

Original Article

The Association between GNB3 Gene Polymorphism and Endurance Sports: A Systematic Review and Meta-analysis

Masoud Rahmati^{1*}, Narges Faramarziyan², Rahim Mirnasouri¹, Mostafa Bahrami³

- 1- Assistant Professor, Department of Physical Education and Sport Sciences, Faculty of Literature and Humanities, Lorestan University, Khoramabad, Iran
2- M.Sc., Department of Physical Education and Sport Sciences, Faculty of Literature and Humanities, Lorestan University, Khoramabad, Iran
3- Ph.D., Department of Physical Education and Sport Sciences, Faculty of Literature and Humanities, Lorestan University, Khoramabad, Iran

*Corresponding Address: Postal Code: 3715873514. Department of Physical Education and Sport Sciences, Faculty of Literature and Humanities, Lorestan University, Khoramabad, Iran
Email: Rahmati.mas@lu.ac.ir

Received: 15/Aug/2015, Accepted: 06/Oct/2015

Abstract

Objectives: Although several studies have examined the association between gene polymorphism GNB3 and endurance exercise, the results are inconsistent. This systematic review and meta-analysis aims to summarize the relationship between GNB3 C825T polymorphism and endurance exercise performance.

Methods: We searched all studies published until January 31, 2015 in databases PubMed, Google Scholar, Embase, Medline, Science Direct and SID. From ten studies of gene polymorphisms GNB3 and endurance exercise, we selected three studies for the meta-analysis.

Results: No significant association existed between GNB3 polymorphism and endurance exercise in the T versus C allelic model (OR: 1.127; 95% CI: 0.877, 1.448; P=0.349), TT versus CC additive model (OR: 1.316; 95% CI: 0.900, 1.924; P=0.157), TT + CT versus CC dominant model (OR: 1.098; 95% CI: 0.856, 1.408; P=0.464), and the TT versus CT + CC recessive model (OR: 0.520; 95% CI: 0.520, 1.111; P=0.157).

Conclusion: The results showed that the GNB3 gene polymorphism was not associated with improving the performance of elite athletes in endurance sports. However, further studies would be needed in different ethnicities.

Keywords: GNB3, Endurance sport, Meta-analysis, Polymorphism

Modares Journal of Medical Sciences: *Pathobiology*, Vol. 18 (2015-2016), No.3, Pages: 1-13

ارتباط بین پلیمور فیسیم ژن GNB3 و ورزش استقامتی: یک مرور سیستماتیک و متأنالیز

مسعود رحمتی^{*}، نرگس فرامرزیان^۱، رحیم میرنصری^۱، مصطفی بهرامی^۲

- ۱- استادیار، گروه تربیت بدنی و علوم ورزشی، دانشکده ادبیات و علوم انسانی، دانشگاه لرستان، خرم آباد، ایران
 - ۲- دانش آموخته کارشناسی ارشد، گروه تربیت بدنی و علوم ورزشی، دانشکده ادبیات و علوم انسانی، دانشگاه لرستان، خرم آباد، ایران
 - ۳- دانش آموخته دکتری تخصصی، گروه تربیت بدنی و علوم ورزشی، دانشکده ادبیات و علوم انسانی، دانشگاه لرستان، خرم آباد، ایران

*آدرس نویسنده مسئول: ایران، خرم آباد، کد پستی: ۳۷۱۵۸۷۳۵۱۴، دانشگاه لرستان، دانشکده ادبیات و علوم انسانی، گروه تربیت بدنی و علوم ورزشی
Email: Rahmati.mas@lu.ac.ir

Email: Rahmati.mas@lu.ac.ir

دریافت مقاله: ۹۴/۰۵/۲۴

۹۴/۰۷/۱۴ مقاله: پذیرش

حکله

هدف: اگر چه چندین مطالعه ارتباط بین پلی مورفیسم ژن GNB3 و ورزش استقامتی را بررسی کردند، اما نتایج به دست آمده از این مطالعات ضد و نقیض است. این مرور سیستماتیک و متابالیز با هدف جمع بندي ارتباط بین پلی مورفیسم ژن C825TGNB3 و ورزش استقامتی انجام شد.

مواد و روش‌ها: تمام مطالعات منتشر شده تا تاریخ ۳۱ فوریه ۲۰۱۵ با استفاده از بانک‌های اطلاعاتی Google scholar، PubMed، Embase، Medline، Science direct و SID جستجو شد از میان ۱۰ مطالعه‌ای که ارتباط پلی‌مورفیسم ژن GNB3 و وزرش، استقامتی، راگارش، کرد یوندن، مطالعه برای متالبیز انتخاب شد.

