

مروری بر ویروس زیکا، آربو ویروس بازپدیده: مقاله مروری

چکیده

دریافت: ۱۳۹۶/۰۲/۳۰ ویرایش: ۱۳۹۶/۰۳/۰۶ پذیرش: ۱۳۹۶/۱۱/۰۱ آنلاین: ۱۳۹۶/۱۱/۱۰

پیش از وقوع ایدمی اخیر ویروس زیکا، محدود افرادی در سرتاسر جهان نام این ویروس را شنیده بودند. مقایسه تعداد مقالات مرتبط با زیکا (۲۶۹ مقاله) تا ژانویه ۲۰۱۶ در پایگاه داده کتابخانه ملی علوم پزشکی ایالات متحده (PubMed) با سایر اعضا خانواده فلاؤوی ویریده مانند ویروس تب دانگ (۹۱۸۷ مقاله) این واقعیت را نشان می‌دهد که حتی ویروس شناسان نیز اهمیت چنانی به این عضو خانواده بزرگ فلاؤوی ویریده نمی‌دانند. اما هنگامی که اعلامیه‌ای هشداردهنده از سوی سازمان بهداشت جهانی در اول فوریه ۲۰۱۶ در خصوص خطر گسترش جهانی این ویروس و احتمال ارتباط آن با ناهنجاری‌های مادرزادی و اختلالات عصبی صادر شد، توجه جهانی به این عضو فراموش شده معطوف گشت و آنرا به سر خط خبرهای روز رساند. به گونه‌ای که تا ۹ آگوست ۲۰۱۷ تعداد مقالات مرتبط با این ویروس در پایان، به ۳۲۱۴ مقاله رسید. این آربوویروس بازپدیده، عضو جنس فلاؤوی ویروس از خانواده فلاؤوی ویریده می‌باشد. این ویروس در حالت عادی به شکل یک بیماری خفیف نمود داشته اما درگیری مادران باردار می‌تواند منجر به بروز ناهنجاری‌های مادرزادی در فرزندان این مادران گردد. با بروز ایدمی‌های جدید در سال ۲۰۱۵ و ادامه آن در سال ۲۰۱۶ به نظر می‌رسد که این ویروس در حال گسترش محدوده جغرافیایی فعالیت خود می‌باشد. در این مقاله تلاش بر آن بوده تا داده‌هایی به روز در زمینه تاریخچه، ویژگی‌های ویروس، ناقصین، راههای انتقال، ایدمیولوژی، تشخیص و همچنین وضعیت حال حاضر ایران در این زمینه ارایه گردد.

کلمات کلیدی: آربوویروس، ناهنجاری‌های مادرزادی، ایدمیولوژی، اختلالات عصبی، ویروس زیکا.

فرشاد خدادخواه

* طلعت مختاری آزاد*

گروهه ویروس‌شناسی، دانشکده بهداشت،
دانشگاه علوم پزشکی تهران، تهران، ایران.

* نویسنده مسئول: تهران، بلوار کشاورز، خیابان قدس،
خیابان پورسینا، دانشگاه علوم پزشکی تهران، دانشکده
بهداشت، گروهه ویروس‌شناسی. تلفن: ۰۱۱-۸۹۹۶۳۴۳؛
E-mail: mokhtari@tums.ac.ir

زرد (Yellow fever) در میمون‌های رزووس موجود در جنگل‌های Zika (به معنا جنگل انبوه) در کشور اوگاندا بودند که به صورت تصادفی برای نخستین بار این عامل بیماری زا را از میمون‌های موجود در آن ناحیه جدا نمودند.^۱ نخستین موارد ابتلای انسان به این ویروس، از طریق ردبایی آتنی بادی خشی‌کننده ضد این ویروس در سال ۱۹۵۲ میلادی از کشورهای اوگاندا و تانزانیا گزارش شده است^۲ و برای نخستین بار در سال ۱۹۵۴ میلادی در شرق کشور نیجریه در طی یک همه‌گیری یرقان این ویروس از انسان جدا شد.^۳ این ویروس پس از کشف منجر به بروز دو ایدمی بزرگ در منطقه اقیانوس آرام، یکی در سال ۲۰۰۷ میلادی در جزیره یاپ (Yap) و دیگری در سال

در اول فوریه سال ۲۰۱۶ میلادی اعلامیه‌ای هشداردهنده از سوی سازمان بهداشت جهانی (World Health Organization) منتشر گردید که در آن به افزایش غیر عادی ناهنجاری‌های مادرزادی (میکروسفالی) و اختلالات عصبی (سنترم گیلن باره) در ناحیه آمریکا سازمان بهداشت جهانی (Pan American Health Organization) اشاره شده بود. نکته بسیار مهمی که موجب جلب توجه جهانی به این اعلامیه شد افزایش بروز این بیماری‌ها همزمان با افزایش شیوع ویروسی بازپدیده به نام زیکا (Zika) در این مناطق بود.^۱

ویروس زیکا در سال ۱۹۴۷ میلادی در میمون شناسایی شد.^۲ در آن زمان گروهی از دانشمندان در حال پژوهش بر روی ویروس تب

۱۵-۱۷) و آندس فورسیفر (*Ae. vitattus*) و آندس فورسیفر (*Ae. furcifer*) می‌باشد.^{۱۵-۱۷} در زمان اپیدمی جزیره یاپ، در گونه آندس هنسیلی (*Ae. hensilii*) با وجود غالب بودن این گونه در منطقه، پژوهش‌گران موفق به ردیابی ویروس زیکا در گونه مورد نظر نشدند.^{۱۰} مهمترین ناقل این ویروس در خارج از قاره آفریقا، گونه آندس اجیپتی می‌باشد.^{۱۸} جهت تعیین ناقل بودن یک بندپا، در مرحله اول عامل عفونی مورد نظر باید در بدن ناقل بندپا توانایی برآوردن یک بندپا توانایی بقا و تکثیر داشته و همچنین ناقل بندپا توانایی انتقال عامل عفونی به انسان را نیز دارا باشد. ممکن است با وجود تایید ناقل بودن یک بندپا در محیط آزمایشگاه، در محیط طبیعی، بندپا مورد نظر توانایی ایفای این نقش را نداشته باشد.^{۱۴} حداقل مدت زمان مورد نیاز جهت انکوباسیون خارجی ویروس در بدن ناقل پشه‌گونه آلبوپیکتوس حدود ۱۰ روز می‌باشد.^{۱۹} که پس از این زمان پشه قابلیت انتقال ویروس به میزان مهره‌دار را کسب می‌نماید. ارزیابی دو گونه آلبوپیکتوس و اجیپتی در یک مطالعه نشان داد که در روزهای ابتدای عفونت با زیکا (چهارم و هفتم) میزان عفونت و میزان عفونت منتشر در پشه‌گونه اجیپتی بیش از گونه آلبوپیکتوس می‌باشد. در روزهای پایانی مطالعه (روز چهاردهم) نیز میزان عفونت، میزان عفونت منتشر و کارایی انتقال ویروس همچنان در پشه‌گونه اجیپتی بیش از گونه آلبوپیکتوس بوده درحالی که میزان انتقال ویروس در گونه آلبوپیکتوس بالاتر گزارش شد.^{۲۰} مهمترین راه انتقال این ویروس به انسان از طریق نیش پشه عنوان شده است^{۲۱} اما انتقال در طی اندام تماش جنسی نیز مشاهده شده است.^{۲۲-۲۴} توصیه شده که مردان در صورت ابتلا تا شش ماه و زنان تا هشت هفته به همراه شریک جنسی خود تصمیم به بارداری نگرفته و در این مدت نیز جهت جلوگیری از انتقال ویروس به طریق جنسی از وسائل حفاظتی (کاندوم) استفاده نمایند.^{۲۵-۲۶} نخستین مورد انتقال این ویروس از راه خون نیز از کشور بزرگی گزارش شد.^{۲۷} در مطالعه‌ای که جهت بررسی احتمال و امکان انتقال ویروس زیکا از طریق شیر مادر صورت گرفت مشخص شد که از سه مورد گزارش شده مبنی بر انتقال ویروس زیکا از طریق شیر مادر به نوزاد، در دو مورد انتقال ویروس در طی زایمان از طریق کانال زایمان و نه شیر مادر اثبات شد و تنها در یک مورد به علت نبود دلایل دیگر احتمال انتقال از طریق شیر مادر مطرح گردید.^{۲۹} اما از این رو که شواهد و مدارک در زمینه انتقال ویروس از طریق شیر مادر بسیار اندک می‌باشد سازمان بهداشت جهانی در مناطق آلوده

