

شواهد سرولوژیک و مولکولی هپاتیت B در بیماران مبتلا به هپاتیت C مزمن

دکتر زهرا هنرکار^۱، دکتر سید مؤید علویان^۲، دکتر شهرام سمیعی^۳، دکتر کیوان سعید فر^۴، دکتر مهناز بالادست^۵، دکتر رحیم آقازاده^۶، دکتر محدرضا زالی^۷

چکیده

مقدمه: هپاتیت B مخفی^۸ حالتی است که آنتی ژن سطحی هپاتیت B^۹ در سرم بیمار منفی بوده ولی DNA ویروس هپاتیت B^{۱۰} در سرم یا بافت کبدی ایشان قابل کشف باشد. در این مطالعه فراوانی هپاتیت B مخفی در بیماران هپاتیت C مزمن و نیز تغییرات بیوشیمیایی و هیستولوژیک آنان تحت بررسی قرار گرفت. روش کار: در این مطالعه توصیفی نمونه‌گیری به صورت مبتنی بر هدف انجام شد، به طوری که ۲۷ بیمار هپاتیت C مزمن که HBsAg آنها منفی بوده و طی سالهای ۱۳۸۰ و ۱۳۸۱ به دو مرکز هپاتیت تهران و مرکز تحقیقات بیماری‌های گوارش و کبد دانشگاه علوم پزشکی شهید بهشتی مراجعه و تحت نمونه برداری کبد قرار گرفته بودند وارد مطالعه شدند. بر روی بلوک پارافینی نمونه کبدی این بیماران آزمایشات واکنش زنجیره‌ای پلیمرز^{۱۱} برای وجود HBVDNA و نیز آزمایش‌های ایمونوهیستوشیمی^{۱۲} برای حضور و کشف HBsAg و آنتی ژن مرکزی هپاتیت B^{۱۳} انجام گرفت.

نتایج: از میان ۲۷ نمونه بررسی شده PCR بیماران در ۵ مورد (۱۹ درصد) از نظر HBVDNA مثبت گزارش شد. در کلیه این بیماران تست‌های IHC از نظر HBsAg و HBeAg منفی گزارش گردید. تغییرات هیستولوژیک سیروز و علائم سیروز جبران نشده فقط در گروه HBVDNA مثبت دیده شد.

نتیجه‌گیری: فراوانی هپاتیت B مخفی در بیماران مبتلا به هپاتیت C نسبتاً قابل توجه است. در این بیماران، هپاتیت B مخفی می‌تواند آسیب به کبد را تشدید نموده، روند پیشرفت به طرف سیروز را تسریع نماید.

واژگان کلیدی: هپاتیت B مخفی، بیماری مزمن کبدی، هپاتیت C، HBsAg، HBVDNA

- ۱- فوق تخصص گوارش، مرکز تحقیقات بیماری‌های گوارش و کبد، دانشگاه علوم پزشکی شهید بهشتی.
- ۲- دانشیار، دانشگاه علوم پزشکی بقیه الله.
- ۳- دکترای بیوشیمی، سازمان انتقال خون ایران.
- ۴ و ۵- پزشک، محقق مرکز تحقیقات بیماری‌های گوارش و کبد، دانشگاه علوم پزشکی شهید بهشتی.
- ۶- دانشیار، مرکز تحقیقات بیماری‌های گوارش و کبد، دانشگاه علوم پزشکی شهید بهشتی.
- ۷- استاد، مرکز تحقیقات بیماری‌های گوارش و کبد، دانشگاه علوم پزشکی شهید بهشتی.

عفونت هپاتیت B مخفی به طور شایع در بیماران با هپاتیت C مزمن گزارش شده است. شواهد قابل توجهی وجود دارد که هپاتیت B مخفی می تواند آسیب به کبد را تشدید نموده و یا باعث ایجاد سرطان سلول کبدی شود (۸-۱).

علیرغم اهمیت بالینی بالقوه، شیوع هپاتیت B مخفی در بیماران با هپاتیت C خصوصاً در ایران هنوز به درستی معلوم نیست. در این مطالعه، غیر از تعیین فراوانی هپاتیت B مخفی در بیماران با هپاتیت C مزمن، تغییرات پاتولوژیک و سرولوژیک این بیماران را نیز مد نظر قرار داده ایم.

