

Frequency of human papilloma virus genotypes among woman with genital lesions, in Sanandaj, Iran

Hajibagheri K., MD¹, Abaszade A., MD², Afrasiabian Sh ., MD³, Verdi F., MD⁴, Roshani D., PhD⁵, Abdi F., Medical Student⁶, Mohsenpour B ., MD⁷

1. Assistant Professor , Department of infectious disease, Faculty of Medicine, Kurdistan University of Medical Sciences, Sanandaj, Iran

2. Specialist in Infectious Disease, Department of Infectious Disease, Faculty of Medicine, Kurdistan University of Medical Sciences, Sanandaj, Iran

3. Associate Professor, Department of infectious disease, Faculty of Medicine, Kurdistan University of Medical Sciences, Sanandaj, Iran.

4. Dr Verdi's medical laboratory, Sanandaj, Iran.

5. Associate Professor , Department of Epidemiology and Biostatics, Faculty of Medicine, Kurdistan University of Medical Sciences, Sanandaj, Iran

6. Medical Student, Student Reaserch Committee, Kurdistan University of Medical Sciences, sanandaj, Iran

7. Associate Professor , Department of infectious disease, Faculty of Medicine, Kurdistan University of Medical Sciences, Sanandaj, Iran , Tel:+98-87-33664958, behzadmohsenpour@yahoo.com

ABSTRACT

Background and Aim: Genital wart is the most common sexually transmitted infection and its role in cervical cancer has been confirmed. The aim of this study was to determine the presence of human papillomavirus (HPV) and the frequency of its genotypes in the patients with genital lesions referring to the clinics in Sanandaj, Iran.

Material and Method: This descriptive analytical study included 50 women with genital lesions referring to the clinics in Sanandaj City from February 2016 to February 2017. Biopsy samples were examined for four genotypes (HPV 16, 18 (high risk) and HPV 11, 6 (Low risk)) by PCR. Demographic information and risk factors were recorded in a questionnaire for every patient. Using spss v.20 software, data were analyzed by descriptive statistics. Fischer test was used to investigate the relationship between the risk factors and HPV infection.

Results: The results showed that 28 cases (56%) were HPV positive. Among the four genotypes of HPV, HPV 6 was the most frequent (32%), followed by the types of 18 (12%), 16 (6%) and 11 (2%). Co-infection of HPV-16 and 18 were found in 2 cases (7.1%).The mean age of the patients with HPV infection was 34.07 ± 8.7 years and the mean age of the first sexual contact was 21.22 ± 4.8 years. No significant association was found between the risk factors and HPV infection ($P > 0.05$).

Conclusion: Considering the high prevalence of HPV infection and its asymptomatic course in many cases, early detection and treatment of the genital warts, especially HPV16 and 18, can lead to prevention of cervical cancer.

Keywords: Human papillomavirus, Genotype, Genital lesion, PCR

Received: Feb 5, 2018

Accepted: July 23, 2018

بررسی فراوانی ویروس پاپیلومای انسانی (HPV) و ژنوتیپ های آن در زنان مبتلا به

ضایعات ژنتال در شهرستان سنندج

کتابیون حاجی باقری^۱، عاصفه عباس زاده^۲، شهلا افراصیابیان^۳، فرزانه وردی^۴، فرید عبدی^۵، بهزاد محسن پور^۶

۱. استادیار، گروه بیماری های عفونی، دانشگاه علوم پزشکی کردستان، سنندج، ایران.

۲. متخصص بیماریهای عفونی، گروه بیماری های عفونی، دانشگاه علوم پزشکی کردستان، سنندج، ایران.

۳. دانشیار، گروه بیماری های عفونی، دانشگاه علوم پزشکی کردستان، سنندج، ایران.

۴. دکترای علوم آزمایشگاهی، آزمایشگاه تشخیص طی دکتر وردی، سنندج، ایران

۵. دانشیار، گروه آمار و اپیدمیولوژی، دانشگاه علوم پزشکی کردستان، سنندج، ایران.

