

شناسایی گونه‌های کاندیدایی جدا شده از موارد ولووازینیت کاندیدایی به روش Multiplex PCR

تاریخ دریافت مقاله: ۱۳۸۸/۰۶/۱۸ تاریخ پذیرش: ۱۳۸۸/۰۸/۰۲

چکیده

زمینه و هدف: ولووازینیت کاندیدایی یک بیماری قارچی خارش‌دار همراه با ترشحات سفید رنگ می‌باشد. تشخیص گونه‌های کاندیدا برای به کارگیری درمان مناسب، امری مهم می‌باشد. در این تحقیق برای تعیین گونه ۱۹۱ کاندیدایی جدا شده از نمونه‌های واژتیال ۱۷۵ بیمار مبتلا به ولووازینیت کاندیدایی از روش multiplex PCR استفاده شد. روش بررسی: ۱۷۵ نمونه سواب واژتیال روی محیط سابورو دکستروز آگار کشت داده شد. در این بررسی، ناحیه ITS1 و قسمت‌هایی از نواحی ۵.۸S و 18S ریبوزومal RNA به همراه قطعه‌ای از ناحیه ITS2 که اختصاصی گونه *C.albicans* است تکثیر شد و محصولات multiplex PCR با الکتروفورز روی آگاروز٪ ۲ جدا گردیدند. یافته‌ها: ۱۹۱ ایزوله کاندیدا در نمونه‌های واژتیال تشخیص داده شد. در ۸۹٪ نمونه‌ها یک گونه کاندیدا و در ۱۰٪ آنها چند گونه کاندیدا جدا گردید. از نظر شیوع انواع گونه‌های کاندیدا، در ۱۱۴ مورد *C. albicans*، ۲۳ مورد *C. parapsilosis*، ۱۱ مورد *C. tropicalis*، هفت مورد *C. krusei*، یک مورد *C. guilliermondii*، یک مورد *C. glabrata* به تنهایی عامل بروز ولووازینیت کاندیدایی بودند و در ۱۰ مورد *C. albicans* و *C. glabrata*، دو مورد *C. albicans* و *C. parapsilosis*، یک مورد *C. krusei* و *C. tropicalis*، یک مورد *C. glabrata* و *C. krusei*، یک مورد *C. tropicalis* و *C. glabrata* مورد ترکیب *C. krusei* و *C. glabrata* و *C. albicans* و *C. krusei* بودند. نتیجه‌گیری: شایع‌ترین عامل بیماری ولووازینیت کاندیدایی *C. albicans* و سپس *C. glabrata* و *C. krusei* می‌باشد. نیز این دو گونه بودند.

کلمات کلیدی: کاندیدا، ولووازینیت کاندیدایی، PCR

* مهناز محمودی راد^۱
آمنه شیرین ظفرقدی^۲
مریم عامل ذیبحی^۳، یاسمین میردامادی^۳
نورینا رهبریان^۱، بهنوش عباس آبادی^۲
مهتاب شیوایی^۴، زهره امیری^۴

۱- مرکز تحقیقات بیولوژی سلولی و مولکولی، دانشگاه علوم پزشکی شهید بهشتی
۲- گروه بیماری‌های زنان و زایمان و نازاری، بیمارستان مهاباد، دانشگاه علوم پزشکی شهید بهشتی
۳- گروه زیست‌شناسی، دانشگاه خاتم
۴- گروه علوم پایه، دانشکده تعلیم و دانشگاه علوم پزشکی شهید بهشتی

* نویسنده مسئول: تهران، اوین، دانشگاه علوم پزشکی شهید بهشتی، دانشکده پزشکی، طبقه ششم، مرکز تحقیقات بیولوژی سلولی و مولکولی
تلفن: ۰۲۶۷۴۲۳۹۴
email: mahnazrad@gmail.com

مقدمه

ایجاد می‌شوند.^۱ برخی معتقدند استفاده گستره از non-albicans داروهای ضد قارچی در افزایش فراوانی گونه‌های غیر آلبیکنس نقش داشته است زیرا رژیم‌های درمانی یک تا سه روزه ایمیدازول‌ها ممکن است رشد کاندیدا آلبیکنس را متوقف کند اما باعث عدم تعادلی در فلور واژن می‌شود، که رشد بیش از حد گونه‌های دیگر کاندیدا را تسهیل خواهد کرد. اغلب گونه‌های کاندیدایی غیر آلبیکنس نسبت به داروهای ضد قارچی مقاومت نشان می‌دهند و از این میان *Candida glabrata* و *Candida krusei* به فلوكونازول مقاومت بیشتری نسبت به سایر گونه‌ها از خود نشان می‌دهند.^۲ از این رو شناسایی دقیق گونه کاندیدا اهمیت بسزایی در درمان و مقابله با بیماری خواهد داشت. در سال‌های گذشته تشخیص و حتی ردیابی گونه‌ها بر اساس ظاهرات بالینی، ریخت‌شناسی ارگانیسم در محیط کشت و نیز انجام برخی