۲۰۱۳ میلادی در جزیره پلی‌نی (Polynesia) فرانسه گردید.^{۲۰} تا پیش از این دو اپیدمی بزرگ، کل موارد ابتلا انسان به ویروس زیکا در سرتاسر جهان تنها ۲۰ مورد بود.^۷ این ویروس پس از دومین اپیدمی بار دیگر به فاز خفته خود بازگشت تا اینکه دوباره در سال ۲۰۱۵ میلادی با افزایش بروز ناهنجاری‌های مادرزادی (میکروسفالی) و اختلالات عصبی (سندرم گیلن باره) در ایالت‌های شمالی کشور بزرگی بار دیگر مطرح گردید.

ویروس زیکا یک آربیوویروس بوده که در طبقه‌بندی جزء خانواده فلاوی ویریده و جنس فلاوی ویروس قرار می‌گیرد.^۸ این ویروس، پوشش‌دار و حاوی ژنوم ریبونوکلئیک اسید (RNA) تکرشته‌ای با قطبیت مثبت و دارای ۱۰۷۹۴ نوکلوتید با قابلیت کد کردن ۳۴۱۹ اسید آمینه می‌باشد.^{۲۰-۲۱} از سایر اعضای این خانواده می‌توان به ویروس‌هایی چون تب زود، تب دانگ (Dengue fever)، انسفالیت ژاپنی (Japanese encephalitis)، تب غرب رود نیل (West Nile fever)، انسفالیت ژاپنی (Chikungunya) و چیکون گونیا (Chikungunya) اشاره نمود.^{۲۰-۲۱}

امروزه با توجه به پراکندگی گسترده ویروس زیکا به نظر رسید که این ویروس از نظر قابلیت پراکندگی جهانی شبیه به ویروس تب زرد، چیکون گونیا و تب دانگ بوده و همچنین از نظر شاخص‌های اپیدمیولوژیک و چرخه انتقال در محیط‌های شهری بسیار شبیه به ویروس تب دانگ می‌باشد.^{۱۱} ویروس زیکا به عنوان یک آربیوویروس، جهت انتقال به میزان‌های مهره‌دار نیازمند وجود یک ناقل بندپا در چرخه طبیعی تکثیر خود می‌باشد. نخستین ناقل بندپایی که ویروس زیکا از آن جدا گردید پشه آندس آفریکانوس (*Ae. africanus*) در سال ۱۹۴۸ میلادی بود.^{۱۲}

براساس پژوهش‌هایی که بر پایه روش مولکولی واکنش زنجیره‌ای پلی‌مراز- رونوشت معکوس (RT-PCR) صورت گرفته ویروس زیکا در جنس‌های آنوفل کوستانی (*Anopheles coustani*) مانسونیا یونینفرمیس (*Culex perfuscus*), کولکس پرفوسکوس (*Mansonia uniformis*) و ۱۰ گونه از جنس آندس (*Aedes*) ردیابی شده است.^{۱۳} به نظر می‌رسد که این گونه‌ها در چرخه میان انسان و حیوان (Zoonotic) ویروس ایفای نقش می‌نمایند.^{۱۴} گونه‌های مختلف جنس آندس که ویروس ایفای نقش می‌نمایند، آندس آپیکوآرجنتوس (*Ae. apicoargenteus*), آندس آپیکوآرجنتوس (*Ae. apicoargenteus*), آندس لوتیوسفالوس (*Ae. luteocephalus*)، آندس اجیپتی (*Ae. aegypti*)، آندس ویتانوس (*Ae. vexans*)

نموده‌اند.^{۴۱} از این تعداد ۶۱ کشور شیوع جدید ویروس زیکا در آن‌ها گزارش گردیده و انتقال ویروس نیز هم اکنون در آن‌ها جریان دارد. لازم به یادآوری است که تا پیش از ۲۰۱۵ میلادی هیچ شاهدی مبنی بر چرخش ویروس در این کشورها موجود نبود. در ۱۸ کشور نیز شواهدی مبنی بر گردش ویروس پیش از سال ۲۰۱۵ میلادی وجود داشته و هم اکنون نیز انتقال در آن‌ها جریان داشته اما شواهدی مبنی بر ورود آن‌ها به مرحله‌ای جدید وجود ندارد. همچنین پنج کشور نیز انتقال متناوب در آن‌ها گزارش گردیده که می‌توانند توانایی بالقوه‌ای جهت ورود به مرحله انتقال و شیوع دائم و فراگیر در آینده را داشته باشند. به علاوه ۱۳ کشور نیز انتقال این ویروس به صورت فرد به فرد (انتقال جنسی) و بدون وجود ناقل بندپا را گزارش نموده‌اند.^{۴۲} در کشورهای اروپایی نیز اگرچه چرخش و انتقال محلی این ویروس گزارش نشده اما تا تاریخ چهار آوریل ۲۰۱۷ میلادی، ۲,۱۳۰ مورد ابتلا به ویروس زیکا در کل اروپا از سوی ۲۱ کشور گزارش شده است که همگی در ماههای اخیر به محل‌های آلوده مسافرت داشته و سپس به کشورهای خود بازگشته‌اند.^{۴۳} همچنین هشت کشور اروپایی نیز آلودگی زنان باردار (۱۰۸ مورد) را به ویروس زیکا اعلام نموده‌اند.^{۴۴}

ویروس زیکا می‌تواند منجر به بروز بیماری هر چند خفیف در انسان شود. بیشتر افراد مبتلا فاقد علایم بالینی مشخص می‌باشند اما در صورت علامت دار بودن، فرد مبتلا به این ویروس دارای علایمی از جمله تب (۳۷/۸°C تا ۳۸/۵°C)، راش پوستی، کونزکتیویت، درد عضلانی و مفصلی، بی‌حالی و سردرد می‌باشد.^{۴۵}^{۴۶} بیماری به طور معمول دو تا هفت روز به طول می‌انجامد.^{۴۷}

سندرم گیلن باره (Guillain-Barre syndrome) یک بیماری نادر و خودایمن می‌باشد که در آن دستگاه ایمنی فرد، سیستم اعصاب محیطی را مورد حمله قرار داده و موجب تخریب آن می‌گردد. عامل اصلی بروز سندرم گیلن باره هنوز به طور کامل مشخص نیست اما به طور معمول مشاهده شده که این بیماری به دنبال عفونت‌هایی مانند ویروس نقص ایمنی اکتسابی انسان (HIV)، ویروس تب دانگ و ویروس آنفلوآنزا بروز می‌یابد.^{۴۸} امروزه با شیوع ویروس زیکا احتمال ارتباط آن با ایجاد این سندرم مطرح شده است. براساس آمار موجود در مناطقی که ویروس زیکا در حال گردش می‌باشد، ۱۷ کشور افزایش موارد بروز سندرم گیلن باره که حداقل همراه با یک مورد تایید آزمایشگاهی ابتلا

حتی در مادرانی که طی بارداری در تماس با ویروس قرار داشته‌اند منعی جهت شیردهی عنوان ننموده است.^{۴۹}

پراکندگی جغرافیایی ویروس زیکا از زمان کشف آن در سال ۱۹۴۷ میلادی براساس پژوهش‌های سرولوژیک و اپیدمیولوژیک، محدود به مناطق حاره‌ای غرب آفریقا یعنی کشورهای نیجریه، سیرالنون، ساحل عاج، کامرون و سنگال، مرکز آفریقا یعنی کشورهای گابن، اوگاندا، جمهوری آفریقای مرکزی و آسیا یعنی کشورهای پاکستان، اندونزی، فیلیپین، مالزی، کامبوج و تایلند بوده است.^{۵۰}^{۵۱}^{۵۲}

