

تجزیه زیستی نفت خام و ترکیبات پلی آروماتیک چند حلقه‌ای توسط مخمر اگزوفیلا UTMC 5043

فرحناز اکبرزاده^۱، حمید مقیمی^{۲*}، شمس‌الضھی ابولمعالی^۳، جواد حامدی^۴

^۱دانشجوی کارشناسی ارشد زیست فناوری میکروبی، گروه زیست فناوری، پردیس علوم و فناوری‌های نوین، دانشگاه سمنان، سمنان، ایران، ^۲استادیار، بخش زیست فناوری میکروبی، دانشکده زیست‌شناسی، پردیس علوم، دانشگاه تهران، تهران، ^۳استادیار، دانشکده علوم پایه، گروه زیست‌شناسی، دانشگاه سمنان، سمنان، ایران، ^۴استاد، بخش زیست فناوری میکروبی، دانشکده زیست‌شناسی، پردیس علوم، دانشگاه تهران، تهران.

چکیده

سابقه و هدف: فرآورده‌های نفتی از پر مصرف ترین مواد شیمیایی در دنیا امروز محسوب می‌شوند. روزانه مقادیر زیادی از نفت خام و فرآورده‌های نفتی در حجم زیاد به محیط زیست وارد می‌شود. هدف از این پژوهش جداسازی و ارزیابی مخمرهای بومی ایران به منظور زیست پالایی مناطق آلوده نفتی بود.

مواد و روش‌ها: نمونه خاک از مناطق مختلف آلوده به آلاینده‌های نفتی در ایران جمع آوری گردید. سپس در محیط باشندل هاس همراه با ۰/۵ درصد نفت خام و تتراسایکلین (۱^۱ 100mg) به مدت ۱۴ روز کشت داده شدند. میزان تخریب نفت خام با استفاده از خواندن جذب کل هیدروکربن‌های نفتی سنجیده شد. با استفاده از روش HPLC حذف ppm ۱۰۰ فنانترن، آنتراسن و پیرن به عنوان ترکیبات پلی آروماتیک چندحلقه‌ای مدل مورد بررسی قرار گرفت. جدایه منتخب از طریق تکثیر ژن ITS، تعیین توالی و همردیغی توالی در پایگاه داده شناسایی گردید.

یافته‌ها: در این مطالعه ۴۷ گونه مخمر جداسازی گردید. سنجش میزان حذف TPH نشان داد که جدایه FA14 با ۸۹ درصد حذف نفت، طی ۱۴ روز توانمندترین جدایه در حذف هیدروکربن‌های نفتی می‌باشد. شناسایی مولکولی این جدایه با کمک توالی یابی ژن ITS و همردیغ یابی آن در پایگاه داده‌های NCBI نشان داد که جدایه FA14 با ۹۹ درصد شباهت، متعلق به جنس اگزوفیلا از باشد. نتایج نشان داد که فنانترن، آنتراسن و پیرن به ترتیب ۹۷/۶۷، ۵۷ و ۹۵/۳۸ درصد به وسیله FA14 و طی ۱۴ روز از محیط حذف گردیدند.

نتیجه‌گیری: نتایج این پژوهش نشان داد که اگزوفیلا در حذف هیدروکربن‌های آروماتیک چند حلقه‌ای توانایی بالایی دارد. بنابراین می‌تواند به عنوان کاندید مناسب به منظور زیست پالایی محیط آلوده به نفت خام معرفی گردد.

واژگان کلیدی: آنتراسن، پیرن، زیست پالایی، فنانترن، اگزوفیل.

پذیرش برای چاپ: ۹۶

دریافت مقاله: شهریور ماه ۹۶

مقدمه

امروز محسوب می‌شوند. محصولات به دست آمده از نفت خام منبع اصلی انرژی و مواد مورد استفاده در صنعت و زندگی روزمره بشر را تشکیل می‌دهند (۲). افزایش تقاضا برای نفت خام به عنوان یک منبع انرژی و به عنوان ماده خام اولیه برای صنایع مختلف، به ویژه لوازم آرایشی، رنگ، پلاستیک و غیره

نفت و فرآورده‌های نفتی مخلوط پیچیده و متنوعی از ترکیبات شیمیایی غیرهیدروکربنی و هیدروکربنی هستند (۱).

فرآورده‌های نفتی از پر مصرف ترین مواد شیمیایی در دنیا

(*) آدرس برای مکاتبه: تهران، دانشگاه تهران، پردیس علوم، دانشکده زیست‌شناسی.

تلفن: ۰۲۱۶۶۴۱۵۴۹۵ پست الکترونیک: hmoghimi@ut.ac.ir

پاکسازی زیستی، فرآیند بسیار امیدوار کننده‌ای برای کاهش و یا برطرف کردن آلودگی‌های نفتی به شمار می‌رود. طیف گسترده‌ای از میکروارگانیسم‌ها، از جمله باکتری‌ها، قارچ‌ها و جلبک‌ها، دارای توانایی سوخت و ساز هیدروکربن‌های آلیفاتیک و آروماتیک هستند.

توانایی‌های مختلفی در قارچ‌ها و باکتری‌ها برای متابولیزه کردن هیدروکربن‌ها وجود دارد. مکانیسم‌های مشابهی در سوخت و ساز هیدروکربن‌ها در باکتری و قارچ‌ها شناخته شده است. قارچ‌ها حاوی آنزیم‌های خارج سلولی خاصی هستند که به تخریب اولیه هیدروکربن‌ها کمک می‌کنند^(۶).

پژوهش‌های زیادی بر روی تجزیه زیستی هیدروکربن‌های نفتی و ترکیبات آروماتیک چند حلقه‌ای انجام شده است. در این پژوهش‌ها از باکتری‌ها، مخمرها و قارچ‌ها برای از بین بردن ترکیبات نفتی استفاده شده است. Das (Das) و Chandran (Chandran) در سال ۲۰۱۰ عنوان کردند که جنس‌های کاندیدا لپتوتیکا (*Candida lipolytica*), Rhodotorula mucilaginosa (Rhodotorula mucilaginosa)، Trichosporon mucoides (Trichosporon mucoides) تریکوسپورون موکوئیدس (Trichosporon mucoides) و گونه‌های *Thiotrichicum* (*Geotrichum* sp.) قابلیت تجزیه هیدروکربن‌های نفتی و PAHs را دارند^(۷).