ولووازینیت کاندیدایی vulvovaginal candidiasis یک بیماری قارچی است که با عالئمی نظیر خارش و ترشحات غلیظ سفید رنگ مشخص می‌شود. این بیماری توسط گونه‌های مختلف کاندیدا ایجاد می‌گردد. ۷۰-۷۵٪ زنان بالغ سالم حداقل یکبار در طول دوران باروری زندگی خود به ولووازینیت کاندیدایی چار می‌شوند.^۱ کاندیدیازیس ژنتیال در اکثر موارد ناشی از افزایش تعداد کاندیدا آلبیکنس است که به صورت فلور طبیعی در واژن وجود دارد. تقریباً ۵٪ این بیماران در سال چهار بار و یا بیشتر به این بیماری مبتلا می‌شوند که به آن ولووازینیت کاندیدایی عود کننده می‌گویند.^۲ عامل اکثر موارد، گونه *Candida albicans* است ولی در بیماران مبتلا به ولووازینیت کاندیدایی عود کننده ۴۷-۱۵٪ موارد توسط گونه‌های

راجعه کاندیدایی) که بین سال‌های ۱۳۸۵ تا ۱۳۸۷ به بیمارستان مهدیه مراجعه کرده بودند انجام شد. از همه بیماران قبل از نمونه‌گیری رضایت‌نامه کتبی اخذ گردید. یک استرین از هر گونه کاندیدا نیز به عنوان شاهد از یک مجموعه کشت شامل: *C. parapsilosis*, *C. krusei*, *C. glabrata* CBS2175, *C. tropicalis* CBS94, CBS2195 CBS573 و *C. albicans* ATCC14053 در این تحقیق بررسی شدند.

شناسایی گونه‌ها: از ترشحات واژن ۱۷۵ بیمار مبتلا به ولووژنیت کاندیدایی توسط سوپ استریل نمونه واژینال تهیه، و روی محیط سابورو دکستروز آگار (SDA) کشت داده شد. گونه‌ها به روش تولید جرم تیوب، ایجاد کلامیدوسپور روی محیط کورن میل آگار، ایجاد کلئی‌های رنگی روی محیط کروم آگار کاندیدا (CHROMagar Company, Paris, France) و جذب کربوهیدرات‌ها شناسایی شدند. سپس کلئی‌های کاندیداهای رشد یافته جمع‌آوری، و تا زمان انجام *multiplex PCR* در آب مقطر استریل در دمای اتاق ذخیره شدند. در پایان مقایسه‌ای میان گونه‌های عامل ولووژنیت راجعه و غیر راجعه کاندیدایی انجام شد و برای توصیف داده‌ها از آمار توصیفی و در تحلیل داده‌ها از آزمون‌های اختلاف نسبت‌ها و میانگین‌ها، (Student T-test و χ^2 و ANOVA) استفاده گردید.

استخراج DNA از سویه‌ها: از کیت استخراج DNA ژنومی (Bioneer Corporation AccuPrp[®]) طبق دستورالعمل استفاده شد. تشخیص گونه‌ها به روش PCR :multiplex PCR با استفاده از کیت AccuPower[®] Bioneer Compony PCR Premix میکروتیوب این کیت شامل یک واحد Taq DNA polymerase ۲۵۰, میکرومولار dNTP ۱۰, میلی‌مولار Tris-HCl (pH 9.0), ۴۰ میلی‌مولار KCl ۱/۵, میلی‌مولار MgCl₂, ثابت‌کننده و tracking dye است. به هر میکروتیوب ۱-۵ نانوگرم از DNA استخراج شده و چهار میکرولیتر مخلوط آماده شده از چهار پرایمر با سکانس‌های زیر افزوده شد:

universal primers:

ITS1 (۵'-TCC GTA GGT GAA CCT GCG G-۳')
ITS2 (۵'-GCT GCG TTC TTC ATC GAT GC-۳')

C. albicans-specific primers:

CA3 (۵'-GGT TTG CTT GAA AGA CGG TAG-۳')
CA4 (۵'-AGT TTG AAG ATA TAC GTG GTA G-۳')

این پرایمرها قسمتی از ناحیه 18S rDNA، ITS1، 18S rDNA و قسمتی از 28S rDNA را تکثیر می‌کنند.^{۲۴} پرایمرها از TAGC توسط شرکت ژن فن آوران تهیه و پس از حل کردن آنها در آب دیونیزه، مخلوطی از دو

