

مطالعه اثر آسپرین بر هیستون H5 و کمپلکس H5-DNA

سرور شجاعیان، سیده زهرا بطحائی

دانشگاه تربیت مدرس، دانشکده علوم پزشکی، گروه بیو شیمی بالینی

چکیده

هیستون‌های رابط (H1 و H5) نقش مهمی در سازماندهی کروماتین دارند و به عنوان بازدارنده‌های بیان ژن شناخته می‌شوند. هسته گلbul‌های سرخ بالغ جوجه (و بعضی سلول‌های جانوری) حاوی هر دو پروتئین است. هر چند که میان کنش هیستون H5 با DNA قوی‌تری از میان کنش H1 است، ولی مانع بیان برخی ژن‌های ویژه اریتروئیدی نمی‌شود. بررسی‌ها نشان داده که بعضی دگر گونی‌ها نقش بسیار مهمی در میان کنش هیستون‌ها با DNA، بخصوص در تنظیم رونویسی دارد. استیله شدن هیستون‌ها باعث تغییر شکل کروماتین به فرم فعال می‌شود. آسپرین به عنوان یک استیله کننده غیر آنزیمی پروتئین‌ها پیشنهاد و در طی سال‌های اخیر نیز، از آن به عنوان یک داروی ضد سرطان استفاده شده است. در این مطالعه، ابتدا هیستون H5 با یک روش اصلاح شده از گلbul‌های سرخ جوجه استخراج، خلوص و شناسایی آن به وسیله الکتروفورز SDS-PAGE و با استفاده از پروتئین استاندارد، انجام گرفت. مطالعات اسپکتروفتومتری حاصل از انکوبه کردن هیستون H5 با آسپرین در لرزاننده نشان داد که شرایط بهینه برای استیله شدن H5 توسط آسپرین، غلظت ۶/۵ میلی مولار آن در مدت ۳/۵ ساعت در دمای اتاق می‌باشد. مطالعات فلوریمتری نشان داد که انکوبه شدن هیستون H5 با آسپرین در شرایط بهینه باعث کاهش نشر آن می‌شود که این امر ناشی از استیله شدن پروتئین و باز شدن نسبی تاخوردگی آن است. همچنین پروتئین استیله شده نسبت به پروتئین طبیعی تحرک الکتروفورتیک کمتری را در الکتروفورز در حضور غیرطبیعی کنش (SDS-PAGE)، نشان داد که این امر به دلیل افزایش وزن مولکولی آن است. مطالعات بعدی، بررسی میان کنش هیستون H5 استیله در مقایسه با شکل طبیعی آن، با DNA بود. میان کنش هیستون استیله شده توسط آسپرین با DNA کاهشی حدود ۱۵ واحد در نسبت مولی جفت باز DNA به هیستون را در ۵۰٪ رسوب، در مقایسه با هیستون طبیعی نشان داد. هر چند که افزایش آسپرین به کمپلکس H5-DNA تنها در حدود ۵ واحد کاهش در نسبت فوق ایجاد کرد. به طور کلی می‌توان نتیجه گرفت که هیستون H5 با آسپرین استیله می‌شود و به دلیل خنثی شدن بخشی از بارهای مثبت آن و تغییرات بنای فضایی، میان کنش کمتری با DNA برقرار می‌کند.

واژه‌های کلیدی : خالص سازی، هیستون H5، آسپرین، استیله شدن، میان کنش پروتئین-DNA

مقدمه

دگرگونی‌ها، استیله شدن است که با تغییر در میزان بار مثبت هیستون‌ها باعث تضعیف میانکنش هیستون – DNA در سطوح مختلف تاخوردگی کروماتین می‌شود و بنابراین

ثبات رشته‌های تاخورد دکروماتین را بر هم زده و باعث فعال شدن بیان ژن‌ها می‌شود [۱۹-۲۳].

آسپرین یک داروی ضد التهاب غیر استروئیدی است که دارای مجموعه وسیعی از اثرات دارویی و درمانی می‌باشد. این دارو علاوه بر اثرات ضد التهاب، ضد درد، ممانعت از تجمع پلاکتها، موجب پیشگیری از ابتلا به ناراحتی‌های قلبی، سکته قلبی و مغزی نیز می‌باشد. برخی از این اثرات ناشی از استیله شدن آنزیم سیکلواکسیژناز و در نتیجه جلوگیری از سنتز پروستاگلاندین‌ها و ترموبوکسان‌هاست [۲۴]. به علاوه مشخص شده که مصرف آسپرین دارای اثرات ضدآب مروارید و اثرات درمانی در بیماری کم خونی داسی شکل نیز می‌باشد. این اثرات از طریق استیله کردن پروتئین‌های کریستالین عدسی چشم یا HbS اعمال می‌گردد [۲۵-۲۸].

در سالهای اخیر اثرات ضدسرطانی آسپرین اثبات شده است. اولین نشانه‌های مربوط به این اثر آسپرین در درمان سرطان کولون در سال ۱۹۸۸ شناخته شد [۲۹]. در سرطان پروستات نیز مهار سنتز DNA و پروتئین‌ها بوسیله آسپرین مشاهده شده است [۳۰].

از آنجایی که استیله شدن هیستون‌ها نقش بسیار مهمی در ساختار کروماتین و تنظیم فرآیندهایی چون همانندسازی، رونویسی و ترمیم DNA دارد و آسپرین نیز دارای خاصیت استیله کنندگی است، بنابراین بر آن شدیدم تا با بررسی اثر آسپرین بر ساختار هیستون‌های رابط از جمله هیستون H5، امکان شناخت بیشتر مکانیزم مولکولی اثر آسپرین را فراهم سازیم. لازم به ذکر است که چون هیستون رابط میانکنش ضعیفی با سایر هیستون‌ها دارد [۳۱، ۳۲ و ۳۳]،

هیستون‌ها اولین پروتئین‌های کروموزومی شناخته شده می‌باشند. این پروتئین‌ها به دو دسته کلی هیستون‌های مرکزی و هیستون‌های رابط تقسیم می‌شوند که دسته دوم، غنی از لیزین هستند [۱ و ۲]. میانکنش هیستون‌های رابط با کروماتین از لحاظ ترمودینامیکی فرآیندی برگشت پذیر است [۳].