در مطالعه دیگر گارگوری (Gargouri) و همکاران در سال ۲۰۱۵ نشان دادند که طیف گسترده‌ای از مخمرها و قارچ‌ها رشته‌ای قابلیت تجزیه زیستی آلاینده‌های آلی را دارند. در این مطالعه یاروویا لپتوتیکا (*Yarrowia lipolytica*) به عنوان توانمندترین سویه مخمری که توانایی استفاده از هیدروکربن‌های مختلف از جمله تری گلیسیریدها و الکن‌ها را دارد معروفی گردید^(۸). با توجه به مطالب یاد شده، موضوع آلودگی محیط زیست به انواع ترکیبات نفتی و اختلالات اکوسیستمی حاصل از آن، در کشورهای تولید کننده نفت به ویژه ایران مسأله بسیار مهمی است. بنابراین، توسعه روش‌های پاکسازی زیستی با قابلیت کاربرد در اکوسیستم‌های طبیعی بسیار حائز اهمیت می‌باشد.

هدف از این مطالعه بررسی توانمندی تجزیه زیستی مخمرهای

موجب افزایش تولید، حمل و نقل و پالایش آن شده، که به نوبه خود منجر به آلودگی وسیع محیط زیست شده است^(۳). آلودگی‌های نفتی یک پیامد اجتناب ناپذیر از افزایش سریع جمعیت و فرآیند صنعتی شدن است که به دنبال آن آلودگی خاک توسط هیدروکربن‌های نفتی به شکل وسیع در اطراف تأسیسات اکشاف و پالایش و به شکل موضعی در مسیرهای انتقال این مواد قابل مشاهده است. روزانه مقادیر زیادی از نفت و فرآورده‌های نفتی، در حجم زیاد به محیط زیست وارد می‌شود^(۲). با توجه به اینکه نفت حاوی مواد شیمیایی خطرناکی مانند بنزن، تولوئن، اتیلن، بنزن، زایلن، نفتالن است، می‌تواند اثرات منفی طولانی مدتی را بر منابع طبیعی و زندگی موجودات زنده به دنبال داشته باشد^(۴). هیدروکربن‌های آروماتیک چندحلقه‌ای (Polycyclic Aromatic Hydrocarbons =PAHs) از مهمترین آلودگی‌های نفتی هستند که در خاک و رسوبات وجود دارند. بنابراین حذف آن‌ها در بهبود زندگی و حفاظت از محیط زیست نقش اساسی دارد. این ترکیبات به دلیل ساختار و ماهیت، از جمله ترکیبات سخت تجزیه پذیر نفتی محسوب شده که با پیچیده شدن ساختار و افزایش تعداد حلقه‌ها سمیت و پایداری آن نیز افزایش پیدا می‌کند^(۲).

پاکسازی خاک‌ها و آب خوان‌های آلوده به نفت به علت تهدید حاصلخیزی خاک، آسیب رسانی به آب‌های زیر زمینی و سلامت جهانی، بسیار حائز اهمیت می‌باشد. ایران، به عنوان یک کشور نفت خیز، دارای محیط‌های آلوده به مواد نفتی زیادی می‌باشد. این آلودگی‌ها در سال‌های اخیر در حال افزایش هستند^(۵). در این راستا انواع مختلفی از روش‌های افزایش شیمیایی، فیزیکی و زیستی جهت پاکسازی محل‌های آلوده به نفت ارائه شده است^(۲). در این بین، روش پاکسازی زیستی (Bioremediation) که به طور معمول شامل تبدیل آلودگی‌ها به مواد غیر سمی با استفاده از فعالیت میکروارگانیسم‌ها است، بسیار مؤثر و کارآمد بوده به طوری که توجه بسیاری از محققان در سراسر دنیا را به خود جلب کرده است^(۳).

(۱۰)، همراه با ۱ درصد نفت خام به عنوان تنها منبع کربن، ۰/۲ درصد عصاره مخمر به عنوان عامل محرک رشد و ۱۰۰ mg/l تراسایکلین استفاده شد. به این منظور ۰/۵ گرم از نمونه خاک همگن به ارلن های ۲۵۰ میلی لیتری حاوی ۵۰ میلی لیتر محیط کشت همراه با ۱ درصد نفت استریل اضافه گردید و به مدت سه هفته در شیکر انکوباتور با دمای $28 \pm 0/2$ درجه سلسیوس و ۱۸۰ rpm گرما گذاری شد. پس از این مدت ۱۰۰ میکرولیتر از مایع روماند موجود در هر ارلن برداشته شد و به عنوان مایه تلقیح به محیط‌های کشت GPY به همراه ۱ درصد نفت خام و ۱/ μg ۱۰۰ رزبنگال اضافه گردید (۱۱). با استفاده از لوله شیشه‌ای استریل، مایه تلقیح در سراسر محیط کشت پخش شد. در نهایت پلیت‌های حاصله به مدت ۴۸ تا ۷۲ ساعت در گرمانخانه با دمای 28°C گرم‌گذاری شدند. هر یک از جدایه‌های مخمری که با استفاده از روش‌های غنی سازی و کشت سطحی بعد از گرم‌گذاری کافی بر روی محیط‌های جامد رشد کردند، به طور جداگانه بر روی محیط PDA (عصاره سیب زمینی ۴ گرم، دکستروز ۲۰ گرم، آگار ۱۵ گرم در ۱ لیتر آب مقطر) و GPY خالص سازی شدند (۱۲). در ادامه سویه‌های تکراری نیز بر اساس ظاهر کلنسی و بررسی‌های میکروسکوپی حذف شدند. تمامی نمک‌ها و محیط‌های کشت آزمایشگاهی استفاده شده از شرکت مرک-آلمان تهیه شدند.