۶. دانشجوی پزشکی، کمیته تحقیقات دانشجویی، دانشگاه علوم پزشکی کردستان، سنندج، ایران.

۷. دانشیار، گروه بیماری های عفونی، دانشگاه علوم پزشکی کردستان، سنندج، ایران. تلفن ثابت: ۰۸۷-۳۳۶۶۴۹۵۸
behzadmoisenpour@yahoo.com

چکیده:

زمینه و هدف: ویروس پاپیلومای انسانی (HPV) عامل یکی از شایعترین عفونتها و ویروسی منتقله از راه جنسی است که نقش ان در ابتلا به سرطان دهانه رحم به اثبات رسیده است. هدف از این مطالعه تعیین حضور ویروس پاپیلومای انسانی و بررسی فراوانی ژنوتیپ های آن در مبتلایان به ضایعات ژنتال در زنان مراجعه کننده به کلینیک زنان شهر سنندج میباشد.

روش بررسی: مطالعه حاضر، یک مطالعه توصیفی - تحلیلی بود که در ان از ضایعات ژنتال ۵۰ نفر از زنان مراجعه کننده به کلینیکهای شهرستان سنندج از تاریخ بهمن ۱۳۹۴ لغایت بهمن ۱۳۹۵ نمونه برداری انجام و به بخش مولکولی آزمایشگاه ارسال شدند و با استفاده از روش PCR از نظر حضور HPV و تعیین چهار ژنوتیپ ۱۸, ۱۶, ۱۱ (بر خطر) و ۶ (کم خطر) مورد بررسی قرار گرفتند. همزمان با تهیه نمونه از بیماران با تکمیل پرسشنامه ای که از قبل تهیه شده بود اطلاعات دموگرافیک و ریسک فاکتورها ثبت شد. داده ها توسط نرم افزار SPSS و با استفاده از آمار توصیفی آنالیز شدند و جهت بررسی ارتباط ریسک فاکتورها با عفونت HPV از تست فیشر استفاده شد.

یافته ها: نتایج نشان داد در ۵۶٪ نمونه های مورد مطالعه ژنوم HPV شناسایی گردید. فراوانی ژنوتیپهای حاضر در کل نمونه ها شامل ۳۲٪، ۱۲٪، ۶٪ و ۲٪ به ترتیب برای ژنوتیپ های ۶، ۱۸، ۱۶ و ۱۱ بودند. عفونت توام تیپ های ۱۶ و ۱۸ در ۴٪ از نمونه ها دیده شد. همچنین میانگین سنی افراد مثبت HPV ۳۴.۰۷±۸.۷ سال و میانگین سن اولين تماس جنسی ۲۱.۲۲±۴.۸ سال بوده است. بین ریسک فاکتورهای بررسی شده با عفونت HPV ارتباط معنی دار اماری مشاهده نشد ($P > 0.05$).

نتیجه گیری: از آنجا که عفونت با این ویروس گاهی عالمی ندارد و با توجه به شیوع بالای آن در این مطالعه و سایر مطالعات تشخیص به موقع بخصوص ژنوتیپ های ۱۶ و ۱۸ و درمان سریع آن می تواند از تبدیل این زخم ها به مشکلات پیشرفته مانند سرطان جلوگیری نماید.

کلید واژه: ویروس پاپیلومای انسانی، ژنوتیپ، ضایعات ژنتال، واکنش زنجیرهای پلیمراز

وصول مقاله: ۹۶/۱۱/۱۶ اصلاحیه نهایی: ۹۷/۴/۱۰ پذیرش: ۹۷/۵/۱

نرمال قرار دارند احتمال ابتلا به بدیخیمی در انها بیشتر است(۱۴).