منشأ هیستون‌های H1 به باکتری‌ها بر می‌گردد [۴-۶]. اولین بار در سال ۱۹۵۰ Stedman & Stedman پیشنهاد کردند که در هر بافت، هیستون‌های رابط ویژه‌ای وجود دارند که از طریق میانکنش با DNA باعث تنظیم یا سرکوب بیان ژن‌ها می‌شوند [۷]. انواع هیستون H1 در نواحی مختلف کروماتین که دارای درجات متفاوتی از توانایی رونویسی هستند به طور غیر تصادفی توزیع می‌شوند [۸]. نسبت انواع هیستون‌های H1 در بافت‌های مختلف، متفاوت می‌باشد [۵]. این نسبت‌ها طی تکامل و تمایز سلول‌ها، القاء هورمونی، ترانسفورم شدن ویروسی و رشد سلول تغییر می‌کند [۸]. از جمله انواع هیستون‌های رابط می‌توان به هیستون H5 اشاره کرد که بر اثر بلوغ در گلوبولهای قرمز پرنده‌گان، ماهیها، دوزیستان و خزنده‌گان تجمع یافته و باعث غیر فعال شدن آنها از لحاظ رونویسی می‌شود [۹-۱۳]. از طرفی پس از بیان هیستون H5 (به طور نابهجا) در سایر سلول‌ها، کروماتین متراکم و غیر فعال می‌شود [۱۴]. این هیستون در سلول‌های انسان از جمله اسپرم وجود دارد و مشخص شده که در برخی بیماریها علیه آن آنتی هیستون تولید می‌شود [۱۵ و ۱۶].

وجود مقدار زیادی اسید آمینه‌های بازی در هیستون‌های یوکاریوت‌ها، امکان اتصال محکم آنها را با DNA توسط میانکنش‌های الکتروستاتیک فراهم می‌کند [۴۰]. یک مکانیسم برای غلبه بر این نیروها، دگرگون شدن (Modification) هیستون‌ها و القاء تغییر آرایش فضایی در بخشهایی از آنها می‌باشد [۲، ۷، ۱۷ و ۱۸]. یکی از این

در حضور شاهد مربوط به خود که دارای تمامی مواد به جر H₅ بود در فواصل زمانی یک ساعت در طول موج ۲۸۰ نانومتر قرائت شد.

ب) مطالعات اسپکتروفلوریمتری: ابتدا طول موج های برانگیختگی و نشری هیستون H₅ در شرایط آزمایش تعیین شد که به ترتیب ۲۷۸ نانومتر و ۳۱۲/۴ نانومتر بود. در این شرایط محلول آسپیرین ندارد. سپس محلول آسپیرین در غلظت های نهایی ۰/۵ تا ۷/۵ میلی مولار در حضور غلظت نهایی ثابتی از هیستون H₅ انکوبه شد و میزان نشر هر نمونه در طول موج برانگیختگی ۲۷۸ نانومتر و طول موج ۳۱۲/۴ نانومتر قرائت گردید.

ج) الکتروفورز: الکتروفورز هیستون H₅ به روش لاملی در حضور غیرطبیعی کننده SDS با آکریل آمید ۱۰٪ انجام شد. برای این منظور هیستون H₅ با غلظت نهایی با محلول آسپیرین با غلظت های نهایی ۰/۵ تا ۶/۵ میلی مولار انکوبه و سپس الکتروفورز نمونه ها انجام شد.

- مطالعه میانکنش H₅ با DNA

این مطالعات در سه بخش و با استفاده از دستگاه اسپکتروفوتومتر انجام شد.

الف) میانکنش هیستون H₅ طبیعی با DNA: تعیین غلظت DNA در این مطالعه بر اساس قزائت جذب در ۲۶۰ نانومتر و استفاده از ضریب جذب مولی M^{-۱} cm^{-۱} ۱۳۲۰۰ صورت گرفت [۳۶].

در یک سری لوله اپندوروف حاوی محلول DNA با غلظت ثابت نهایی (۰/۰۴ mMbp)، محلول هیستون H₅ طبیعی به گونه ای اضافه شد که نسبت نهایی $\frac{DNA(mMbp)}{H5(mM)}$ بین ۵ تا ۴۰۰ متغیر باشد. سپس نمونه ها در دمای ۳۷°C به مدت یک ساعت در لرزاننده نگهداری، سپس سانتریفوژ شد و درصد رسوب حاصل از تشکیل کمپلکس H₅ – DNA با قرائت جذب DNA باقیمانده در

کمپلکس های حاصل از میانکنش DNA با هیستون های رابط در شرایط *in vitro* به عنوان مدلی برای کروماتین معرفی شده اند [۳۳ و ۳۴].

مواد و روش ها

مواد:

DNA بر اساس روش ارائه شده در کارهای قبلی ما [۳۵] از تیموس گوساله استخراج شد. آسپیرین و هیستون ۱ از شرکت سیگما تهیه شد. سایر مواد مورد نیاز نیز از شرکتهای سیگما و مرک تهیه شد و همگی دارای درجه خلوص بالایی بود. هیستون H₅ نیز بر اساس یک روش تصحیح شده در این مقاله استخراج شد.

روش ها:

کلیه آزمایشات مربوط به بخش میانکنش های پروتئین با لیگاند و یا DNA در بافرتریس ۵۰ میلی مولار با pH ۷/۴ و در دمای ۲۷°C انجام شد.