ج) بررسی توانمندی هر یک از جدایه‌های مخمری در تخریب نفت خام: به منظور تعیین توانمندی جدایه‌های به دست آمده در حذف نفت خام، در ابتدا هر یک از جدایه‌ها با استفاده از روش سنجش کل محتوای هیدروکربنی از طریق اسپکتروفوتومتری و نیز اندازه‌گیری میزان رشد مخمری از طریق سنجش زیست توده خشک ارزیابی شدند (۱۳). با استفاده از نتایج حاصله از این دو آزمایش، غربالگری اولیه برای انتخاب جدایه‌های برتر در تجزیه هیدروکربن‌های نفتی انجام پذیرفت. برای ارزیابی توانایی سویه‌های جadasازی شده در حذف نفت خام، پیش کشت جدایه‌ها در محیط کشت پایه نمکی باشلن هاس حاوی ۰/۵ درصد نفت خام و ۰/۱ درصد

بومی در تخریب نفت خام و ترکیبات آروماتیک چند حلقه‌ای مدل بود.

مواد و روش‌ها

(الف) نمونه برداری: برای جadasازی سویه‌های مخمری توانمند در فرآیند زیست پلایی ترکیبات هیدروکربنی نفت، از یازده منطقه آلوود به ترکیبات نفتی شامل خاک‌های آلوود قم، خارک، پوند ۳ پالایشگاه تهران، مارون، پالایشگاه نفتی شازند اراك، کارون، خانگیران، ۲۰ کیلومتری سراب، قزوین و سیری نمونه برداری صورت پذیرفت. خاک‌های آلوود از مناطق مختلف ذکر شده از عمق ۲۰ سانتی‌متری با استفاده از بیلچه برداشته و در کوتاه‌ترین زمان به آزمایشگاه منتقل شدند. در ادامه خاک‌ها با استفاده از هاون چینی استریل کوبیده و آسیاب شدند. در نهایت نمونه‌ها در آزمایشگاه با الک ۰/۵ میلی‌متری همگن شده و ذرات درشت آن جadasازی گردید و به منظور جadasازی مخمرها مورد استفاده قرار گرفت (۹).

(ب) جadasازی مخمرهای توانمند در تخریب هیدروکربن‌های نفتی از خاک: ابتدا رقت‌های سریالی از خاک تهیه شد و ۱۰۰ میکرولیتر از رقت‌های تیمار شده حاصله بر روی محیط‌های کشت اختصاصی مخمرها؛ GPY (گلوكز: ۵ گرم، پیتون: ۵ گرم، عصاره مخمر: ۱۰ گرم، آگار: ۲۰ گرم در ۱ لیتر آب مقطر)، (۹) به همراه ۱/ μg ۱۰۰ رزبنگال دارای آنتی بیوتیک تراسایکلین (۱۰) همراه با ۱ درصد نفت خام انتقال داده شد. سپس با استفاده از لوله شیشه‌ای L شکل استریل، به صورت یکنواخت در سراسر محیط کشت پخش گردید. این عمل برای هر یک از نمونه‌های خاک در سه تکرار انجام شد. پس از انجام تلقیح، به منظور رشد مخمرها پلیت‌های کشت شده در دمای 28°C به مدت یک هفته در انکوباتور گرم‌گذاری گردید. همچنین در روش غنی سازی (Enrichment Technique) با هدف فعال کردن و افزایش جمعیت تجزیه کننده هیدروکربن‌های خاک از محیط کشت پایه نمکی (MgSO_4 : Bushnell Haas) با $0/2$ گرم، CaCl_2 : ۰/۰۲ گرم، KH_2PO_4 : ۱ گرم، KNO_3 : ۱ گرم، $\text{H}_2\text{NH}_4\text{PO}_4$: ۱ گرم، FeCl_3 : ۰/۰۵ گرم در ۱ لیتر آب مقطر)

استفاده از کاغذ فیلتر واتمن شماره ۱ جدا شده و به مدت یک شبانه روز در دمای ۵۰ درجه سلسیوس خشک گردید. سپس وزن خشک به دست آمده بر اساس گرم در لیتر ارائه شد (۱۵). انتخاب جدایه مناسب: برای انتخاب میکرووارگانیسم‌های مناسب و توانمند در حذف هیدروکربن‌های نفتی، جدایه‌های به دست آمده بر اساس نتایج سنجش TPH و هچنین میزان رشد سلولی انتخاب شدند (۱۳ و ۱۵).

و) شناسایی مولکولی جدایه‌های منتخب: به منظور شناسایی مولکولی، ابتدا جدایه‌های منتخب در محیط GPY به مدت ۲۴ ساعت در دمای ۲۸ درجه سلسیوس گرم‌گذاشته شد. توده زیستی با سانتریفیوژ ۱۰ میلی لیتر از کشت در g ۴۰۰۰ به مدت ۵ دقیقه جدا شد. در ادامه پس از دو بار شستشو با سرم فیزیولوژی در هاون ریخته شد و سلول‌ها با روش کوبیدن زیست‌توده منجمد شده با استفاده از ازت مایع، شکسته شدند. DNA مخمر به روش فنل-کلروفرم استخراج و با الکل رسوب داده شد (۱۷). برای تأیید حضور DNA، الکتروفورز افقی با ژل آگاروز ۱ درصد صورت گرفت. به منظور تکثیر ژن ITS از پرایمرهای (5'-TCCGTAGGTGAAACCTGCGG-3') و (5'-TCCTCCGCTTATTGA TATGC-3') ITS4 (ماکروژن، کره جنوبی) استفاده گردید. واکنش زنجیره ای پلی مراز (PCR) در حجم ۲۵ میکرولیتر شامل ۲ میکرولیتر DNA الگو، ۱ میکرولیتر از هر کدام از پرایمرها (۱۰ پیکومول)، ۱۲۵ میکرولیتر از مستر میکس آنزیم Taq DNA پلی مراز (اپلیکم، دانمارک) و ۸/۵ میکرولیتر آب دوبار تقطیر انجام شد. واکنش PCR در دستگاه ترموسایکلر (لب‌نیت - آمریکا) در ۳۰ چرخه شامل واسرشتگی اولیه در دمای ۹۴ درجه سلسیوس به مدت ۴ دقیقه و واسرشتگی در دمای ۹۴ درجه سلسیوس به مدت ۳۰ ثانیه، اتصال پرایمرها به DNA الگو در دمای ۵۴ درجه سلسیوس به مدت ۳۰ ثانیه، طویل شدن رشته الگو در دمای ۷۲ درجه سلسیوس به مدت ۶۰ ثانیه و طویل شدن نهایی به مدت ۳ دقیقه در دمای ۷۲ درجه سلسیوس بود. محصول PCR پس از خالص سازی با کیت (شرکت ژن-آل، کره جنوبی) جهت تعیین توالی به شرکت بیونیر-کره جنوبی