نتایج: تجزیه و تحلیل آماری هیچ ارتباط معنی داری را بین پالی مورفیسم زن 3 GNB و ورزش استقامتی در مدل آللی T vs C (OR= ۱/۱۱، CI= ۰/۹۰۰- ۰/۹۶۳) و OR= ۰/۴۲۸، CI= ۰/۸۶۳- ۱/۴۲۸، P= ۰/۴۱۴)، مدل جمعی TT vs CC (OR= ۱/۳۱۶، CI= ۰/۹۲۴- ۱/۹۲۴) و درصد و ۹۵ درصد و ۹۵ (P= ۰/۰۹۸)، مدل غالب TT+ CT vs CC (OR= ۱/۰۹۸، CI= ۰/۸۵۶- ۱/۴۰۸) و درصد و ۹۵ درصد و ۹۵ (P= ۰/۱۵۷)، مدل مغلوب TT vs CT+CC (OR= ۰/۷۶۰، CI= ۰/۵۲۰- ۱/۱۱) و درصد و ۹۵ (P= ۰/۱۵۷) نشان نداد.

نتیجه‌گیری: مطالعه حاضر نشان داد که پلی‌مورفیسم ژن GNB3 با بهبود عملکرد ورزشکاران نخجیه استقامتی در ارتباط نیست. با این حال به مطالعات پیشتری در نزد ادای مختصات نیاز است.

کلیدوازگان: پلی مورفیسم، ورزش استقامتی، زن GNB3، متاآنالیز

محله علوم پزشکی، مدرسه آسیب‌شناسی؛ بیست، ۹۵، ۱۸۵، شماره ۵، سالیانه ۱۳۹۴، صفحات: ۱-۱۳

مقدمة

ویژگی های بدنی مختلف استفاده می شود. برای مثال مشخص شده که تعدادی از زن ها با ویژگی های سرعت، توان و عملکرد استقامتی در ارتباط است [۲، ۳]. ورزشکاران ممکن است به طور ذاتی نسبت به عملکرد اختصاصی استعداد داشته باشند [۴]. مطالعات نشان م دهد توانایی ورزشکار توسط هر دو

ژنتیک ورزشی شاخه نسبتاً جدیدی از علم است که به طور رسمی در سال ۱۹۸۰ ظاهر شد [۱]. این شاخه با فیزیولوژی انسان و بیوشیمی در ارتباط است و در حال حاضر آزمون های ژنتیک مولکولی بر اساس تکنولوژی DNA به طور فعال در حوزه ژنتیک ورزشی، برای ارزیابی استعداد انسان به

پلیمورفیسم GNB3 و ورزش استقامتی

اگزون ۱۰ نوکلتوئید گوانین متصل به پروتئین β که زیر واحد G از G β 3 پروتئین‌ها را رمزگذاری می‌کند، توسط سیفرت (Siffert) و همکاران در سال ۱۹۹۸ توصیف شد [۲۰]. آلل 825T با جایگزینی اتصال ژن و تشکیل یک شکل کوتاه شده اما فعال زیر واحد β 3 و با افزایش فعالیت پروتئین G در ارتباط است. این پلیمورفیسم منجر به یک اتصال کوتاه شده ۹ (G β 3) می‌شود که در آن نوکلتوئیدهای ۶۲۰-۴۹۸ از اگزون ۹ حذف می‌شود. محصول GNB3 C825T، ۴۱ اسیدآmine کوچک‌تر از نوع آلل وحشی ۸۲۵C را تولید می‌کند [۲۰]. این پلیمورفیسم با اختلالات چند ژنی از جمله فشار خون در ارتباط است و به نظر می‌رسد که یک پیشنهاد برای توضیح تنوع انسان در فنوتیپ‌های ورزشی باشد [۲۱، ۲۲]. پلیمورفیسم GNB3 C825T یک نقش جزئی در ضربان قلب و تنظیم چاقی بدن در سیاه پوستان، به علاوه در پاسخ فشار خون استراحتی به تمرين استقاماتی در زنان سیاه پوست را بازي می‌کند [۲۳] و با VO_{2max} در غیر ورزشکاران در ارتباط است [۲۴]. اخيراً فراوانی بالاتری از ژنوتیپ TT در ورزشکاران نخبه استقاماتی اسرائیلی نسبت به دوندگان سرعت گزارش شده است [۲۵]. در حالی که در مطالعه‌ای دیگر، هیچ اختلافی در فراوانی ژنوتیپ و آلل در کشورهای اسرائیل و اسپانیا وجود نداشت [۲۶]. علاوه بر این؛ گزارش‌ها در خصوص اثر متقابل بین پلیمورفیسم C825TGNB3 و ورزش هوایی متناقض است [۲۷، ۲۸]. همچنین هیچ ارتباطی بین جایگاه پلیمورفیسم C825TGNB3 در ورزشکاران نخبه لهستانی وجود نداشت [۲۹]. به طور کلی، نتایج مطالعات بالا نشان می‌دهد که در برخی مطالعات وجود پلیمورفیسم GNB3 C825T با استقامات بدنی ورزشکاران همراه است و در برخی از مطالعات نیز نتایج متناقضی گزارش شده است. با توجه به این نتایج متناقض، در پژوهش حاضر با استفاده از روش متانالیز، ژنی که بر عملکرد استقاماتی تأثیر می‌گذارد و احتمال تبدیل شدن فرد به یک ورزشکار نخبه را افزایش می‌دهد بررسی شد.