واکنش‌های بیوشیمیایی و فیزیولوژیکی صورت می‌گرفت. این روش‌های کلاسیک، بسیار پر زحمت و وقت‌گیر هستند و چندین روز طول می‌کشد تا ایزوله‌های یک کشت شناسایی گردند.^۶ در ضمن گاهی سیستم‌های بیوشیمیایی اتوماتیک، گونه را اشتباه تشخیص می‌دهند.^۷ در مقابل، روش‌های مولکولی که در سال‌های اخیر جایگزین روش‌های قبلی شده‌اند از سرعت و دقت بالاتری برخوردار می‌باشند. روش‌های PCR گوناگونی برای افتراق برخی از گونه‌های کاندیدا گزارش شده است.^{۸-۱۴} برخی از این روش‌ها بر اساس اهداف مولکولی تکنسخه‌ای یا چندنسخه‌ای برای شناسایی گونه‌های کاندیدا در محیط کشت یا نمونه‌های بالینی می‌باشند. روش Randomly Amplified Polymorphic DNA analysis (RAPD) نیز به عنوان روشی آسان و مطمئن برای شناسایی چند گونه ایزوله شده از مواد غذایی و نمونه‌های بالینی نظیر گونه‌های *Penicillium*^{۱۵} و *Saccharomyces*^{۱۶} و *Candida*^{۱۷-۲۳} به کار رفته است، ولی تعداد روش‌هایی که برای شناسایی گونه‌های کاندیدا از *multiplex PCR* single and direct PCR یا استفاده شده است بسیار کم می‌باشد.^{۱۰-۲۵} در این تحقیق از یک روش بسیار ساده، سریع و تکرارپذیر برای شناسایی گونه‌های کاندیدا و مقایسه آنها در موارد ولووژنیت‌های کاندیدایی راجعه (ابتلا چهار بار یا بیشتر در یکسال) و غیر راجعه (ابتلا کمتر از چهار بار در یکسال) استفاده گردید. در این روش برای افتراق گونه‌های کاندیدا آلیکنس و کاندیدا تروپیکالیس که توسط پرایمرهای ITS1 و ITS2 باندهای مشابهی ایجاد می‌کنند، از پرایمرهای CA3 و CA4 به طور همزمان با پرایمرهای ITS1 و ITS2 استفاده می‌شود که در این حالت دو باند برای نمونه‌های کاندیدا آلیکنس و تنها یک باند برای کاندیدا تروپیکالیس به دست می‌آید. طول باندهای به دست آمده برای هر گونه کاندیدا عبارتند از: *C. guilliermondii* ۴۸۲ جفت باز، *C. glabrata* ۴۸۳ جفت باز، *C. albicans* ۲۱۸ جفت باز، *C. parapsilosis* ۱۱۰ جفت باز، *C. tropicalis* ۱۸۲ جفت باز و *C. krusei* ۲۱۸ جفت باز.^{۲۴}

روش بررسی

ارگانیسم‌ها: این مطالعه مقطعی بر روی نمونه‌های کاندیدایی جدا شده از ترشحات واژینال ۱۷۵ بیمار مبتلا به ولووژنیت کاندیدایی (۸۳ نمونه) ولووژنیت راجعه کاندیدایی و (۹۲ نمونه) ولووژنیت غیر

جدول-۱: مقایسه گونه‌های کاندیدا در انواع ولروژنیت کاندیدایی

(درصد از کل)	نوع کاندیدا	راجعه	غیر راجعه	نوع ولروژنیت	در مجموع
۱۱۴(٪۶۵/۱)	<i>Candida albicans</i>	۵۶(٪۶۷/۶)	۵۸(٪۶۳)		
۲۳(٪۱۳/۱)	<i>Candida glabrata</i>	۷(٪۸/۴)	۱۶(٪۱۷/۴)		
۱۱(٪۶/۲)	<i>Candida tropicalis</i>	۶(٪۷/۲)	۵(٪۵/۴)		
۱۰(٪۵/۷)	<i>C.albicans & C.glabrata</i>	۶(٪۷/۲)	۴(٪۴/۳)		
۷(٪۴)	<i>Candida krusei</i>	۴(٪۴/۸)	۳(٪۳/۳)		
۲۰(٪۱/۱)	<i>C. albicans & C.parapsilosis</i>	۱(٪۱/۲)	۱(٪۱/۱)		
۱(٪۰/۶)	<i>Candida parapsilosis</i>	۱(٪۱/۲)	۰(٪۰)		
۱(٪۰/۶)	<i>Candida guilliermondii</i>	۰(٪۰)	۱(٪۱/۱)		
۱(٪۰/۶)	<i>C.glabrata & C.tropicalis</i>	۱(٪۱/۲)	۰(٪۰)		
۱(٪۰/۶)	<i>C.krusei & C.tropicalis</i>	۱(٪۱/۲)	۰(٪۰)		
۱(٪۰/۶)	<i>C.albicans & C.tropicalis</i>	۰(٪۰)	۱(٪۱/۱)		
۱(٪۰/۶)	<i>C.albicans & C.krusei</i>	۰(٪۰)	۱(٪۱/۱)		
۱(٪۰/۶)	<i>C.krusei & C.glabrata</i>	۰(٪۰)	۱(٪۱/۱)		
۱(٪۰/۶)	<i>C.albicans & C.krusei & C.glabrata</i>	۰(٪۰)	۱(٪۱/۱)		
۱۷۵(٪۱۰۰)	مجموع	۸۳(٪۴۷/۴)	۹۲(٪۵۲/۶)		