گلوکز به عنوان منبع کربن و ۰/۰۲ درصد عصاره مخمر کشت داده شدند و در شیکر انکوباتور با rpm ۱۸۰ و دمای ۲۸ °C به مدت ۴۸ ساعت گرم‌گذاشته گردید. سپس فلاسک‌های ۵۰ میلی لیتری حاوی ۱۰ میلی لیتر محیط باشلن هاس حاوی ۱ درصد نفت خام به عنوان تنها منبع کربن تهیه شد. ۵ درصد از پیش کشت‌ها به محیط جدید تلچیق و به مدت دو هفته با شرایط قبل گرم‌گذاشته شد. برای تأیید میزان حذف نفت از نمونه کنترل، بدون تلچیق مخمر استفاده شد (۱۴). دو هفته پس از تلچیق جدایه‌ها به محیط کشت پایه نمکی، فلاسک‌ها به منظور استخراج کل محتوای هیدروکربنی (Total Petroleum Hydrocarbon= TPH) و تعیین میزان نفت باقی مانده بررسی شدند. به منظور استخراج هیدروکربن‌های نفتی از محیط، به فلاسک‌ها هم حجم با محیط کشت (۱۰ میلی لیتر) حلال تولوئن اضافه گردید. پس از اضافه کردن حلال، مخلوط حاصل به مدت ۱۵ دقیقه روی شیکر قرار داده شد. برای جداسازی و تفکیک بهتر فاز آبی از آلی، به مدت ۱۵ دقیقه با g ۴۰۰۰ سانتریفیوژ شد. در ادامه با کمک دکانتور فاز آبی حاوی تولوئن و نفت باقیمانده استخراج شده، از فاز آبی جداسازی شد. نمونه حاوی ترکیبات نفت باقی مانده به نسبت یک به ده با حلال تولوئن رقیق سازی شد. سپس میزان جذب رقت حاصله با دستگاه اسپکتروفوتومتر (شیمادزو-مدل A160-ژاپن) در طول موج ۴۲۰ نانومتر قرائت گردید. در نهایت برای تعیین میزان حذف نفت، جذب نمونه‌های تیمار با نمونه کنترل مقایسه و میزان حذف ثبت شد. از نمونه محیط کشت حاوی نفت و بدون تلچیق مخمر به عنوان نمونه کنترل استفاده شد و از غلظت‌های مختلف نفت خام (۰/۲۵ تا ۱ درصد) برای رسم منحنی استاندارد استفاده گردید (۱۳).

د) اندازه گیری میزان رشد: اندازه گیری وزن خشک زیست توده مخمری در محیط کشت پایه نمکی همراه با ۰/۵ درصد نفت خام، نماینده ای از میزان مصرف هیدروکربن‌های نفتی و به دنبال آن رشد جدایه‌ها می‌باشد. برای این منظور ریست توده مخمری حاصله در محیط پایه نمکی و ۰/۵ درصد نفت خام، پس از اندازه گیری میزان حذف نفت، از محیط کشت با

نفتی از خاک: در این مطالعه با استفاده از دو روش جداسازی مستقیم و غنی سازی، ۴۷ کلنی مخمری جداسازی شد که با توجه به شکل و ظاهر کلنی‌ها و همچنین محل جداسازی، در محیط کشت GYP خالص سازی شدند. در جدول ۱ تعداد کلنی‌های جداسازی شده از هر منطقه گزارش شده است.

ب) ارزیابی توانایی تخریب و حذف نفت خام در هریک از جدایه‌های مخمری: در این مرحله هریک از جدایه‌های مخمری در محیط پایه نمکی پس از پیش تیمار ۴۸ ساعته کشت داده شدند. به منظور ارزیابی میزان حذف از روش سنجش TPH همراه با اندازه گیری میزان رشد جدایه استفاده شد. سویه FA14 که از خاک نفتی قم جداسازی شده بود، با بیشترین میزان رشد و حدود ۹۰ درصد حذف نفت به عنوان توانمندترین جدایه معرفی شد و جهت ادامه آزمایش‌ها انتخاب گردید. همچنین ۱۷ جدایه در محیط حاوی نفت به عنوان تنها منبع کردن رشد نکردند و سایر جدایه‌ها نیز درصد حذف نفت اندازه گیری شده زیر ۵۰ درصد داشتند. آزمون یادشده به منظور تأیید نتایج در دو تکرار ۷ و ۱۴ روزه انجام شد و نتایج مشابهی به دست آمد. بر اساس نتایج به دست آمده میزان حذف نفت با تولید زیست توده ارتباط مستقیم دارد. به طوری که در مدت زمان ۷ روز از ابتدای آزمون حذف بسیار سریع اتفاق افتاد و با گذشت زمان مطابق با کاهش رشد میزان حذف نیز کاهش یافت. اما در ۷ روز دوم به حالت ایستا رسید. نمودار ۱ درصد حذف نفت و مقدار زیست توده تولید شده را

جدول ۱: تعداد کلنی‌های جداسازی شده با استفاده از دو روش غنی سازی و کشت در پلیت از نمونه‌های مختلف آلوده به نفت.

ردیف	نام منطقه‌ی	تعداد
۱	قم	۵
۲	خارک	۲
۳	سیری	۴
۴	پوند ۳ پالایشگاه تهران	۴
۵	شازند اراک	۳
۶	بی‌بی‌حکیمه	۲
۷	مارون	۱
۸	خاتگران	۷
۹	کارون	۵
۱۰	قزوین	۷
۱۱	کیلومتری سراب	۷
۱۲	جمع	۴۷

ارسال گردید (۱۷). همچنین برای شناسایی و بررسی نزدیک ترین سویه از لحاظ توالی ژن ITS به سویه منتخب، از انطباق توالی به دست آمده با اطلاعات توالی‌های موجود در پایگاه داده CBS و بانک ژنی استفاده شد.