بنابراین جهت شناسایی بیمارانی که در خطر پیدا شیش ضایعات بدیخیم تناولی هستند، تعیین ژنوتیپ HPV در نمونه های بافتی میتواند ارزشمند باشد(۱۵). ژنوتیپ ۱۶ به عنوان شایعترین تیپ ویروس پاپیلومای انسانی در سراسر جهان شناخته شده است(۱۶). با این حال توزیع انواع تیپ های دیگر ویروس در جوامع مختلف متفاوت گزارش شده است(۱).

در ایران نیز آمار رسمی در این زمینه وجود ندارد و نتایج بدست آمده از مطالعات انجام گرفته نیز تفاوت قابل توجهی با هم دارند. با توجه به شیوع بالای ضایعات ژنیتال و اینکه اطلاعات کافی از شیوع و فروانی ژنوتیپ های ویروس پاپیلوم انسانی در زنان در شهر سنتدج وجود ندارد این مطالعه با هدف تعیین فراوانی ویروس پاپیلومای انسانی (HPV) و ژنوتیپ های ان در زنان مبتلا به ضایعات ژنیتال در شهرستان سنتدج انجام گرفت.

روش بورسی

در یک مطالعه توصیفی- تحلیلی که در شهرستان سنتدج از تاریخ بهمن ۱۳۹۴ لغایت بهمن ۱۳۹۵ انجام شد، زنانی که بدليل وجود ضایعات ژنیتال به کلینیک زنان بیمارستانهای اموزشی مراجعه میکردند تحت بررسی قرار گرفتند. روش نمونه گیری به صورت سرشاری انجام شد. ابتدا چک لیستی که شامل اطلاعات دموگرافیک بیمار، سن اولین تماس جنسی، روش پیشگیری از بارداری، سابقه مصرف داروهای کورتون، مصرف سیگار، شغل و سابقه بیماریهای امیزشی در همسر بود توسط کادر درمان تکمیل گردید، سپس نمونه برداری از ضایعات بوسیله متخصص زنان در Standard شرایط استریل گرفته شده و در محیط Transport Medium به بخش ملکولی ازمایشگاه ارسال گردید.

مقدمه

سرطان سرویکس چهارمین سرطان شایع در بین کل زنان و دومین سرطان شایع زنان در سنین ۱۵ تا ۴۴ سالگی در جهان است. برآوردهای اخیر نشان می دهد که سالانه ۵۲۷,۶۷۴ زن به سرطان سرویکس مبتلا شده و ۲۶۵,۶۷۲ نفر از این بیماری می میرند که سهم کشورهای کمتر توسعه یافته خیلی بیشتر است(۱). ویروس پاپیلومای انسانی (HPV) عامل یکی از شایعترین عفونتها و ویروسی منتقله از راه جنسی است که نقش ان در ابتلا به سرطان دهانه رحم به اثبات رسیده است(۲و۱). میزان بروز سرطان سرویکس ناشی از HPV در بین کشورهای مختلف آسیا به ازای هر ۱۰۰۰۰ نفر زن از ۲ درصد در فلسطین تا ۲۹.۴ درصد در قزاقستان متغیر است. در ایران این میزان ۲.۸ درصد براورد شده است(۲).

بیشتر از ۲۰۰ نوع مختلف از این ویروس شناسایی شده که به گروه های کم خطر و پر خطر تقسیم میشوند(۳و۴). شایعترین ژنوتیپ های کم خطر ویروس پاپیلومای انسانی تیپ های ۶ و ۱۱ هستند که اغلب منجر به ایجاد ضایعات خوش خیم مانند زگیل های تناولی و ضایعات پیش سرطانی با درجه تمایز کم میشوند(۶و۵). انواع پر خطر HPV از جمله تیپ های ۱۶ و ۱۸ به عنوان شایعترین علل ایجاد سرطان سرویکس و دیگر سرطان های انوژنیتال مطرح میباشند(۷).