بررسی شدند که ۹۲ نفر (٪۵۲/۶) از آنها کمتر از چهار بار در سال (غیر راجعه) و ۸۳ نفر (٪۴۷/۴) از آنها چهار بار یا بیشتر از آن در سال (راجعه) مبتلا به ولروژنیت کاندیدایی شده بودند. میانگین سنی افراد ۳۱/۳۸ سال با $SD=8/22$ بودست آمد. میانگین سنی گروه غیر راجعه ۳۱/۲۲ سال با $SD=9/16$ و میانگین سنی گروه راجعه $SD=9/46$ سال با $SD=7/08$ بود که اختلاف معنی داری بین آنها به دست نیامد ($p=0/909$). از ۱۵۷ بیمار (٪۸۹/۷) تنها یک گونه کاندیدا و از ۱۸ بیمار (٪۱۰/۳) چند گونه کاندیدا جدا گردید. در مبتلایان به کاندیدایی ولروژنیال غیر راجعه، در ۸۳ بیمار (٪۹۰/۲) یک گونه کاندیدا و در ۹ بیمار (٪۹/۸) بیشتر از یک گونه کاندیدا عامل بیماری بودند. در نوع راجعه، در ۷۴ بیمار (٪۸۹/۲) یک گونه کاندیدا و در ۹ بیمار (٪۱۰/۸) بیش از یک گونه عامل ایجاد بیماری بودند که اختلاف آماری معنی داری بین دو گروه وجود نداشت ($p=1$). شیوع انواع گونه های کاندیدا در مبتلایان به ولروژنیت کاندیدایی راجعه و غیر راجعه در جدول ۱ نشان داده شده است.

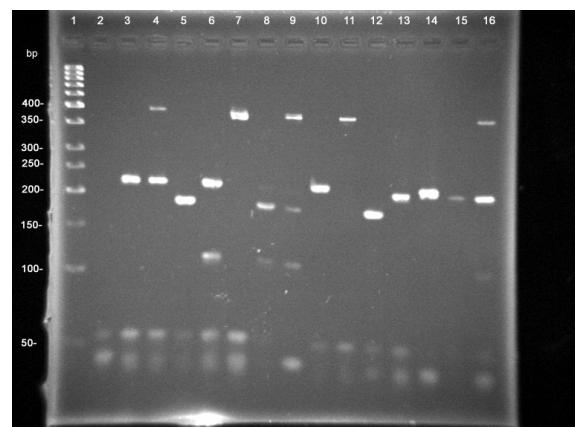
بحث

در این مطالعه از ۲۵۴ بیمار دارای علائم ولروژنیت کاندیدایی نمونه گیری شد. عده ای از بیماران به علت آلودگی شدید نمونه کشت

میکرولیتر از هر پرایمر با آب مقطر به حجم ۵۰ میکرولیتر رسانده شد که در هر PCR میزان چهار میکرولیتر از این ترکیب به مخلوط واکنشی اضافه گردید. حجم مخلوط واکنشی بعد از افروزن پرایمرها و DNA نمونه ها با آب دیونیزه به ۲۰ میکرولیتر رسانده و Eppendorf میکروتیوب ها برای تکثیر DNA در داخل دستگاه Mastercycler Gradient قرار داده شدند. تنظیم دستگاه برای انجام یک سیکل سه دقیقه ای با دمای 94°C به منظور دناتوراسیون اولیه، سیکل شامل: یک دقیقه با دمای 94°C برای دناتوراسیون، یک دقیقه در دمای 60°C برای اتصال پرایمرها و یک دقیقه در دمای 72°C برای پلیمریزاسیون توسط Taq پلیمراز و در نهایت یک سیکل پنج دقیقه ای با دمای 72°C برای پلیمریزاسیون نهایی صورت گرفت. محصولات PCR روی ژل آگاروز ٪ ۲ (Roche) الکتروفورز و با اتیدیوم برومايد (Sigma) رنگ آمیزی شدند. سپس باندهای روی ژل، تحت اشعه UV (UVdoc, GAS9000, England) Gel Documentation با دستگاه عکس برداری شد. باندها با نرم افزار UVIsoft اندازه گیری شد.

یافته ها

نمونه های استخراج شده DNA با استفاده از multiplex PCR تکثیر شدند و پس از الکتروفورز محصولات PCR (شکل ۱) نتایج زیر به دست آمد: در این مطالعه ۱۷۵ خانم مبتلا به ولروژنیت کاندیدایی



شکل-۱: ۱- multiplex PCR توسط پرایمرهای JTS2, JTS1, CA4, CA3، ۵۰ bp DNA مارکر، ۵.۰ ردیف ۲ کنترل منفی، ردیفهای ۳ تا ۸ و ردیفهای ۱۱، ۱۲، ۱۳، ۱۵ و ۱۶ مربوط به نمونه های ۱۱ بیمار، ردیف ۹ ترکیب *C. krusei* CBS573 و *C. tropicalis* CBS2175، ردیف ۱۰ *C. albicans* ATCC14053 و ردیف ۱۴ *C. parapsilosis* CBS2195 و ردیف ۱۵ *C. krusei* CBS94 می باشد.