ز) سنجش مقدار حذف هیدروکربن‌های آروماتیک چند حلقه‌ای با استفاده از کروماتوگرافی مایع با کارایی بالا (HPLC): در این مطالعه برای بررسی مقدار حذف HPLC هیدروکربن‌های آروماتیک چند حلقه‌ای از روش C استفاده شد (سیسیل، انگلستان). برای این منظور، پیش کشت جدایه‌های منتخب در محیط کشت باشلن هاس همراه با ۰/۵ درصد گلوکز در شیکر انکوباتور با ۱۸۰ rpm و دمای ۲۸ °C به مدت ۴۸ ساعت گرمگذاری شد. فلاسک‌های ۵۰ میلی لیتری حاوی ۹ میلی لیتر محیط پایه نمکی و ۱۰۰ ppm از هریک از سه ترکیب PAHs مدل شامل فناوری، آتراسن و پیرن به صورت جداگانه تهیه و ۵ درصد از پیش کشت به فلاسک‌ها تلقیح گردید و در شیکر انکوباتور با ۱۸۰ rpm و دمای ۲۸ °C به مدت دو هفته گرمگذاری شدند. فلاسک‌هایی با شرایط مشابه، بدون تلقیح جهت کنترل و مقایسه با نمونه‌ها تهیه گردید (۱۶). برای استخراج PAHs باقی مانده در محیط از حلال هگزان استفاده شد (به ازای هر ۵ میلی لیتر محیط کشت ۲ میلی لیتر حلال)، پس از اضافه کردن حلال، مخلوط حاصل به مدت ۱۵ دقیقه روی شیکر قرار داده شد. برای تفکیک بهتر فاز آلی از فاز آبی به مدت ۱۵ دقیقه با ۴۰۰۰ سانتریفیوژ شد. فاز آلی با دقت در ویال شیشه‌ای جمع آوری گردید. سپس حلال هگزان تبخیر شد و رقت سازی مناسب با استفاده از استونیتریل تهیه و ۱۰۰ میکرولیتر از نمونه‌ها به دستگاه تزریق شد. نوع ستون مورد استفاده، C18، فاز متحرک آب قطره‌ای یونیزه و استونیتریل با نسبت ۱:۱، شدت جریان ۱ ml/min، طول موج جذب ۲۵۴ nm و حجم تزریق ۱۰۰ میکرولیتر به عنوان شرایط انجام HPLC در نظر گرفته شد (۱۸).

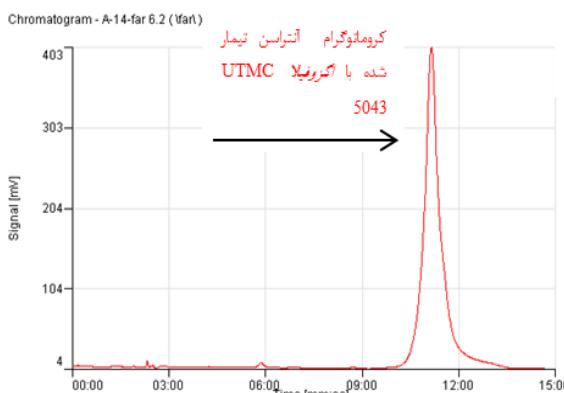
یافته‌ها

(الف) جداسازی مخمرهای توانمند در تخریب هیدروکربن‌های

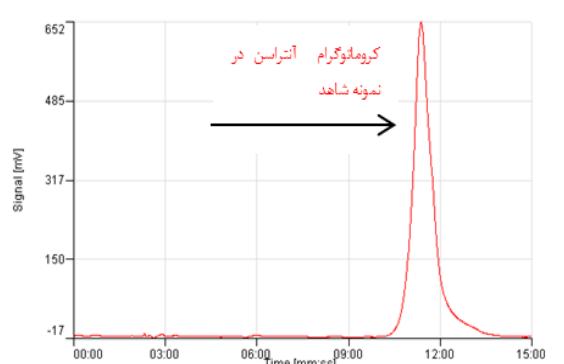
شد که اگزوفیلا UTMC 5043 در طی ۱۴ روز توانایی حذف ۹۷ درصد فناتنرن، ۵۷ درصد آتراسن و ۹۵ درصد پیرن را دارد (نمودار ۲). در ادامه سویه منتخب در محیط کشت پایه نمکی حاوی مخلوطی از سه هیدروکربن پلی آروماتیک با غلظت ۱۰۰ ppm تلخیق شد و نتایج مشابهی در مدت ۱۴ روز به دست آمد. نمودار ۲ حذف هر یک از این ترکیبات را به طور جداگانه و مخلوط نشان می‌دهد. همچنین نمونه ای از کروماتوگرام حذف مربوط به آتراسن به عنوان نمونه توسط اگزوفیلا UTMC 5043 در شکل ۱ ارائه شده است.

بحث

از میان پژوهش‌های انجام شده بر روی میکروارگانیسم‌های تجزیه‌کننده ترکیبات نفتی، اطلاعات موجود در مورد تجزیه هیدروکربن‌ها توسط قارچ‌ها شامل کپک‌ها و مخمرها به



الف

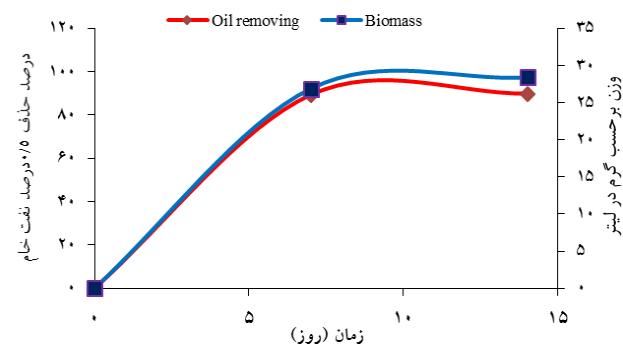


ب

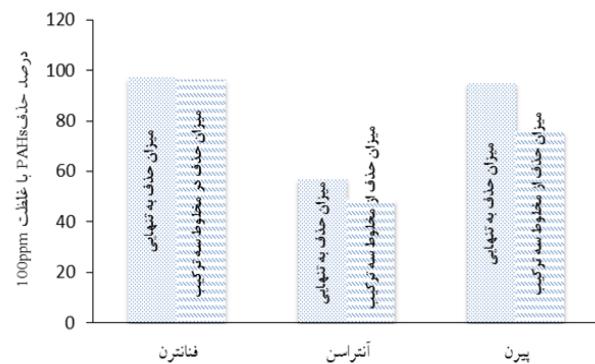
شکل ۱: نمونه ای از کرومتوگرام حذف آتراسن توسط اگزوفیلا UTMC 5043. (الف) نمونه تیمار شده، (ب) نمونه شاهد.

