

”مجله علوم زراعی ایران“

جلد پنجم، شماره ۲، تابستان ۱۳۸۲

تنوع ژنتیکی، قابلیت توارث و ضرایب همبستگی ژنتیکی و فنتیپی عملکرد دانه، اجزاء آن و برخی صفات مورفو - فیزیولوژیک در گندم نان (*Triticum aestivum L.*)

**Genotypic variation, heritability , genotypic and phenotypic correlation
coefficients of grain yield, its components and some morpho- physiological
characters in bread wheat
(*Triticum aestivum L.*)**

محمد رضا سیاهپوش^۱، یحیی امام^۲ و عباس سعیدی^۳

چکیده

این پژوهش در سال زراعی ۱۳۷۶-۷۷ در دو مزرعه در باجگاه و کوشک استان فارس انجام گرفت. در هر مزرعه ۲۵ ژنتیپ گندم در قالب طرح بلوک‌های کامل تصادفی کشت شد و مورد ارزیابی قرار گرفت. صفات مختلف ظاهری و فیزیولوژیکی در پنج مرحله نمونه‌برداری اندازه‌گیری شد. نمونه‌برداری‌ها در مراحل پنجه زنی (S1)، رشد طولی ساقه (S2)، ظهور سنبله و گلدهی (S3)، خمیری شدن دانه (S4) و رسیدن کامل دانه (S5) انجام شد. پس از انجام تعزیه واریانس، صفاتی که دارای اثر معنی‌داری بودند از نظر همبستگی ژنتیکی با عملکرد دانه، وراثت پذیری، ضریب تغییرات ژنتیکی، ضریب تغییرات فنتیپی مورد ارزیابی قرار گرفتند. بالاترین وراثت پذیری مربوط به صفت تعداد سنبلاچه در سنبله اصلی ($h^2 = 0.80/14$) و کمترین وراثت پذیری مربوط به صفت نسبت وزنی سنبله به ساقه اصلی در S_3 ($h^2 = 0.10/5$) بود. وراثت پذیری عملکرد دانه $21/54\%$ برآورد گردید. اکثر صفات اندازه‌گیری شده دارای ضریب تغییرات ژنتیکی قابل ملاحظه‌ای بودند. عملکرد دانه با نسبت وزنی سنبله به ساقه اصلی در S_5 ، تعداد دانه در سنبله اصلی، تعداد سنبلاچه در سنبله اصلی، نسبت وزنی سنبله به ساقه فرعی در S_5 ، تعداد دانه در سنبله فرعی، تعداد سنبلاچه در سنبله فرعی، تعداد سنبله در متر مربع، شاخص برداشت، تعداد کل پنجه در بوته، قطر ساقه (میانگره اول)، قطر ساقه (میانگره دوم)، وزن واحد طول ساقه، طول سنبله با ریشک، میزان جذب خالص در نمونه‌برداری سوم (NAR3) دوام سطح برگ در نمونه‌برداری سوم (LAD3) و دوام سطح برگ در نمونه‌برداری چهارم (LAD4) همبستگی ژنتیکی مثبت و معنی‌دار، و با صفات وزن صد دانه، ارتفاع بوته، درصد پنجه‌های نابارور، طول سنبله بدون ریشک، سرعت رشد محصول در نمونه‌برداری دوم (CGR2)، میزان جذب خالص در نمونه‌برداری دوم (NAR2) و سرعت رشد نسیی در نمونه‌برداری دوم (RGR2)، همبستگی منفی و معنی‌داری داشت. در این آزمایش مهم‌ترین صفات افزایش دهنده عملکرد، تعداد دانه در سنبله اصلی و فرعی، تعداد سنبلاچه در سنبله، قطر ساقه و وزن واحد طول ساقه تشخیص داده شد. همین طور مشخص شد که کاهش در ارتفاع بوته و درصد پنجه‌های نابارور راه کاری مؤثر در کاهش افت عملکرد است. از بین شاخص‌های فیزیولوژیک نیز شاخص‌های LAD₃ و LAD₄ شاخص‌های مؤثری در افزایش عملکرد دانه بودند.

واژه‌های کلیدی: گندم، عملکرد دانه، صفات مورفو‌لولوژیک، شاخص‌های فیزیولوژیک، ضرایب همبستگی ژنتیکی، وراثت پذیری.

تاریخ پذیرش: ۱۳۸۲/۵/۹

تاریخ دریافت: ۱۳۷۹/۶/۱

۱- عضو هیأت علمی مرکز تحقیقات کشاورزی فارس (زرقان) ۲- استاد دانشگاه شیراز- شیراز ۳- استاد دانشگاه پژوهش مؤسسه تحقیقات اصلاح و تهیه نهال و بذر- کرج

ارزش‌های فنتوتیپی را در نسل بعدی تعیین می‌کند

(Falconer, 1989; Hallauer and Miranda, 1988).

مشخص شده است که برای بهبود عملکرد گندم، گزینش غیرمستقیم برای وزن دانه، تعداد دانه در واحد سطح و تعداد دانه در هر سنبله بسیار مؤثر است (McNeal et al., 1978). در پژوهشی که بر روی ۲۰ رقم گندم بهاره و در دو مکان انجام شد و سه جزء تعداد دانه در هر سنبله، وزن دانه و تعداد سنبله در واحد سطح مورد ارزیابی قرار گرفتند، مشخص شد که تعداد دانه در هر سنبله بیشترین اثر مستقیم را بر عملکرد دانه دارد. (Shelembi et al., 1992).

هدف از انجام پژوهش حاضر اندازه‌گیری ویژگی‌های مهم ظاهری و فیزیولوژیکی در ۲۵ رقم گندم نان تحت شرایط کشت زراعی و سپس ارزیابی این صفات و تعیین تنوع ژنتیکی، قابلیت توارث آنها بوده است. همین‌طور همبستگی ژنتوتیپی و فنتوتیپی بین صفات تعیین شده و مؤثرترین صفاتی که بتوانند در برنامه‌های اصلاحی، جهت انتخاب غیرمستقیم عملکرد دانه به کار روند معرفی می‌شوند.

مواد و روش‌ها

این آزمایش در سال زراعی ۱۳۷۶-۷۷ در دو ایستگاه تحقیقاتی دانشکده کشاورزی دانشگاه شیراز (ایستگاه باجگاه با طول و عرض جغرافیایی ۵۲ درجه و ۴۶ دقیقه شرقی و ۲۹ درجه و ۵۰ دقیقه شمالی و ایستگاه کوشکک با طول و عرض جغرافیایی ۵۲ درجه و ۳۶ دقیقه شرقی و ۳۰ درجه و ۷ دقیقه شمالی) در قالب طرح بلوک‌های کامل تصادفی با ۲۵ رقم گندم (ارقام: Soisson، امید، Tam 200، قدس، ۶۱ Ard/Prl، M-75-19، M-73-19، طبسی، بروستایا، دابل کراس شاهی، N-170، ZRIN، Kras امید، اترک، نیک‌نژاد، البرز، MU21(5525)، Custer، Rsh*2/10120)، کویر، پاستور، استار، مرودشت و فلات) و سه تکرار انجام شد. ارقام بر اساس ویژگی‌هایی مثل تعداد پنجه، اندازه

مقدمه

افزایش عملکرد دانه مهم‌ترین هدف بهنژادی در تحقیقات غلات می‌باشد. اصلاح برای عملکرد زیادتر، اصلاح برای ترکیبی از صفات مطلوب است. اصلاح برای یک صفت ممکن است بر صفات دیگر تأثیر منفی بگذارد، که این موضوع به پیوستگی بین ژن‌ها و پلیوتروپی صفات مربوط می‌شود (Borjevic, 1990; Bos and Caligaria, 1995).

