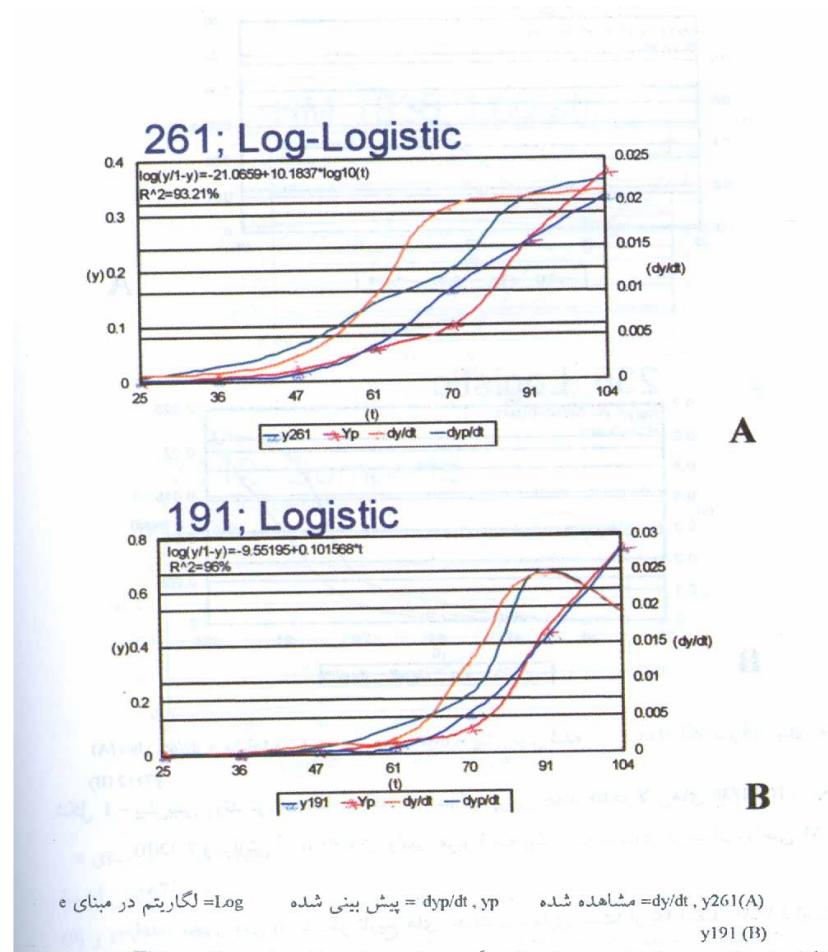
Fig. 3. Observed mean and predicted Cercospora leaf spot disease severity(y) and absolute rate (dy/dt) values versus time for the line 236 in two growing seasons (A) 2000-2001 & (B) 2001-2002.



شکل ۴ - پیش بینی روند توسعه بیماری لکه برگی سرکوسپرایی چغندر قندر لاین های HM-1836 (A) و 7112(B) و برآذش آن با داده های واقعی مربوط به پیشرفت بیماری در سال زراعی ۸۱-۸۲.

اعداد محور افقی (t) نشانگر تاریخ های یادداشت برداری است (از ۲۵ اسفند ۱۳۸۰ لغایت ۱۳۸۱ خرداد).

Fig. 4. Observed mean and predicted Cercospora leaf spot disease severity(y)and absolute rate (dy/dt) values versus time for lines HM-1836 & 7112 in 2001-2002. Horizontal axes (t) shows the recording dates of disease severity cf Table 3 (16 March through 03 June.).



شکل ۵- پیش بینی روند توسعه بیماری لکه برگی سرکوسپرایی چند رقند در لاین های ۲۶۱ و ۱۹۱ بر ازش آن با داده های واقعی مربوط به پیشرفت بیماری در سال زراعی ۱۳۸۰-۸۱

Fig. 5. Observed mean and predicted Cercospora leaf spot disease severity(y) and absolute rate (dy/dt) values versus time for lines 261(A) & 191(B) in 2001-2002.

لوگ-لوجستیک در آنها به عنوان مدل منتخب ارائه نشده است نمی‌توان استناد نمود و بنابراین در ارقام و لاینهایی که مدل لوجستیک و گومپرتر مدل منتخب شناخته شده است از این مدلها برای پیش‌بینی روند بیماری بایستی استفاده نمود. در مطالعات انجام شده بوسیله ولف و وریت (Wolf & Verreet 2002) بر روی همین بیماری معلوم گردید که پیشرفت بیماری شکل زیگموئید داشته و با روند مدل لوجستیک تطابق دارد. این دانشمندان مدل لوجستیک را برای پیشرفت روند بیماری لکه گرد چغدرقد مدل مناسب تشخیص داده‌اند که با نتایج این تحقیق در مورد لاینهای ۲۶۱، ۱۹۱، ۲۳۶ و HM-1836 تطابق دارد.

مقایسه‌ی بین داده‌های هواشناسی و منحنی‌های پیشرفت بیماری نشان می‌دهد که دما و رطوبت نقش اساسی در رشد و تکثیر این بیمارگر دارند بنابراین با توجه به شرایط آب و هوایی استان خوزستان که عمدۀ بارش آن از آذر ماه تا اوخر فروردین به طول می‌انجامد، اگر در ماههای اسفند و فروردین بارندگی مناسب بود و دامنه حرارتی بهینه‌ی رشد قارچ فراهم باشد، به احتمال زیاد بیماری بصورت اپیدمیک ظاهر می‌شود و بایستی جهت کنترل آن از اوخر اسفند اقدام به مبارزه شیمیایی نمود. همچنین با توجه به اینکه برداشت چغدرقد در خوزستان همه ساله از اوایل اردیبهشت ماه شروع می‌شود جهت کاهش میزان خسارت بیماری تاریخ برداشت مزارع آلدۀ بایستی در اولویت قرار گیرد.

منابع

جهت ملاحظه به صفحات 79-82 متن انگلیسی مراجعه شود.

نشانی نگارندگان: ریحانه مدینیان محمدی، واheed میناسیان، ناصر صفائیی، سیدباقر محمودی و حمید شریفی بخش گیاهپژوهشکی دانشکده کشاورزی دانشگاه شهید چمران، گروه بیماری‌شناسی گیاهی دانشکده کشاورزی دانشگاه تربیت‌مدرس، موسسه تحقیقات اصلاح و تهیه بذر چغدرقد، مرکز تحقیقات کشاورزی صفوی‌آباد-دزفول