

ORIGINAL ARTICLE

Lack of Association between IL12B Gene Single Nucleotide Polymorphism (rs6887695G/C) and Chronic Hepatitis B Virus Infection in an Iranian Population

Sediqeh Heidarian¹,

Farzaneh Sabahi²,

Seyed Reza Mohebbi³,

Maryam Karkhane⁴,

Pedram Azimzadeh⁵,

Mahsa Saeedi Niasar⁶

Shaqaeeyeq Derakhshani⁶,

Afsaneh Sharifian⁷,

Mohammadreza Zali⁸

¹ MSc Student in Virology, Gastroenterology and Liver Diseases Research Center, Research Institute for Gastroenterology and Liver Diseases, Shahid Beheshti University of Medical Sciences, Tehran, Iran

² Professor, Department of Virology, Faculty of Medical Sciences, Tarbiat Modares University, Tehran, Iran

³ Assistant Professor, Basic and Molecular Epidemiology of Gastrointestinal Disorders Research Center, Research Institute for Gastroenterology and Liver Diseases, Shahid Beheshti University of Medical Sciences, Tehran, Iran

⁴ MSc in Microbiology, Gastroenterology and Liver Diseases Research Center, Research Institute for Gastroenterology and Liver Diseases, Shahid Beheshti University of Medical Sciences, Tehran, Iran

⁵ PhD Student in Genetics, Foodborne and Waterborne Diseases Research Center, Research Institute for Gastroenterology and Liver Diseases, Shahid Beheshti University of Medical Sciences, Tehran, Iran

⁶ MSc Student in Developmental Biology, Gastroenterology and Liver Diseases Research Center, Research Institute for Gastroenterology and Liver Diseases, Shahid Beheshti University of Medical Sciences, Tehran, Iran

⁷ Associate Professor, Gastroenterology and Liver Diseases Research Center, Research Institute for Gastroenterology and Liver Diseases, Shahid Beheshti University of Medical Sciences, Tehran, Iran

⁸ Professor, Gastroenterology and Liver Diseases Research Center, Research Institute for Gastroenterology and Liver Diseases, Shahid Beheshti University of Medical Sciences, Tehran, Iran

(Received January 8, 2017 Accepted July 10, 2017)

Abstract

Background and purpose: Hepatitis B virus (HBV) is considered to be one of the most important etiological factors of liver complication around the world. Interactions of host immune responses with HBV have a crucial role in the outcome of the infection. IL12 is an important pro-inflammatory cytokine that stimulates natural killer cells and T-lymphocytes to produce IFN- γ , promotes T-helper 1 responses, and expands CD8+cytotoxic T-cell activity. These unique properties of IL12 indicate that it might play an important role in control and clearance of HBV. In addition, single nucleotide polymorphisms (SNPs) are presumed to be linked to differential production of cytokines levels. This study investigated the association of IL12B rs6887695 G/C polymorphism with chronic HBV infection.

Materials and methods: Genotypes distribution of IL12B rs6887695 was determined in 120 chronic HBV infected patients and 120 healthy controls using polymerase chain restriction fragment length polymorphism (PCR-RFLP) method between 2013 and 2015.

Results: The frequencies of rs6887695 GG, GC and CC genotypes in the patients with chronic infection were 56.7%, 36.7% and 6.6%, respectively and in healthy controls were 51.7%, 42.5%, and 5.8%, respectively. No statistically significant difference was detected in IL12B rs6887695 genotypes between the patients and controls ($P = 0.65$).

Conclusion: IL12 plays an essential role in immune response against HBV infection; however, present findings suggest that IL12B rs6887695 SNP was not associated with chronic HBV in the Iranian population studied.

Keywords: Hepatitis B virus, single nucleotide polymorphism, Interleukin-12, chronic infection

عدم ارتباط بین پلی مورفیسم تک نوکلئوتیدی [rs6887695G/C] در ژن IL12B با عفونت هپاتیت B مزمن در جمعیت ایرانی

صدیقه حیدریان^۱فرزانه صباحی^۲سید رضا محبی^۳مریم کارخانه^۴پدرام عظیم زاده^۵مهسا سعیدی نیاسر^۶شقایق درخشانی^۷افسانه شریفیان^۸محمد رضا زالی^۹

چکیده

سابقه و هدف: ویروس هپاتیت B یکی از مهم‌ترین علل ضایعات کبدی در سراسر جهان است پاسخ سیستم ایمنی میزبان و ویروس هپاتیت B، نقش مهمی در نتیجه عفونت دارند. ایترولوکین ۱۲ (IL12) در نقش یک سایتوکاین پیش‌التهابی باعث تحریک سلول‌های کشنده طیعی و لنفوцит T برای تولید ایترافرون گاما (γ-IFN)، تقویت لنفوцит‌های Th1 و افزایش فعالیت سلول‌های T سایتوکوپیک می‌شود. این خصوصیات منحصر به فرد IL12، نشان می‌دهد که این سایتوکین ممکن است نقش مهمی در پاکسازی و کنترل HBV داشته باشد. از طرف دیگر پلی مورفیسم‌های تک نوکلئوتیدی با تولید متفاوت سایتوکاین‌ها همراه است. در این مطالعه، ارتباط پلی مورفیسم ژن IL12B با عفونت مزمن HBV مورد بررسی قرار خواهد گرفت.