بهنژادگران علاوه‌بر شناسایی ویژگی‌هایی غیر از عملکرد هستند که بتوانند از آن‌ها به عنوان معیار انتخاب در انتخاب والدین و یا در انتخاب تک بوته در نسل‌های در حال تفکیک استفاده کنند. بر اساس پژوهش‌های گذشته انتخاب بر اساس اجزاء عملکرد پیشرفته ژنتیکی بیشتری را نسبت به انتخاب بر اساس خود عملکرد در افزایش عملکرددادشه است. تعداد زیادی از پژوهشگران همبستگی مثبتی بین عملکرد دانه و صفاتی نظیر تعداد پنجه (Bhatt, 1973; Dofing and Knight, 1992; Singa and Sharma, 1979) (اهدایی و همکاران، ۱۳۶۷؛ Bhatt, 1973؛ Singa and Sharma, 1979) و طول (Briggs and Aytenfisu, 1980; Sandha, et al., 1985) سنبله گزارش کرده‌اند.

اگر بهنژادگر افراد والد را بر پایه ارزش فنتوتیپی آن‌ها انتخاب کند موفقیت او در تغییر ویژگی‌های جمعیت فقط در صورتی قابل پیش‌بینی است که درجه تطابق بین ارزش‌های فنتوتیپی (Phenotypic values) و ارزش‌های زادآوری (Breeding values) معلوم باشد. اندازه‌گیری این درجه تطابق به وسیله وراثت‌پذیری انجام می‌گیرد. مهم‌ترین نقش وراثت‌پذیری در صفات، نقش پیش‌بینی کننده آن است که حد اطمینان ارزش فنتوتیپی افراد را به عنوان راهنمایی برای ارزش زادآوری آن‌ها نشان می‌دهد. فقط ارزش فنتوتیپی افراد مستقیماً قابل اندازه‌گیری است. اما ارزش زادآوری افراد است که تأثیر

در مرحله آخر، شاخص سطح برگ: با استفاده از دستگاه اندازه گیری سطح برگ، ارتفاع گیاه: از سطح خاک (طبقه) تا ابتدای محور سنبله گندم، وزن خشک گیاه: پس از جدا کردن ریشه ها از محل طوche شاخصاره گیاه به مدت ۴۸ ساعت در دمای ۷۵ درجه سانتیگراد آون قرار گرفت و سپس با ترازوی حساس توزین شد، طول سنبله با ریشك: از ابتدای محور سنبله تا انتهای ریشكها، طول سنبله بدون ریشك: از ابتدای محور سنبله تا انتهای محور سنبله، تعداد سنبلچه در سنبله اصلی، تعداد سنبلچه در سنبله فرعی، وزن صد اانه: برای هر رقم چهار نمونه صدتایی جدا گردید و میانگین آنها محاسبه شد، شاخص برداشت: نسبت عملکرد دانه به عملکرد بیولوژیک، نسبت وزنی سنبله به ساقه در ساقه اصلی، نسبت وزنی سنبله به ساقه در پنجه ها، قطر ساقه: از محل میانگره اول و دوم، (Culm density) وزن واحد طول ساقه: نسبت وزن هر میانگره به طول همان میانگره، عملکرد دانه، عملکرد بیولوژیک، [Crop growth rate] سرعت رشد محصول [Net assimilation] سرعت جذب خالص [CGR]، سرعت جذب خالص [Leaf area rate]، دوام سطح برگ (NAR) [Relative duration (LAD)] سرعت رشد نسبی [growth rate (RGR)] با استفاده از رابطه های زیر:

$$CGR=[\Delta(DM)/\Delta H] \times 10$$

$$RGR=[\Delta(\ln DM)/\Delta H] \times 1000$$

$$NAR=[CGR/(LAI_1-LAI_2)/2] \times 10$$

$$LAD=(LAI_1+LAI_2)\Delta H/2$$

در این رابطه ها:

DM: وزن خشک

H: مجموعه حرارتی جذب شده

LAI: شاخص سطح برگ

RGR: سرعت رشد نسبی

سنبله، تراکم سنبله و ارتفاع بوته از بخش غلات مؤسسه تحقیقات اصلاح و تهیه نهال و بذر کرج تهیه شدند. انتخاب ارقام به گونه ای صورت گرفت که برای صفات مورد نظر حداکثر پراکندگی وجود داشته باشد. عملیات تهیه زمین شامل شخم، دیسک، لولر و سپس ایجاد جوی و پشته به طور معمول انجام شد. کوددهی مزرعه در هر دو منطقه بر اساس فرمول کودی (۲۵۰-۱۰۰-۵۰) کیلو گرم در هکتار K,P,N و بر اساس آزمایش خاک پیش از کاشت انجام شد. از کود فسفات آمونیم تماماً به صورت پایه و از کود اوره به دو صورت پایه و سرک در اوخر پنجه زنی استفاده گردید. کشت در کرت هایی به ابعاد ۳×۲ متر و بر مبنای تراکم ۳۰۰ بوته در متر مربع در آبان ماه ۱۳۷۶ و برداشت در تیر ماه ۱۳۷۷ صورت پذیرفت. آبیاری کرت ها با استفاده از سیفون به طور یکنواخت در طول فصل رشد انجام شد و علف های هرز با دست و چین گردید. در هر کرت با در نظر گرفتن حاشیه و ردیف های نمونه برداری و عملکرد اصلی ده ردیف کشت شد. در این آزمایش پنج نمونه برداری در مراحل، اواسط پنجه زنی (Tillering)، اواسط رشد طولی (Spike elongation)، ظهور سنبله (Dough emergence) و رسیدن دانه (Ripening) انجام شد. سطح نمونه برداری با در نظر گرفتن حاشیه در هر مرحله ۴۰ سانتیمتر مربع بود. در هر مرحله نمونه برداری ویژگی های ظاهری، فیزیولوژیکی و تعدادی از شاخص های فیزیولوژیکی به شرح زیر تعیین و ثبت گردید:

تعداد پنجه: پنجه هایی که حداقل دارای یک برگ کامل بودند (منظور از برگ کامل برگی است که زبانک آن ظاهر شده باشد و یا انتهای برگ بعد از آن قابل رویت باشد). تعداد پنجه بارور: پنجه هایی که دارای سنبله بودند، درصد تلفات پنجه: نسبت به بیشترین تعداد پنجه تولید شده، درصد پنجه های نابارور:

$$PCV = \frac{\sqrt{\sigma_{ph}^2}}{\bar{x}} \times 100$$

رابطه‌های زیر محاسبه شدند:

$$GCV = \frac{\sqrt{\sigma_g^2}}{\bar{x}} \times 100$$

ضرایب همبستگی ژنتیکی و فنتوتیپی با استفاده از واریانس‌ها و کوواریانس‌های ژنتیکی و فنتوتیپی از طریق فرمول‌های ارائه شده توسط میلر و همکاران (Miller et al., 1957) به شرح زیر محاسبه گردیدند:

$$\Gamma_{ph} = \frac{\sigma_{ph1,2}}{\sqrt{(\sigma_{ph1}^2)(\sigma_{ph2}^2)}}$$

$$\Gamma_g = \frac{\sigma_{g1,2}}{\sqrt{(\sigma_{g1}^2)(\sigma_{g2}^2)}}$$

که در این رابطه‌ها r بر ضریب همبستگی، σ و σ^2 به ترتیب بر کوواریانس و واریانس، g و ph علائم ژنتیکی و فنتوتیپی و ۱ و ۲ برصفات اول و دوم دلالت دارند. خطای معیار همبستگی ژنتیکی جهت آزمون ضرایب همبستگی ژنتیکی از رابطه زیر به دست آمد (Falconer, 1989).

$$\sigma(\gamma g) = (1 - r_g) \sqrt{\frac{\sigma(h_x^2) \cdot \sigma(h_y^2)}{h_x^2 \cdot h_y^2}}$$

که در آن σ خطای معیار، h_x^2 وراثت پذیری صفت اول، h_y^2 وراثت پذیری صفت دوم می‌باشد، مطابق فرمول‌های زیر:

$$h_x^2 = \frac{\sigma_{gx}^2}{\sigma_{phx}^2} \quad h_y^2 = \frac{\sigma_{gy}^2}{\sigma_{phy}^2}$$

نتایج و بحث

تجزیه واریانس

نتایج حاصل از تجزیه واریانس صفات مختلف در جدول ۱ آمده است. بر اساس این جدول لاین‌ها از نظر اکثر صفات اختلاف معنی دار دارند. اثر محیط نیز در

برای محاسبه شاخص حرارتی بر حسب درجه-روزهای رشد (GDD)

از کاشت تا هر مرحله نمونه‌برداری از فرمول زیر استفاده شد:

$$H = [(T_{Max} + T_{Min})/2] - T_b$$

که در آن H ، شاخص حرارتی روزانه بر حسب درجه-روزهای رشد (GDD)

T_{max} حداکثر دمای روزانه با حد بالای ۳۵ درجه سانتیگراد، T_{min} حداقل دمای روزانه با حد پایین پنج درجه سانتیگراد و T_b درجه حرارت پایه می‌باشد.

داده‌های جمع‌آوری شده برای هر صفت ابتدا مورد تجزیه مرکب با طرح پایه بلوک‌های کامل تصادفی قرار گرفتند. به منظور برآورد اجزاء واریانس ژنتیکی، محیطی، فنتوتیپی و برهمکنش ژنتیک در محیط، تجزیه کوواریانس داده‌های مربوط به هر زوج صفت بر اساس مدل طرح بلوک‌های کامل تصادفی با تکرار مشاهدات در دو منطقه، انجام گردید (Falconer, 1989; Fehr, 1987) در کلیه محاسبات محیط و رقم به عنوان عوامل تصادفی در نظر گرفته شدند. واریانس و کوواریانس ژنتیکی و فنتوتیپی صفات بر مبنای امید ریاضی میانگین مربعات و میانگین حاصل‌ضرب‌ها برآورد گردید (Baker, 1986; Falconer, 1989; Miller, et al., 1957)

از تقسیم واریانس ژنتیکی به فنتوتیپی برآورده از درصد وراثت پذیری هر صفت به دست آمد.

انحراف معیار وراثت پذیری بر اساس روش پسک و بیکر (Pesek and Baker, 1969) محاسبه گردید. ضریب تغییرات ژنتیکی [Genotypic coefficient of variation(GCV)] و ضریب تغییرات فنتوتیپی

[Phenotypic coefficient of variation(PCV)] به ترتیب با استفاده از واریانس ژنتیکی (σ_g^2) و واریانس فنتوتیپی (σ_h^2) و همچنین میانگین صفات (\bar{x}) و بر اساس

جدول ۱- نتایج تجزیه واریانس صفات مختلف

Table 1. Analysis of variance for different traits

صفات Traits	میانگین مربوطات				اشتباه آزمایش df=96	میانگین Mean
	E محیط df= 1	نکاردمحیط df= 4	L لان df=24	E×L df=24		
(الف) صفات ساقه اصلی						
a) Main stem traits						
نسبت وزنی سنبله به ساقه در S3	3.256**	0.062 ns	0.058**	0.058**	0.026	0.44
Spike to stem weight ratio at S3						
نسبت وزنی سنبله به ساقه در S4♣	5.223**	0.025 ns	0.197**	0.203**	0.058	1.27
Spike to stem wight ratio at S4♣						
نسبت وزنی سنبله به ساقه در S5	8.516**	0.051 ns	0.183*	0.060 ns	0.039	1.54
Spike to stem ratio at S5						
تعداد دانه در سنبله	14727.45**	108.868 ns	212.142*	128.364*	69.876	41.99
No.of kernel /Spike						
تعداد سنبله در سنبله	372.157**	1.934 ns	13.526**	2.508 ns	2.072	17.02
No. of spikelet/spike						
(ب) صفات ساقه فرعی						
b) Tiller stem traits						
نسبت وزنی سنبله به ساقه در S3	1.893**	0.004 ns	0.032**	0.023**	0.004	0.41
Spike to stem ratio at S3						
نسبت وزنی سنبله به ساقه در S4♣	5.023**	0.077 ns	0.192**	0.228**	0.063	1.18
Spike to stem ratio at S4						
نسبت وزنی سنبله به ساقه در S5	8.857**	0.112 ns	0.186**	0.071 ns	0.055	1.50
Spike to stem weight ratio at S5						
تعداد دانه در سنبله	6842.747**	85.587 ns	190.878**	1399727.47**	633769.616	31.66
No. of kernels/ spike						
تعداد سنبله در سنبله	345.416**	4.735 ns	10.895**	3.617 ns	3.5	14.89
No. of spikelets/ spike						
(پ) عملکرد و اجزاء عملکرد						
c) Yield and yield components						
Grain yield(t/ha)	33.546 ns	3.377 ns	4.326**	1.057 ns	1.064	5.42
عملکرد دانه						
وزن صد دانه	0.130 ns	0.474 ns	0.652**	0.178 ns	0.141	3.65
Harvest index (%)	2906.917**	25.766 ns	47.951*	48.877*	27.763	37.70
شاخص برداشت						
تعداد سنبله در متر مربع	8215158.407*	11823.067 ns	27307.354**	20126.657**	8146.789	540.29
No. of spikes/ m ²						
(ت) صفات بوته						
d) Plant height						
Plant height (cm)	3253.717*	247.352 ns	425.659 ns	150.767 ns	97.726	75.01
ارتفاع						
تعداد پنجه سنبله دار در بوته	4.23*	0.443 ns	0.803 **	0.971 **	0.321	1.71
No.of fertile tillers/ plant						
تعداد کل پنجه در بوته	101.139*	1.482 ns	1.885 *	1.110 ns	0.989	3.64
No. of tiller/plant						
Biomass(t/ha)	39.332 ns	22.351 ns	7.476 ns	7.544 ns	5.018	14.55

♣: در مورد این صفات چون واریانس ژنتیکی منفی به دست آمده به جای واریانس ژنتیکی، صفر منظور شده است. در این حالت محاسبه ضریب همبستگی ژنتیکی با عملکرد، وراثت پذیری GCV و پیشرفت ژنتیکی امکان پذیر نمی‌باشد.