ج) شناسایی مولکولی جدایه FA14 در این مرحله با توجه به نتایج به دست آمده از آزمون‌های قبل از پرایمر ITS1 برای تکثیر منطقه رونویسی شونده بین ژن‌های 18S و 28S استفاده شد. بر اساس نتایج به دست آمده جدایه FA14 ۹۹ درصد شباهت به مخمر اگزوفیلا کروستیکولا (Exophiala crusticola) بود و تحت عنوان اگزوفیلا UTMC 5043 نامگذاری و در کلکسیون میکروارگانیسم‌های دانشگاه تهران با کد 5043 UTMC و بانک ژنی NCBI با کد KY284628.1 پیت و نگهداری شد.

د) بررسی میزان حذف هیدروکربن‌های آروماتیک چند حلقه‌ای مدل با HPLC بر اساس نتایج به دست آمده مشخص



نمودار ۱: درصد حذف نفت در سنجش TPH برای جدایه FA14، در محیط پایه نمکی حاوی ۰/۵ درصد نفت خام بعد از ۷ و ۱۴ روز (قرمز) و میزان تولید زیست توده خشک سلولی در طی ۷ و ۱۴ روز (آبی).



نمودار ۲: حذف ترکیبات PAHs مدل با غلظت ۱۰۰ ppm از میکروارگانیسم اگزوفیلا UTMC 5043 در محیط پایه نمکی طی ۱۴ روز، حذف هر یک از PAHs (طرح نقطه‌ای)، حذف مخلوط PAHs (طرح خط منقطع).

مطابقت دارد (۲۱ و ۲۲).

در ادامه با انجام روش‌های مولکولی جدایه مورد نظر شناسایی گردید. سویه FA14، جدا شده از خاک‌های نفتی قم از نظر توالی ITS، دارای شباهت ۹۹ درصدی به اگزوفیلا کروستیکولا بود. نتایج به دست آمده از این تحقیق نشان می‌دهد که گونه UTMC 5043 توانایی حذف بیش از ۸۹ درصد نفت را از محیط دارا می‌باشد. در این راستا با توجه به پژوهش‌های قبلی انجام شده در حذف هیدروکربن‌های نفتی تاکنون گزارش‌های متعددی با تأکید بر توانایی جنس‌ها و گونه‌های متعدد قارچی در حذف ترکیبات نفتی گزارش شده است. از نمونه این پژوهش‌ها می‌توان به یک مخمر بازی‌بیومیستی که مصرف کننده آلکان اشاره نمود که قادر به تجزیه ترکیبات آلیفاتیک و آروماتیک متعددی به عنوان تنها منبع کربن و انرژی می‌باشد (۲۳).

همچنین کامیابی (Kamyabi) و همکاران در سال ۲۰۱۶ نشان دادند که گونه‌های مخمری جنس‌های ساراکلادیوم (*Sarocladium*) و کریپتوکوکوس (*Cryptococcus*) توانمندی بالایی در حذف زیستی نفت خام و تولید ترکیبات فعال سطحی داشته و در کشت همزمان آن اثرات افزایشی در حذف گزارش شد (۱۷). شایان یادآوری است که تحقیقات زیادی بر روی باکتری‌های تجزیه کننده نفت خام نیز انجام شده است. به عنوان نمونه در مطالعه‌ای مشابه اسدی راد (Assadirad) و همکاران در سال ۲۰۱۶ نشان دادند که باکتری باسیلوس لیکنی فورمیس می‌تواند در مدت زمان ۳۰ روز تقریباً ۸۹ درصد از نفت خام را در غلظت ۳ درصد حذف نماید (۲۴).

بررسی توان حذف سه هیدروکربن آروماتیک چند حلقه‌ای (فنانترن، آنتراسن و پیرن) در سویه FA14 نشان داد که این جدایه سویه قابلیت حذف هر یک از هیدروکربن‌های آروماتیک چند حلقه‌ای را به میزان قابل توجهی دارد. به طوری که در مدت ۱۴ روز می‌توانست فنانترن را حدود ۹۷ درصد، آنتراسن ۵۷ درصد و پیرن ۹۵ درصد از محیط حذف کند. این نتایج با یافته‌های سایر محققان در این زمینه هم خوانی دارد. چنانچه رومرو (Romero) و همکاران در تحقیق بر روی برخی

عنوان یک عامل بسیار مؤثر و توانمند در حذف ترکیبات نفتی و تحمل کننده شرایط تنش‌زای محیطی بسیار اندک است و نیازمند بررسی‌های بیشتر در زمینه یافتن و بررسی سازوکارهای حذف در این گروه از میکروارگانیسم‌ها می‌باشد (۱۹).