مواد و روش‌ها: توزیع ژنتوتیپ‌های (rs6887695) ژن IL12B در ۱۲۰ بیمار مزمن مبتلا به ویروس هپاتیت B مزمن و ۱۲۰ فرد سالم با استفاده از واکنش زنجیره پلیمراز و متغیر RFLP در روی نمونه‌های جمع‌آوری شده بین سال‌های ۱۳۹۲ تا ۱۳۹۴ انجام شد.

یافته‌ها: فراوانی ژنتوتیپ‌های GG، GC و CC به ترتیب در بیماران ۵۶٪ درصد، ۳۶٪ درصد و ۶٪ درصد و در میان افراد شاهد به ترتیب ۵۱٪/۷ درصد، ۴۲٪/۵ درصد و ۵٪/۸ درصد است ($P\text{ value}=0.65$). استنتاج: یافته‌های مطالعه حاضر نشان می‌دهد که میان پلی مورفیسم تک نوکلئوتیدی (rs6887695) ژن IL12B و مبتلا به عفونت ویروس هپاتیت B مزمن در جمعیت ایرانی تحت مطالعه، رابطه معناداری وجود ندارد.

واژه‌های کلیدی: ویروس هپاتیت B مزمن، پلی مورفیسم تک نوکلئوتیدی، ایترولوکین ۱۲، عفونت مزمن

مقدمه

ویروس هپاتیت B برخلاف ویروس‌های هپاتیت دیگر (HAV و HCV, HEV, HDV) زنومی از جنس دارد و مهم‌ترین عامل ایجاد التهاب در سلول‌های پارانشیم کبد است (۱، ۲). اکثر افراد بالغی که به HBV آلوده هستند، وارد فاز حاد بیماری می‌شوند و در بیش تر موارد ویروس از بدنشان حذف می‌گردد، اما

- موافق مسئول: سید رضا محبی - تهران، ولنجک، خیابان بنی، پیارستان آبیت الله طقانی، دانشگاه علوم پزشکی شهید بهشتی، پژوهشکده بیماریهای گوارش و کبد، دانشگاه علوم پزشکی شهید بهشتی، تهران، ایران
۱. داشتجویی کارشناسی ارشد ویروس شناسی، مرکز تحقیقات بیماریهای گوارش و کبد، دانشگاه علوم پزشکی شهید بهشتی، تهران، ایران
 ۲. استاد، گروه ویروس شناسی، دانشگاه تربیت مدرس، تهران، ایران
 ۳. استادیار، مرکز تحقیقات علوم پایه و اپیدمیولوژی بیماریهای گوارش، پژوهشکده بیماریهای گوارش و کبد، دانشگاه علوم پزشکی شهید بهشتی، تهران، ایران
 ۴. داشتجویی ارشد، مرکز تحقیقات بیماریهای گوارش و کبد، دانشگاه علوم پزشکی شهید بهشتی، تهران، ایران
 ۵. داشتجویی کارشناسی ارشد، مرکز تحقیقات بیماریهای گوارش و کبد، دانشگاه علوم پزشکی شهید بهشتی، تهران، ایران
 ۶. داشتجویی کارشناسی ارشد، مرکز تحقیقات بیماریهای گوارش و کبد، پژوهشکده بیماریهای گوارش و کبد، دانشگاه علوم پزشکی شهید بهشتی، تهران، ایران
 ۷. داشتار، مرکز تحقیقات بیماریهای گوارش و کبد، پژوهشکده بیماریهای گوارش و کبد، دانشگاه علوم پزشکی شهید بهشتی، تهران، ایران
 ۸. استاد، مرکز تحقیقات بیماریهای گوارش و کبد، پژوهشکده بیماریهای گوارش و کبد، دانشگاه علوم پزشکی شهید بهشتی، تهران، ایران
- تاریخ دریافت: ۱۳۹۵/۱/۱۹ تاریخ ارجاع چهت اصلاحات: ۱۳۹۶/۱/۱۹ تاریخ تصویب: ۱۳۹۶/۴/۱۹

NK را تقویت کرده و لنفوسیت‌های T سایتولیتیکی CD8 افزایش می‌دهد که این اثر IL12، نقش مهمی در ایمنی تومورها دارد(۸). ایترلوکین ۱۲ باعث پیشبرد TH1 تمايز لنفوسیت‌های T کمکی به سلول‌های IFN γ از تولید کننده IFN γ از TH1 و ترشح IFN γ از لنفوسیت‌های T سایتوکسیک (CTL) می‌شود که با همراهی IFN γ تولید IgG را از سلول‌های B افزایش می‌دهند. این ایمونوگلوبولین در ایجاد ایمنی پایدار علیه ویروس نقش دارد و هدف از استفاده واکسن علیه هپاتیت، افزایش سطح IgG می‌باشد که با کمک IL3 باعث تکثیر سلول‌های خونساز می‌شود. هم‌چنین به دلیل نقش محوری در پاسخ‌های ایمنی ذاتی و تطبیقی و هم افزایی سایتوکاین‌های دیگر به عنوان ایمنوتراپی در نظر گرفته می‌شود. مزیت مهم درمان با IL12 این است که چون گیرندهای آن‌ها محدود می‌باشند، پس عوارض جانبی کم‌تری دارند(۹).