♣: As in these traits genotypic variance is negative zero was replaced instead of genotypic correlation with yield, heritability GCV and genetic advance.

* and ** Significant at the 5 and 1% levels of probability respectively .

* و ** به ترتیب معنی دار در سطوح ۵٪ و ۱٪ .

ns: Non significant

اعداد داخل پرانتز در ستون وراثت پذیری نشان‌دهنده اشتباہ معیار وراثت پذیری هر صفت می‌باشند.

Values in the brackets in column of heritability are standard error of heritability for each trait .

GCV: Genotypic

PCV: Phenotypic

Table 1. Continued

ادامه جدول ۱

Traits	صفات	میانگین مربعتات				اشتاه آزمایش df=96	میانگین Mean	
		E محیط df= 1	MS تکرار در محیط df= 4	L لاین df=24	ExL df=24			
	قطر ساقه (میانگرۀ اول) stem.diameter (mm)	0.018 ns	0.091 ns	0.401 **	0.170 **	0.082	3.37	
(1 st . internode)	درصد تلفات پنجه	11.222 ns	363.537 ns	105.602 ns	371.381 *	217.952	24.04	
Tiller mortality(%)	درصد پنجه های نابارور	6.263 ns	670.806 ns	437.024 **	268.712 ns	169.034	64.59	
Infertile tillers(%)	طول سنبله بدون ریشك	Length of awnless spike (cm)	13.428 **	0.473 ns	3.712 **	0.986 ns	0.983	8.94
	طول سنبله با ریشك	33.863 **	1.175 ns	11.854 **	3.607 ns	2.974	13.59	
Length of awned spike (cm)	ث) شاخص های فیزیولوژیک ^۱							
e) Physiological indices	CGR1	2.532 ns	0.665 ns	0.323 ns	0.284 ns	0.203	1.53	
	CGR2	43.557 **	1.321 ns	3.243 **	1.41 ns	1.235	3.15	
	CGR3	176.085 **	0.935 ns	5.878 ns	5.457 ns	4.682	2.24	
	CGR4	37.667 **	2.335 ns	3.525 ns	4.415 **	2.002	0.60	
	NAR1	0.685 ns	0.186 ns	0.085 ns	0.072 ns	0.078	0.81	
	NAR2	37.735 **	0.200 ns	1.554 *	1.384 *	0.826	0.85	
	NAR3	37.735 **	0.200 ns	1.554 *	1.384 ns	0.826	0.82	
	NAR4	758.934 *	70.388 ns	68.473	72.463 ns	69.486	0.64	
	RGR1	55.969 *	5.586 ns	1.767 ns	1.001 ns	1.471	7.31	
	RGR2	9.284 *	0.607 ns	1.666 **	0.757 ns	0.728	3.24	
	RGR3	21.712 **	0.177 ns	1.549 ns	1.362 ns	1.074	1.01	
	RGR4	2.570 ns	0.421 ns	0.306 ns	0.476 *	0.269	0.19	
	LAD1	151282.98 ns	190632.1 ns	40309.368 **	26693.734 ns	20095.435	550.97	
	LAD2	5638344.236 **	226936..946 ns	1116640.578 **	227756.233 **	98646.541	1593.91	
	LAD3	5638344.236 **	362061.01 ns	269996.818 **	278955.526 **	67862.303	1168.38	
	LAD4	2215.943 ns	551726.233 ns	154447.063 **	157305.132 **	58761.255	385.65	

۱) در مورد صفات این گروه تبدیل داده صورت گرفته است.

* and ** Significant at the 5 and 1% levels of probability respectively .

* و ** ب ترتیب معنی دار در سطوح احتمال ۵٪ و ۱٪ .

ns : Non significant

ns: غیر معنی دار.

S₃: Thirth sampling S₄: Fourth sampling S₅: Fifth sampling S₄: تموه برداری چهارم S₅: تموه برداری پنجم

اطلاعات به دست آمده از محاسبات بالا در جدول ۲ آورده شده است. براساس این جدول بالاترین وراثت پذیری ها مربوط به صفات تعداد سنبلچه در سنبله ساقه اصلی ($h^2 = 0.80/14$)، تعداد دانه در سنبله فرعی ($h^2 = 0.75/28$)، طول سنبله بدون ریشك ($h^2 = 0.72/98$) و کمترین وراثت پذیری مربوط به صفات نسبت وزنی سنبله به ساقه اصلی در نمونه برداری سوم ($h^2 = 0.10/5$) و عملکرد بیولوژیک ($h^2 = 0.14/4$) بوده است. وراثت پذیری عملکرد در

اکثر صفات به جز عملکرد دانه، وزن صد دانه، یوماس، قطر ساقه و درصد تلفات پنجه و تعدادی صفات دیگر معنی دار بوده است. اطلاعات جامع در زمینه اثر محیط، تکرار در محیط، لاین، لاین در محیط و اشتباہ آزمایش را می توان در جدول ۱ ملاحظه کرد.

میانگین، وراثت پذیری، ضریب تغییرات ژنتیکی و فنوتیپی و ضریب همبستگی ژنتیکی صفات با عملکرد دانه

گردید. هدف از محاسبه ضریب همبستگی ژنتیکی، بررسی روابط در شرایطی است که عوامل محیطی دخالتی ندارند. به این ترتیب همبستگی بین صفات مختلف و عملکرد از دیدگاه پیوستگی و پلیوتروپی بین صفات مورد بررسی قرار می‌گیرد. اکثر صفات اندازه‌گیری شده ضریب همبستگی معنی‌داری در سطح ۱٪ یا ۵٪ با عملکرد دانه داشتند. صفات نسبت وزنی سنبله به ساقه فرعی در نمونه‌برداری سوم، LAD1، LAD2، ضرایب همبستگی ژنتیکی معنی‌داری با عملکرد دانه نداشتند و از ادامه آزمایش حذف گردیدند. از صفات گروه ساقه اصلی بالاترین همبستگی ژنتیکی را صفت تعداد دانه در سنبله اصلی با ضریب (۰/۸۲**) نشان داد و به دنبال آن صفت نسبت وزنی سنبله به ساقه اصلی در S₅ با ضریب همبستگی ** ۷۵/۰ و پس از آن صفت تعداد سنبله در سنبله اصلی با ضریب همبستگی ** ۷۱/۰ با عملکرد در ارتباط بوده‌اند. از صفات گروه ساقه فرعی بالاترین ضریب همبستگی ژنتیکی با عملکرد را صفت نسبت وزنی سنبله به ساقه فرعی در S₅ با ضریب همبستگی ** ۷۸/۰ و به دنبال آن صفات تعداد دانه در سنبله فرعی با ضریب همبستگی ** ۷۳** /۰ و تعداد سنبله در سنبله فرعی با ضریب همبستگی ** ۶۸/۰ داشتند. این نتایج با یافته‌های صدیق و همکاران (Kirby, 1988) و کربی (Siddique et al., 1989b) که عقیده بر نقش مؤثر صفت نسبت وزنی سنبله به ساقه در برنامه‌های به نژادی به منظور افزایش عملکرد دانه را دارند و همچنین با گزارش‌های مقدم و همکاران (۱۳۷۲)، پری و دانتونو (Perry and Dantono, 1989) و همکاران (Siddique et al., 1989a) اسلافر و آندراید (Slafer and Andrade; 1989 and 1993) و شوران (Shoran, 1995) که بر وجود همبستگی بالا و مثبت بین تعداد دانه در سنبله و عملکرد دانه