روش کار

۲۷ بیمار باتشخیص قطعی هپاتیت مزمن C (وجود آنتی بادی ویروس هپاتیت C^۳ و RNA ویروس هپاتیت C^۴ مثبت در سرم) از دو مرکز، مرکز هپاتیت تهران و مرکز تحقیقات بیماری‌های گوارش و کبد که در سالهای ۱۳۸۱-۱۳۸۲ تحت نمونه برداری کبدی قرار گرفته بودند وارد این مطالعه شدند. مطالعه به صورت توصیفی و روش نمونه گیری مبتنی بر هدف بود. معیارهای ورود به مطالعه عبارت بودند از: ۱- بیماری مزمن کبدی (افزایش آنزیمهای کبدی یا اختلال عملکرد کبد بیش از شش ماه) ۲- منفی بودن HBsAg در سرم ۳- وجود نمونه بافت کبدی ۴- عدم دریافت درمان ضد ویروس. نمونه های پارافینی این بیماران از بخش پاتولوژی تحویل گرفته شد. بر روی نمونه ها

8 - Occult hepatitis B

9 - HBsAg

10 - HBVDNA

11 - PCR: Polymerase chain reaction.

12 - IHC: Immunohistochemistry

13 - HbcAg

مقدمه

ویروس هپاتیت B^۱ و هپاتیت C^۲ هر دو از طریق خون و تماس جنسی انتقال می یابند. عفونت با هر دو نوع ویروس شایع است. مخصوصاً در مناطقی که هر دو ویروس اندمیک هستند و نیز در بیمارانی که ریسک بالایی از عفونت‌های تزریقی دارند. عفونت HCV از طریق آنتی بادی‌های اختصاصی و نیز RNA ویروس در سرم تشخیص داده می شود. عفونت HBV معمولاً از طریق مثبت شدن HBsAg شناخته می شود. مطالعات زیادی وجود عفونت HBV در بیماران فاقد HBsAg در سرم را با یا بدون نشانگان سرمی عفونت قبلی (HBcAb یا HBsAg) به اثبات رسانده است. دلایل عدم وجود HBsAg در سرم شناخته نشده است. ولی ممکن است بدلیل تغییر و دوباره چینی ردیف ژنی ژنوم HBV که با بیان ژنی آن تداخل می کند یا به دلیل تولید یک نوع پروتئین S تغییر شکل یافته باشد (۸-۱).

³ -HCVAb.

⁴ -HCVRNA.

1- HBV

2 - HCV

جدا سازی HBVDNA به روش گریر^۳ (۱۰) از نمونه های پارافینی انجام گرفت. ملاحظات کافی جهت جلوگیری از آلودگی متقابل صورت گرفت. هر ست PCR شامل ۱۲ نمونه بود: ۷ نمونه بافت پارافینی، ۳ عدد آب به عنوان نمونه منفی و ۲ نمونه مثبت برای اثبات حساسیت معادل ۳۰۰ و ۳۰۰۰ ژنوم در میلی لیتر جهت انجام PCR دو پرایمر^۴ به کار رفت.

به طور خلاصه ۶ میکرولیتر از DNA برای ۳۵ سیکل، ۴۵ درجه سانتیگراد برای یک دقیقه، ۶۰ درجه سانتیگراد برای یک دقیقه و ۷۲ درجه سانتیگراد برای یک دقیقه و جهت اکستانسین نهایی ۷۲ درجه سانتیگراد برای ۱۰ دقیقه در ۲۰ میکرولیتر محلول واکنشی حاوی ۱۰ میلی مول تریس - هیدروکلراید pH ۸/۳، ۱/۵ میلی مول منیزیم کلراید (۲ شرکت پرومگا^۵)، ۵۰ میلی مول پتاسیم کلراید^۶، ۲۰۰ مول dNTP (شرکت رش^۷)، ۱/۵ واحد Taq-polymerase و ۰/۵ مول از هر پرایمر مورد آمپلیفیکاسیون قرار گرفت.