بیشترین عامل ولوواژنیت کاندیدایی *C. albicans* با شیوع ۴۳٪ تا ۹۱٪ بوده است. در مطالعه ما *C. glabrata* از نظر شیوع در رده دوم قرار داشت که در سایر مطالعات مشابه، ۳۳-۳۶٪^{۳۱ و ۷۷} نیز همین نتیجه به دست آمده است و طیف شیوع آن از ۴/۹٪ تا ۳۴/۷٪ بوده است. به همین ترتیب شیوع گونه های دیگر نیز در مطالعه ما مشابه گزارشات دیگر می باشد.^{۳۷-۳۹} در تحقیقات مشابهی که پیش از این در ایران، در شهرهای ساری، یاسوج و قزوین انجام شده است نیز شایع ترین گونه ها کاندیدا آلبیکنس و سپس کاندیدا گلابراتا بوده است.^{۴۰-۴۲} بنابراین در مجموعه این مطالعات، همچون نتایج به دست آمده از این تحقیق، افزایش شیوع گونه های غیرآلبیکانس به خصوص افزایش گونه کاندیدا گلابراتا قابل توجه می باشد، که خود شاهدی بر افزایش شیوع گونه های مقاوم به داروی ضد قارچی در ایجاد ولوواژنیت کاندیدایی است. در این تحقیق از روش multiplex PCR برای تکثیر قسمتی از ناحیه ITS1، ناحیه 18S rDNA، ناحیه ITS2 استفاده شد. این روش از پرایمرهای قارچی یونیورسال ITS1 و ITS2 استفاده شد. این روش از پرایمرهای قارچی در ایجاد عفونت شناسایی گونه های کاندیدا در موارد ولوواژنیت کاندیدایی به منظور شناختی گونه های کاندیدا در موارد ولوواژنیت کاندیدایی استفاده شد. این روش از پرایمرهای قارچی یونیورسال ۱۸S rDNA، ناحیه ITS1 مجاور آن و برای تکثیر قسمتی از ناحیه 5.8S rDNA بهره می گیرد. جفت پرایمر دیگر (CA4 و CA3) نیز برای تکثیر قسمتی از ناحیه ITS2 در کاندیدا آلبیکنس به کار رفت. این روش حداکثر در طی شش ساعت قابل انجام است و از مزایای دیگر این روش شناسایی موارد عفونت هم زمان با چند کاندیدا در یک آزمایش بود. کیت تجاری استخراج (AccuPrp® Genomic DNA Extraction Kit, Bioneer DNA ژنومی Corporation) استفاده شده در این تحقیق نیز بسیار کارآمد و روشی ساده برای استخراج DNA از نمونه ها داشت و زمان لازم برای انجام استخراج DNA با این کیت ۳۵ دقیقه بود. با این کیت دیگر نیازی به فل - کلروفرم برای تخلیص DNA نبود. از آنجا که قارچ ها تعدد کمی دارد (۴۰ تا ۸۰ کمی در ژنوم هاپلوئید)، استفاده از این قطعات برای شناسایی گونه های کاندیدا نتایج خوبی به دست می دهد.

References

- MacNeill C, Carey JC. Recurrent vulvovaginal candidiasis. *Curr Womens Health Rep* 2001;1(1):31-5.
- Nyirjesy P. Chronic vulvovaginal candidiasis. *Am Fam Physician* 2001;63(4):697-702.
- Kunzelmann V, Tietz HJ, Rossner D, Czaika V, Hopp M, Schmalreck A, et al. Prerequisites for effective therapy of chronic recurrent vaginal candidiasis. *Mycoses* 1996;39 Suppl 1:65-72.
- Handa VL, Stice CW. Fungal culture findings in cyclic vulvitis. *Obstet Gynecol* 2000;96(2):301-3.
- Pfaller MA, Messer SA, Hollis RJ, Jones RN, Doern GV, Brandt ME, et al. Trends in species distribution and susceptibility to fluconazole among blood stream isolates of *Candida* species in the United States. *Diagn Microbiol Infect Dis* 1999;33(4):217-22.
- Warren NG, Hazen KC. *Candida*, *Cryptococcus*, and other yeasts of medical importance. In: Murray PR, Baron EJ, Pfaller MA, Tenover PC, Yolken RH, editors. *Manual of Clinical Microbiology*. 7th ed. Washington, DC: American Society for Microbiology (ASM) Press; 1999. p. 1184-99.