این آزمایش برابر ۲۱/۵۴٪ برآورد گردید. پژوهشگران متعددی مقادیر متوسط و یا کمی را برای قابلیت توارث عملکرد دانه گزارش کرده‌اند که با نتیجه حاصل از این آزمایش مطابقت دارد (Pathak and Nema, 1985). کمتر بودن مقدار قابلیت توارث عملکرد دانه نسبت به سایر صفات در اغلب بررسی‌ها حاکی از این موضوع است که اثرات محیطی قسمت اعظم تغییرات فنوتیپی این صفت را به وجود می‌آورند، در نتیجه انتخاب ژنتیکی برتر فقط بر اساس عملکرد دانه نمی‌تواند چندان مؤثر باشد. وراثت‌پذیری سایر صفات در جدول ۲ آمده است. اشتباه معیار هر وراثت‌پذیری در درون پرانتز در کنار آن وراثت‌پذیری ارائه شده است. جهت تعیین میزان تنوع موجود در درون صفات اقدام به محاسبه ضریب تغییرات ژنتیکی و فنوتیپی گردید. در کلیه صفات ضریب تغییرات فنوتیپی بزرگ‌تر از ضریب تغییرات ژنتیکی بود. بالاترین ضرایب تغییرات ژنتیکی را صفات گروه شاخص‌های فیزیولوژیک به خود اختصاص دادند. ضریب تغییرات ژنتیکی صفات نشان می‌دهند که تنوع موجود در صفات مختلف متفاوت است. در بعضی صفات تنوع زیاد و در بعضی صفات تنوع کمی وجود دارد. مسلماً هر چه تنوع موجود در صفات بیشتر باشد انتخاب در آن‌ها از دقت بالاتری برخوردار خواهد بود (Falconer, 1989). همان طوری که در ادامه بحث خواهد شد تعدادی از صفات که دارای تنوع کمی بودند با توجه به ویژگی‌های دیگر این صفات مثل ضریب همبستگی ژنتیکی، وراثت‌پذیری و پیشرفت ژنتیکی آن‌ها از آزمایش حذف شدند.

با توجه به این که هدف اصلی این پژوهش تعیین صفاتی است که علاوه بر ویژگی‌های ذکر شده در قسمت‌های قبل دارای بالاترین رابطه با عملکرد دانه باشند، اقدام به محاسبه ضرایب همبستگی ژنتیکی صفات مختلف با عملکرد

جدول ۲- میانگین، ضریب همبستگی ژنتیکی صفات با عملکرد دانه، وراثت پذیری، GCV در صفات مختلف

Table 2. Mean genotypic correlation of traits with grain yield, GCV, PVC and genetic advance in different traits

صفات Traits	میانگین Mean	ضریب همبستگی ژنتیکی با عملکرد Genot.correl. coeff.with grain	وراثت پذیری Heritability (%)	ضریب تغییرات فتوتیپی Genotypic coefficient of variation (GCV%)	ضریب تغییرات فتوتیپی Phenotypic coefficient of variation (PCV%)
الف) صفات ساقه اصلی					
a) Main stem traits					
نسبت وزنی سنبله به ساقه در S3	0.44	0.71**	1.05(0.389)	2.59	25.19
Spike to stem weight ratio at S3					
نسبت وزنی سنبله به ساقه در S4	1.27	-	-	-	16.75
Spike to stem weight ratio at S4					
نسبت وزنی سنبله به ساقه در S5	1.54	0.75**	63.66(0.177)	9.30	11.65
Spike to stem weight ratio at S5					
تعداد دانه در سنبله	41.99	0.82**	34.71(0.288)	8.90	15.10
No. of Grain /Spike					
تعداد سنبله در سنبله	17.02	0.71**	80.14(0.107)	7.96	8.89
No. of spikelet/spike					
ب) صفات ساقه فرعی					
b) Tiller stem traits					
نسبت وزنی سنبله به ساقه در S3	0.41	0.008 ^{ns}	20.67(0.324)	24.30	31.80
Spike to stem weight ratio at S3					
نسبت وزنی سنبله به ساقه در S4	1.18	-	-	-	57.32
Spike to stem weight ratio at S4					
نسبت وزنی سنبله به ساقه در S5	1.50	0.78**	59.23(0.202)	9.23	12.00
Spike to stem ratio at S5					
Kernels/ spike	31.66	0.73**	79.12(0.150)	15.2	17.09
تعداد دانه در سنبله					
Spikelets/ spike	14.89	0.68**	64.93(0.184)	7.33	9.09
تعداد سنبله در سنبله					
پ) عملکرد و اجزاء عملکرد					
c) Yield and yield components					
Grain yield (t/ha)	عملکرددانه	5.42	1	21.54(0.343)	4.05
100 grain weight (g)	وزن صد دانه	3.65	-0.61**	70.67(0.151)	7.71
Harvest index (%)	شاخص برداشت	37.70	0.61**	45.40(0.396)	9.80
Spikes/ m ²	تعداد سنبله در متر مربع	540.29	0.42*	21.57(0.329)	6.40
d) Plant traits					
ت) صفات بوته					
Plant height(cm)	ارتفاع بوته	75.01	-0.72**	60.79(0.189)	9.02
تعداد پنجه سنبله دار در بوته	تعداد پنجه سنبله دار در بوته	1.71	-	-	25.29
Fertile tillers/ plant					
تعداد کل پنجه در بوته	تعداد کل پنجه در بوته	3.64	0.44*	39.84(0.282)	9.88
No. of tiller/plant					
Biomass (t/ha)	عملکرد بیولوژیک	14.55	0.79**	1.4(0.394)	0.73
قطرساقه (میانگره اول)		3.37	0.85**	51.8(0.219)	5.81
stem diameter (1 st internode) mm					

*: در مورد این صفات چون واریانس ژنتیکی منفی به دست آمده به جای واریانس ژنتیکی، صفر منظور شده است. در این حالت محاسبه ضریب همبستگی ژنتیکی با عملکرد، وراثت پذیری، GCV و پیشرفت رئیسکی امکان پذیر نمی باشد.