ویروس زیکا از لحاظ سرولوژیک عضو گروه اسپوندونی (Spondweni) از فلاوی ویروس‌های منتقله از طریق پشه می‌باشد. مطالعات فیلورژنی، ویروس زیکا را به دو رده آفریقایی و آسیایی تقسیم نموده است: رده آفریقایی تا به حال هیچ گراشی جهت انتشار در خارج قاره آفریقا از خود نشان نداده است، در مقابل به طور تقریبی تمام موارد گزارش شده ویروس زیکا در سرتاسر جهان طی اپیدمی‌های گذشته و حال حاضر مرتبط با رده آسیایی می‌باشد.^{۵۳}^{۵۴}

تحقیقات سروایپیدمیولوژیک در آفریقا نشان داده‌اند که شیوع ویروس زیکا در این قاره پیش از شیوع در جزیره یاپ در سال ۲۰۰۷ میلادی وجود داشته اما به دلایل نامشخص تنها موارد بسیار محدودی از آن گزارش گردیده است.^{۵۵} در ماه می سال ۲۰۱۵ میلادی اعلامیه‌ای از سوی دفتر منطقه‌ای قاره آمریکای سازمان بهداشت جهانی منتشر گردید که در آن کشور بزرگی مواردی از تب و راش را در ایالت‌های شمالی خود ردیابی نمود که این امر حکایت از انتقال محلی ویروس بازپدید زیکا داشت.^{۵۶}^{۵۷} براساس آماری که در سال ۲۰۱۵ میلادی از سوی کشور بزرگ از ابه گردید، تعداد موارد مشکوک به ویروس زیکا ۵۶,۳۱۸ مورد گزارش شد.^{۵۸} اما این در حالی است که وزارت بهداشت بزرگی تعداد واقعی را حدود ۴۰۰,۰۰۰ تا ۱,۳۰۰,۰۰۰ نفر در سرتاسر این کشور برآورد نمود.^{۵۹} در کل قاره آمریکا بین سال‌های ۲۰۱۵ تا ۲۰۱۶ میلادی ۱۷۳,۳۴۷ فرد، ابتلا آن‌ها به ویروس زیکا تایید گردیده و ۱۵ مورد مرگ ناشی از عفونت با ویروس زیکا نیز گزارش شده است که براساس آمار، گسترش جغرافیایی این ویروس در سطح این قاره از سال ۲۰۱۵ میلادی به این سو شتاب بیشتری به خود گرفته است.^{۶۰}^{۶۱} تا دهم مارس ۲۰۱۷ میلادی در مجموع ۸۴ کشور در مناطق مختلف جهان چرخش و انتقال این ویروس به واسطه‌ی ناقل بندپا، از سال ۲۰۰۷ میلادی به این سو را گزارش

جدول ۱: دسته‌بندی نواحی تحت تاثیر زیکا^۱

مجموع	کشور/ قلمرو	دفتر ناحیه‌ای WHO	طبقه‌بندی
۳	گینه بیسائو، کیپ ورد، آنگولا	AFRO	دسته اول:
۴۷	آنگولا و باربودا، گویان فرانسه، السالوادور، اکوادور، جمهوری دومینیکن، آرژانتین، سنت وینسنت و گرنادین، ونزوئلا، گوآتمالا، بونیر هلند، دومینیکا، گویان، بلیز، سورینام، ترینیداد و توباغو، هوندuras، هائیتی، جزایر ویرجین بریتانیا، پاراگوئه، نیکاراگوئه، پاناما، بولیوی، کاستاریکا، کلمبیا، باربادوس، برزیل، مارتینیک، مکزیک، پرو، سنت بارتلمی، سنت مارتین، جامائیکا، آرژانتین، باهاما، جزایر کیمن، کوبا، کوراسائو، گرانادا، مونتریال، پورتوریکو، سنت کیتس و نویس، سنت لوسیا، تورکس و کایکس، ایالات متحده آمریکا، جزایر ویرجین ایالات متحده، سنت مارتین، پاناما	AMRO/PAHO	نواحی با گزارش جدید یا گزارش دوباره از شیوع ویروس که هم اکنون نیز انتقال ویروس در آنها جریان دارد بدون وجود شواهدی مبتنی بر گردش ویروس پیش از سال ۲۰۱۵ میلادی در آنها (۶۱ کشور)
۱	مالدیو	SEARO	دسته دوم:
۱۰	ساموای آمریکا، فیجی، تونگا، میکرونزی، جزایر مارشال، سنگاپور، ساموا، پالانو، جزایر سلیمان، پاپوآ گینه نو	WPRO	نواحی که شواهدی مبتنی بر چرخش ویروس پیش از سال ۲۰۱۵ میلادی در آنها وجود داشته و اکنون نیز انتقال در آنها جریان دارد (۱۸ کشور)
۳	اندونزی، تایلند، بنگلادش	SEARO	دسته سوم:
۹	گابن، اوگاندا، سنگال، نیجریه، ساحل عاج، جمهوری آفریقای مرکزی، کامرون، بروندی، بورکینافاسو	AFRO	نواحی با انتقال متناوب و پتانسیل انتقال در آینده (پنج کشور)
۵	مالزی، فیلیپین، ویتنام، جمهوری دموکراتیک خلق لاتوس، کامبوج	WPRO	کشور
۱	هائیتی	PAHO/AMRO	
۱	جزیره ایستر شیلی	PAHO/AMRO	دسته سوم:
۴	جزایر کوک، پلی‌نیزی فرانسه، وانواتو، کالدونیای جدید	WPRO	نواحی با انتقال متناوب و پتانسیل انتقال در آینده (پنج کشور)
۳۳	بنین، بوتسوانا، چاد، کومور، کنگو، جمهوری دموکراتیک کنگو، گینه استوایی، اریتره، گامبیا، غنا، گینه، کینی، لیبریا، ماداگاسکار، مالاوی، موزامبیک، نامیبا، نیجر، روآندا، سیشل، سینهالون، آفریقای جنوبی، سودان جنوبی، توگو، جمهوری متحده تانزانیا، زامبیا، زیمباوه سائوتومه و پرنسیپ، رئونیون، مایوت، موریس	AFRO	دسته چهارم: نواحی دارای وکتور مناسب اما بدون مستنداتی مبتنی بر انتقال در گذشته یا در حال حاضر (۶۴ کشور)
۱	اروگوئه	PAHO/AMRO	
۸	جبیوتی، مصر، عمان، پاکستان، عربستان سعودی، سومالی، سودان، یمن	EMRO	
۴	گرجستان، فدراسیون روسیه، مادیرا پرتغال، ترکیه	EURO	
۶	بوتان، هندوستان، میانمار، نپال، سریلانکا، تیمور شرقی	SEARO	
۱۲	استرالیا، برونشویگ، چین، جزیره کریسمس، گوام، کیریباتی، ناورو، نیویو، جزایر ماریانای شمالی، توکلاتو، تووالو، والیز و فاتونا	WPRO	

مادرزادی آنها با ویروس زیکا از طریق روش‌های مختلف تشخیصی تایید شده است.^{۵۰} کشور پلی نزی فرانسه نیز افزایش غیرعادی موارد ناهنجاری‌های مادرزادی در نوزادانی که در حد فاصل ماه‌های مارس تا می ۲۰۱۵ میلادی، همزمان با شیوع ویروس زیکا در این کشور، متولد شدند را گزارش نمود که به صورت هشت مورد تایید شده میکروسفالی بود.^{۵۱} در شرایطی که موارد سالانه میکروسفالی در این کشور پیش از شیوع زیکا، صفر تا دو مورد بود.^{۵۲} همچنین کشورهای دیگری نیز مواردی از میکروسفالی و یا ناهنجاری‌های مادرزادی مرتبط با ویروس زیکا را گزارش نموده‌اند.^{۵۳}