در آنالیز آماری از آزمون دقیق فیشر، تست تی دانش آموزی و تست من - ویتنی استفاده شد. p کمتر از ۰/۰۵ ارزشمند تلقی شد.

آزمون جداسازی HBVDNA به روش PCR و نیز آزمون ایمونو هیستوشیمی برای HBcAg و HBsAg انجام شد. تمام مراحل آزمایشگاهی در آزمایشگاه سازمان انتقال خون ایران با دقت زیاد و بهترین فن آوری انجام گرفت.

اطلاعات بهداشتی بیماران (سابقه قبلی هپاتیت، تزریق خون، اعتیاد تزریقی، اعمال جراحی و خالکوبی)، اطلاعات فردی (سن، جنس و وزن)، آزمایشات بیوشیمیایی (قندخون، چربی های خون، آنزیم های کبدی و الکتروفورز پروتئین) و اطلاعات سرولوژیک (آنتی بادی های ویروس هپاتیت B) از پرونده بیماران جمع آوری گردید.

بر اساس اطلاعات پاتولوژیک هپاتیت مزمن یا سیروز بر طبق معیارهای بین المللی^(۹)، تغییرات مختصر و گاهی غیر اختصاصی شامل استاتوز، دیلاتاسیون سینوزوئیدی و التهاب مختصر یا نکروز گزارش شده بود.

ایمونو هیستوشیمی: رنگ آمیزی ایمونوپر اکسیداز برای HBcAg و HBsAg بر روی کلیه نمونه های کبدی بوسیله کیت های^۱ شرکت داکو^۲ انجام شد. نمونه ها با میکروسکوپ ایمونوفلورسانت تفسیر گردید.

³ - Greer.

⁴ -ATACCACAGAGTCTAGACTCGTGGTGGACT
Primer#1 (nt109-139).
AGCCCCTACGAACCACTGAACAAATGGCAC
Primer 2R (nt 555-586).

⁵ -Tris- HCl pH8.3

⁶ - MgCl 2.

⁷ -KCl.

⁸ -Roche.

¹-Clone HBcAg, lot No:128, antibody
concentration: 1/500 code No: BO586
Clone HBsAg: 3E7, lot No:058, antibody
concentration: 1/50and code No: M3506

² - DAKO

دیدید شد. هرچند اختلاف دو گروه از لحاظ آماری معنی دار نبوده است.

HBcAb در ۱۲ بیمار و HBsAb در ۳ بیمار در دسترس بود. HBcAb در ۴۰ درصد و HBsAb در ۲۰ درصد از بیماران دارای HBVDNA مثبت بود. رابطه معنی داری بین وجود HBcAb یا HBsAb با HBVDNA مثبت وجود نداشت. آزمون ایمونوهیستوشیمی از نظر HBcAg و نیز HBsAg در همه بیماران منفی بود.

از لحاظ پاتولوژی، هپاتیت مزمن در ۲۵ بیمار (۹۳ درصد) و سیروز در ۲ بیمار (۷ درصد) دیده شد. HBVDNA در ۵ بیمار مثبت بود. با توجه به اشکال مختلف هیستوپاتولوژیک در بیماران با HBVDNA مثبت ۴۰ درصد سیروز و ۶۰ درصد هپاتیت مزمن گزارش شده بود. هر چند هپاتیت مزمن بیشتر در بیماران با HBVDNA منفی و سیروز فقط در بیماران HBVDNA مثبت دیده شد، ولی از لحاظ آماری این اختلاف معنی دار نبود.

جهت شرکت در این مطالعه از کلیه بیماران جهت شرکت در مطالعه رضایت نامه کتبی اخذ گردید.

نتایج

۲۷ بیمار با هپاتیت C و HBsAg منفی شامل ۱۹ بیمار مرد (۷۰ درصد) و ۸ بیمار زن (۳۰ درصد) با سن متوسط ۳۲/۴۸ سال مورد مطالعه قرار گرفتند. HBVDNA در ۵ بیمار از ۲۷ بیمار هپاتیت C مثبت گزارش شد. همانطور که در جدول شماره ۱ نشان داده شده است، اختلاف معنی داری بین دو گروه HBVDNA مثبت و HBVDNA منفی از لحاظ سن، جنس، علایم بالینی، سطح آنزیمهای کبدی و آنتی بادیهای ضد هپاتیت B دیده نشد.