♣: As in these traits genotypic variance is negative zero was replaced instead of genotypic correlation with yield, heritability GCV and genetic advance.

* and ** Significant at the 5 and 1% levels of probability respectively .

ns: Non significant

اعداد داخل پرانتز در ستون وراثت پذیری نشان دهنده اشتباہ معیار وراثت پذیری هر صفت می باشند.

Values in the brackets in column of heritability are standard error of heritability for each trait .

GCV: Genotypic

PCV: Phenotypic

GCV: ضریب تغییرات ژنتیکی
coefficient of variation
PCV: ضریب تغییرات فتوتیپی
coefficient of variation

Table 2. Continued

ادامه جدول ۲

صفات Traits	میانگین Mean	ضریب همبستگی ژنتیکی با عملکرد Genot.correlation coefficient with grain yield	وراثت پذیری Heritability (%)	GCV Geno. Coefficient of variation (%)	PCV Pheno. coefficient of variation (%)
قطر ساقه (میانگره دوم) mm Stem diameter (2 nd internode)	3.64	0.65**	60.67(0.187)	6.36	8.17
وزن واحد طول ساقه درصد پنجه های نابارور	0.04 64.59	0.41* -0.49*	50.0(0.179) 34.57(0.291)	8.78 8.20	12.42 13.95
Infertile tillers (%)					
طول سنبله بدون ریشک	8.94	-0.40*	72.98(0.147)	7.54	8.83
Length of awnless spike (cm)					
طول سنبله با ریشک	13.59	0.44*	67.77(0.166)	8.63	10.48
Length of awned spike (cm)					
CGR1	1.53	1.06†	10.52(0.367)	52.32	60.73
CGR2	3.15	-0.75**	52.06(0.236)	60.25	72.36
CGR3	2.24	1.88†	16.70(0.353)	50.31	64.31
CGR4	0.60	-	-	-	80.94
NAR1	0.9	1.47†	5.60(0.83)	28.94	50.31
NAR2	0.85	-0.86**	10.59 (0.239)	60.45	74.56
NAR3	0.82	0.54**	2.91(0.385)	65.31	81.42
NAR4	0.64	-	-	-	85.67
RGR1	7.31	0.26**	50.05(0.274)	4.89	6.91
RGR2	3.24	-0.61**	52.87(0.236)	11.80	16.24
RGR3	1.01	0.42**	16.92(0.35)	21.32	51.83
RGR4	0.19	-	-	-	65.4
LAD1	550.97	0.24 ^{ns}	31.22(0.307)	8.64	15.40
LAD2	1593. 91	0.06 ^{ns}	75.28(0.116)	7.64	27.85
LAD3	1168.38	0.54**	42.30(0.398)	13.93	21.41
LAD4	385.65	0.42*	33.70(0.396)	27.73	47.78

S4: نمونه برداری چهارم S5: نمونه برداری پنجم

S1: First sampling

S2: Second sampling

S3: Third sampling

S1: نمونه برداری اول S2: نمونه برداری دوم S3: نمونه برداری سوم

S4: Fourth sampling S5: Fifth sampling

†: ضریب همبستگی بزرگتر از یک و غیر قابل قبول

†: Correlation coefficient is bigger than one and unaccepted

CGR: Crop growth rate($gm^2 day^{-1}$)NAR: Net assimilation rate($gm^{-2} day^{-1}$)RGR: Relative growth rate($gg^{-1} day^{-1}$)LAD: Leaf area duration($m^2 day^{-1}$)

بالاترین ضرایب همبستگی ژنتیکی با عملکرد در گروه چهارم صفات یعنی صفات بوته را صفات: قطر ساقه (میانگره اول) (۰/۸۵**)، ارتفاع بوته (۰/۷۲**)، قطر ساقه (میانگره دوم) (۰/۶۵**)، درصد پنجه های نابارور (۰/۴۹*) دارا بودند. منفی بودن رابطه ارتفاع و درصد پنجه های نابارور با عملکرد دانه در تحقیقات دیگران نیز عنوان شده است (اهدایی و همکاران، ۱۳۶۷). ضرایب همبستگی سایر صفات در جدول ۲ آمده است. در گروه

تاکید دارند، مطابقت دارد. در گروه سوم صفات یعنی گروه عملکرد و اجزاء عملکرد، شاخص برداشت با ضریب همبستگی **/۰/۶۱ بالاترین همبستگی ژنتیکی را با عملکرد دانه نشان داد. شوران (Shoran, ۱۹۹۵)، مقدم و همکاران (۱۳۷۲) و اهدایی و همکاران (۱۳۶۷) نیز نتایج مشابهی گزارش کرده اند. پس از آن وزن صد دانه با ضریب همبستگی **/۰/۶۱ و تعداد سنبله در متر مربع با ضریب همبستگی **/۰/۴۲ به طور معنی داری در ارتباط با عملکرد دانه بوده اند.

(Perry and Dantono, 1989; Waddington et al., 1986) به طوری که در جدول ۳ ملاحظه می‌شود چه در سنبله ساقه اصلی و چه در سنبله‌های ساقه‌های فرعی این صفت همبستگی مثبت و معنی‌داری با عملکرد دانه داشته و با صفت وزن صد دانه همبستگی منفی دارد. به عبارتی تلاش در افزایش عملکرد از طریق افزایش تعداد دانه تا اندازه‌ای از طریق کاهش در وزن دانه ختی می‌گردد دو فرضیه برای توجیه همبستگی معکوس این دو صفت وجود دارد: فرضیه اول این که با افزایش تعداد دانه در مترمربع قابلیت دسترسی به مواد فتوسنتزی برای هر دانه کمتر می‌شود و لذا منجر به کاهش وزن تک دانه می‌گردد و فرضیه دوم این که افزایش تعداد دانه در سنبله باعث می‌شود تا تعداد دانه‌های بیشتری را در موقعیت‌هایی از سنبله که پتانسیل پرکردن دانه آن‌ها پایین است (ابتدا و انتهای سنبله) داشته باشیم و این باعث کاهش وزن دانه می‌گردد (Slafer and Anderade, 1991 and 1993) نکته قابل توجه در این آزمایش همبستگی مثبت و معنی‌دار قطر ساقه (میانگرۀ اول و میانگرۀ دوم) و وزن واحد طول ساقه با تعداد دانه در سنبله‌های ساقه اصلی و ساقه‌های فرعی می‌باشد و به نظر می‌رسد که این ویژگی‌های ساقه می‌توانند معیارهای مناسبی در افزایش این صفت باشند. براساس اطلاعات حاصل از این آزمایش با افزایش طول سنبله، تعداد سنبلچه، قطر ساقه و وزن واحد طول ساقه می‌توان به افزایش تعداد دانه در سنبله دست یافت.