در جداسازی میکروارگانیسم توانمند از نمونه‌های محیطی، انتخاب نقاط نمونه برداری یکی از مراحل مهم محسوب می‌شود. برای دست یابی به مخمرهایی که در فرآیند تجزیه و پاکسازی ترکیبات هیدروکربنی قابل استفاده باشند، اولین و بهترین گزینه استفاده از میکروفلور مناطق آلوده به نفت است که در آن‌ها غنی سازی میکروارگانیسم‌های توانمند در تجزیه هیدروکربن‌ها به طور طبیعی صورت گرفته است. بر این اساس تاکنون تحقیقات زیادی برای جداسازی میکروارگانیسم‌های بومی از مناطق آلوده به نفت در دنیا انجام شده است (۱۹ و ۲۰). با توجه به این موضوع، در این پژوهش جداسازی مخمرهای بومی از نمونه‌های آلوده به نفت تهیه شده از ۱۱ منطقه کشور که سابقه آلودگی هیدروکربنی داشتند (به عنوان نمونه منطقه نفتی قم با آلودگی به سبب چشمۀ طبیعی نفت و نشت مخزن زیر زمینی، منطقه‌ی بی بی حکیمه به دلیل شکستگی و ترکیدگی خطوط انتقال نفت، مناطق تولید و پالایش فراورده‌های نفتی مانند پالایشگاه‌های تهران، شازند اراک و خانگیران و نیز میادین اصلی نفت خیز کشور مانند مارون، سیری، قزوین، سراب و خارک)، انجام پذیرفت. در این پژوهش از بین ۴۷ کلنی مخمری جداسازی شده، ۱۰ درصد از جدایه‌ها قادر به تجزیه هیدروکربن‌های نفتی بودند. باقی جدایه‌ها توانمندی تجزیه هیدروکربن‌های نفتی را نداشتند و یا میزان حذف آن‌ها بسیار اندک بود. نتایج حاصل از این تحقیق نشان می‌دهد که جدایه‌های مختلف توانایی متفاوتی در حذف و استفاده از نفت خام به عنوان منبع کربن از خود نشان می‌دهند. با این حال سمتی آلانده‌های نفتی از رشد برخی جدایه‌های مخمر ممانعت نکرده و آن‌ها می‌توانند از ترکیبات نفتی موجود در محیط به عنوان منبع کربن و مواد غذایی برای رشد و تولید زیست توده استفاده کنند. نتایج حاصل از این تحقیق با یافته‌های سایر محققان در رابطه با دیگر مخمرها

نتیجه گیری

بر اساس نتایج به دست آمده در این پژوهش برای اولین بار گونه مخمری آگزوفیلا با ویژگی نفت‌خواری از خاک‌های بومی ایران معرفی گردید. نتایج حاصل از این پژوهش نشان داد که این سویه در مدت زمان حدود دو هفته تقریباً حذف کاملی از فناورن، آنتراسن و پیرن در غلظت ppm ۱۰۰ را دارد. با توجه به توانایی این سویه در حذف زیستی نفت خام و هیدروکربن‌های آروماتیک چند حلقه‌ای و عدم گزارش آن به عنوان عامل زیستی ترکیبات PAHs این جدایه می‌تواند کاندید مناسبی به منظور پاک‌سازی خاک و پساب آلوده به هیدروکربن‌های آروماتیک نفتی باشد.

تشکر و قدردانی

نویسنده‌گان این مقاله از معاونت محترم پژوهشی دانشگاه تهران به دلیل همکاری صمیمانه و تامین بخشی از هزینه‌های اجرای این پژوهش کمال امتنان را دارند.

از هیدروکربن‌های آروماتیک چند حلقه‌ای با وارد کردن غلظتی معادل نصف غلظت هیدروکربن‌های آروماتیک چند حلقه‌ای استفاده شده در این پژوهش به نتایج مشابهی دست یافتند (۱۶). بر اساس نتایج به دست آمده در آزمون‌ها و سنجش‌های مختلف توانایی سویه یاد شده در حذف نفت و هیدروکربن‌های آروماتیک چند حلقه‌ای به اثبات رسید و می‌توان از این قابلیت در زیست پالایی مناطق آلوده استفاده نمود. در پژوهش‌های مختلف انجام شده بر روی تجزیه هیدروکربن‌های پلی آروماتیک توسط قارچ‌ها و مخمرها، مشخص شده است که این دسته از میکروارگانیسم‌ها، توانمندی بالایی در تجزیه زیستی ترکیبات پلی آروماتیک دارند. مطالعه بر روی قارچ‌های جدادشده از زمین‌های آلوده به ترکیبات نفتی نشان می‌دهد که کپک‌های جنس آلترناریا، آسبیزیلوس، فوزاریوم و پنی سیلیوم و مخمرهای کریپتوکرکوس، بازیدوآسکرکوس و ساراکلادیوم توانمندی استفاده از ترکیبات PAHs را دارند (۲۴-۲۶). بر این اساس مطالعه حاضر اولین گزارش از معرفی گونه‌های بومی جنس آگزوفیلا در استفاده از PAHs با توانمندی بالا را معرفی می‌نماید.

References

1. Ron EZ, Rosenberg E. Enhanced bioremediation of oil spills in the sea. Curr Opin Biotechnol. 2014; 27:191-194.
2. Mohanty S, Jasmine J, Mukherji S. Practical considerations and challenges involved in surfactant enhanced bioremediation of oil. BioMed Res Int. 2013; doi:10.115/2013/328608.
3. Varjani SJ. Microbial degradation of petroleum hydrocarbons. Bioresour Technol. 2017; 223: 277-286.
4. Singh H. Mycoremediation: fungal bioremediation. John Wiley & Sons, Inc., Hoboken, New Jersey, USA; 2006.
5. Mohsenzadeh F, Chehregani Rad A, Akbari M. Evaluation of oil removal efficiency and enzymatic activity in some fungal strains for bioremediation of petroleum-polluted soils. Iran J Environ Health Sci Eng. 2012; 9(1): 26-35.
6. Singh A, Ward OP. Biodegradation and bioremediation. Springer-Verlag, Berlin, Heidelberg; 2004.
7. Das N, Chandran P. Microbial degradation of petroleum hydrocarbon contaminants: an