بیشتر بیماران با علامت هپاتیت مزمن یا علایم غیر اختصاصی مراجعه نموده بودند. علایم غیر اختصاصی و خفیف فقط در گروه HBVDNA منفی و علائم ناشی از سیروز بیشتر در گروه HBVDNA مثبت

جدول ۱. خصوصیات بالینی، بیوشیمیایی و هیستولوژیک بیماران هپاتیت C براساس وجود HBVDNA

HBVDNA- تعداد: ۲۲	HBVDNA+ تعداد: ۵	HBVDNA خصوصیات بیماران
۲۷±۱۸	۴۱±۱۴	سن (سال)
۷/۱۵	۱/۴	نسبت جنس (مذکر/مونث)
(۰) ۰	(۲۰) ۱	تظاهرات بالینی سیروز جبران نشده
(۱۰۰) ۲۲	(۸۰) ۴	علایم غیر اختصاصی
		آنزیمهای کبدی (واحد/لیتر) AST

ALT	۹۸۸±۷۸ ۱۵۳±۱۶۱	۱۱۸±۸۷ ۱۵۷±۱۷۳
سرولوژی HBcAb+ HBsAb [†]	(۴۰)۲ (۲۰)۱	(۴۵/۵)۱۰ (۹/۱)۲
پاتولوژی سیروز هیپاتیت مزمن	(۴۰)۲ (۶۰)۳	(۰)۰ (۱۰۰)۲۲

ارقام داخل پرانتز معرف درصد هستند.

بحث

در مطالعه ما وجود عفونت HBV را در بیماران با هیپاتیت C مزمن و HBsAg منفی مورد بررسی قرار دادیم. مطالعه ما نشان داد که ۱۸/۵ درصد بیماران با هیپاتیت C مزمن علیرغم منفی بودن HBsAg سرم از نظر HBVDNA مثبت بودند. این فراوانی کاملاً قابل توجه است (۱۱-۱۳). عفونت همزمان HBV و HCV در اتریش ۲۲ درصد، در ژاپن ۸۷ درصد، در اسپانیا ۴۹ درصد و در فرانسه فقط ۵/۵ درصد گزارش شده است. وجود این اختلاف در فراوانی هیپاتیت B مخفی در بیماران با هیپاتیت C به دلیل اختلاف در حساسیت روش‌های مورد استفاده در کشف ژنوم ویروس، اختلاف در مقدار ذرات HBV، ویرمی^۱ و نیز اختلاف جغرافیایی از نظر شیوع عفونت HBV می باشد (۷، ۱۴، ۱۵).

در مطالعه ما بین دو گروه HBVDNA مثبت و HBVDNA منفی از لحاظ سطح آنزیم‌های کبدی اختلافی دیده نشد، ولی دیده شده است که در بیماران با هیپاتیت C مزمن و عفونت همزمان HBV سطح آنزیم‌های کبدی و فعالیت نسجی بالاتر است (۱، ۱۸). HBcAb در ۴۰ درصد و HBsAb در ۲۰ درصد از بیماران با HBVDNA مثبت دیده می شد. در سایر مطالعات نیز نشان داده شده است که شیوع آنتی بادی ضد هیپاتیت C در بیماران با آنتی بادی ضد HBc بیشتر است (۱-۱۳، ۱۶).

در مطالعه ما، هر دو بیمار سیروز فقط در گروه HBVDNA مثبت دیده شد. به عبارت دیگر ۴۰ درصد بیماران با هیپاتیت B مخفی مبتلا به سیروز بودند. در سایر مطالعات نیز عفونت مخفی HBV در بیماران با هیپاتیت C، به طور قابل توجه با وجود سیروز در ارتباط بوده است. این بدان معناست که عفونت مخفی یا HBV می تواند باعث تسریع در تبدیل هیپاتیت مزمن به سیروز گردد. نشان داده شده است که تکثیر مخفی HBV در مقادیر کم می تواند پیشرفت به طرف سیروز را در بیماران با هیپاتیت C مزمن تشدید نماید. از طرف دیگر وقوع عفونت همزمان HBV و HCV در بیماران غیر سیروزی هیپاتیت C نسبتاً پائین است (۱، ۱۷-۳).