همواره یافن رابطه علیتی میان یک عامل و یک بیماری امری چالشی و نیازمند شواهد محکم و کافی می‌باشد. شواهد مبنی بر رابطه علیتی ویروس زیکا و میکروسفالی تلقیقی از یافته‌های اپیدمیولوژیک (افزایش بروز میکروسفالی همزمان با افزایش شیوع ویروس زیکا در مناطق آلوده)،^{۵۴-۵۹} یافته‌های بالینی و آزمایشگاهی یعنی افزایش ناهنجاری‌های مادرزادی و تایید عفونت با ویروس هم در مادران و هم در نوزادان زنده و فوت شده، همچنین انتقال ویروس زیکا از طریق جفت از مادر به جنین می‌باشد. در مورد چگونگی انتقال از جفت، مطالعات مختلفی صورت گرفته است که درگیری مستقیم جفت با ویروس و در نتیجه آسیب به آن را نشان داده است.^{۶۰-۶۵} در مورد چگونگی انتقال ویروس از طریق جفت و در نتیجه بروز میکروسفالی دو فرضیه مطرح می‌باشد. فرضیه اول، عبور مستقیم ویروس از جفت بوده به گونه‌ای که جفت نقش یک گذرگاه را ایفا می‌نماید. اما فرضیه دوم عنوان می‌دارد که تکثیر ویروس درون سلول‌های جفت منجر به تغییر در الگوی بیانی مولکول‌های مختلف در سلول‌های جفت شده و این تغییرات، نه خود ویروس، در نهایت منجر به میکروسفالی می‌گردند.^{۶۶} نقطه اشتراک این دو فرضیه زمان ایجاد میکروسفالی می‌باشد که هر دو بر سه ماه اول بارداری تأکید دارند.^{۶۷} هر یک از این فرضیه‌های مطرح شده جهت اثبات نیاز به دلایل علمی و موثق بیشتری دارند. به علاوه از آنجلیکی که در بررسی مایع آمنیوتیک برخی مادران، IgM اختصاصی ویروس زیکا ردیابی گردیده، با اشاره به این نکته که این آنتی‌بادی به علت ساختار خاص و نبود گیرنده توانایی عبور از جفت را ندارد، به طور تقریبی با اطمینان می‌توان عنوان داشت که انتقال ویروس در این مادران طی دوران بارداری و نه در زمان وضع حمل (از طریق کانال زایمان) صورت گرفته است.^{۶۸}

فرد مبتلا به سندرم گیلن باره به عفونت زیکا بوده را گزارش نموده‌اند. در عین حال هفت کشور نیز اگر چه بروز حداقل یک مورد تایید شده گیلن باره به دنبال عفونت زیکا را گزارش نموده‌اند اما بروز موارد سندرم گیلن باره در این کشورها افزایش نیافته است.^{۶۹} در سال ۲۰۱۵ میلادی در مجموع، ۱,۷۰۸ مورد مشکوک سندرم گیلن باره در سرتاسر بزرگی ثبت شده است که در مقایسه با تعداد ۱,۴۳۹ مورد در سال ۲۰۱۴ میلادی افزایشی ۱۹ درصدی را نشان می‌دهد. همچنین براساس آمار ارایه شده از اول فوریه تا می ۲۰۱۶ میلادی افزایش ۲۲ درصدی موارد سندرم گیلن باره نسبت به مدت زمان مشابه سال پیش از آن مشاهده می‌شود.^{۷۰-۷۲} در زمان شیوع این ویروس در جزایر پلی نزی فرانسه در سال‌های ۲۰۱۳ و ۲۰۱۴ میلادی نیز مواردی از افزایش بروز سندرم گیلن باره در این مناطق به صورت ۴۲ مورد قطعی سندرم گیلن باره مرتبط با عفونت زیکا گزارش گردید.^{۷۳} سوالاتی که در این زمینه مطرح می‌گردد این است که آیا میان شیوع ویروس زیکا و سندرم گیلن باره ارتباطی وجود دارد؟ و در صورت وجود، این ارتباط چگونه می‌باشد؟ در مورد سوال اول براساس مطالعات اپیدمیولوژیک، مشخص شده در مناطقی که شیوع ویروس زیکا وجود داشته میزان بروز سندرم گیلن باره نیز افزایش یافته و با کاهش شیوع نیز موارد بروز سندرم کاهش یافته است. به علاوه در مطالعه‌ای که به صورت مورد- شاهد (Case-Control) صورت گرفته ارتباط قوی بین شیوع ویروس زیکا و بروز سندرم گیلن باره مشاهده و گزارش شده است.^{۷۴-۷۵} اما در مورد سوال دوم کمی ابهام وجود دارد به گونه‌ای که برخی از مطالعات بر اساس شواهد بیوانفورماتیکی و شباهت میان پرتوین‌های انسانی و ویروسی (نه شواهد بالینی) سندرم گیلن باره را ناشی از یک بیماری خودایمن به دنبال عفونت زیکا و تداخل در سیستم ایمنی دانسته‌اند. در مقابل برخی مطالعات دیگر بر پایه روش‌های آزمایشگاهی و بالینی تائیر مخرب ویروس زیکا را بر سلول‌های پیش‌ساز عصبی نشان داده‌اند.^{۷۶-۷۸} دومین ناهنجاری که همزمان با افزایش شیوع ویروس زیکا میزان به علاوه آن افزایش یافته میکروسفالی (Microcephaly) می‌باشد. میکروسفالی بیماری نادری است که در آن محیط سر نوزاد کمتر از میانگین قابل انتظار متناسب با سن و جنس وی می‌باشد.^{۷۹} از سال ۲۰۱۵ تا ۲۰۱۷ میلادی کشور بزرگ نزدیک به ۱۳,۹۱۴ مورد مشکوک به میکروسفالی و ناهنجاری‌های مرتبط با سیستم اعصاب مرکزی را گزارش نموده است^{۸۰} که از این تعداد، ۲,۷۷۵ مورد عفونت

افزایش دهد.^{۷۰} در برخی از پژوهش‌های صورت گرفته نیز خود ویروس زیکا ۱۴ روز و ژنوم آن نیز حدود ۲۸ روز پس از بروز عالیم بالینی در نمونه‌ی مایع منی فرد مبتلا رديابی گردیده است.^{۷۱،۷۲} شایان ذکر است که هیچ‌گاه نمی‌توان نمونه‌های ادرار، بزاق و یا مایع منی را به تهابی جهت تشخیص مورد استفاده قرار داد و نباید آن‌ها را جایگزین نمونه سرم نمود بلکه باید از آن‌ها به عنوان نمونه‌های کمک‌کننده جهت تایید یا افزایش دقت رديابی استفاده نمود.