بیشتر عفونت های HPV موقت و بدون علامت هستند و به صورت خودبخود بهبود می یابند(۸) و تنها نسبت کمی از این عفونتها باقی مانده که منجر به نوپلاسمی های داخلی اپیتیلیالی سرویکس و سرطانهای مهاجم میشود(۱۱-۹). تیپ های ۱۶ و ۱۸ HPV مسئول ۷۰ از موارد سرطان دهانه رحم در سراسر جهان هستند(۱۲). همچنین این دو تیپ ویروس علت بروز ۸۰٪ سرطان های واژن و ۹۲٪ سرطان های انال می باشند(۱۳). زنانیکه در معرض الودگی تیپ های ۱۶ و ۱۸ ویروس با یا بدون سیتوولوژی

یافته ها

در مطالعه انجام شده در بین ۵۰ نفر از زنان مورد بررسی با ضایعات ژنتیال حضور HPV در نمونه ۲۸ نفر (۵۶٪) از آنها مثبت گزارش شد. درمیان انها شایعترین ژنوتیپ در گیر تیپ ۶ با فراوانی (۳۲٪) ۱۶ مورد بود و سایر ژنوتیپ ها به ترتیب فراوانی شامل ۱۸، ۱۶ و ۱۱ بودند. عفونت چندگانه در دو نمونه مشاهده گردید که عفونت توأم ژنوتیپ های ۱۶ و ۱۸ بودند (جدول ۱).

همانطور که در جدول ۲ نشان داده شده است میانگین سنی در گروه HPV مثبت 34.07 ± 8.78 سال و میانگین سن اولین تماس جنسی در انها 21.22 ± 4.83 سال بوده است. در ۸۲٪ از انها ضایعه در خارج از واژن قرار داشت. همه انها متاهل (۹۶٪) و حدود نیمی از انها شغل همسرانشان کارمند (۵۳٪) بود.

در افراد HPV مثبت سابقه مصرف OCP، داروهای کورتونی، استعمال دخانیات و همچنین سابقه ابتلا به بیماریهای امیزشی در افراد و همسران انها به ترتیب ۱٪، ۵٪، ۲۵٪، ۴٪ و ۷۸٪ بود که فراوانی این ریسک فاکتورها در انها در مقایسه با افرادی که وجود HPV در نمونه گرفته شده از انها منفی گزارش شد، بیشتر بوده هر چند این اختلاف از نظر آماری معنی دار نشد ($P > 0.05$). (جدول ۲).

پس از استخراج DNA کنترل کیفی و بررسی کیفیت قطعات DNA جدا شده از نمونه ها با استفاده از روش PCR و جفت پرایمرهای (5-ACACAACTGTGTTCACTAGC-3) PCO4: (5-PCO3: CAAACTTCATCCACGTTCAC-3) قطعه ای از ژن B-Globin انسانی را تکثیر مینمایند، انجام شد (۱۷).

از نمونه های مثبت از نظر وجود ژن B-Globin جهت انجام HPV-PCR استفاده گردید. برای تعیین نوع ژنوتیپ از کیت های (Teb GEN Hayan Tehran Iran) که برای تعیین دو ژنوتیپ (high risk 16, 18 و low risk ۶, ۱۱) طراحی شده اند، طبق دستور شرکت سازنده استفاده گردید.

پرتوکل اجرای این طرح مورد تایید کمیته اخلاق دانشگاه علوم پزشکی کردستان بود. از کلیه بیماران جهت شرکت در مطالعه رضایتمنه اخذ شد و بر اساس معاهده هلسینکی تمام جنبه های حفاظت از اطلاعات شخصی شرکت کنندگان، توسط محققان مورد توجه قرار گرفت. داده های جمع آوری شده وارد نرم آوار spss (ویرایش ۲۰) گردید و با استفاده از روش های آماری توصیفی از جمله جداول توزیع فراوانی نتایج ارائه شدند. جهت بررسی ارتباط ریسک فاکتورها با عفونت HPV از تست فیشر و مقایسه میانگین سنی افراد HPV مثبت و منفی از تست تی استفاده شد.