در این آزمایش صفت وزن صد دانه با اکثر صفات مورد بررسی همبستگی منفی داشته است این صفت فقط با صفات ارتفاع بوته^۱, RGR₂, CGR₂ همبستگی مثبت معنی‌دار نشان داده است. بسیاری از تحقیقات افزایش عملکرد دانه را در سیر تاریخی اصلاح این گیاه به افزایش شاخص برداشت نسبت داده‌اند (Slafer and Andrade, 1991). در این آزمایش نیز ضریب همبستگی ژنتیکی این صفت با عملکرد مثبت

پنجم صفات ضرایب همبستگی ژنتیکی با عملکرد به ترتیب بزرگی به این قرار بودند: NAR2 با ضریب همبستگی **/۸۶**، CGR2 با ضریب همبستگی **/۷۵**، RGR2 با ضریب همبستگی **/۶۱**، NAR3 با ضریب همبستگی **/۵۴** و LAD3 با ضریب همبستگی **/۵۴** و LAD4 با ضریب همبستگی **/۴۲**.

واریانس ژنتیکی برخی صفات به دلیل اشتباه نمونه‌برداری، کمی تعداد داده‌ها، استفاده از مدل آماری نادرست و یا عدم وجود تنوع ژنتیکی کافی منفی شده است (Baker, 1986; Miller et al., 1957) آزمایش در چنین مواردی به جای واریانس صفت مربوطه صفر منظور گردید. به طور کلی صفات که دارای ضریب همبستگی ژنتیکی معنی‌داری با عملکرد بودند و در عین حال وراثت پذیری قابل قبولی نیز داشتند، به علاوه تنوع ژنتیکی زیادی هم داشتند شناسایی گردیدند و بدین وسیله از بین ۴۵ صفت اندازه گیری شده ۲۳ صفت انتخاب شدند. که روابط بین آن‌ها در ادامه مورد بحث قرار می‌گیرد.

ضرایب همبستگی ژنتیکی و فنتیکی بین صفات مختلف جدول ۳ ضرایب همبستگی ژنتیکی و فنتیکی بین صفات مختلف را نشان می‌دهد. با توجه به این جدول می‌توان ملاحظه کرد که صفت نسبت وزنی سنبله به ساقه در ساقه اصلی و در ساقه‌های فرعی با اکثر صفات مورد مطالعه یک همبستگی مثبت و معنی‌دار داشته و فقط با وزن صد دانه، ارتفاع بوته^۱, RGR₂ و NAR2 همبستگی منفی و معنی‌دار دارند. در بسیاری از مطالعات گزارش شده است که نسبت وزنی سنبله به ساقه معیار خوبی جهت پیشبرد عملکرد دانه می‌باشد (Siddique et al., 1989b) که در این آزمایش نیز دقیقاً این موضوع تأیید شده است.

تعداد دانه در سنبله صفتی است که در مقالات مهم‌ترین جزء مؤثر بر افزایش عملکرد گزارش شده است.

بوته با اکثریت صفات منفی بوده است این صفت با عملکرد دانه همبستگی منفی داشته که در سطح ۱٪ معنی دار می باشد این همبستگی را می توان به اثر مثبت ژن های پا کوتاهی بر عملکرد دانه مربوط دانست. با مروری بر شاخص های فیزیولوژیک مشاهده می شود که سرعت رشد محصول (CGR)، سرعت جذب خالص (NAR) و سرعت رشد نسبی (RGR) ارقام در مرحله دوم نمونه برداری (CGR_2 , NAR_2 , RGR_2) یعنی در محدوده زمانی بین پنجه دهی تا رشد طولی ساقه همبستگی منفی و بسیار معنی داری با عملکرد دانه دارند. سرعت جذب خالص در مرحله سوم نمونه برداری (NAR₃) یعنی در محدوده زمانی گلدهی تا خمیری شدن دانه و دوام سطح برگ نیز در مراحل سوم و چهارم نمونه برداری (LAD_3 , LAD_4) یعنی در محدوده های زمانی گلدهی تا خمیری شدن دانه و خمیری شدن دانه تا رسیدن کامل همبستگی های مثبت و معنی داری با عملکرد دانه داشته اند که البته مورد انتظار هم بود. همبستگی های بین دیگر صفات در جدول ۳ قابل ملاحظه است.

لازم است به این نکته اشاره شود که ضرایب همبستگی که مورد بررسی قرار گرفته ضرایب همبستگی ژنتیکی بوده است. مسلماً با توجه به این که در مبحث ضرایب همبستگی ژنتیکی اثر عوامل محیطی نادیده گرفته می شود، همبستگی های بین صفات ممکن است از نظر مقدار و جهت این روابط با نتایج حاصله از ضرایب همبستگی خطی هم خوانی نداشته باشد.

با توجه به جدول ۳ همبستگی ژنتیکی برخی صفات به دلیل پاره ای از اشتباهات غیر قابل تشخیص بزرگتر از یک برآورد گردیده است که قابل چشم پوشی می باشند. در کل براساس نتایج حاصل از این آزمایش می توان به این نکات اشاره کرد که افزایش عملکرد دانه از طریق انتخاب غیر مستقیم صفات مؤثر تر بوده و از پیشرفت

و در سطح احتمال ۱٪ معنی دار بود. اجزاء عملکرد دانه بجز وزن صد دانه همبستگی مثبتی با شاخص برداشت داشتند. همبستگی وزن واحد طول ساقه با شاخص برداشت منفی و بسیار معنی دار بود که از نقطه نظر فیزیولوژیکی نیز توجیه پذیر و مورد انتظار است.

با توجه به جدول ۳ ملاحظه می شود که تعداد کل پنجه در بوته با تعداد سنبلاچه در سنبله اصلی و سنبله های فرعی همبستگی مثبت و معنی دار در سطح ۱٪ داشته اند. همین طور افزایش تعداد کل پنجه در بوته باعث افزایش ارتفاع بوته، تعداد سنبله در واحد سطح و درصد پنجه های نابارور می شود و با توجه به همبستگی فنوتیپی منفی این صفت با عملکرد دانه به نظر می رسد که محدود کردن آن در یک حد مطلوب می تواند کارایی انتخاب را بالا ببرد.

همان طوری که قبل از گفته شد صفت قطر ساقه (میانگرۀ اول) با صفات مهمی چون تعداد دانه در سنبله، تعداد سنبلاچه در سنبله اصلی، تعداد سنبلاچه در سنبله فرعی، عملکرد دانه، وزن واحد طول ساقه همبستگی مثبت و معنی دار و این خود به این صفت ارزش قابل توجهی می بخشند. نکته جالب این که همبستگی قطر ساقه (میانگرۀ اول) با تعداد سنبله در مترمربع منفی و معنی دار بوده یعنی افزایش تراکم در نتیجه افزایش رقابت بین گیاهی باعث کاهش قطر ساقه و افزایش احتمال خواهد گردید که می گردد در صورتی که همبستگی این صفت با تعداد پنجه در بوته هر چند منفی بوده ولی معنی دار نیست به عبارتی احتمالاً رقابت درون گیاهی بین ساقه ها چنان روی قطر ساقه مؤثر نیست.