با قارچ هایی مثل آسپرژیلوس ها که خالص سازی کاندیدا را غیر ممکن می ساخت و یا وجود ولوواژنیت های غیرکاندیدایی از مطالعه حذف شدند. با توجه به ماهیت بیماری و اینکه بروز این بیماری در دوره باوری رخ می دهد میانگین سنی بیماران حدود ۳۱/۳۸ سال (SD=۸/۲۲) به دست آمد که در هر دو گروه ولوواژنیت کاندیدایی راجعه و غیر راجعه نیز حدود ۳۱ سال بود و اختلاف آماری معنی داری نداشتند. ۸۹/۷٪ از بیماران توسط یک نوع از کاندیداها مبتلا به ولوواژنیت کاندیدایی شده بودند و در ۱۰/۳٪ موارد پیش از یک نوع کاندیدا عامل بیماری بود که بین دو گروه بیماران مبتلا به ولوواژنیت کاندیدایی راجعه و غیر راجعه اختلاف آماری معنی داری از این نظر وجود نداشت. در مطالعه Fan، از ۱۰۷۰ بیمار مبتلا به ولوواژنیت کاندیدایی، تنها در ۰/۰۲٪ موارد پیش از یک گونه کاندیدا عامل بیماری بود.^{۴۳} در مطالعه Richter عامل بیماری در ۴/۸٪ موارد پیش از یک گونه کاندیدا بود که نسبت به مطالعه ما کمتر می باشد و از نظر شیوع گونه های مختلط در یک بیمار، مشابه نتایج ما بود.^{۴۴} شایع ترین حالت، جداسازی گونه های *C. albicans* و *C. glabrata* یک بیمار بود و سایر موارد مختلط نیز شیوعی کم و بیش مشابه داشتند.^{۴۵} در مطالعات دیگر، شیوع موارد بیشتر از یک گونه کاندیدا در یک بیمار به ترتیب ۱۳٪، ۱۲٪، ۵٪ و ۰/۰۲٪ بوده است.^{۴۶-۴۸} به نظر می رسد شیوع موارد ولوواژنیت کاندیدایی که چند گونه کاندیدا در آن دخیل هستند در بیماران مورد بررسی ما نسبت به مقالات مشابه افزایش نشان داده است که این موضوع می تواند از نظر بهداشتی مهم باشد اما نیازمند مطالعه ای گسترده در سطح کشور می باشد. شایع ترین عوامل بیماری ولوواژنیت کاندیدایی در این مطالعه به ترتیب *C. parapsilosis*, *C. krusei*, *C. tropicalis*, *C. glabrata*, *C. albicans* و *C. guilliermondii* بودند و بین دو گروه بیماران ولوواژنیت کاندیدایی راجعه و غیر راجعه نیز از نظر شیوع انواع کاندیدا اختلاف آماری معنی دار به دست نیامد. در تمامی گزارشات مشابه^{۳۱-۳۶} نیز