¹ -Viremia.

سیروز بطور کلی مهم ترین فاکتور خطر برای ایجاد کارسینوم سلول کبدی در نظر گرفته می شود. بنابراین عفونت مخفی با HBV علاوه بر توانایی در سرطان زایی مستقیم می تواند در بیماران با هپاتیت مزمن C باعث ترانسفورماسیون سرطانی از طریق تشدید ایجاد سیروز گردد. عفونت مخفی با HBV با عدم پاسخ به درمان با انترفرون در بیماران هپاتیت مزمن همراه است. در این بیماران پس از درمان با انترفرون سطح HCV پائین آمده در حالیکه سطح HBV سرم تغییری نمی کند. دیده شده است که ژنوتیپ 1b در عفونت همزمان HCV و HBV شایع تر است (۱، ۱۴).

عفونت هپاتیت مخفی معمولاً به دلیل سرکوب شدید تکثیر ویروس و بیان ژنی است. در عفونت همزمان HBV و HCV، ویروس هپاتیت C باعث سرکوب فعالیت HBV می شود (۳). علت منفی شدن HBsAg سرم، علیرغم تداوم عفونت با HBV ناشی از مشخص است ولی به فاکتورهای مربوط به خود ویروس یا فاکتورهای مربوط به میزبان اشاره شده است. فاکتورهای ویروسی شامل تداخل اثر با ویروس هپاتیت C یا یک ویروس ناشناخته جدید، جهش ژنی در منطقه core promoter یا جهش در منطقه کد کننده HBsAg ژنوم ویروس، مخصوصاً در ژن S می باشند. عوامل مربوط به میزبان نیز در منفی بودن HBsAg موثرند. گفته می شود که مکانیزم های ایمنی میزبان، عفونت HBV را در یک شرایط خفته نگاه داشته تا زمانی که انتقال به فرد دیگری باعث فعال تر شدن ویروس شود. مخصوصاً وقتی که داروهای سرکوب کننده سیستم ایمنی مصرف کردند (۶-۱، ۱۱، ۱۹-۱۳).

در مطالعه ما، آزمون ایمینو هیستوشیمی برای دو آنتی ژن C و S در همه بیماران با بیماری مزمن کبدی، حتی بیماران با HBVDNA مثبت، منفی گزارش شد. به نظر می رسد تمام عواملی که در بالا ذکر شد و باعث منفی شدن HBsAg سرم می گردند، شامل سرکوب شدن قوی تکثیر ویروس و نیز کاهش بیان ژنی آن، باعث منفی شدن آزمون ایمینو هیستوشیمی نیز گردیده اند (۲۰).

به دلیل شیوع بالای هپاتیت B در ایران و عوارض دراز مدت آن و نیز به دلیل آمار رو به تزاید هپاتیت C، عفونت هم زمان این دو نیازمند توجه و بررسی دو چندان با تعداد بیشتری بیمار می باشد. کلیه هزینه های مربوط به این طرح تحقیقاتی توسط مرکز تحقیقات بیماری های گوارش و کبد دانشگاه علوم پزشکی شهید بهشتی پرداخت گردید، که به این وسیله از این مرکز قدردانی به عمل می آید.