جدول ۱: فراوانی ژنوتیپهای ویروس پاپیومای انسانی در ۵۰ نفر از زنان مبتلا به ضایعات ژنتیال

ژنوتیپ	تعداد (درصد)
N=۵۰	
HPV+	۲۸ (۵۶)
۶	۱۶ (۳۲)
۱۱	۱ (۲)
۱۶	۳ (۶)
۱۸	۶ (۱۲.۴)
۱۶، ۱۸	۲ (۴)

جدول ۲: توزیع فراوانی ویروس پاپیلومای انسانی بر حسب ریسک فاکتورهای کانسر سرویکس در زنان مبتلا به ضایعات ژنیتال مراجعه کننده به کلینیک زنان در شهرستان سنترج

Pvalue	HPV-	HPV+	متغیر
	تعداد(%)	تعداد (%)	
.۰/۶۵	۳۷/۸۵ ± ۱۰/۴۷	۳۴/۰۷ ± ۸/۷۸	میانگین سنی
.۰/۷۷	۲۲/۴۵ ± ۵/۲۲	۲۱/۲۲ ± ۴/۸۳	میانگین سن ازدواج
			وضعیت تا هل
	۲۰ (%۹۰/۹)	۲۸ (%۱۰۰)	متا هل
.۰/۱۸	۲ (%۹/۱)	۰ (%۰)	مجرد
			شغل همسر
	۸ (%۳۶/۳۶)	۱۵ (%۵۳/۶)	کارمند
	۴ (%۱۸/۱۸)	۷ (%۲۵)	کارگر
.۰/۱۹	۱۰ (%۴۵/۴۵)	۶ (%۲۱/۴)	ازاد
.۰/۳۳	۸ (%۳۶/۴)	۱۳ (%۴۶/۴)	سابقه بیماری امیزشی
			محل ضایعه
	۱ (%۴/۵)	۵ (%۱۷/۹)	داخل وازن
.۰/۱۶	۲۱ (%۹۵/۵)	۲۳ (%۸۲/۱)	خارج وازن
.۰/۵۶	۵ (%۲۲/۷)	۷ (%۲۵)	صرف سیگار
.۰/۱۷	۸ (%۳۶/۴)	۱۵ (%۵۳/۶)	سابقه مصرف کورتون
.۰/۱۹	۹ (%۴۰/۹)	۱۶ (%۵۷/۱)	صرف قرص ضد بارداری
.۰/۱۹	۱۳ (%۵۹/۱)	۲۲ (%۷۸/۶)	سابقه بیماریهای امیزشی در همسر

پلازی های اینترا اپیتیال می گردد. متاسفانه این سرطان در کشورهای در حال توسعه از شیوع بیشتری برخوردار است. در مطالعه حاضر وجود HPV در ۵۶ درصد از کل افراد مبتلا به ضایعات ژنیتال مثبت گزارش گردید.

بحث

ویروس پاپیلومای انسانی عامل اصلی سرطان دهانه رحم می باشد. عفونت پایدار با تیپ های پر خطر ویروس پاپیلومای انسانی به مدت طولانی منجر به سرطان دهانه رحم و نشو

با دیگر مطالعات انجام شده همخوانی دارد(۲۷-۲۹). مطالعات اپیدمیولوژیک مهم ترین عوامل خطر برای ایجاد سرطان دهانه رحم ناشی از عفونت HPV را سن پایین بهنگام اولین مقاربت، وجود شرکای جنسی متعدد و تعدد مقاربت می دانند و دیگر عوامل ذکر شده شامل تعداد بارداری ها، پیدایش اولین بارداری در سنین پایین و قبل از ۱۸ سالگی، تماس جنسی با مردان پرخطر (مردانی که با زنان متعدد تماس جنسی دارند)، مصرف طولانی مدت قرص های ضد بارداری خوراکی، کشیدن سیگار، وضعیت اجتماعی و اقتصادی پایین، عدم رعایت بهداشت تناسلی و مصرف داروهای کاهش دهنده سیستم ایمنی میباشد(۱). در مطالعه ما سابقه مصرف OCP، داروهای کورتونی، استعمال دخانیات و همچنین سابقه ابتلا به بیماریهای امیزشی در افراد و همسران انها در افراد HPV مثبت نسبت به افرادی که وجود HPV در نمونه گرفته شده از انها منفی گزارش شد، بیشتر بود هر چند این اختلاف از نظر آماری معنی دار نشد.