7. Dooley DP, Beckius ML, Jeffrey BS. Misidentification of clinical yeast isolates by using the updated Vitek Yeast Biochemical Card. *J Clin Microbiol* 1994;32(12):2889-92.
8. Shin JH, Nolte FS, Morrison CJ. Rapid identification of *Candida* species in blood cultures by a clinically useful PCR method. *J Clin Microbiol* 1997;35(6):1454-9.
9. Shin JH, Nolte FS, Holloway BP, Morrison CJ. Rapid identification of up to three *Candida* species in a single reaction tube by a 5' exonuclease assay using fluorescent DNA probes. *J Clin Microbiol* 1999;37(1):165-70.
10. Jordan JA. PCR identification of four medically important *Candida* species by using a single primer pair. *J Clin Microbiol* 1994;32(12):2962-7.
11. Haynes KA, Westerneng TJ. Rapid identification of *Candida albicans*, *C. glabrata*, *C. parapsilosis* and *C. krusei* by species-specific PCR of large subunit ribosomal DNA. *J Med Microbiol* 1996;44(5):390-6.
12. Elie CM, Lott TJ, Reiss E, Morrison CJ. Rapid identification of *Candida* species with species-specific DNA probes. *J Clin Microbiol* 1998;36(11):3260-5.
13. Einsele H, Hebart H, Roller G, Löffler J, Rothenhofer I, Müller CA, et al. Detection and identification of fungal pathogens in blood by using molecular probes. *J Clin Microbiol* 1997;35(6):1353-60.
14. Burgener-Kairuz P, Zuber JP, Jaunin P, Buchman TG, Bille J, Rossier M. Rapid detection and identification of *Candida albicans* and *Torulopsis* (*Candida*) *glabrata* in clinical specimens by species-specific nested PCR amplification of a cytochrome P-450 lanosterol-alpha-demethylase (L1A1) gene fragment. *J Clin Microbiol* 1994;32(8):1902-7.
15. Molnar O, Messner R, Prillinger H, Stahl U, Slavikova E. Genotypic identification of *Saccharomyces* species using random amplified polymorphic DNA analysis. *Syst Appl Microbiol* 1995;18: 136-45.
16. Dupont J, Magnin S, Marti A, Brousse M. Molecular tools for identification of Penicillium starter cultures used in the food industry. *Int J Food Microbiol* 1999;49(3):109-18.
17. Andriguetto C, Psomas E, Tzanetakis N, Suzzi G, Lombardi A. Randomly amplified polymorphic DNA (RAPD) PCR for the identification of yeasts isolated from dairy products. *Lett Appl Microbiol* 2000;30(1):5-9.
18. Lehmann PF, Lin D, Lasker BA. Genotypic identification and characterization of species and strains within the genus *Candida* by using random amplified polymorphic DNA. *J Clin Microbiol* 1992;30(12):3249-54.
19. Liu D, Coloe S, Jones SL, Baird R, Pedersen J. Genetic speciation of *Candida* isolates by arbitrarily primed polymerase chain reaction. *FEMS Microbiol Lett* 1996;145(1):23-6.
20. Melo AS, de Almeida LP, Colombo AL, Briones MR. Evolutionary distances and identification of *Candida* species in clinical isolates by randomly amplified polymorphic DNA (RAPD). *Mycopathologia* 1998;142(2):57-66.
21. Steffan P, Vazquez JA, Boikov D, Xu C, Sobel JD, Akins RA. Identification of *Candida* species by randomly amplified polymorphic DNA fingerprinting of colony lysates. *J Clin Microbiol* 1997;35(8):2031-9.
22. Thanos M, Schonian G, Meyer W, Schweynoch C, Graser Y, Mitchell TG, et al. Rapid identification of *Candida* species by DNA fingerprinting with PCR. *J Clin Microbiol* 1996;34(3):615-21.
23. Tietz HJ, Küssner A, Thanos M, De Andrade MP, Presber W, Schönian G. Phenotypic and genotypic characterization of unusual vaginal isolates of *Candida albicans* from Africa. *J Clin Microbiol* 1995;33(9):2462-5.
24. Chang HC, Leaw SN, Huang AH, Wu TL, Chang TC. Rapid identification of yeasts in positive blood cultures by a multiplex PCR method. *J Clin Microbiol* 2001;39(10):3466-71.
25. Fujita SI, Senda Y, Nakaguchi S, Hashimoto T. Multiplex PCR using internal transcribed spacer 1 and 2 regions for rapid detection and identification of yeast strains. *J Clin Microbiol* 2001;39(10):3617-22.
26. Fan SR, Liu XP, Li JW. Clinical characteristics of vulvovaginal candidiasis and antifungal susceptibilities of *Candida* species isolates among patients in southern China from 2003 to 2006. *J Obstet Gynaecol Res* 2008;34(4):561-6.
27. Richter SS, Galask RP, Messer SA, Hollis RJ, Diekema DJ, Pfaller MA. Antifungal susceptibilities of *Candida* species causing vulvovaginitis and epidemiology of recurrent cases. *J Clin Microbiol* 2005;43(5):2155-62.
28. Willinger B, Manafi M. Evaluation of CHROMagar *Candida* for rapid screening of clinical specimens for *Candida* species. *Mycoses* 1999;42(1-2):61-5.
29. Kunzemann V, Tietz HJ, Rossner D, Czaika V, Hopp M, Schmalreck A, et al. Prerequisites for effective therapy of chronic recurrent vaginal candidiasis. *Mycoses* 1996;39 Suppl 1:65-72.
30. Abu-Elteen KH. Increased incidence of vulvovaginal candidiasis caused by *Candida glabrata* in Jordan. *Jpn J Infect Dis* 2001;54(3):103-7.
31. Fleury FJ. Adult vaginitis. *Clin Obstet Gynecol* 1981;24(2):407-38.
32. Goldacre MJ, Watt B, Loudon N, Milne LJ, Loudon JD, Vessey MP. Vaginal microbial flora in normal young women. *Br Med J* 1979;1(6176):1450-3.
33. Odds FC, Bernaerts R. CHROMagar *Candida*, a new differential isolation medium for presumptive identification of clinically important *Candida* species. *J Clin Microbiol* 1994;32(8):1923-9.
34. Pádua RAF, Guilhermetti E, Svidzinski TIE. In vitro activity of antifungal agents on yeasts isolated from vaginal secretion. *Maringá* 2003;25(1):51-4.
35. Pfaller MA, Boyken L, Hollis RJ, Messer SA, Tendolkar S, Diekema DJ. In vitro susceptibilities of clinical isolates of *Candida* species, *Cryptococcus neoformans*, and *Aspergillus* species to itraconazole: global survey of 9,359 isolates tested by clinical and laboratory standards institute broth microdilution methods. *J Clin Microbiol* 2005;43(8):3807-10.
36. Arzeni D, Del Poeta M, Simonetti O, Offidani AM, Lamura L, Baldacci M, et al. Prevalence and antifungal susceptibility of vaginal yeasts in outpatients attending a gynecological center in Ancona, Italy. *Eur J Epidemiol* 1997;13(4):447-50.
37. Houang ET, Chu KC, Koehler AP, Cheng AF. Use of CHROMagar *Candida* for genital specimens in the diagnostic laboratory. *J Clin Pathol* 1997;50(7):563-5.
38. Ahmad A, Khan AU. Prevalence of *Candida* species and potential risk factors for vulvovaginal candidiasis in Aligarh, India. *Eur J Obstet Gynecol Reprod Biol* 2009;144(1):68-71.
39. Vermitsky JP, Self MJ, Chadwick SG, Trama JP, Adelson ME, Mordechai E, et al. Survey of vaginal-flora *Candida* species isolates from women of different age groups by use of species-specific PCR detection. *J Clin Microbiol* 2008;46(4):1501-3.
٤٠. شکوهی طاهره. ولوووازینت کاندیدای در مراجعته کنندگان به درمانگاه‌های زنان شهرستان ساری در سالهای ۱۳۷۳-۱۳۷۲. ۱۳۷۵: شماره ۱۹ و ۱۰: صفحات ۲۲ تا ۲۷.
٤١. صفری میرزا، پردازنه بھروز، ملکزاده جان محمد. شیوع عفونت‌های علامدار و اژن و ارتباط آن با روش‌های پیشگیری از بارداری در زنان مراجعه کننده به درمانگاه زنان یاسوج. *مجله دانشکده پزشکی یاسوج* ۱۳۷۷: سال ۳ شماره ۹ و ۱۰: صفحات ۱۵ تا ۲۲.
٤٢. اقامتیان محمد رضا، کشاورز داوود، جهانی هاشمی حسن، صادقی قزوینی محبویه. عوامل ولوووازینت کاندیدای در مراجعن به مرکز درمانی قزوین. *مجله علمی دانشگاه علوم پزشکی قزوین* ۱۳۸۶: سال ۱۰ شماره ۳: صفحات ۳۵ تا ۴۰.