منابع

1. Hu KO, Occult hepatitis B virus infection and its clinical implications. *J Viral Hepat* 2002; 9(4):243-57.
2. Chemin I, Jeantet D, Kay A, Trepo C. Role of silent hepatitis B virus in chronic hepatitis B surface antigen (-) liver disease. *Antiviral Res* 2001; 52(2):117-23.
3. Cacciola I, Pollicino T, Squadrito G, Cerenzia G, Orlando ME, Raimondo G. Occult hepatitis B virus infection in patients with chronic hepatitis C liver disease. *N Engl J Med* 1999; 34(1):22-6.
4. Chan HL, Tsang SW, Leung NW, Tse CH, Hui Y, Tam JS, Chan FK, Sung JJ. Occult HBV infection in cryptogenic liver cirrhosis in an area with high prevalence of HBV infection. *Am J Gastroenterol* 2002; 97(5):1211-5.
5. Komori M, Yuki N, Nagaoka T, Yamashiro M, Mochizuki K, Kaneko A, Yamamoto K, Hikiji K, Kato M. Long-term clinical impact of occult hepatitis B virus infection in chronic hepatitis B patients. *J Hepatol* 2001; 35(6):798 804
6. Hennig H, Puchta I, Luhm J, Schlenke P, Goerg S, Kirchner H. Frequency and load of hepatitis B virus DNA in first-time blood donors with antibodies to hepatitis B core antigen. *Blood* 2002;100(7):2637-41.
7. Kazemi-Shirazi L, Petermann D, Muller C. Hepatitis B virus DNA in sera and liver tissue of HBsAg negative patients with chronic hepatitis C. *J Hepatol* 2000; 33 (5) : 785 - 90.
8. Yuki N, Nagaoka T, Yamashiro M, Mochizuki K, Kaneko A, Yamamoto K, Omura M, Hikiji K, Kato M. Long-term histologic and virologic outcomes of acute self-limited hepatitis B. *Hepatology* 2003; 37(5):1172-9.
9. Terminology of chronic hepatitis. International Working Party. *Am J Gastroenterol* 1995;90(2):1849
10. Greer CE, Lund JK, Manos M . PCR Amplification from paraffin – embedded tissue: Recommendation on Fixative for long term storage and prospective studies. *PCR Methods and Applications* 1991;1:46-50.
11. Mei SD, Yatsuhashi H, Parquet MC, Hamada R, Fujino T, Matsumoto T, Inoue O, Koga M, Yano M. Detection of HBV RNA in peripheral blood mononuclear cells in patients with and without HBsAg by

- reverse transcription polymerase chain reaction. *Hepato Res* 2000; 18(1):19-28.
12. Cabrerizo M, Bartolom J, Caramelo C, Barril G, Carreno V. Molecular analysis of hepatitis B virus DNA in serum and peripheral blood mononuclear cells from hepatitis B surface antigen-negative cases. *Hepatology* 2000; 32(1):116-23.
13. Berasain C, Betes M, Panizo A, Ruiz J, Herrero JI, Civeira MP, Prieto J. Pathological and virological findings in patients with persistent hypertransaminasaemia of unknown aetiology. *Gut* 2000; 47(3):429-35.
14. Raimondo G. Occult hepatitis B virus infection and liver disease: fact or fiction? *J Hepatol* 2001; 34(3):471-3.
15. Brechot C, Thiers V, Kremsdorf D, Nalpas B, Pol S, Paterlini-Brechot P. Persistent hepatitis B virus infection in subjects without hepatitis B surface antigen: clinically significant or purely "occult"? *Hepatology* 2001; 34(1):194-203.
16. Blackberg J, Kidd-Ljunggren . Occult hepatitis B virus after acute self-limited infection persisting for 30 years without sequence variation. *J Hepatol* 2000; 33(6):992-7.
17. Fan CL, Wei L, Jiang D, Chen HS, Gao Y, Li RB, Wang Y. Spontaneous viral clearance after 6-21 years of hepatitis B and C viruses' co-infection in high HBV endemic area. *World J Gastroenterol* 2003; 9(9):2012-6.
18. Liaw YF, Yeh CT, Tsai SL. Impact of acute hepatitis B virus superinfection on chronic hepatitis C virus infection. *Am J Gastroenterol* 2000; 95(10):2978-80.
19. The incident investigation teams and others. Transmission of hepatitis B to patients from four infected surgeons without hepatitis B e antigen. *N Engl J Med* 1997; 16;336(3):178-84.
20. Guido M, Thung SN, Fattovich G, Cusinato R, Leandro G, Cecchetto A, Cesaro S, Panese P, Ruge M. Intrahepatic expression of hepatitis B virus antigens: effect of hepatitis C virus infection. *Mod Pathol* 1999; 12(6):599-603.