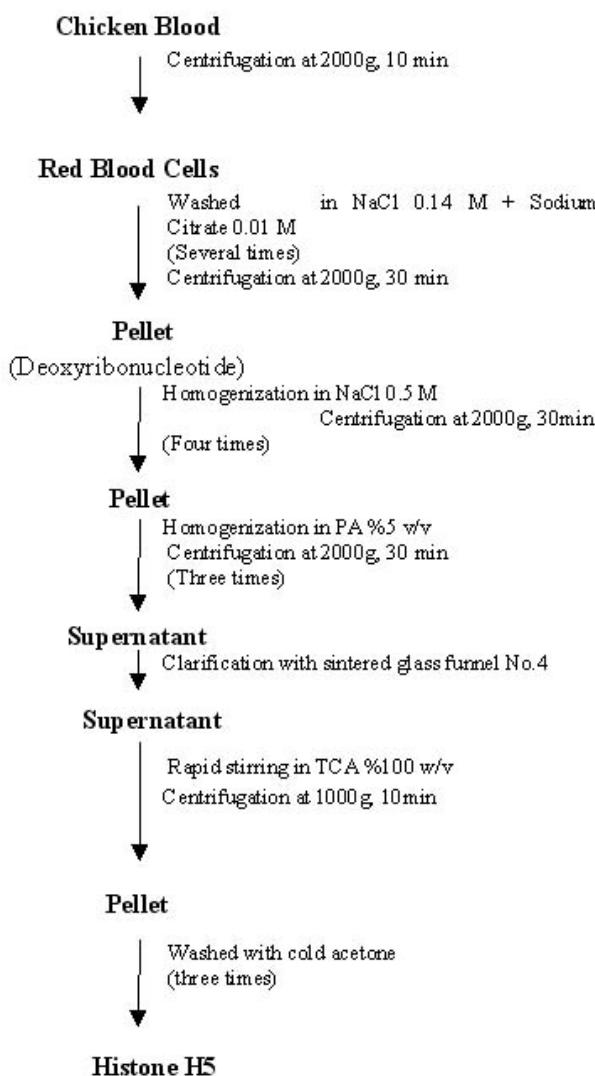
- استخراج هیستون H₅:

در این روش گلوبول های قرمز به وسیله سانتریفوژ از خون جوجه جدا و به روش انجماد - ذوب ترکانده شد. هسته های به دست آمده ابتدا با محلول نمکی ایزوتونیک و سپس با محلول نمکی با غلظت بالا چندین بار با هموژنایزر همگن شد. محصول نهایی حاصل از این مرحله، دزوکسی ریبونوکلئوپروتئین حاوی هیستون H₅ بود. برای جداسازی پروتئین از DNA، از اسید پرکلریک ۵٪ استفاده شد، سپس هیستون H₅ به کمک اسید تری کلرواستیک رسوب داده و چندین بار با استون سرد شسته شد (شمای ۱).

- بررسی اثر آسپیرین بر هیستون H₅:

الف) مطالعات اسپکتروفوتومتری: در این مرحله هیستون H₅، با غلظت نهایی ۱ mg/ml با آسپیرین با غلظت نهایی ۱۲/۵ تا ۵/۵ میلی مولار انکوبه و جذب نوری هر لوله

سپس تغییرات نشر هیستون H₅ پس از انکوبه شدن با آسپیرین در شرایط بهینه مورد مطالعه قرار گرفت. همان‌طور که در نمودار ۲ مشاهده می‌شود، با افزایش غلظت آسپیرین، نشر پروتئین کاهش می‌یابد تا به یک حد ثابتی می‌رسد.



محلول رویی و بر اساس رابطه زیر محاسبه گردید [۳۷]:

$$P\% = \left[1 - \frac{\Delta A_{260 SUP}}{\Delta A_{260 DNA}} \right] \times 100$$

ب) میان‌کنش هیستون H₅ استیل دار شده توسط آسپیرین با DNA: مراحل انجام آزمایش مانند هیستون طبیعی بود با این تفاوت که ابتدا هیستون H₅ با آسپیرین در شرایط بهینه (۶/۵ میلی مولار به مدت ۳/۵ ساعت) انکوبه و بعد با غلظت مناسب به محلول DNA اضافه شد.

ج) بررسی اثر آسپیرین بر کمپلکس H₅ – DNA: ابتدا هیستون H₅ طبیعی با DNA مطابق قسمت الف میان‌کنش داده شد و قبل از سانتریفوژ کردن نمونه‌ها، محلول آسپیرین با غلظت نهایی ۶/۵ میلی مولار به آنها اضافه و پس از انکوبه شدن مجدد به مدت ۳/۵ ساعت، سانتریفوژ و در صدر رسب حاصل با قرائت جذب DNA در محلول روئی محاسبه شد.

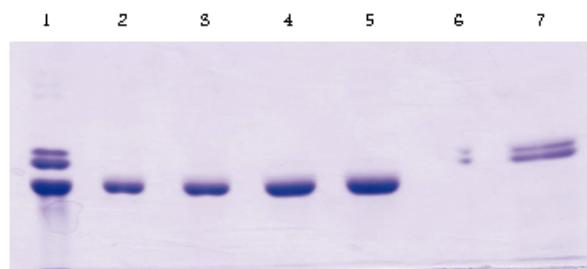
نتایج

همان‌طور که در بخش روش‌ها ذکر شد (شما ۱)، هیستون H₅ براساس روشی که تلفیقی از چند روش بود، با بازده نسبتاً خوب (٪۵۵) و بدون نیاز به ستون کروماتوگرافی، از گلوبول‌های سرخ جوجه جدا شد و خلوص آن توسط الکتروفورز بر روی ژل پلی آکریل آمید، تأیید گردید (شکل ۱). سپس با استفاده از پروتئین تولیدشده، سایر آزمایش‌ها انجام شد.

۱- بررسی اثر آسپیرین بر هیستون H₅:

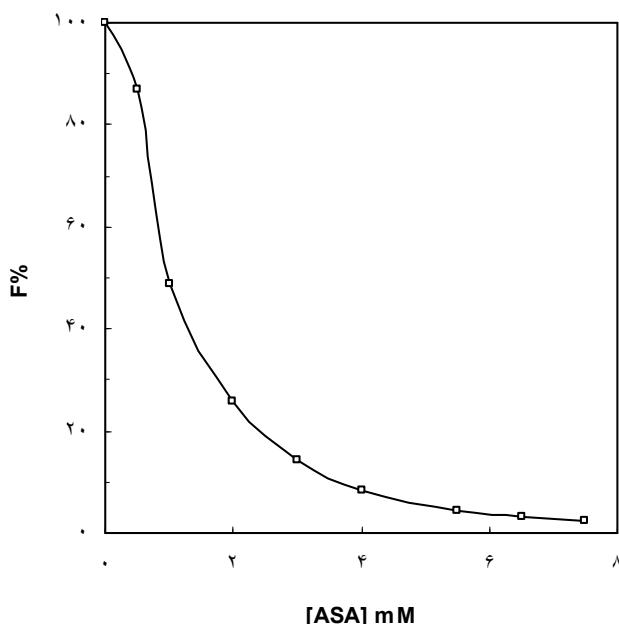
ابتدا به منظور بهینه‌سازی شرایط آزمایش، اثرات دما، pH، زمان و غلظت آسپیرین بر میان‌کنش آسپیرین با H₅ مورد مطالعه قرار گرفت. نتایج نشان داد که (نمودار ۱) غلظت ۶/۵ میلی مولار آسپیرین پس از ۳/۵ ساعت انکوبه کردن در C ۳۷ ° و pH ۷/۴ برابر ۷/۴ شرایط مناسبی برای انجام واکنش است.