به نظر می‌رسد که میزان تولید و سطح ایترلوکین ۱۲ تحت تاثیر پلی مورفیسم‌های آن قرار می‌گیرد(۱۰). هدف این مطالعه ارتباط پلی مورفیسم rs6887695 در فاصله kb⁶⁰ فرادست ناحیه کدینگ ژن IL12B با استعداد ابتلاء به هپاتیت B مزمن در جمعیت ایرانی می‌باشد.

مواد و روش‌ها

این مطالعه از نوع مورد-شاهدی، بر روی ۱۲۰ بیمار مبتلا به هپاتیت B مزمن مراجعه کننده به مرکز تحقیقات کبد و گوارش بیمارستان طالقانی شهر تهران و ۱۲۰ فرد سالم به عنوان گروه شاهد انجام شد.

معیار انتخاب گروه بیمار، مثبت شدن نتیجه آزمایشات الیزا Anti-HBc-Ab (Diapro HBs-Ag و diagnostics, Italy) بیش از شش ماه بود که اکتشاف سایر مبتلا سابقه استری شدن در بیمارستان را داشتند. بیماران مبتلا به هپاتیت B که همزمان به عفونت‌های هپاتیت C و یا ویروس نقص ایمنی انسان (HIV) مبتلا بودند، از مطالعه

در بعضی موارد عفونت پایدار می‌گردد و به سمت بیماری‌های مزمن کبدی و سرطان کبد پیش می‌رود. مطالعات نشان داده که عامل پاتوژن و فاکتورهای ژنتیکی و ایمنی میزبان در مزمن شدن ویروس هپاتیت B نقش دارند. چندین فاکتور ایضامیولوژیک دیگر مثل سن، جنس، مصرف الکل، ابتلاء به عفونت و آلودگی هم‌زمان با ویروس‌های هپاتیتی دیگر نیز در پایداری این ویروس موثر می‌باشند(۴،۳).

استراتژی اصلی سیستم ایمنی در برابر عفونت‌های ویروسی، دفاع غیر اختصاصی است و در صورتی که این نوع دفاع ناتوان باشد، پاسخ ایمنی اختصاصی فعال می‌گردد. سیستم ایمنی با تولید سایتوکاین‌ها که واسطه‌های ایمنی ذاتی و اکتسابی هستند و به عنوان تعديل کننده‌های سیستم ایمنی به شمار می‌روند، در پاکسازی عفونت‌های ویروسی عمل می‌کنند. ایترلوکین ۱۲ یک سایتوکاین هترودایمر و مشکل از دو زیر واحد متصل با پیوندهای دی سولفید می‌باشد. ژن IL12A، پروتئین ۳۵ کیلو Daltonی و ژن IL12B، پروتئین ۴۰ کیلو Daltonی را کد می‌کند که توسط ماکروفازها، منوسیت‌ها، سلول‌های دندرتیک و لنفوسیت T کمکی (TH1) در پاسخ به پاتوژن‌ها، فاکتورهای التهابی یا پیام‌های سلول‌های T نظیر اتصال لیگاند CD40 به تولید می‌شوند و واسطه‌ای اصلی پاسخ‌های ایمنی ذاتی به میکروب‌های داخل سلولی و القا کننده پاسخ‌های ایمنی تطبیقی در برابر این میکروبها می‌باشد. هم‌چنین در ابتدا تحت عنوان فاکتور محرک سلول‌های NK (NK-SF) و فاکتور بلوغ لنفوسیت‌های سایتوکسیک خوانده می‌شند(۵،۶).

در بسیاری از عفونت‌های ویروسی، پاسخ اولیه سلول‌های کشنده طبیعی (NK) در پاکسازی ویروس موثر می‌باشد. ایترلوکین ۱۲ با فعال کردن سلول‌های کشنده طبیعی (NK) باعث ترشح اینترفرون گاما (IFN γ) از این سلول‌ها می‌شود و نیز IFN γ ، تیتر ویروس را کاهش می‌دهد(۷) به علاوه عمل سایتولیتیکی سلول‌های

واحد آنزیم Taq پلیمراز و ۱۰ پیکومول از هر پرایمر به حجم نهایی ۲۵ میکرولیتر اضافه گردید.