Identification of *Candida* species associated with vulvovaginal candidiasis by Multiplex PCR method

Mahmoudi Rad M.^{1*}
Zafarghandi AS.²
Amel Zabihi M.²
Mirdamadi Y.³
Rahbarian N.¹
Abbasabadi B.²
Shivaei M.²
Amiri Z.⁴

1- Cellular and Molecular Biology Research Center, Shaheed Beheshti University of Medical Sciences
2- Department of Gynecology, Obstetrics and Infertility, Mahdieh Hospital, Shaheed Beheshti University of Medical Sciences
3- Department of Biology, Khatam University
4- Department of Basic Sciences, Nutrition School, Shaheed Beheshti University of Medical Sciences

Abstract

Received: September 09, 2009 Accepted: October 24, 2009

Background: Vulvovaginal candidiasis is a fungal disease with itching, and vaginal thick white discharge. Most of non-*albicans* species have less sensitivity to azoles. So, definition of *candida* species which lead to vulvovaginal candidiasis is very important to perfect usage of drugs. In the present study 191 *Candida* isolates from 175 patients who admitted in Gynecology department of Mahdieh Hospital during the period 1385-1387 were identified by multiplex PCR.

Methods: One hundred seventy five vaginal swab specimens from patients were cultured on Sabouraud Dextrose Agar (SDA). The internal transcribed spacer 1 (ITS1) region between the 18S and 5.8S rRNA genes and a specific DNA fragment within the ITS2 region of *Candida albicans* were amplified and the multiplex PCR products were separated by electrophoresis in 2% agarose gel (200 mA, 140V), visualized by staining with ethidium bromide, and photographed.

Results: One hundred ninety one *Candida* isolates were identified in vaginal swab specimens from 175 patients. In 89.7% of cases, single *candida* species and in 10.3% cases, multiple *candida* species were isolated. *C. albicans* (65.1%), *C. glabrata* (13.1%), *C. tropicalis* (6.2%), *C. krusei* (4%), *C. guilliermondii* (0.6%), *C. parapsilosis* (0.6%), *C. glabrata* and *C. albicans* (5.7%), *C. albicans* and *C. parapsilosis* (1.1%), *C. glabrata* and *C. tropicalis* (0.6%), *C. krusei* and *C. tropicalis* (0.6%), *C. albicans* and *C. tropicalis* (0.6%), *C. krusei* and *C. albicans* (0.6%), *C. glabrata* and *C. krusei* (0.6%), and *C. glabrata* and *C. krusei* and *C. albicans* (0.6%) were the cause of disease.

Conclusion: Our findings suggest that, the common cause of both recurrent and non-recurrent vulvovaginal candidiasis was *C. albicans*, and then *C. glabrata*. Also the most common mixtures of *Candida* species were combination of them.

Keywords: *Candida*, vulvovaginal candidiasis, polymerase chain reaction.

* Corresponding author: Cellular and Molecular Biology Research Center, Shaheed Beheshti University of Medical Sciences, Evin, Tehran, Iran
Tel: +98-21-23872552
email: mahnazrad@gmail.com