- overview. *Biotechnol Res Int.* 2011; doi:10.4061/2011/941810.
- 8. Gargouri B, Mhiri N, Karray F, Aloui F, Sayadi S. Isolation and characterization of hydrocarbon-degrading yeast strains from petroleum contaminated industrial wastewater. *Biomed Res Int.* 2015; doi: 10.1155/2015/929424.
 - 9. Kurtzman CP, Fell JW, Boekhout T. *The yeasts: a taxonomic study.* 5th Ed. Elsevier Science, Amesterdam; 2011.
 - 10. Eriksson M, Dalhammar G, Borg-Karlson AK. Biological degradation of selected hydrocarbons in an old PAH/creosote contaminated soil from a gas work site. *Appl Micro Biotechnol.* 2000; 53(5): 619-626.
 - 11. Pasumarthi R, Chandrasekaran S, Mutnuri S. Biodegradation of crude oil by *Pseudomonas aeruginosa* and *Escherichia fergusonii* isolated from the Goan coast. *Mar Pollut Bull.* 2013; 76 (1): 276-282.
 - 12. Rinaldi MG. Use of potato flakes agar in clinical mycology. *J Clinical Microb.* 1982; 15(6): 1159-1160.
 - 13. Rahman K, Thahira-Rahman J, Lakshmanaperumalsamy P, Banat IM. Towards efficient crude oil degradation by a mixed bacterial consortium. *Bioresour Technol.* 2002; 85(3): 257-261.
 - 14. Dritsa V, Rigas F, Natsis K, Marchant R. Characterization of a fungal strain isolated from a polyphenol polluted site. *Bioresour Technol.* 2007; 98(9): 1741-1747.
 - 15. Behnoor M, Nasernejad B, Nikazar M. Biodegradation of crude oil from saline waste water using white rot fungus *Phanerochaete chrysosporium*. *J Ind Eng Chem.* 2014; 20(4): 1879-1885.
 - 16. Romero MC, Salvioli ML, Cazau MC, Arambarri AM. Pyrene degradation by yeasts and filamentous fungi. *Env Pollution.* 2002; 117(1): 159-163.
 - 17. Kamyabi A, Nouri H, Moghimi H. Synergistic effect of *Sarocladium* sp. and *Cryptococcus* sp. co-culture on crude oil biodegradation and biosurfactant production. *Appl Biochem Biotechnol.* 2017; 182(1): 324-334.
 - 18. Srujana K, Khan AB. Isolation and characterization of polycyclic aromatic hydrocarbon degrading soil microbes from automobile workshop sediments. *J Env Sci Technol.* 2012; 5(1): 74-83.
 - 19. Moghimi H, Tabar RH, Hamed J. Assessing the biodegradation of polycyclic aromatic hydrocarbons and laccase production by new fungus *Trematophoma* sp. UTMC 5003. *World J Microbiol Biotechnol.* 2017; 33(7): 136.
 - 20. Bento FM, Camargo FA, Okeke BC, Frankenberger WT. Comparative bioremediation of soils contaminated with diesel oil by natural attenuation, biostimulation and bioaugmentation. *Bioresour Technol.* 2005; 96(9): 1055-1049.
 - 21. Atagana HI, Haynes R, Wallis F. Fungal bioremediation of creosote-contaminated soil: a laboratory scale bioremediation study using indigenous soil fungi. *Water, air, soil Pollut.* 2006; 172(1): 201-219.

22. Middelhoven WJ, Scorzetti G, Fell JW. *Trichosporon veenhuiseii* sp. nov., an alkane-assimilating anamorphic basidiomycetous yeast. Int J Syst Evol Microb. 2000; 50(1): 381-387.
23. Assadirad MHA, Assadi MM, Rashedi H, Nejadsattari T. Isolation and phylogenetic analysis of indigenous oil-degrading bacteria from soil of Karoon area in Ahvaz. J Microb World. 2016; 9(3): 236-246. [In Persian]
24. Aranda, E. Promising approaches towards biotransformation of polycyclic aromatic hydrocarbons with Ascomycota fungi. Curr Opin Biotechnol. 2016; 38: 1-8.
25. Zhang JH, Xue QH, Gao H, Ma X, Wang P. Degradation of crude oil by fungal enzyme preparations from *Aspergillus* spp. for potential use in enhanced oil recovery. J Chem Technol Biotechnol. 2016; 91(4): 865-875.
26. Simister RL, Poutasse CM, Thurston AM, Reeve JL, Baker MC, White HK. Degradation of oil by fungi isolated from Gulf of Mexico beaches. Mar Pollut Bull. 2015; 100(1): 327-333.

Crude oil and polycyclic aromatic hydrocarbons (PAHs) biodegradation by *Exophiala* sp. UTMC 5043

Farahnaz Akbarzadeh¹, Hamid Moghimi², Shamsozoha Abolmaali³, Javad Hamedi⁴

¹M.Sc. student, Department of Biotechnology, Faculty of New Science and Technology, Semnan University, Semnan, Iran.

²Assistant Professor, Department of Microbial Biotechnology, School of Biology, College of Science, University of Tehran, Tehran, Iran.

³Assistant Professor, Faculty of Basic Science, Department of Biology, Semnan University, Semnan, Iran.

⁴Professor, Department of Microbial Biotechnology, School of Biology, College of Science, University of Tehran, Tehran, Iran.

Abstract

Background & Objectives: Today, crude oil products are one of the most widely used chemicals in the world. Daily, large volumes of crude oil and their derivatives are poured into the environment. The aim of this study was to isolate and evaluate Iranian indigenous yeast strains for the purpose of bioremediation of crude oil pollutants.

Materials & Methods: Soil samples were collected from different oil-contaminated areas of Iran. The samples were cultured for 14 days on Bushnell Hass medium containing 0.5 % crude oil and 100 mg l⁻¹ tetracycline. The crude oil degradation was measured by TPH assay at 420 nm. Removal of 100 ppm of phenanthrene, anthracene, and pyrene as model polycyclic aromatic hydrocarbons (PAHs) was studied using HPLC method. The superior yeast strain was identified by ITS gene sequencing and alignment in the NCBI database.

Results: Totally, 47 yeast strains were isolated. TPH assay showed that FA14 isolate with 89% degradation rate within 14 days was the most powerful isolate in the removal of PAHs. ITS gene sequencing followed by alignment in NCBI indicated that FA14 belongs to the genus *Exophiala* sp., showing 99% similarity. Furthermore, the results indicated that within 14 days phenanthrene, anthracene, and pyrene were degraded by FA14 with the rate of 97.67 %, 57.0 %, and 95.38 %, respectively.

Conclusion: Our results showed that *Exophiala* sp. has a high ability for biodegradation of crude oil and PAHs. Therefore, it could be introduced as a potent strain for bioremediation of oil-contaminated soil samples.

Keywords: Anthracene, Pyrene, Bioremediation, Phenanthrene, *Exophiala*.

Correspondence to: Hamid Moghimi

Tel: +98 21 66415495

E-mail: hmoghimi@ut.ac.ir

Journal of Microbial World 2018, 11(2): 188-198.