سپس PCR طبق برنامه زیر انجام شد: واسرثت اولیه در دمای ۹۴ درجه سانتی گراد به مدت ۵ دقیقه و به دنبال آن ۳۵ سیکل از دمای ۹۴ درجه سانتی گراد به مدت ۴۵ ثانیه، دمای اتصال ۶۰ درجه سانتی گراد به مدت ۳۵ ثانیه و ۷۲ درجه سانتی گراد به مدت ۳۰ ثانیه انجام شد. سپس به مدت ۱۰ دقیقه، دمای ۷۲ درجه سانتی گراد جهت تکثیر نهایی انجام شد. محصول PCR که یک قطعه به طول ۶۰۹ bp می‌باشد، با استفاده از روش الکتروفورز بر روی ژل آگارز ۱/۵ درصد برده شد و در نهایت به روش Prestaining DNA Green با ViewerTM رنگ آمیزی گردید. سپس محصولات PCR با استفاده از آنزیم محدود الاثر hph مورد هضم قرار گرفت و قطعات حاصل از عملکرد آنزیم روی ژل آگارز ۳ درصد مشخص گردید.

خارج شدند. گروه کنترل شامل افراد سالمی بودند که نتیجه آزمایشات Anti-HBcAb و HBs-Ag منفی بود. استخراج DNA و تعیین ژنتوتایپ: از نمونه‌های خون حاوی EDTA برای استخراج DNA ژنومی به روش اشاع نمکی (Salting out) استفاده شد. در ابتدا پرایمرها به کمک نرم افزار Gene Runner طراحی و بخش Primer Blast (NCBI سایت) مرکز ملی اطلاعات فناوری (بررسی شدند که مشخصات پرایمرها در جدول ۱ آمده است. با استفاده از این پرایمرهای اختصاصی، قطعه ژنومی که حاوی rs6887695G/C IL12B بود، طی PCR در دستگاه ترموسایکلر (پندورف آلمان) تحت شرایط زیر تکثیر شد: مقدار ۱۰۰ نانوگرم DNA ژنومی به محلول واکنش حاوی ۲/۵ میکرولیتر بافر (MgCl₂-plus)، ۰/۰۵ میکرولیتر از محلول حاوی ۰/۰۵ میلی مولار از هر dNTPs، ۱/۵ آگارز

جدول شماره ۱: مشخصات پرایمرها و آنزیم با اثر محدود

نحوه پرایمر	توالی پرایمر	پلی مورفیسم
A609bp G:501+108bp	Hph1 5- GGTGA (N)8 -3 3- CCACT(N) 7-5	F5- GACTTGCTTCATACTTCTTCTG-3 R5- CTTCAATTATCATTGTCAGTCTTGG -3 IL12B-rs6887695G/C

مورد مطالعه از نظر جنسیت در جدول شماره ۲ خلاصه شده است.

جدول شماره ۲: مشخصات جمعیت مورد مطالعه به تفکیک

p-value	گروه های مطالعه	بیمار شاهد		متغیرهای مطالعه
		شاهد (درصد)	بیمار (درصد)	
.۱/۱۴	مرد	۵۴ (۴۵)	۴۲ (۳۵)	جنس
.۶۶	زن	۷۸ (۶۵)	۴۱ (۴۱)	سن (سال)
.۱/۸	سن (سال)	۳۶±۱۷	۴۱±۱۶	

نتایج حاصل از PCR، یک قطعه به طول ۶۹۵ جفت باز می‌باشد که بعد از اثر هضم آنزیمی در افراد با ژنوتیپ CC یک قطعه ۶۰۹ جفت بازی، در افراد با ژنوتیپ GC سه قطعه ۶۰۹، ۵۰۱ و ۱۰۸ جفت بازی و در

تحلیل آماری داده‌ها با استفاده از نرم افزار SPSS نسخه ۲۱ انجام شد. به منظور مقایسه نتایج فراوانی‌ها، آزمون مربع کای انجام گرفت. ۰/۰۵ میزانی برای سطح معنی‌داری در نظر گرفته شد، از T-Test برای مقایسه میانگین سنی در دو گروه کنترل و بیمار و از Regression Analysis برای بررسی توزیع ژنوتیپ‌ها با حذف اثر مداخله گر سن در دو گروه کنترل و بیمار استفاده شد.

یافته ها

در دو گروه شاهد و کنترل از نظر جنس تفاوت معناداری مشاهده نگردید. فراوانی بیماران و افراد شاهد