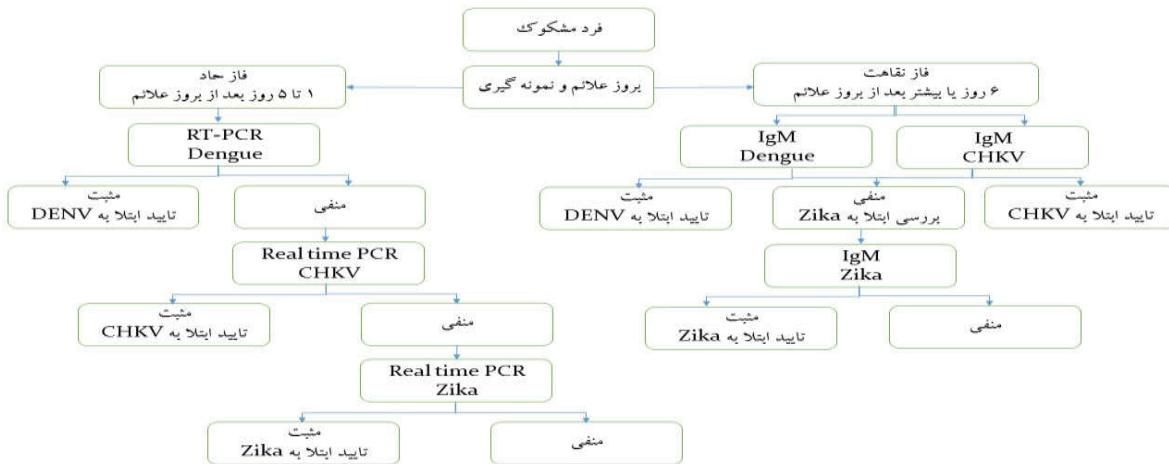
امکان رديابی IgM اختصاصی ویروس زیکا از روز پنجم بروز عالیم بالینی با استفاده از روش‌های الایزا و ایمونوفلورسنت تا حدود سه ماه وجود دارد. آنتی‌بادی IgG نیز حدود ۱۰ روز بعد در افرادی که تا به حال برخوردی با یکی از اعضای خانواده فلاؤی ویریده نداشته‌اند ظاهر می‌شود و تا ماه‌ها و سال‌ها قابل رديابی می‌باشد.^{۷۳،۷۴،۷۵} تفسیر تست‌های سرولوژیک در جهت تشخیص ویروس زیکا اهمیت بسیار دارد. عفونت پیشین فرد با یکی از اعضای خانواده فلاؤی ویریده به‌ویژه ویروس‌های تب زرد، تب دانگ و تب غرب رود نیل می‌تواند امکان وقوع واکنش‌های متقاطع را در فرد مبتلا افزایش دهد. اگر چه روش کاهش تشکیل پلاک به عنوان یک روش کارآمد جهت رديابی IgG زیکا توصیه شده اما مواردی از بروز واکنش‌های متقاطع مرتبط با این روش نیز گزارش گردیده است.^{۷۶} یکی از مهمترین محدودیت‌هایی که در ارتباط با تشخیص آزمایشگاهی ویروس زیکا وجود دارد ویرمی بسیار پایین (10^6 RNA copies/mL) آن و میزان بالا واکنش متقاطع بوده که جهت تایید نیازمند انجام تست‌های خنثی‌سازی می‌باشد.^{۷۷}

ویروس زیکا جزو دسته پاتوژن‌های با اینی زیستی (Biosafety) سطح دو طبقه‌بندی می‌گردد. بهطور معمول جهت غیر فعال نمودن فلاوی ویروس‌ها از دمای 56°C به مدت حداقل ۳۰ دقیقه، $\text{pH} < 6$ ،^{۷۸} اشعه گاما، U.V، سدیم هیپوکلراید ۰٪، گلوتارآلدهید ۰٪ و آتانول ۷۰٪ استفاده می‌گردد.^{۷۹} تاکنون هیچ‌گونه ضدغوفونی کننده اختصاصی جهت غیر فعال نمودن ویروس زیکا ارایه نشده است.^{۸۰}

کیت‌های تجاری تشخیصی مختلفی تحت فرآیندهای گوناگون تولید و کنترل کیفی قرار دارند و برخی از آن‌ها نیز وارد بازار شده‌اند ولی هنوز حساسیت و اختصاصیت این کیت‌ها به‌طور کامل مورد تایید قرار نگرفته است.^{۸۱} با این وجود یکی از روش‌های تشخیص آزمایشگاهی عفونت با ویروس زیکا، رديابی حضور RNA آن در سرم با استفاده از روش مولکولی RT-PCR می‌باشد.^{۷۷} توصیه می‌شود که نمونه‌های سرم جهت رديابی RNA ویروس در پنج روز اول بروز عالیم گردآوری گردد تا شناس رديابی ویروس افزایش یابد.^۵ امکان رديابی RNA ویروس زیکا در نمونه‌های ادرار افراد مشکوک تا حدود ۲۰ روز پس از بروز عالیم بیماری وجود دارد و این در حالی است که پس از گذشت هفت تا ۱۰ روز از بروز عالیم بیماری امکان رديابی RNA ویروس در سرم وجود ندارد.^{۷۳،۷۶} مزیت قابل توجه نمونه‌های ادرار نسبت به نمونه‌های سرم میزان بار ویروسی و ماندگاری بیشتر بوده که همین امر امکان رديابی و شناسایی این ویروس در ادرار را در مقایسه با سرم در مرحله حاد بیماری افزایش می‌دهد.^{۷۱} امکان استفاده از نمونه بزاق نیز جهت رديابی RNA ویروس زیکا وجود دارد.^{۷۰} اما برخلاف نمونه ادرار، نمونه بزاق نمی‌تواند طول دوره رديابی ویروس را

جدول ۲: زمان رديابی ویروس زیکا و میزان بار RNA ویروسی در نمونه‌های افراد آلوده

نوع نمونه	زمان رديابی (روز)	پیش از بروز عالیم	پس از بروز عالیم	منع	جداسازی ذره با قابلیت تکثیر	بار RNA ویروسی	copies/ml
خون	۱۱ تا ۳	۲ تا ۲	-	۲۷	+	تا 10^6	$8/1 \times 10^6$
ادرار	۲۲ تا ۱۰	-	-	۷۵ و ۷۶ و ۷۱	+	$0/7-220 \times 10^6$	
بزاق	۲۹ تا ۲	-	-	۷۶ و ۷۱ و ۷۰	+	3×10^6	
مایع منی	۶۲ تا ۲۱	-	-	۷۷ و ۷۳ و ۷۳	+	تا $10^{8.8}$	$10^{-3}-10^{-6}$
شیر	۳ تا ۸ روز پس از زایمان	-	-	۷۹ و ۷۸	+	تا 10^6	$2/1 \times 10^6$

نمودار ۱: الگوریتم ارایه شده از سوی سازمان بهداشت جهانی جهت تشخیص آزمایشگاهی ویروس زیکا^{۷۲}

مقابله احتمالی با شیوع این ویروس نمی‌باشد. با وجود نبود ناقل اصلی این ویروس در کشور اما با توجه به اینکه این ویروس دارای توانایی بسیار بالایی جهت تطابق با ناقلين جدید و همچنین محیط‌های جدید می‌باشد^{۶۰} و از آنجایی که این ویروس تهدیدکننده نسل آینده کشور بوده و می‌تواند منجر به صدمات اجتماعی و از دست رفتن بخش مهمی از سرمایه‌های فکری کشور و همچنین تحملی بار مالی هنگفتی جهت نگهداری کودکان مبتلا به میکروسفالی بر نظام بهداشتی کشور گردید بنابراین مهمترین اقدامی که در این زمینه می‌تواند صورت گیرد شناسایی ناقلين احتمالی موجود در بوم‌های مختلف کشور و سپس اقدامات کنترلی و پاکسازی در ارتباط با آنها می‌باشد.

با وجود تحقیقات صورت گرفته هنوز نقاطه تاریکی در ارتباط با ویروس زیکا مطرح می‌باشد که روشن و مشخص نیست، سوالاتی مانند احتمال بروز ناهنجاری در جنین پس از ابتلا مادر به ویروس زیکا چقدر است؟ و آیا آلودگی مادر به صورت قطع منجر به میکروسفالی در نوزاد شده و یا می‌توان با مراقبت‌های درمانی و دارویی در صورت وجود، مانع از انتقال ویروس از مادر به جنین شد؟ یا طول مدت زمان دقیقی که مردان می‌توانند ویروس زیکا را از طریق رابطه جنسی به شریک خود منتقل کند چقدر می‌باشد؟

تاکنون هیچ‌گونه واکسن موثری جهت جلوگیری از ابتلا افراد به ویروس زیکا که دارای تایید مراجع سلامت باشد ارایه نگردیده است.^{۳۳} اگرچه که تلاش‌ها جهت تولید واکسن موثر همچنان ادامه دارد. به تازگی پژوهش‌گران در پژوهش‌های خود به این نتیجه دست یافته‌اند که داروی سوفوسبورویر (Sofosbuvir) که در اصل جهت درمان HCV مورد استفاده قرار می‌گیرد در شرایط آزمایشگاهی (In Vitro) مانع از تکثیر ویروس زیکا گردیده و در مدل حیوانی نیز (Animal model) مانع از اثرات مرگبار به‌واسطه ویروس زیکا می‌شود.^{۶۴} به‌طور کلی از لحاظ سطوح طبقه‌بندی پیشگیری مهمترین مرحله در جلوگیری از ابتلا فرد به ویروس زیکا، کنترل ناقل پشه و محدود کردن تماس فرد با پشه می‌باشد. بهمین منظور توصیه می‌گردد افراد لباسی پوشیده بر تن داشته و یا از موادی که دافع حشرات می‌باشند استفاده نمایند.