نتیجه گیری

در مطالعه حاضر ۵۶ درصد افراد HPV مثبت بوده اند. از آنجا که عفونت با این ویروس گاهی علامتی ندارد و با توجه به شیوع بالای آن در این مطالعه و سایر مطالعات، تشخیص به موقع به خصوص ژنوتیپ های ۱۸ و ۱۶ و درمان سریع آن می تواند از تبدیل این زخم ها به مشکلات پیشرفتی مانند سرطان جلوگیری نماید. همچنین توجه به عوامل زمینه ساز مانند سن ازدواج، مصرف قرص های ضد بارداری مصرف سیگار و کنترل این عوامل در بروز مشکلات و تبدیل به خطرات و مشکلات پیشرفتی جلوگیری نمود.

در مطالعات دیگری که در ایران انجام شده شیوع HPV در بین زنان با سیتوولوژی نرمال سرویکس ۰/۶ تا ۳۲/۵ درصد گزارش شده است (۱۸-۲۴). بالا بودن میزان این آمار در مطالعه ما نسبت به آمارهای دیگر مطالعات شاید به این علت باشد که افراد مراجعه کننده همگی مشکوک به ابتلا بودند در صورتی که در دیگر بررسی های انجام شده افراد به صورت غربالگری و یا در صورت نرمال بودن جواب پاپ اسمیر انتخاب شده اند.

فراوانی ژنوتیپ های ۶، ۱۱، ۱۶ و ۱۸ در بین زنان بررسی شده در این مطالعه به ترتیب تیپ ۳۲٪، ۲٪ و ۱۲٪ بودند. دربررسی مطالعات مشابه که در شهرهای مختلف ایران انجام شده نیز میزان شیوع HPV تیپ ۶ و ۱۱ در بین زنان ۳ تا ۶ درصد، تیپ ۱۶ حدود ۲/۱ تا ۲۴ درصد و تیپ ۱۸ حدود ۰/۲ تا ۱۰ درصد گزارش شده است (۲۲-۲۶). بنابراین در مطالعه ما شیوع ژنوتیپ های ۶ و ۱۸ در مقایسه با شهر های دیگر بیشتر میباشد.

طبق آخرین اطلاعات منتشر شده در سال ۲۰۱۷ میلادی، میزان شیوع تیپ های کم خطر ۶ و ۱۱ و پرخطر ۱۶، ۱۸ HPV در بین زنان دنیا با سیتوولوژی نرمال به ترتیب ۱/۲٪، ۶/۶٪، ۲/۳٪ و ۰/۵٪، ضایعات سرویکس با درجه پایین ۶/۶٪، ۲/۹٪، ۱۹/۳٪ و ۶/۵٪، ضایعات سرویکس با درجه بالا ۲/۳٪، ۱/۳٪، ۴۵/۱٪ و ۶/۸٪ و در افراد مبتلا به کانسر سرویکس ۰/۵٪، ۰/۴٪، ۴۵/۱٪ و ۱۴/۲٪ گزارش شده است(۱) که بیانگر بالا بودن میزان شیوع تیپ ۶ و ۱۱ در افراد مبتلا به ضایعات سرویکس با درجه پایین و نیز ارتباط قوی شیوع تیپ های ۱۶ و ۱۸ با کانسر سرویکس میباشد. نتایج این مطالعه نشان داد افراد HPV مثبت از میانگین سنی کمتری برخوردار بوده و همچنین میانگین سن اولین تماس جنسی افراد HPV مثبت پایینتر میباشد که این نتایج

تشکر و قدردانی

این مقاله حاصل پایان نامه مقطع دکترای حرفه ای پزشکی
مصوب معاونت پژوهشی دانشگاه علوم پزشکی کردستان
میباشد.