شماره ۱- مراحل استخراج هیستون H5 از گلوبول‌های سرخ جوجه

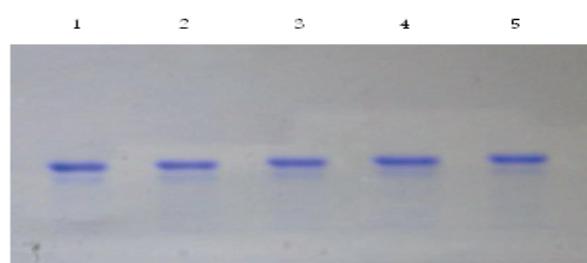


نمودار ۱- تغییرات جذب هیستون H5 از ۲ تا ۴/۵ ساعت پس از انکوبه شدن با آسپرین (مثلاً: ۲ ساعت، دایره: ۳/۵ ساعت و مریع: ۴/۵ ساعت). در زمان‌های بعدی نمودارها بر یکدیگر منطبق شد. غلظت پروتئین در هر نمونه ۱ mg/ml و غلظت آسپرین بین صفر تا ۹/۵ متغیر بود. داده‌ها در فواصل زمانی کوتاه‌تر نشان داده نشده است.

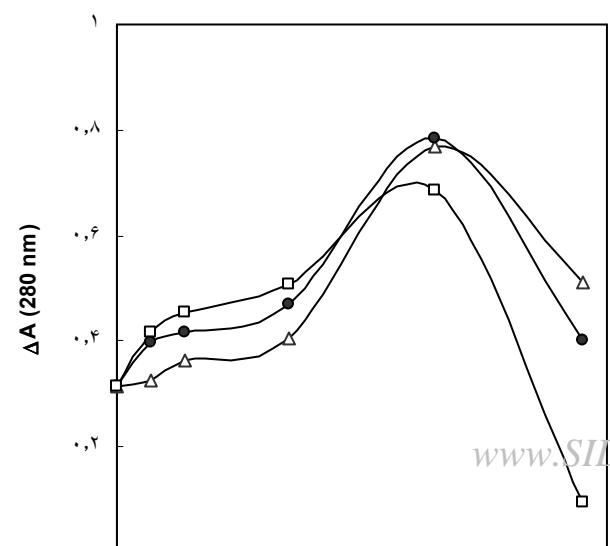
قبلاً ملاحظه شده بود که حرکت الکتروفورتیک هیستون H1 بر اثر استیله شدن با آنیدریداستیک کم می‌شود [۲۳] که این تغییر تحرک به دلیل افزایش وزن مولکولی پروتئین بر اثر استیله شدن است. این اثر در مورد هیستون H5 استیله شده نیز ملاحظه گردید (شکل ۲).



شکل ۱- الکتروفورز هیستون H5 خالص شده از گلوبول‌های سرخ جوجه. ستون‌ها به ترتیب از چپ به راست حاوی محلول هیستون‌های H1 و H5 (۱)، هیستون H5 با غلظت‌های افزایشی ۲، ۴، ۸ و ۱۲ میکروگرم در میلی لیتر (۲ تا ۵) و استاندارد هیستون H1 به میزان ۱/۶ و ۱۶ میکروگرم در میلی لیتر (۶ و ۷) می‌باشد.

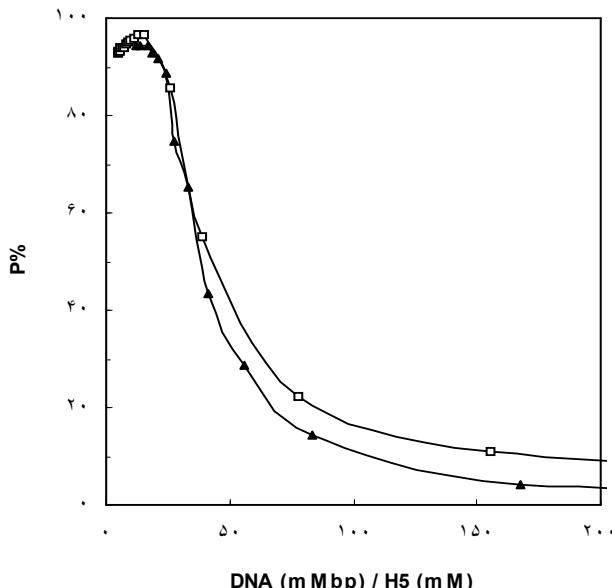


شکل ۲- الکتروفورز هیستون H5 خالص شده از گلوبول‌های سرخ جوجه در غیاب و حضور آسپرین. ستون‌ها به ترتیب از چپ به راست حاوی هیستون H5 خالص (۱) و هیستون H5 در حضور علزت‌های افزایشی ۰/۵، ۲/۵، ۴/۵ و ۶/۵ میلی مولار آسپرین (۲ تا ۵)، پس از انکوبه شدن ۳/۵ ساعته می‌باشد.