تا زمان تدوین این مقاله هیچ‌گونه مورد مشکوک و یا مثبتی در ارتباط با ویروس زیکا در گذشته و در حال حاضر، چه به صورت وارداتی در نتیجه مسافرت به مناطق آلوده و چه به صورت انتقال محلی توسط مراجع رسمی از جمله وزارت بهداشت اعلام نگردیده است. اما این به معنا مصون بودن کامل ایران در مقابل این ویروس و رافع اقدامات جهت پیشگیری و فراهم نمودن شرایط و مواد جهت

References

- World Health Organization. WHO statement on the first meeting of the International Health Regulations (2005) (IHR 2005) Emergency Committee on Zika virus and observed increase in neurological disorders and neonatal malformations [Internet]. 2016 Feb 01 [cited 2016 Feb 20]. Available from: <http://www.who.int/mediacentre/news/statements/2016/1st-emergencycommittee-zika/en>.
- Dick GW, Kitchen SF, Haddow AJ. Zika virus. I. Isolations and serological specificity. *Trans R Soc Trop Med Hyg* 1952;46(5):509-20.
- Smithburn KC. Neutralizing antibodies against certain recently isolated viruses in the sera of human beings residing in East Africa. *J Immunol* 1952;69(2):223-34.
- Macnamara FN. Zika virus: a report on three cases of human infection during an epidemic of jaundice in Nigeria. *Trans R Soc Trop Med Hyg* 1954;48(2):139-45.
- Duffy MR, Chen TH, Hancock WT, Powers AM, Kool JL, Lanciotti RS, et al. Zika virus outbreak on Yap Island, Federated States of Micronesia. *N Engl J Med* 2009;360(24):2536-43.
- Cao-Lormeau VM, Musso D. Emerging arboviruses in the Pacific. *Lancet* 2014;384(9954):1571-2.
- Filipe AR, Martins CM, Rocha H. Laboratory infection with Zika virus after vaccination against yellow fever. *Arch Gesamte Virusforsch* 1973;43(4):315-9.
- Lanciotti RS, Kosoy OL, Laven JJ, Velez JO, Lambert AJ, Johnson AJ et al. Genetic and serologic properties of Zika virus associated with an epidemic, Yap State, Micronesia, 2007. *Emerg Infect Dis* 2008;14(8):1232-9.
- Kuno G, Chang GJ, Tsuchiya KR, Karabatsos N, Cropp CB. Phylogeny of the genus Flavivirus. *J Virol* 1998;72(1):73-83.
- Cook S, Holmes EC. A multigene analysis of the phylogenetic relationships among the flaviviruses (family: Flaviviridae) and the evolution of vector transmission. *Arch Virol* 2006;151(2):309-25.
- Musso D, Cao-Lormeau VM, Gubler DJ. Zika virus: following the path of dengue and chikungunya? *Lancet* 2015;386(9990):243-4.
- Dick GW. Zika virus. II. Pathogenicity and physical properties. *Trans R Soc Trop Med Hyg* 1952;46(5):521-34.
- Diallo D, Sall AA, Diagne CT, Faye O, Faye O, Ba Y, et al. Zika virus emergence in mosquitoes in southeastern Senegal, 2011. *PLoS One* 2014;9(10):e109442.
- Ayres CF. Identification of Zika virus vectors and implications for control. *Lancet Infect Dis* 2016;16(3):278-9.
- Akoua-Koffi C, Diarrassouba S, Bénié VB, Ngbichi JM, Bozoua T, Bosson A, et al. Investigation surrounding a fatal case of yellow fever in Côte d'Ivoire in 1999. *Bull Soc Pathol Exot* 2001;94(3):227-30.
- Fagbami AH. Zika virus infections in Nigeria: virological and seroepidemiological investigations in Oyo State. *J Hyg (Lond)* 1979;83(2):213-9.
- Marchette NJ, Garcia R, Rudnick A. Isolation of Zika virus from Aedes aegypti mosquitoes in Malaysia. *Am J Trop Med Hyg* 1969;18(3):411-5.
- Charrel RN, Leparc-Goffart I, Pasc S, de Lamballerie X, Koopmans M, Reuskenc C. State of knowledge on Zika virus for an adequate laboratory response. *Bull World Health Org*; 2016.
- Wong PS, Li MZ, Chong CS, Ng LC, Tan CH. Aedes (Stegomyia) albopictus (Skuse): a potential vector of Zika virus in Singapore. *PLoS Negl Trop Dis* 2013;7(8):e2348.
- Chouin-Carneiro T, Vega-Rua A, Vazeille M, Yebakima A, Girod R, Goindin D, et al. Differential Susceptibilities of Aedes aegypti and Aedes albopictus from the Americas to Zika Virus. *PLoS Negl Trop Dis* 2016;10(3):e0004543.
- World Health Organization. Zika Outbreak: WHO's Global Emergency Response Plan [Internet]. 2016 Mar 03 [cited 2016 Mar 19]. Available from: http://apps.who.int/iris/bitstream/10665/204420/1/ZikaResponseFrame work_JanJun16_eng.pdf?ua=1.
- Foy BD, Kobylinski KC, Chilson Foy JL, Blitvich BJ, Travassos da Rosa A, Haddow AD, et al. Probable non-vector-borne transmission of Zika virus, Colorado, USA. *Emerg Infect Dis* 2011;17(5):880-2.
- Musso D, Roche C, Robin E, Nhan T, Teissier A, Cao-Lormeau VM. Potential sexual transmission of Zika virus. *Emerg Infect Dis* 2015;21(2):359-61.
- Deckard DT, Chung WM, Brooks JT, Smith JC, Woldai S, Hennessey M, et al. Male-to-Male sexual transmission of Zika Virus-Texas, January 2016. *MMWR Morb Mortal Wkly Rep* 2016;65:372-4.
- Center for Disease Prevention and Control. Understanding Zika Virus Test Results [Internet]. 2016 Dec 09 [cited 2016 Dec 11]. Available from: <http://www.cdc.gov/zika/pdfs/testresults-men-fs.pdf>.
- Center for Disease Prevention and Control. Understanding Zika Virus Test Results [Internet]. 2016 Dec 09 [cited 2016 Dec 11]. Available from: <http://www.cdc.gov/zika/pdfs/testresults-women-fs.pdf>.
- Musso D, Nhan T, Robin E, Roche C, Bierlaire D, Zisou K, et al. Potential for Zika virus transmission through blood transfusion demonstrated during an outbreak in French Polynesia, November 2013 to February 2014. *Eurosurveillance* 2014;19(14):6-8.
- Center for Infectious Disease Research and Policy. Brazil confirms blood-transfusion Zika; PAHO calls for global support [Internet]. 2016 Feb 04 [cited 2016 Feb 26]. Available from: <http://www.cidrap.umn.edu/newsperspective/2016/02/brazil-confirms-blood-transfusion-zika-paho-calls-global-support>.
- Colt S, Garcia-Casal MN, Peña-Rosas JP, Finkelstein JL, Rayco-Solon P, Prinzo ZW, et al. Transmission of Zika virus through breast milk and other breastfeeding-related bodily fluids: a systematic review. *Bull World Health Organ*. E-pub: 2 May 2016.
- World Health Organization. Infant feeding in areas of Zika virus transmission [Internet]. 2016 Jun 29 [cited 2016 Dec 04]. Available from: http://apps.who.int/iris/bitstream/10665/204473/1/WHO_ZIKV_MOC_16_5_eng.pdf?ua=1.
- Darwish MA, Hoogstraal H, Roberts TJ, Ghazi R, Amer T. A sero-epidemiological survey for Bunyaviridae and certain other arboviruses in Pakistan. *Trans R Soc Trop Med Hyg* 1983;77(4):446-50.
- Robin Y, Mouchet J. Serological and entomological study on yellow fever in Sierra Leone. *Bull Soc Pathol Exot Filiales* 1975;68(3):249-58.
- Faye O, Freire CC, Iamarino A, Faye O, de Oliveira JV, Diallo M, et al. Molecular evolution of Zika virus during its emergence in the 20th century. *PLoS Negl Trop Dis* 2014;8(1):e2636.
- Haddow AD, Schuh AJ, Yasuda CY, Kasper MR, Heang V, Huy R, et al. Genetic characterization of Zika virus strains: geographic expansion of the Asian lineage. *PLoS Negl Trop Dis* 2012;6(2):e1477.
- Barontti C, Piorkowski G, Charrel RN, Boubis L, Leparc-Goffart I, de Lamballerie X. Complete coding sequence of zika virus from a French polynesia outbreak in 2013. *Genome Announc* 2014;2(3).
- Enfissi A, Codrington J, Roosblad J, Kazanji M, Rousset D. Zika virus genome from the Americas. *Lancet* 2016;16:387(10015):227-8.
- Pan American Health Organization, WHO, Regional Office for the Americas. Zika virus infection [Internet]. 2015 [cited 2016 Feb 02]. Available from: http://www.paho.org/hq/index.php?option=com_docman&task=doc_view&Itemid=270&gid=30075-en.
- World Health Organization. Zika virus, Microcephaly and Guillain-Barré syndrome [Internet]. 2016 [cited 2016 Mar 15]. Available from: http://apps.who.int/iris/bitstream/10665/204609/1/zikasitrep_10Mar2016_eng.pdf?ua=1.