وزن واحد طول ساقه یکی از ویژگی هایی است که باعث کاهش خواهد گردید که ساقه می شود. این صفت همبستگی مثبت و معنی داری با قطر ساقه و ارتفاع بوته دارد. به عبارتی می توان با پیشبرد این صفت حساسیت ارقام پا بلند نسبت به خواهد گردید که ساقه را کاهش داد. همبستگی این صفت با عملکرد دانه مثبت و معنی دار بوده است. با توجه به جدول ۳ ضریب همبستگی ارتفاع

افت عملکرد می‌باشد. از بین شاخص‌های فیزیولوژیک به نظر می‌رسد که شاخص‌های AD₃, NAR₃ و LAD₄ صفات مهمی در افزایش عملکرد می‌باشند و می‌بایست در برنامه‌های اصلاحی ارقام به آن‌ها توجه داشت.

سپاسگزاری

بدینوسیله از بخش تحقیقات غلات مؤسسه تحقیقات اصلاح و تهیه نهال و بذر کرج به خاطر تأمین بذر ارقام گندم و سرکار خانم معصومه محمدی به خاطر همکاری صمیمانه در تایپ این مقاله قدردانی می‌شود.

ژنتیکی بیشتری برخوردار است این موضوع را می‌توان به پلیژنیک بودن و پایین بودن و راثت پذیری عملکرد دانه نسبت داد. از بین صفات مختلف مورد بررسی به نظر می‌رسد که مهم‌ترین اجزاء افزایش دهنده عملکرد دانه، تعداد دانه در سنبله ساقه اصلی و در سنبله ساقه‌های فرعی و صفت مرتبط با آن یعنی تعداد سنبلاچه در سنبله باشد. همین طور براساس نتایج حاصل صفات قطر ساقه و وزن واحد طول ساقه نیز صفاتی هستند که هم به طور مستقیم و هم غیرمستقیم و از طریق صفات دیگر می‌توانند در افزایش عملکرد مؤثر باشند. از طرف دیگر کاهش در ارتفاع بوته و درصد پنجه‌های نابارور راهکاری مؤثر در کاهش

References

منابع مورد استفاده

- اهدایی، ب.، ق. نورمحمدی، ع. کجاف و ح. بزرگمهری. ۱۳۶۷. تغییرات ژنتیکی، قابلیت توارث و تجزیه همبستگی صفات زراعی ارقام گندم هگزاپلوبید بومی خوزستان. مجله علمی کشاورزی، ۱۲:۲۷-۴۷.
- مقدم، م.، م. بصیرت، ف. رحیمزاده خویی، م. ر. شکیبا. ۱۳۷۲. تجزیه علیت عملکرد دانه، اجزای آن و برخی صفات مرفوЛОژیک در گندم پاییزه. دانش کشاورزی ۲۵:۴۸-۷۵ و ۱.

Baker, R. J. 1986. Selection Indices in Plant Breeding. CRC.Press. Inc 218 P.

Bhatt, G. H. 1973. Significance of path coefficient analysis in determining the nature of character association. Euphytica 22: 338-343.

Borjevic S. 1990. Principles and Methods of Plant Breeding. Elsevier. Pob. Comp. pp. 69-78.

Bos, I. and P. Caligaria. 1995. Selection Method in Plant Breeding. (1st. ed.) . Chapman & Hall . U.K. 347 P.

Briggs, K. G. and A. Aytenfisu. 1980. Relationship between morphological characters above the flag leaf node and grain yield in spring wheats. Crop Sci. 20: 350-354.

Dofing, S. M. and Knight, C. W. 1992. Alternative model for path analysis of small-grain yield. Crop Sci. 32: 487-489.

Falconer, D. S. 1989. Introduction to Quantitative Genetics. (3rd edition) Longman, New York. 415 p.

Fehr, W. R. 1987. Principles of cultivar development . (Vol 1) Mc Grow-Hill , Inc 536 p.

Hallauer, A.R. and J. B. Miranda. 1988. Quantitative Genetics in Maize Breeding. (2nd ed.) Iowa State University Press, Ames Iowa. 468 p.

Kirby , E. J. M. 1988. Analysis of leaf, stem and ear growth in wheat from terminal spikelet stage to anthesis . Field Crops Res. 18: 127-131.

McNeal, F.H., C. O. Qualset, D. E. Baldridge and V. R. Stewart. 1978. Selection for yield and yield

- components in wheat. *Crop Sci.* **18:** 795-799.
- Miller, P.A., J.C. Williams, Jr.H.F.Robinson and R.E.Comstock. 1957. Estimates of genotypic and environmental variances and covariances in upland cotton and their implication in selection. *Agron. J.* **29:** 126-131.
- Pathak, N. N. and D. P. Nema. 1985. Genetic advance in landraces of wheat. *Indian J. Agric. Sci.* **55:** 478-479.
- Perry, M.W. and M.F. Dantono. 1989. Yield improvement and associated characteristics of some Australian spring wheat cultivars introduced between 1890 and 1982. *Aust. J. Agric. Res.* **40:** 457-465.
- Pesek , J. and R.J. Baker. 1969. Desired improvement in relation to selection indices. *Can. J. Plant Sci.* **49:** 803-804.
- Sandha, G. S., R. K. Vellanki and G. S. Dhindsa. 1985. Variability among metric traits in hexaploid triticale. *Indian. J. Agric. Sci.* **55:** 499-501.
- Shelembi, M.A., A. T. Wright and D.C. Tanner. 1992. Correlation and path-coefficient analysis on yeild components of twenty spring bread wheat genotypes evaluated at 2 locations in Arusha region of Tanzania. *Plant Breeding Abs.* **62:** 530.
- Shoran, J. 1995. Estimation of variability parameters and path coefficient for certain metric traits in winter wheat (*Triticum aestivum* L. EM. Thell). *Indian J. Genetics Plant Breeding.* **55(4):** 399-405.
- Siddique, K. H., R. K. Belford, M. Perry and D. Tennant. 1989a. Growth in Mediterranean-type environment . *Aust. J. Agric. Res.* **40:** 473-484.
- Siddique, K. H., E. J. M. Kirby and M. Perry. 1989b. Ear-to-stem ratio in old and modern wheats: Relationship with improvement in number of grains per ear and yield . *Field Crops Res.* **21:** 59-68.
- Singa, G. C. P. and N. N. Sharma. 1979. Correlation, regression and path analysis studies in wheat varieties. *Indian. J. Agron.* **25:** 225-229.
- Slafer, G. A. and F. H. Andrade. 1989. Genetic improvement in Argentina. *Field Crops Res.* **21:** 289- 298.
- Slafer, G. A. and F. H. Andrade. 1991. Change in physiological attributes of the dry matter economy of bread wheat (*Triticum aestivum*) through genetic improvement of grain potential at different regions of the world. A review. *Euphytica* **58:** 37-58.
- Slafer, G. A. and F. H. Andrade. 1993. Physiological attributes related to the generation of grain yield in bread wheat cultivars released at different area. *Field Crops Res.* **31:** 351-363.
- Waddington, S. R., J.K. Ransom, M. Osmanzai and D. A. Saunders. 1986. Improvement in the yield potential of bread wheat adapted to northwest Mexico. *Crop. Sci.,* **26:** 679-698.