Reference

- 1.Bruni L, Barrionuevo-Rosas L, Albero G, Serrano B, Mena M, Gómez D, et al. ICO/IARC Information Centre on HPV and Cancer (HPV Information Centre). Human Papillomavirus and Related Diseases in the World. Summary Report 27 July 2017. [Date Accessed].
- 2.Ferlay J, Soerjomataram I, Ervik M, Dikshit R, Eser S, Mathers C, et al. Cancer Incidence and Mortality Worldwide: IARC Cancer Base. [serial online] 2013. Available from: <http://globocan.iarc.fr>.
- 3.Skerlev M, Grce M, Sirotkoviæ-Skerlev M, Husnjak K, Lipozen i J. Human papillomavirus male genital infections: clinical variations and the significance of DNA typing. *Clin Dermatol* 2002; 20: 173–8
- 4.Clavel C, Masure M, Bory JP, Putaud I, Mangeonjean C, Lorenzato M, et al. Human papillomavirus testing in primary screening for the detection of high-grade cervical lesions: a study of 7932 women. *Br J Cancer* 2001; 84: 1616–23.
- 5.Walboomers JM, Jacobs MV, Manos MM, Bosch FX, Kummer JA, Shah KV, et al. Human papillomavirus is a necessary cause of invasive cervical cancer worldwide. *J Pathol* 1999; 189: 12–9.
6. Munoz N, Bosch FX, de Sanjose S, Herrero R, Castellsague X, Shah KV, et al. Epidemiologic classification of human papillomavirus types associated with cervical cancer. *N Engl J Med* 2003; 348: 518–27.
7. Roush SW, McIntyre L, Baldy LM. Manual for the surveillance of vaccine-preventable diseases. Atlanta: Centers for Disease Control and Prevention 2008: 4.
- 8.Steben M, Duarte-Franco E. Human papillomavirus infection: epidemiology and pathophysiology. *Gynecol Oncol* 2007;107:S2-S5
9. Bosch FX, Lorincz A, Muñoz N, Meijer CJ, Shah KV. The causal relation between human papillomavirus and cervical cancer. *J Clin Pathol* 2002; 55: 244-65.
- 10.Parkin DM, Bray F. The burden of HPV-related cancers. *Vaccine* 2006 ; 24: S11-S25.
- 11.Giuliano AR, Nyitray AG, Kreimer AR, Pierce Campbell CM, Goodman MT, Sudenga SL, et al. EUROGIN 2014 roadmap: Differences in human papillomavirus infection natural history, transmission and human papillomavirus related cancer incidence by gender and anatomic site of infection. *Int J Oncol* 2015; 136: 2752-60.
- 12.Clifford G, Franceschi S, Diaz M, Munoz N, Villa LL. HPV type-distribution in women with and without cervical neoplastic diseases. *Vaccine* 2006; 21: 24:S26-S34
- 13.McCormack PL, Joura EA. Quadrivalent Human Papillomavirus (Types 6, 11, 16, 18) Recombinant. *Vaccine* (Gardasil). *Drugs* 2010; 70: 2449-74.
14. Das BC, Murthy NS, Sharma JK, Singh V, Sehgal A, Gopalkrishna V, et al. Human papillomavirus and cervical cancer in indian women. *Lancet* 1989; 334: 1271.
- 15.Arora R, Kumar A, Prusty BK, Kailash U, Batra S, Das BC. Prevalence of high-risk human papillomavirus (HR-HPV) types 16 and 18 in healthy women with cytologically negative Pap smear. *Eur J Obstet Gynecol Reprod Biol* 2005; 121: 104-9.
- 16.Bosch FX, Burchell AN, Schiffman M, Giuliano AR, de Sanjose S, Bruni L, et al. Epidemiology and natural history of human papillomavirus infections and type-specific implications in cervical neoplasia. *Vaccine* 2008; 26: 10-16.
- 17.Saiki RK, Gelfand DH, Stoffel S, Scharf SJ, Higuchi R, Horn GT, et al. Primer-directed enzymatic amplification of DNA with a thermostable DNA polymerase. *Science* 1988; 239: 487-91.