39. Pan American Health Organization, WHO, Regional Office for the Americas. Zika Cumulative Case [Internet]. 2016 Nov 30 [cited 2016 Dec 05]. Available from: http://www.paho.org/hq/index.php?option=com_docman&task=doc_view&id=270&gid=37143&lang=en.
40. Pan American Health Organization, WHO, Regional Office for the Americas. Cumulative Zika suspected and confirmed cases reported by countries and territories in the Americas, 2015-2016 [Internet]. 2016 [cited 2016 May 10]. Available from: http://ais.paho.org/php/viz/ed_zika_cases.asp.
41. World Health Organization. Zika virus, Microcephaly and Guillain-Barré syndrome [Internet]. 2017 [cited 2017 Mar 10]. Available from: http://www.who.int/emergencies/zika-virus/situation-report/10-march-2017/en_
42. European Centre for Disease Prevention and Control. Zika epidemic and associated severe outcomes: ECDC publishes updated risk assessment [Internet] 2017 [cited 2017 Aug 05]. Available from: <https://ecdc.europa.eu/en/publications-data/rapid-risk-assessment-zika-virus-disease-epidemic-10th-update-4-april-2017>
43. Hayes EB. Zika virus outside Africa. *Emerg Infect Dis* 2009;15(9):1347-50.
44. Simpson DL. Zika Virus Infection in Man. *Trans R Soc Trop Med Hyg* 1964;58:335-8.
45. World Health Organization. Guillain-Barré syndrome Fact sheet [Internet]. 2016 [cited 2016 Mar 14]. Available from: <http://www.who.int/mediacentre/factsheets/guillain-barre-syndrome/en>.
46. World Health Organization. Countries and territories with autochthonous transmission in the Americas reported in 2015-2016 [Internet]. 2016 [cited 2016 Dec 05]. Available from: http://www.paho.org/hq/index.php?option=com_docman&task=doc_view&id=35221&Itemid=270&lang=en.
47. dos Santos T, Rodriguez A, Almiron M, Sanhueza A, Ramon P, de Oliveira WK, et al. Zika virus and the Guillain-Barré syndrome: case series from seven countries. *N Engl J Med* 2016;375(16):1598-601.
48. Frontera JA, da Silva IR. Zika getting on your nerves? the association with the Guillain-Barré syndrome. *N Engl J Med* 2016;375(16):1581-2.
49. Parra B, Lizarazo J, Jiménez-Arango JA, Zea-Vera AF, González-Manrique G, Vargas J et al. Guillain-Barré syndrome associated with Zika virus infection in Colombia. *N Engl J Med* 2016;375(16):1513-23.
50. Cao-Lormeau VM, Blake A, Mons S, Lastère S, Roche C, Vanhomwegen J, et al. Guillain-Barré syndrome outbreak associated with Zika virus infection in French Polynesia: a case-control study. *Lancet* 2016;387(10027):1531-9.
51. Lucchese G, Kanduc D. Zika virus and autoimmunity: from microcephaly to Guillain-Barré syndrome, and beyond. *Autoimmun Rev* 2016;15:801-8.
52. Tang H, Hammack C, Ogden SC, Wen Z, Qian X, Li Y, et al. Zika virus infects human cortical neural progenitors and attenuates their growth. *Cell Stem Cell* 2016;18:587-90.
53. Garcez PP, Loiola EC, Madeiro da Costa R, Higa LM, Trindade P, Delvecchio R, et al. Zika virus impairs growth in human neurospheres and brain organoids. *Science* 2016;352(6287):816-8.
54. World Health Organization. Microcephaly Fact sheet [Internet]. 2016 [cited 2016 Mar 02]. Available from: <http://www.who.int/mediacentre/factsheets/microcephaly/en>.
55. Pan American Health Organization, WHO, Regional Office for the Americas. Countries and territories with autochthonous transmission in the Americas reported in 2015-2017 [Internet]. 2017 [cited 2017 Aug 05]. Available from: http://www.paho.org/hq/index.php?option=com_docman&task=doc_view&id=35221&Itemid=270&lang=en.
56. Burke RM, Pandya P, Nastouli E, Gothard P. Zika virus infection during pregnancy: what, where, and why? *Br J Gen Pract* 2016;66(644):122-3.
57. Pan American Health Organization, WHO. Epidemiological Alert, Increase of Microcephaly in the Northeast of Brazil 2015 [Internet]. 2015 [cited 2016 Dec 06]. Available from: http://www.paho.org/hq/index.php?option=com_docman&task=doc_view&id=32285&lang=en.
58. Pan American Health Organization, WHO. Neurological Syndrome, Congenital Malformations, and Zika Virus Infection, Implications for Public Health in the Americas [Internet]. 2015 [cited 2016 Dec 06]. Available from: http://www.paho.org/hq/index.php?option=com_docman&task=doc_view&Itemid=270&gid=32396&lang=en.
59. Oliveira Melo AS, Malinge G, Ximenes R, Szejnfeld PO, Alves Sampaio S, Bispo de, et al. Zika virus intrauterine infection causes fetal brain abnormality and microcephaly: Tip of the iceberg? *Ultrasound Obstet Gynecol* 2016;47:6-7.
60. de Araújo TV, Rodrigues LC, de Alencar Ximenes RA, de Barros Miranda-Filho D, Montarroyos UR, de Melo AP. Association between Zika virus infection and microcephaly in Brazil, January to May, 2016: preliminary report of a case-control study. *Lancet Infect Dis* 2016;16(12):1356-63.
61. Tabata T, Pettitt M, Puerta-Guardo H, Michlmayr D, Wang C, Fang-Hoojer J, et al. Zika virus targets different primary human placental cells, suggesting two routes for vertical transmission. *Cell Host Microbe* 2016;20(2):155-66.
62. Mysorekar IU, Diamond MS. Modeling Zika virus infection in pregnancy. *N Engl J Med* 2016;375(5):481-4.
63. Calvet G, Aguiar RS, Melo AS, Sampaio SA, de Filippis I, Fabri A, et al. Detection and sequencing of Zika virus from amniotic fluid of fetuses with microcephaly in Brazil: a case study. *Lancet Infect Dis* 2016;16(6):653-60.
64. Noronha Ld, Zanluca C, Azevedo ML, Luz KG, Santos CN. Zika virus damages the human placental barrier and presents marked fetal neurotropism. *Mem Inst Oswaldo Cruz* 2016;111(5):287-93.
65. Adibi JJ, Marques ET, Cartus A, Beigi RH. Teratogenic effects of the Zika virus and the role of the placenta. *Lancet* 2016;387(10027):1587-90.
66. Cordeiro MT, Pena LJ, Brito CA, Gil LH, Marques ET. Positive IgM for Zika virus in the cerebrospinal fluid of 30 neonates with microcephaly in Brazil. *Lancet* 2016;387(10030):1811-2.
67. Fang Y, Brault AC, Reisen WK. Comparative thermostability of West Nile, St. Louis encephalitis, and western equine encephalomyelitis viruses during heat inactivation for serologic diagnostics. *Am J Trop Med Hyg* 2009;80(5):862-3.
68. Gollins SW, Porterfield JS. The uncoating and infectivity of the flavivirus West Nile on interaction with cells: effects of pH and ammonium chloride. *J Gen Virol* 1986;67(9):1941-50.
69. Musso D, Richard V, Broult J, Cao-Lormeau VM. Inactivation of dengue virus in plasma with amotosalen and ultraviolet A illumination. *Transfusion* 2014;54(11):2924-30.
70. Musso D, Roche C, Nhan TX, Robin E, Teissier A, Cao-Lormeau VM. Detection of Zika virus in saliva. *J Clin Virol* 2015;68:53-5.
71. Gourinat AC, O'Connor O, Calvez E, Goarant C, Dupont-Rouzeyrol M. Detection of Zika Virus in Urine. *Emerg Infect Dis* 2015;21(1):84-6.
72. World Health Organization. Zika virus (ZIKV) Surveillance in the Americas: Recommendations for laboratory detection and diagnosis [Internet]. 2016 [cited 2016 Mar 02]. Available from: http://www.paho.org/hq/index.php?option=com_docman&task=doc_view&id=30176&Itemid=270.
73. Hearn PT, Atkinson B, Hewson R, Brooks T. Identification of the first case of imported Zika fever to the UK: A novel sample type for diagnostic purposes and support for a potential non-vectorborne route of transmission. *Am J Trop Med Hyg Suppl* 2014;91(5):62-3.
74. Barzon L, Pacenti M, Berto A, Sinigaglia A, Franchin E, Lavezzo E, et al. Isolation of infectious Zika virus from saliva and prolonged viral RNA shedding in a traveller returning from the Dominican Republic to Italy, January 2016. *Euro Surveill* 2016;21(10).
75. Rozé B, Najioullah F, Fergé JL, Apetse K, Brouste Y, Cesaire R, et al. Zika virus detection in urine from patients with Guillain-Barré syndrome on Martinique, January 2016. *Euro Surveill* 2016;21(9).