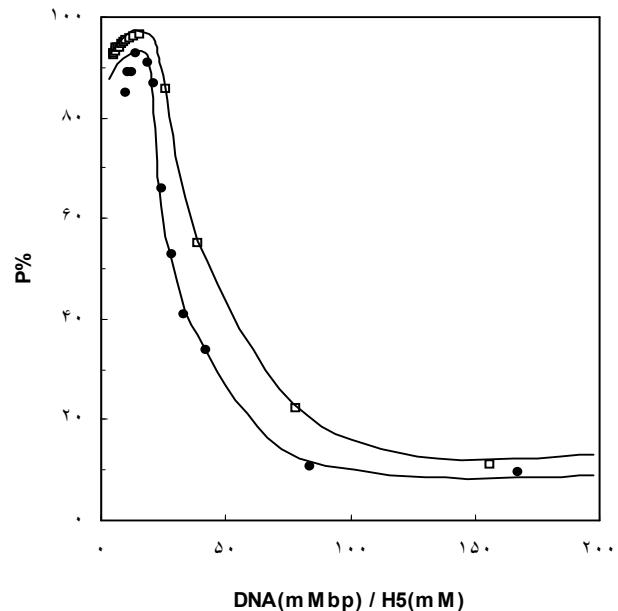
می یابد و در نسبت مولی جفت باز DNA به هیستون حدود ۲۰ به حداکثر میزان خود یعنی ۹۷٪ می رسد.

در مرحله بعد ابتدا هیستون H₅ در شرایط بهینه با آسپرین انکوبه و سپس با DNA میان کشش داده شد. نتایج (نمودار ۳، دایره) نشان داد که میزان تشکیل کمپلکس نسبت به H₅ طبیعی (مربع) کاهش یافته یعنی نسبت مولی DNA bp / H₅ در نقطه مربوط به ۵۰٪ رسوب، از ۴۵ به نسبت مولی ۳۰ رسید و حداکثر رسوب نیز از ۹۷٪ به ۹۲٪ تقلیل یافت. در حالی که افروختن محلول آسپرین به کمپلکس H₅ - DNA باعث شد که این نسبت به ۴۰ برسد و حداکثر رسوب نیز از ۹۷٪ به ۹۴٪ کاهش یابد (نمودار ۴، مثلث).



نمودار ۴- تغییرات درصد رسوب DNA توسط هیستون H₅ طبیعی در غیاب (مربع) و حضور آسپرین ۶/۵ mM (مثلث).

نمودار ۲- تغییرات درصد نشر هیستون H₅ با غلظت ۰/۱ mg/ml در حضور آسپرین با غلظت‌های بین صفر تا ۷/۵ میلی مولار، پس از انکوبه شدن پروتئین با آسپرین به مدت ۳/۵ ساعت در هر غلظت.



نمودار ۳- تغییرات درصد رسوب DNA توسط هیستون H₅ طبیعی و استیله شده توسط آسپرین ۶/۵ mM (دایره).

۲- مقایسه میان کشش هیستون H₅ طبیعی و استیل دار شده با DNA

همان طور که در قسمت روش‌ها ذکر شد، این مطالعات طی سه دسته آزمایش طراحی و انجام شد. نمودار ۳ (مربع) نشان می‌دهد که در حضور غلظت ثابت DNA، با افزایش غلظت هیستون H₅ میزان تشکیل کمپلکس افزایش

بحث

پروتئین استخراج شده هیستون H5 است و خلوص بسیار بالای پروتئین استخراج شده نیز توسط الکتروفورز به اثبات رسید.

شرایط بهینه برای استیله شدن هیستون H5 توسط آسپیرین به شیوه اسپکتروفتومتری مطالعه شد. همان طور که در نمودار ۱ ملاحظه می‌شود با افزایش تدریجی غلظت آسپیرین تا تقریباً $\frac{3}{5}$ میلی مولار تغییرات ناچیزی در جذب پروتئین دیده می‌شود ولی از آن به بعد تغییرات جذب تشدید شد و در $\frac{6}{5}$ میلی مولار به حداکثر خود رسید. شکل سیگموئیدی منحنی، دال بر متعاون بودن میان‌کنش است؛ به این معنی که با اتصال اولین گروه‌های استیل، اتصال بقیه نیز سریع انجام می‌گیرد.

به منظور شناخت بهترین زمان برای میان‌کنش هیستون H5 و آسپیرین تغییرات جذب در زمان‌های مختلف انجام نمودار ۱) و ملاحظه شد که میزان جذب بعد از $\frac{3}{5}$ ساعت به حداکثر میزان خود رسید. نمودارها در زمان‌های بالاتر بر یکدیگر منطبق شد.

بررسی تغییرات ساختاری هیستون H5 در اثر استیله شدن توسط آسپیرین با استفاده از روش اسپکتروفلوریمتری صورت گرفت. همانطور که در نمودار ۲ ملاحظه می‌شود با افزایش غلظت آسپیرین نشر پروتئین کم شد تا در غلظت $\frac{6}{5}$ میلی مولار آسپیرین تقریباً به حد ثابتی رسید.

هیستون‌های H1 و H5 از پروتئین‌های دسته A هستند که با داشتن تیروزین، در اثر القاء تاخوردگی در ساختار آن‌ها و فرورفتن تیروزین به مرکز هیدروفوب پروتئین، نشر تیروزین افزایش می‌یابد [۴۲]. مطالعات قبلی ما در مورد هیستون H1 نشان داده بود که لیگاند‌هایی که باعث افزایش تاخوردگی می‌شوند مانند سدیم دودسیل سولفات (SDS) [۴۳] و نمک‌های کاسموتروپ مثل سدیم کلراید، موجب افزایش نشر پروتئین هم می‌شوند [۴۴].

روشهای مختلفی برای استخراج هیستون H5 از عصاره‌های سلولی به کار می‌رود که می‌توان آنها را به چند دسته کلی تقسیم کرد: استخراج هیستون‌ها با تغییر pH به سمت pH کمتر [۳۸].

در این روش جداسازی هیستون‌ها با تغییر قدرت یونی از کروماتین صورت می‌گیرد، سپس با استفاده از کروماتوگرافی تعویض یون انواع هیستون‌ها از هم جدا می‌شوند [۱۰].

استخراج هیستون‌ها با استفاده از اسید پر کلریک ۵٪ در این روش با استفاده از کروماتوگرافی تعویض یونی یا کروماتوگرافی غربالی می‌توان به پروتئین خالص دست یافت [۳۹].

استخراج هیستون‌ها با استفاده از تغییر قدرت یونی به سمت مقادیر بالاتر و اسید پر کلریک ۵٪ به صورت توأم [۴۱-۴۲].