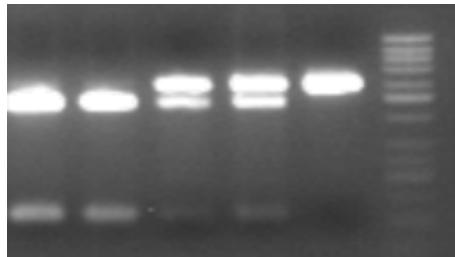
تک نوکلئوتیدی ساتو کاین‌ها تاثیر مهمی در بهبود یا ابتلاء به بیماری‌های عفونی و غیرعفونی دارند(۱۳). اینترلوکین‌ها انواعی از ملکول‌های پیام‌رسان سایتوکاین‌ها در سیستم ایمنی هستند و نقش مهمی در فعالیت لغونوسيت‌ها دارند(۱۴). ارتباط پلی‌مورفیسم‌های ژنی و بیماری‌های مختلف در مطالعات متعددی مشاهده شده است. گاهی چندشکلی‌های تک نوکلئوتیدی (SNPs) می‌توانند در سطح رونویسی و هم‌چنین تغییر رمز یک اسید‌امینه تاثیر گذار باشند و در نهایت منجر به پیشرفت و یا حفاظت از بیماری شود. از جمله مطالعه Pravica و همکاران نشان داد که وجود یک SNP واقع در انتهای' ۵ ناحیه تکراری CA در اولین اینترون (874 T/A) باعث جایگزینی ال C با T باشد و موجب تغییر در سطح رونویسی ژن می‌شود که می‌تواند در پاتوژن‌بیماری تاثیر گذار باشد(۱۵). در مطالعه‌ای که روی جمعیت ایرانی انجام گرفت، مشخص گردید که ژنوتیپ TT در ژن اگزونوکلثاز یک همبستگی معکوس با سرطان روده بزرگ دارد، در حالی که ژنوتیپ pro/lue (CT) در این وضعیت با سرطان ارتباط معناداری ندارد(۱۶).

یک هترودایمر می‌باشد و روی کروموزم ۵ قرار گرفته که زیر واحد P40 آن IL12B را کد می‌کند(۱۷) و با هدایت لغونوسيت‌های TH به سمت TH1 باعث افزایش تولید سایتوکاین‌های التهابی آن می‌شود و از طرف دیگر تولید سایتوکاین‌های هومورال TH2 را متوقف می‌کند. این عملکرد IL12 در بیماری‌های اتوایمیون، التهابی و عفونت‌های ویروسی مشاهده شده است(۱۸). مطالعات متعددی درخصوص ارتباط سایتوکاین‌های التهابی با مزمن شدن هپاتیت B آنچه گرفته است. در بررسی که روی مزمن شدن هپاتیت B در بیماران ایرانی انجام گرفت، ارتباط معناداری با پلی‌مورفیسم rs568408 از ژن IL12A مشاهده نشد، اما در همین جمعیت، از ژن rs763780 این ابتلاء به این بیماری در ارتباط است(۱۹، ۲۰).

ژنوتیپ GG دو قطعه ۱۰۸ و ۵۰۱ جفت بازی مشاهده شد (شکل شماره ۱). نتایج حاصل از آنالیزهای آماری و هم‌چنین فراوانی ژنوتیپ‌های مختلف پلی‌مرفیسم جایگاه rs6887695 ژن اینترلوکین ۱۲ در جدول شماره ۳ آمده است. با استفاده از آزمون رگرسیون و حذف عامل مداخله‌گر سن، توزیع پلی‌مورفیسم‌ها در دو گروه مورد و شاهد مورد بررسی قرار گرفت.

جدول شماره ۳ بررسی توزیع فراوانی (درصد) ژنوتیپ‌های به دست آمده در دو گروه تحت مطالعه

PV	OR(CI-%95)	نژاد	B	هیاتیت	ژنوتیپ
.۰/۳۷	۱/۱ (۰/۷۴-۰/۷۱)	گروه مراجع ۶۲(۵۶)	۵۱(۴۵)	۴۴(۳۶)	GG
.۰/۹۴	۰/۹۶ (۰/۳۲-۰/۸۱)	گروه مراجع ۷(۵)	۸(۶)	۸(۶)	GC
.۰/۸۳	۰/۹۵ (۰/۷۳-۰/۹۳)	گروه مراجع ۱۷۹(۷۳)	۱۷۸(۷۶)	۱۷۸(۷۶)	CC
		۵۴(۲۶)	۵۲(۲۵)	۵۲(۲۵)	ال
					G
					C



شکل شماره ۱: نتیجه الکتروفورز حاصل از برش آنزیم Hph1 روی ژن IL12A که rs6887695 ازا به ۳ ژنوتیپ GG، ژنوتیپ GC و ژنوتیپ CC محدود می‌کند. چاهک شماره ۶ نمونه کنترلی برش‌بافته (GG) است که از قبل سکانس یابی شده و جهت صحت عملکرد آنزیم محدودالاثر در هر سنت کاری ران می‌شود. چاهک شماره ۲ ژنوتیپ CC، چاهک‌های ۳ و ۴ ژنوتیپ GC و چاهک شماره ۵ ژنوتیپ GG و چاهک ۶ لدر نشان گر وزن ملکولی می‌باشد.

بحث

زمینه ژنتیک سیتم ایمنی میزبان، مهم‌ترین عامل مزمن شدن عفونت ویروس هپاتیت B می‌باشد(۱۱، ۱۲). پلی‌مورفیسم‌های تک نوکلئوتیدی (SNP ها)، مهم‌ترین فاکتور ژنتیکی و شایع ترین نوع پلی‌مورفیسم هستند که تنوع ژنوم انسان را تشکیل می‌دهند. پلی‌مورفیسم‌های

خصوصیت‌های پسوردیازیس، داده‌های SNP با دقت متوسط ۶۸ درصد می‌تواند وضعیت بیماری را پیش‌بینی کند که این نتایج اهمیت پلی مورفیسم‌ها را در تشخیص بیماری می‌رساند (۳۰).