76. Maria AT, Maquart M, Makinson A, Flusin O, Segondy M, Leparc-Goffart I, et al. Zika virus infections in three travellers returning from South America and the Caribbean respectively, to Montpellier, France, December 2015 to January 2016. *Euro Surveill* 2016;21(6).
77. Mansuy JM, Dutertre M, Mengelle C, Fourcade C, Marchou B, Delobel P, et al. Zika virus: high infectious viral load in semen, a new sexually transmitted pathogen? *Lancet Infect Dis* 2016;16(4):405.
78. Dupont-Rouzeayrol M, Biron A, O'Connor O, Hugon E, Descloux E. Infectious Zika viral particles in breastmilk. *Lancet* 2016;387(10023):1051.
79. Besnard M, Lastere S, Teissier A, Cao-Lormeau V, Musso D. Evidence of perinatal transmission of Zika virus, French Polynesia, December 2013 and February 2014. *Euro Surveill* 2014;19(13).
80. Johnson AJ, Karabatsos N, Roehrig JT. Detection of anti-arboviral immunoglobulin G by using a monoclonal antibody-based capture enzyme-linked immunosorbent assay. *J Clin Microbiol* 2000;38(5):1827-31.
81. Martin DA, Muth DA, Brown T, Johnson AJ, Karabatsos N, Roehrig JT. Standardization of immunoglobulin M capture enzyme-linked immunosorbent assays for routine diagnosis of arboviral infections. *J Clin Microbiol* 2000;38(5):1823-6.
82. Oehler E, Watrin L, Larre P, Leparc-Goffart I, Lastere S, Valour F. Zika virus infection complicated by Guillain-Barre syndrome: case report, French Polynesia, December 2013. *Euro Surveill* 2014;19(9).
83. Centers for Disease Control and Prevention. Zika Virus, Prevention [Internet]. 2016 Mar 03 [cited 2016 Mar 10]. Available from: <http://www.cdc.gov/zika/prevention/index.html>.
84. Bullard-Feibelman KM, Govero J, Zhu Z, Salazar V, Veselinovic M, Diamond MS. The FDA approved drug sofosbuvir inhibits Zika virus infection. *Antiviral Res* 2016;137:134-40.
85. Freire CCM, Iamarino A, Neto DFL, Sall AA, Zanotto PMA. Spread of the pandemic Zika virus lineage is associated with NS1 codon usage adaptation in humans. *BioRxiv* 2015;032839.

Archive of SID

A review on Zika virus, a re-emerging arbovirus: review article

Farshad Khodakhah M.Sc.
Candidate
Talat Mokhtari Azad D.V.M.,
M.P.H., Ph.D.*

Department of Virology, School of
Public Health, Tehran University of
Medical Sciences, Tehran, Iran.

Abstract

Received: 20 May, 2017 Revised: 27 May 2017 Accepted: 21 Jan. 2018 Available online: 30 Jan. 2018

Before the recent outbreaks of Zika virus, few people have ever heard of its name. Even virologists had paid little attention to this member of the *Flaviviridae* family. Hence, up to January 2016, only 269 articles about Zika virus had been indexed in PubMed compared to the 9187 articles related to dengue virus. However, declaration of the World health organization (WHO) about the global Zika virus spreading, which has been associated with birth defects and some neurological problems, diverted more attention to this forgotten virus. Afterwards, the virus hit the headlines and became a research interest. Since then, up to 9 August 2017, the number of Zika related articles indexed in PubMed reached to 3214. Zika virus is a re-emerging arbovirus. The First detection of Zika virus was in Uganda in 1947. It belongs to the *Flavivirus* genus in the *Flaviviridae* family. Zika can typically cause a mild and self-limiting disease in a healthy person. However, in pregnant women, it might cause birth defects and occasionally it can be associated with peripheral neuropathy such as Guillain-Barre syndrome. Although many research have been conducted to find out the casual link between this virus and these disorders but this relationship is still dim and controversial. Considering its recent epidemics in 2015 and 2016 the geographical distribution of Zika virus seems to expand all over the world progressively. Interaction between virus and vector is dynamic. Variety of competent vectors and adaptability of virus to new arthropod vectors are the two major factors for this process. According to the last report published by WHO, 84 countries/territories in five continents have reported the circulation of Zika virus in their area. In the recent outbreak, WHO regional office in our region (EMRO) have reported no case of Zika virus transmission from this region. Nonetheless, because specific and competent vectors exist in some countries, this region has a potential of epidemic risk. Until now we have neither autochthonous nor imported case of Zika virus in our country but we should prepare for any unexpected situation. In this review, we will discuss new findings about the history, virological features, vectors, transmission routes and epidemiological aspects as well as laboratory diagnosis of Zika virus. In addition, the epidemiology of this virus in Iran will be discussed.

Keywords: arbovirus, congenital abnormalities, epidemiology, nervous system diseases, Zika virus.

* Corresponding author: Department of Virology, School of Public Health, Tehran University of Medical Sciences Poursina St., Ghods St., Keshavarz Blvd., Tehran, Iran.
Tel: +98 21 88962343
E-mail: mokhtari@tums.ac.ir