در این تحقیق با ادغام چند روش، مراحل جداسازی هسته سلول‌های RBC و کروماتین انجام شد. از آنجائی که هیستون H5 دارای دانسیته بار مثبت بیشتری نسبت به هیستون H1 است [۹] و با DNA میان‌کنش قوی‌تری دارد، جدا شدن آن از کروماتین در قدرت یونی بالاتری انجام می‌شود. پس ابتدا هیستون H1 را بوسیله محلول کلرید سدیم $\frac{0}{5}$ مولار از کروماتین جدا شد، در مرحله بعد با استفاده از قابلیت حلالت هیستون‌های غنی از لیزین (H1 و H5) در اسید پر کلریک ۵٪ هیستون H5 به طور خالص از کروماتین بدست آمد [۴۰]. بازده این روش مناسب و بیش از ۵۵٪ بود که با بازده گزارش شده توسط سایر محققین همانگ است. الکتروفورز پروتئین استخراج شده در مقایسه با نمونه استاندارد (هیستون H1) مؤید این است که

مشاهده شده بود [۴۶]. مطالعه میانکنش H₅ با DNA در حضور و عدم حضور آسپیرین به کمک روش اسپکتروفوتومتری صورت گرفت (نمودارهای ۳ و ۴). همان‌طور که مشاهده می‌شود، نمودار سیگموئیدی شکل دال بر متعاون بودن میانکنش در pH فیزیولوژیک و قدرت یونی مناسب است. سایر عوامل دخیل در میانکنش هیستون‌های رابط با DNA با درجات متفاوتی از تعاونی عبارتند از: غلظت DNA و نسبت مولی دو ماکرومولکول [۲ و ۳۳]. از آنجائی که میانکنش هیستون H₅ با DNA عمدتاً به طریق الکتروستاتیک است [۳]، با استیله شدن گروههای لیزین و القاء تغییر بنای فضائی در آن، میانکنش این پروتئین با DNA کاهش می‌یابد. نتایج این تحقیق حدود ۴/۵٪ کاهش در حداکثر رسوب و حدود ۱۵ واحد نسبت مولی در ۵۰٪ رسوب را در میانکنش هیستون استیله شده توسط آسپیرین با DNA در مقایسه با هیستون طبیعی نشان داد.

در ادامه کار، با توجه به اینکه در سلول کمپلکس -DNA H₅ نیز وجود دارد، جهت بررسی اثر آسپیرین بر کمپلکس، آزمایشی طراحی شد که این هدف تأمین گردد یعنی آسپیرین با غلظت بهینه به کمپلکس افزوده شد و بعد میزان رسوب اندازه‌گیری شد. همان‌طور که در نمودار ۴ (مثلث) ملاحظه می‌شود، میزان تشکیل کمپلکس نسبت به عدم حضور آسپیرین، در حداکثر رسوب حدود ۵٪/۲۱ کاهش یافته، یعنی از ۹۷٪/۵٪ رسیده و نسبت مولی در ۵٪ رسوب، حدود ۵ واحد کاهش یافته است. این کاهش ۲/۵٪ در مقایسه با کاهش ۴/۵٪ در میزان حداکثر رسوب کمپلکس H₅ استیله با DNA (یا تغییر نسبت مولی از ۴۰ به ۳۰ واحد در ۵٪ رسوب)، ناشی از این است که آسپیرین در مواجه با کمپلکس، به اسید آمینه‌های لیزین کمتری دسترسی دارد، زیرا اکثر لیزین‌ها در گیر در میانکنش با DNA هستند. همچنین آسپیرین قادر به رقابت

همچنین نتایج قبلی ما نشان داد که بعضی نمک‌ها مثل سدیم آیداید و سایر نمک‌های کائوتروپ، موجب کاهش نشر هیستون H₁ می‌شوند که این امر به دلیل اثر ناپایدار کنندگی آن‌ها بر ساختار پروتئین و باز شدن تاخوردگی آن است [۴۴].

تغییرات بار سطحی پروتئین‌ها و افزایش هیدروفویسیتی آن‌ها در اثر استیله شدن توسط عوامل استیله کننده همچون اندیرید استیک و در نتیجه ایجاد ناپایداری در ساختار پروتئین‌های مختلف مشاهده و گزارش شده است [۴۵]. در مطالعه حاضر نتایج نشان داد که میانکنش هیستون H₅ با آسپیرین باعث کاهش نشر آن شد که این امر نیز احتملاً ناشی از باز شدن تاخوردگی پروتئین به دلیل خنثی شدن بارهای سطحی هیستون H₅ پس از استیله شدن گروههای لیزین توسط آسپیرین و در نتیجه افزایش هیدروفویسیتی در سطح پروتئین و ناپایدار شدن ساختمان آن است. همچنین نتایج حاکی از پیدایش جایه‌جایی در پیک نشری پروتئین به طرف طول موج‌های بالاتر (red shift) بود که این تغییر مکان پیک نیز دلیل دیگری مبنی بر افزایش هیدروفویسیتی سطحی پروتئین است [۴۵]. آقای وانگ گزارش کرده بود که حرکت الکتروفورتیک هیستون H₁ بر اثر استیله شدن با اندیرید استیک کم می‌شود [۲۳]، بنابراین آزمایش الکتروفورز برای پروتئن طبیعی و استیله شده با غلظت‌های مختلف آسپیرین انجام و نتایج مشابهی مشاهده شد. حداکثر کاهش تحرک پروتئین در غلظت ۶/۵ میلی مولار آسپیرین مشاهده شد. این نتیجه تأیید دیگری بر استیله شدن ریشه‌های لیزین با بار مثبت و افزایش وزن مولکولی پروتئین و در نتیجه کاهش حرکت الکتروفورتیک پروتئین استیله در مقایسه با پروتئین طبیعی است. نتایج مشابهی در مورد هیستون H₁ نیز به دست آمده بود، یعنی تغییرات جذب، نشر فلورسانس و تحرک الکتروفورتیکی مشابهی در اثر استیله شدن هیستون H₁

H5 توسط آسپیرین نکته بسیار مهمی را ثابت می کند و آن اینکه، علی رغم اینکه معمولاً کروماتینی که در آن H5 به عنوان هیستون رابط وجود دارد متراکم بوده و عمدتاً حاوی ژنهای خاموش است، ولی حضور ترکیبات و عوامل مختلفی همچون آسپیرین نیز می تواند موجب کاهش میانکنش و احتمالاً تحریک و شروع بیان ژنها شود.