ارتباط پلی مورفیسم‌ها با بیماری‌های مختلف حتی ارتباط یک SNP مشابه با یک نوع بیماری، نتایج متفاوتی را به بار می‌آورد که این نشان می‌دهد عوامل معنی دار شدن پلی مورفیسم‌ها با بیماری‌ها نقش داشته باشد، از جمله نژاد و جمعیت مطالعه پرپرا و همکاران در بررسی افراد سالم و بیماران هپاتیت C جمعیت بزرگی، میان پلی مورفیسم کدون ۲۵ با هپاتیت C رابطه معناداری یافته و همچنین نشان دادن افرادی که دارای ژنوتیپ GG هستند، با تولید بیشتر TGF- β 1، به هپاتیت B مزمن حساس تر می‌باشند (۲۹). اما مطالعه‌ای که روی ژنوتیپ کدون ۲۵ ژن TGF- β 1 بیماران مبتلا به هپاتیت C در جمعیت ایرانی انجام شد، رابطه معنی داری مشاهده نشد. می‌توانیم این اختلاف نتایج را در تفاوت نژادی جستجو کنیم (۳۱).

در خصوص تاثیر جمعیت، دو بررسی روی پلی مورفیسم ۹۱۵ ژن TGF- β 1 در جمعیت ایرانی انجام شده است؛ امانی و همکارانش برای ۲۲۱ نفر از زنانی که سقط خود به خود داشتند، تعیین ژنوتیپ انجام دادند، در افراد شاهد، ۸۵ درصد GG و ۱۵ درصد CC به دست آمد (۳۲). این بررسی در جمعیت ایرانی دیگری روی افراد دیابتی انجام شد که درصد ژنوتیپ GG در افراد شاهد ۹۱ درصد و GC ۶/۶ درصد گزارش شد. پس این تفاوت ژنوتیپ در یک نژاد اما بین جمعیت‌های مختلف هم اتفاق می‌افتد، در نتیجه تفاوت‌های نژادی و جمعیتی مورد مطالعه باید به عنوان عوامل ناهمگونی نتایج تعیین ژنوتیپ مدنظر قرار داد (۳۳).

در این مطالعه ارتباط بین پلی مورفیسم (rs6887695G/C) ژن IL12B با بیماری

لی لیو نشان داد که بین پلی مورفیسم (rs568408) ژن IL12A با هپاتوکارسینوما در بیماران چینی مبتلا به هپاتیت B، ارتباط معنادار وجود دارد (۲۱). در حالی که AC/CC نیترز و همکارانش بین ژنوتیپ (rs3212227) IL12B با هپاتوکارسینوما ارتباط معناداری مشاهده نکردند (۲۲) محبی و همکارانش اولین مطالعه را روی ارتباط تنوع ژنی IL12B هپاتیت در ایران انجام دادند که رابطه معناداری بین پلی مورفیسم C/A1188 با استعداد ابتلا به هپاتیت P24 و C مشاهده نکردند (۲۳، ۲۴). اما مطالعه دیگری که توسط زرگر و همکارانش در ارتباط با نقش این پلی مورفیسم با بیماری خودایمنی مولتیپل اسکلروزیز انجام شد، نشان داد که ژنوتیپ AA در بیماران افزایش ژنوتیپ CA کاهش بافتی است و این محققان بر نقش ژنوتیپ AA در افزایش حساسیت به مولتیپل اسکلروزیز در جمعیت ایرانی تأکید کردند (۲۵).

از جمله مطالعاتی که روی پلی مورفیسم (rs6887695) ژن IL12B انجام شده، می‌توان به بیماری وابسته به اینمی سلوی هاشیمتواشاره کرد. طی بررسی که در جمعیت استرالیا انجام شد، مشاهده کردند این بیماری با پلی مورفیسم (rs6887695) در ژن IL12B در ارتباط است. همچنین مطالعات مشابهی در چین و اروپا هم انجام شده که این نتایج را تایید می‌کنند (۲۶). در مطالعه‌ای که روی جمعیت دانمارکی انجام شد، مشخص گردید که رابطه معناداری بین rs6887695 و بیماری کرون وجود دارد. ارتباط این پلی مورفیسم با بیماری پسوردیازیس که یک بیماری پوستی الہابی اتوایمیون می‌باشد، در جامعه تایلند، فقavar، ژاپن و چین اثبات شده است. همچنین پلی مورفیسم‌های رایج در UTR IL12B (rs41292470) و ناحیه ۳ UTR IL12 (rs3212227) تولید IL12 را تحت تاثیر قرار می‌دهد (۲۷). به علاوه این پلی مورفیسم‌ها با بیماری‌های مربوط به اختلال سیستم ایمنی مثل دیابت تیپ ۱، آسم و بیماری مایکروبیک‌تریوم مرتبط می‌باشند (۲۸، ۲۹).