18. Eghbali S, Amirinejad R, Obeidi N, Mosadeghzadeh S, Vahdat K, Azizi F, et al . Oncogenic human papillomavirus genital infection in southern Iranian women: population-based study versus clinic-based data. Virol J 2012; 9: 194.
19. Shahramian I, Heidari Z, Mahmoudzadeh-Sagheb HR, Moradi A, Forghani F. Prevalence of HPV Infection and High Risk HPV Genotypes (16, 18), among Monogamous and Polygamous Women, In Zabol, Iran. Iranian J Public Health 2011; 40:113-21.
- 20.Zandi K, Eghbali SS, Hamkar R, Ahmadi S, Ramedani E, Deilami I, et al. Prevalence of various Human Papillomavirus (HPV) genotypes among women who subjected to routine Pap smear test in Bushehr city (south west of Iran) 2008-2009. Virol J 2010; 7: 65.
- 21.Jamali Zavarei M, Hamkar R, Ghobadi Dana V, Delforoosh M, Shojamoradi MH, Modarresi Gilani M. Prevalence of HPV infection and its association with cytological abnormalities of Pap smears in Tehran. Iranian J Publ Health 2008; 37: 101–06.
- 22.Khudakarami N, Clifford GM, Yavari P, Farzaneh F, Salehpour S, Broutet N, et al . Human papillomavirus infection in women with and without cervical cancer in Tehran, Iran. Int J Cancer 2012; 131: E156-61.
23. Moradi A, Bakhshandeh Nosrat S, Besharat S. Molecular Epidemiology of High-Risk Types of Human Papillomaviruses (16, 18) in Pap-Smear, the North East of Iran. Iran J Cancer Prev. 2011; 4(3): 135–140.
- 24.Safaei A, Khanlari M, Momtahan M, Monabati A, Robati M, Amooei S, et al . Prevalence of high-risk human papillomavirus types 16 and 18 in healthy women with cytologically negative pap smear in Iran. Indian J Pathol Microbiol 2010; 53: 681-5.
- 25.Ghaffari SR, Sabokbar T, Mollahajian H, Dastan J, Ramezan-zadeh F, Ensani F, et al. Prevalence of human papillomavirus genotypes in women with normal and abnormal cervical cytology in Iran. Asian Pac J Cancer Prev 2006; 7: 529-32.
- 26.Hamkar R, Azad TM, Mahmoodi M, Seyedirashti S, Severini A, Nategh R. Prevalence of human papillomavirus in Mazandaran Province, Islamic Republic of Iran. East Mediterr Health J 2002;8:805-11.
- 27.Dunne EF, Unger ER, Sternberg M, McQuillian G, Swan DC, Patel SS, et al. Prevalence of HPV infection among females in the United States. JAMA 2007; 297: 813–9.
- 28.Kahn JA, Lan D, Kahn RS. Sociodemographic factors associated with high-risk human papillomavirus infection. Obstet Gynecol 2007; 110: 87–95.
- 29.Manhart LE, Holmes KK, Koutsky LA, Wood TR, Kenney DL, Feng Q, et al. Human papillomavirus infection among sexually active young women in the United States: implications for developing a vaccination strategy. Sex Transm Dis 2006; 33: 502–8.