نتیجه گیری

در این تحقیق بر اساس روش اصلاح شده‌ای که از ادغام چند روش به دست آمد، هیستون H5 با بازده نسبتاً خوبی به صورت خالص تولید شد. همچنین نشان داده شد که آسپیرین به عنوان یک استیله کننده می تواند موجب استیله شدن هیستون H5 شود و از این طریق بر میانکنش آن با DNA اثر بگذارد و این میانکنش را تضعیف کند.

تشکر و قدردانی

بدینوسیله از حوزه معاونت پژوهشی دانشگاه تربیت مدرس و دانشکده علوم پزشکی که هزینه این تحقیق را تأمین نمود، تشکر و قدردانی می شود. همچنین از آقای دکتر حمید رضا ظهیری فرد که در تهیه خون جوجه همکاری فراوانی نمودند، تشکر می گردد

با DNA برای میانکنش با لیزین‌ها نیست و توانایی جدا کردن کامل کمپلکس H5-DNA را ندارد. مطالعه قبلی مانشان داده بود که SDS به طور کامل و در غلظت‌ها بسیار پائین می تواند موجب تفکیک کامل کمپلکس H1-DNA بشود [۴۳].

نتایج این بررسی در تطابق کامل با مطالعه قبلی ما در مورد هیستون H1 است، با این تفاوت که کاهش در میانکنش این پروتئین با DNA پس از استیله شدن توسط آسپیرین یا انیدرید استیک به مراتب بیشتر از تغییرات مشاهده شده در مورد هیستون H5 است [۴۶]. به طور کلی می توان گفت که چون هیستون‌های رابط در متراکم شدن ساختمان کروماتین نقش اساسی دارند و در مرحله تراکم زدایی، هیستون‌های رابط به طور کامل تخلیه نمی‌شوند بلکه قدرت میانکنش آنها با DNA کم می‌شود [۱۳]، بنابراین H5-DNA تشكیل کمپلکس H5- DNA تا ۲/۵٪ در میزان تشكیل کمپلکس در حضور آسپیرین می تواند در فرآیند رونویسی و بیان ژنها اهمیت زیادی داشته باشد. از طرفی محل سنتز هیستون H5 در سیتوپلاسم سلول است [۹]، بنابراین در حالت طبیعی می توان انتظار داشت که هیستون استیله شده به هسته وارد و با DNA میانکنش بدهد. بنابراین کاهش ۴/۵٪ در این میانکنش نیز احتمال قابل توجهی است. استیله شدن هیستون

منابع

- [1] Giradet, J.L., Casas, M.T., Cornudella, L., Gorka, C., Lawrence, J.J., Mura, C.V., Conformational effects of histones H1 on DNA structure comparative study between H1-1, H1°, H5 and sperm holothuria *φ* °, *Biophys. Chem.*, 31 (1988) 275-86.
- [2] Zlatanova, J., van Hold, K., The linker histones and chromatin structure: New twists, *Prog. in Nucl. Acids Res. Mol. Biol.*, 52 (1996) 217-57.
- [3] Kumar, N.M., Walker, I.O., The binding of histones H1 and H5 to chromatin in chicken erythrocyte nuclei, *Nucl. Acids Res.*, 8 (1980) 3535-51.
- [4] Elgin, S.C.R. and Weintraub, H. Chromosomal proteins and chromatin structure, *Ann. Rev. Biochem.*, 44 (1975) 725-75.
- [5] Coles, L.S., Wells, R.E., An H1 histone gene-

- specific 5 elements and evolution of H1 and H5 genes, *Nucl. Aids Res.*, 13 (1995) 585-594.
- [6] Kasinsky, H.E., Lewis, J., Dack, J.B., Ausio, J., Origins of H1 linker histones, *FASEB J.*, 15 (2001) 34-42.
- [7] Stedman, E., Stedman, E., *Nature* 166: 780-81, 1950 (cited in Ref 4).
- [8] Shanon, M.F., Wells, J.R.E., Characterization of the six chicken histone H1 proteins and alignment with their respective genes, *J. Biol. Chem.*, 262 (1987) 9664-68.
- [9] Bergman, M.G., Wawra, E., Winge, M., Chicken histone H5 inhibits transcription and replication when introduced into proliferating cells by microinjection, *J. Cell Sci.*, 91 (1988) 201-209.
- [10] Garcia-Ramirez, M., Rocchini, C., Ausio, J., Modulation of chromatin folding by histone acetylation, *J. Biol. Chem.*, 270 (1995) 17923-28.
- [11] Hallupp, M., Buck, F., Stratling, W.H., Structural analysis of purified histone H5 and of H5 in nuclei by limited proteolysis, *Biochem. J.*, 282 (1992) 435-41.
- [12] Robinson, C.C., Danby, S.E., Bradbury, M., Garel, A., Kovacs, A.M., Champagne, M., Daune, M., Structural studies of chicken erythrocyte histone H5, *Eur. J. Biochem.*, 7 (1976) 379-88.
- [13] Yao, J., Lowary, P.T., Widom, J., Linker DNA binding induced by the core histones of chromatin, *Biochem.*, 30 (1991) 8408-18.
- [14] Michlska, E.G., Palyga, J., Lubon, H., Kowalski, A., Cywabenko, K., Genetic variants of chicken erythrocyte histone H5, *Biochem. Mol. Biol. Int.*, 44 (1998) 605-15.
- [15] Pauls, J.D., Silverman E., Laxer R.M., Fritzler M.J., Antibodies to histones H1 and H5 in sera of patients with juvenile rheumatoid arthritis, *Arthritis and Rheumatism*, 32 (1989) 877-83.
- [16] Kleine, T.J., Lewis, P.N., Lewis, S.A., Histone-induced damage of a mammalian epithelium: the role of protein and membrane structure, *Am. Phys. Soci.*, (1997) C1925-C1936.
- [17] Sung, M.T., Dixon, G.H., Modification of histones during spermiogenesis in Trout: A molecular mechanism for altering histone binding to DNA, *Proc. Natl. Acad. Sci. USA*, 67 (1970) 1616-23.
- [18] Isenberg, I., Histones, *Ann. Rev. Biochem.*, 48 (1979) 159-91.
- [19] Bang, E., Lee, C.H., Yoon, J.B., Chung, J., Lee, D.W., Lee, W., NMR studies on the N-terminal acetylation domain of histone H4, *Bull. Korean Chem. Soc.*, 22 (2001) 507-13.
- [20] Frado, L.L.Y., Mura, C.V., Stollar, B.D., Woodcock, C.L.F., Mapping of histone H5 sites on nucleosomes using immunoelectron microscopy, *J. Biol. Chem.*, 258 (1983) 11984-90.
- [21] Garcia-Ramirez, M., Leuba, S.H., Ausio, J., One-step fractionation method for isolation H1 histones from chromatin under nondenaturing conditions, *Prot. Exp. Pur.*, 1 (1990) 40-44.
- [22] Herrera, J.E., West, K.L., Schiltz, R.L., Nakatani, Y., Bustin, M., Histone H1 is a specific repressor of histone acetylation in chromatin, *Mol. Cell Biol.*, 20 (2000) 523-29.
- [23] Wong, T.K., Marushige, K., Modification of histone binding in Calf thymus chromatin and in the chromatin-protamine complex by acetic anhydride, *Biochem.*, 15 (1976) 2041-46.
- [24] Eklou-Kalonji E., Andriamihaja M., Renaud P., Mayeur C., Camous S., Robert V., Charpigny G., Blachier F., Prostaglandin-independent effects of aspirin on cell cycle and putrescine synthesis in human colon carcinoma cells. Can. *J. Physiol. Pharmacol.*, 81(5): 443-50, 2003.
- [25] Klotz, I.M., Tam, J.W.O., Acetylation of sickle cell hemoglobin by aspirin, *Proc. Natl. Acad. Sci. USA*, 70 (1973) 1313-15.
- [26] Xu, A.S.L., McDonald, J.M., Labotka, R., London, R.E., NMR study of the sites of human hemoglobin acetylated by aspirin,