نتیجه بهتر است که بررسی روی پلی مورفیسم‌های دیگر IL12 انجام شود.

سپاسگزاری

نویسنده‌گان مقاله حاضر از تمامی پرسنل پژوهشکده بیماری‌های گوارش و کبد دانشگاه علوم پزشکی شهید بهشتی که در انجام این طرح همکاری نمودند، به ویژه خانم‌ها فرخناظ جباریان، مریم متانی بورخیلی و آقایان یاسین حاتمی و مهدی طلوعی مقدم کمال تشکر را دارند.

هپاتیت B مزمن بررسی شد که ارتباط معناداری بین گروه شاهد و بیمار مشاهده نشد.

در پایان می‌توان نتیجه گرفت که احتمالاً این پلی مورفیسم در جمعیت ایرانی با مزمن شدن هپاتیت B در ارتباط نمی‌باشد. ما پیشنهاد می‌کنیم جهت بالا بردن کیفیت مطالعه از تعداد نمونه بیشتری استفاده شود و به دلیل نقش اساسی IL12 در فعال کردن تولید سایتوکاین‌های که ویروس را در ابتدا و رودشان غیرفعال می‌کنند و پاسخ‌های اینستی اکتسابی را راهاندازی می‌کنند^(۳۴) و با توجه به این که تاثیر پلی مورفیسم‌های دیگر این سایتوکاین در ارتباط با بیماری‌های التهابی و اتوایمبوون ثابت شده است^(۳۵)، در

References

1. Zuckerman A. More than third of world's population has been infected with hepatitis B virus. *BMJ: British Medical Journal*. 1999;318(7192):1213.
2. Sells MA, Chen ML, Acs G. Production of hepatitis B virus particles in Hep G2 cells transfected with cloned hepatitis B virus DNA. *Proceedings of the National Academy of Sciences*. 1987;84(4):1005-9.
3. Yan Z-H, Fan Y, Wang X-H, Mao Q, Deng G-H, Wang Y-M. Relationship between HLA-DR gene polymorphisms and outcomes of hepatitis B viral infections: a meta-analysis. *World journal of gastroenterology: WJG*. 2012;18(24):3119.
4. Frodsham AJ. Host genetics and the outcome of hepatitis B viral infection. *Transplant immunology*. 2005;14(3):183-6.
5. Abbas A, Lichtman A. Cellular and molecular immunology. Philadelphia: Saunders; 2009. Acceso Marzo. 2010;9.
6. Heufler C, Koch F, Stanzl U, Topar G, Wysocka M, Trinchieri G, et al. Interleukin-12 is produced by dendritic cells and mediates T helper 1 development as well as interferon- γ production by T helper 1 cells. *European journal of immunology*. 1996;26(3):659-68.
7. Komastu T, Ireland DD, Reiss CS. IL-12 and viral infections. *Cytokine & growth factor reviews*. 1998;9(3):277-85.
8. Kovacs E. The serum levels of IL-12 and IL-16 in cancer patients. Relation to the tumour stage and previous therapy. *Biomedicine & pharmacotherapy*. 2001;55(2):111-6.
9. Bancroft AJ, Else KJ, Sypek JP, Grencis RK. Interleukin-12 promotes a chronic intestinal nematode infection. *European journal of immunology*. 1997;27(4):866-70.
10. Orange JS, Wolf SF, Biron CA. Effects of IL-12 on the response and susceptibility to experimental viral