- Biochim. Biophys. Acta*, 1432 (1999) 333-49.
- [27] Xu, A.S.L., Ohba, Y., Vide, L., Labotka, R., London, R.E., Aspirin acetylation of β Lys-82 of human hemoglobin, *Biochem. Pharm.*, 60 (2000) 917-22.
- [28] Qin, W., Smith, J.B., Smith, D.L., Reaction of aspirin with cysteinyl residues of γ -crystallin: a mechanism for the proposed anti-cataract effect of aspirin, *Biochim. et Biophys. Acta*, 1181 (1993) 103-110.
- [29] www.aspirin.com/milestone/woa_milestones_content0.htm
- [30] Viljoen, T.C., van Aswegen, C.H., Du plessis, D.J., Influence of Acetyl Salicylic Acid and metabolite on Du-145 prostatic cancer cell proliferation. *Oncology*, 52 (1995) 6-69.
- [31] Allen, J., Mitchell, T., Harborne, N., Roles of histone H1 domains in determining higher order chromatin structure and H1 location, *J. Mol. Biol.*, 187 (1986) 591-601.
- [32] Bavikyn, B.G., Usachenko, S.I., Zalensky, A.O., Mirzabekov, A.D., Structure of nucleosome and organization of internucleosomal DNA in chromatin, *J. Mol. Biol.*, 212 (1990) 495-511.
- [33] Bradbury, E.M., Danby, S.E., Rattle, H.W.E., Giancotti, V., Studies on the role and mode of operation of the Very-Lysine-Rich histone H1 (F1) in eukaryote chromatin. Histone H1 in chromatin and H1-DNA complexes, *Eur. J. Biochem.*, 57 (1975) 97-105.
- [34] Fiel, R.J., Porphyrin-nucleic acid interaction, *Ann. Rev. Biomol. Struct. Dynam.*, 6 (1989) 1259-1275.
- [35] Bathaie, S.Z., Moosavi-Movahedi, A.A., Saboury, A.A., Energetic and binding properties of DNA upon interaction with dodecyl trimethylammonium bromide, *Nucl. Acids Res.*, 27 (1999) 1001-5.
- [36] Aktipis, S., Martz, W.W., Kindelis, A. Thermal denaturation of the DNA-Ethidium complex: Redistribution of the intercalated dye during melting, *Biochem.*, 14 (1975) 326-331.
- [37] Buche, A., Colson, P., Houssiev, C., Effect of organic effectors on chromatin solubility, DNA-histone H1 structure, *J. Biomol. Struct. Dynam.*, 11 (1993) 95-119.
- [38] Murray, K., The stepwise removal of histones from chicken erythrocyte nucleoprotein, *Biochem. J.* 107 (1963) 207-15.
- [39] Srebreva, L., Zlatanova, J., A rapid and convenient method for the purification of chicken erythrocyte histone H5, *J. Biochem. Biophys. Methods*, 8 (1993) 85-86.
- [40] Johns, E.W., Diggle, J.H., A method for the large scale preparation of the avian erythrocyte specific histone F2C, *Eur. J. Biochem.*, 11 (1969) 495-98.
- [41] Libertini, L.J., Small, E.W., Salt induced transitions of chromatin core particles studied by tyrosine fluorescence anisotropy, *Nucl. Acids Res.*, 8 (1980) 3517-52.
- [42] Jordano, J., Barbero, J.L., Montero, F., and Franco, L., Fluorescence of histone H1,

- J. Biol. Chem.*, 258 (1983) 315-320.
- [43] Bathaie S.Z., Moosavi-Movahedi A.A., Ranjbar B. and Saboury A.A.. A Mechanistic Study on H1-DNA complex dissociation by sodium n-Dodecyl sulfate. *Colloid and Surfaces. B: Biointerfaces*, 28 (2003) 17-25.
- [44] Bathaie, S.Z., *Study on H1-DNA interaction under the effect of Hofmeister anions*, Project Report, Tarbiat Modarres University, 2002, Tehran.
- [45] Magdassi, S., and Toledano, O., Enhanced hydrophobicity. In: S. Magdassi (Ed.) *Surface activity of proteins*, Marcel Dekker inc., New York, 1996, pp. 39-51.
- [46] Saadatmand-Zadeh, M., Bathaie, S. Z., Sabouni, F. and Moosavi-Movahedi, A.A. A study on the effect of aspirin on histone H1 structure and H1-DNA interaction, (2004) Submitted.