- infections. *The Journal of Immunology.* 1994;152(3):1253-64.
11. Rehermann B, Nascimbeni M. Immunology of hepatitis B virus and hepatitis C virus infection. *Nature Reviews Immunology.* 2005;5(3):215-29.
 12. McMahon BJ. The natural history of chronic hepatitis B virus infection. *Hepatology.* 2009;49(S5).
 13. Chu CJ, Lok AS. Clinical significance of hepatitis B virus genotypes. *Hepatology.* 2002;35(5):1274-6.
 14. Li X, Bai L, Fang J, Hou S, Zhou Q, Yu H, et al. Genetic Variations of IL-12B, IL-12R β 1, IL-12R β 2 in Behcet's Disease and VKH Syndrome. *PloS one.* 2014;9(5):e98373.
 15. Pravica V, Perrey C, Stevens A, Lee J-H, Hutchinson IV. A single nucleotide polymorphism in the first intron of the human IFN- γ gene: Absolute correlation with a polymorphic CA microsatellite marker of high IFN- γ production. *Human immunology.* 2000;61(9):863-6.
 16. Montazer Haghghi M, Taleghani Y, Yaghoob M, Irani Shemirani A, Akbari Z, Vahedi M, et al. Association of C>T p757I polymorphism in EXO1 gene and risk of sporadic colorectal cancer in an Iranian population. *Scientific Journal of Hamadan University of Medical Sciences.* 2011;18(2):45-9.
 17. Huang D, Cancilla M, Morahan G. Complete primary structure, chromosomal localisation, and definition of polymorphisms of the gene encoding the human interleukin-12 p40 subunit. *Genes and immunity.* 2000;1(8):515.
 18. Adorini L. Interleukin-12, a key cytokine in Th1-mediated autoimmune diseases. *Cellular and molecular life sciences.* 1999;55(12):1610-25.
 19. Heidarian S, Sabahi F, Mohebbi SR, Zali MR. Lack of association between Interleukin-12 gene polymorphism (rs568408 G/A) and susceptibility to chronic hepatitis B virus infection. *Journal of Kermanshah University of Medical Sciences (J Kermanshah Univ Med Sci).* 2016;20(1):21-5.
 20. Tayefinasrabi H, Hosseini SM, Mohebbi SR, Azimzadeh P, Zali MR. Association between rs763780 polymorphism in IL-17 gene and chronic hepatitis B infection in the patients referring to Taleghani Hospital, in Tehran, Iran. *Scientific Journal of Kurdistan University of Medical Sciences.* 2015;20(6).
 21. Liu L, Xu Y, Liu Z, Chen J, Zhang Y, Zhu J, et al. IL12 polymorphisms, HBV infection and risk of hepatocellular carcinoma in a high-risk Chinese population. *International journal of cancer.* 2011;128(7):1692-6.
 22. Nieters A, Yuan JM, Sun CL, Zhang ZQ, Stoehlmacher J, Govindarajan S, et al. Effect of cytokine genotypes on the hepatitis B virus-hepatocellular carcinoma association. *Cancer.* 2005;103(4):740-8.
 23. Naghooei H, Mohebbi SR, Tahaei S, Azimzadeh P, Romani S, Sanati A, et al. Lack of association of interleukin

- 12 p40 subunit polymorphism (IL-12B+ 1188) and risk of chronic hepatitis B infection in Iranian patients. Zahedan Journal of Research in Medical Sciences. 2012;14(3):34-8.
24. Azimzadeh P, Mohebbi SR, Romani S, Naghoosi H, Vahedi M, Kazemian S, et al. Effect of interleukin-12 p40 subunit gene 3'-untranslated region polymorphism in chronic HCV infection. Scientific Journal of Kurdistan University of Medical Sciences. 2011;16(1):10-9.
25. Shokrgozar MA, Sarial S, Amirzargar A, Shokri F, Rezaei N, Arjang Z, et al. IL-2, IFN- γ , and IL-12 gene polymorphisms and susceptibility to multiple sclerosis. Journal of clinical immunology. 2009;29(6):747.
26. Walsh JP, Berry J, Liu S, Panicker V, Dayan CM, Brix TH, et al. The clinical presentation of autoimmune thyroid disease in men is associated with IL12B genotype. Clinical endocrinology. 2011;174(4):508-12.
27. Wu Y, Lu Z, Chen Y, Xue F, Chen X, Pan M, et al. Association of IL-12B gene rs6887695 polymorphism with hereditary susceptibility and clinical characterization of psoriasis vulgaris in the Chinese Han population. Archives of dermatological research. 2013;305(6):477-82.
28. Morahan G, Huang D, Ymer SI, Cancilla MR, Stephen K, Dabaghao P, et al. Linkage disequilibrium of a type 1 diabetes susceptibility locus with a regulatory IL12B allele. Nature genetics. 2001;27(2):218-21.
29. Morahan G, Huang D, Wu M, Holt BJ, White GP, Kendall GE, et al. Association of IL12B promoter polymorphism with severity of atopic and non-atopic asthma in children. The Lancet. 2002;360(9331):455-9.
30. Fang S, Fang X, Xiong M. Psoriasis prediction from genome-wide SNP profiles. BMC dermatology. 2011;11(1):1.
31. Razavi AH, Azimzadeh P, Mohebbi SR, Hosseini SM, Romani S, Khanyaghma M, et al. Lack of association between transforming growth factor Beta 1-509C/T and+ 915G/C polymorphisms and chronic hepatitis B in Iranian patients. Hepatitis monthly. 2014;14(4).
32. Amani D, Dehaghani AS, Zolghadri J, Ravangard F, Niikawa N, Yoshiura K-i, et al. Lack of association between the TGF- β 1 gene polymorphisms and recurrent spontaneous abortion. Journal of reproductive immunology. 2005;68(1):91-103.
33. Masood M, Salehi E, Sheykh Bahayi N, Rajab A, Vojgani M, Massoud A. Survey the Single Nucleotide Polymorphism of TGF β at Codon 25 in Type 1 Diabetic Patients. Journal of Guilan University of Medical Sciences. 2007;16(62):1-6.
34. Navikas V, Link H. Cytokines and the pathogenesis of multiple sclerosis.

- Journal of neuroscience research.
1996;45(4):322-33.
35. Yin L-M, Zhu W-F, Wei L, Xu X-Y,
Sun D-G, Wang Y-B, et al. Association
of interleukin-12 p40 gene 3'-
untranslated region polymorphism and
outcome of HCV infection. World
Journal of Gastroenterology: WJG.
2004;10(16):2330.

Archive of SID