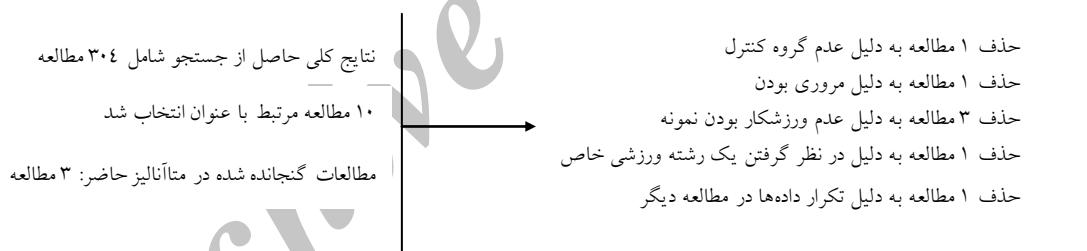
عوامل ژنتیکی و محیطی تعیین می‌شود [۵]. این موضوع محققین را بر آن داشته است تا به مطالعه عمیق نشانه‌ها و جایگاه‌های ژنتیکی مختلف در رابطه با عملکرد بدنی یا فنوتیپ‌های وابسته به سلامت پردازنند. سرانجام نتایج مطالعات انجام شده نشان‌دهنده آن بود که وراثت می‌تواند به میزان تقریباً ۶۶ درصد موقیت ورزشکار را پیش‌بینی کند [۶، ۷]. کارآیی (Maximal Oxygen Consumption) (VO_{2max}) دویلن، آستانه لاکتات (Lactate Threshold)، از اجزا کلیدی تعیین کننده عملکرد استقاماتی به شمار می‌رond [۸]. عملکرد ورزشکار در ورزش‌های استقاماتی تحت تأثیر عوامل متعددی نظیر تن سنجی، بیومکانیکی، فیزیولوژیکی، متابولیکی، رفتاری، روانی و اجتماعی قرار می‌گیرد. تأثیر عوامل محیطی بر عملکرد استقاماتی به درستی به اثبات رسیده است [۹]. به علاوه؛ مطالعات قبلی محققان حاضر نیز نشان داده است که ورزش و فعالیت بدنی قادر به تغییر در سطح بیان ژن‌های فرد نیز هست. برای مثال ژن‌هایی نظیر Cyclin-CDK5 KIF5B [۱۰]، Glycogen Synthase GSK3B، (Dependent Kinase 5 [۱۱، ۱۲]، Dynactin [۱۳] (Kinase-3 Beta KIF1B [۱۴] به سطوح مختلف فعالیت بدنی پاسخ داده است. این در حالی است که مطالعات انجام شده در این خصوص نشان‌گر اثر ژنتیکی در دامنه بین ۴۵-۲۵ درصد تا ۲۵ درصد برای پیش‌بینی VO_{2max} و ترکیب بدن بوده است [۱۵-۱۷]. اما با توجه به ماهیت پلی‌ژنیک فنوتیپ‌های عملکرد استقاماتی، تبیین جزء ژن گذاری این ویژگی‌ها توسط تنوع توالی DNA در تنها چند ژن غیر ممکن است. بنابراین این موضوع محققین را بر آن داشته است تا به شناسایی جایگاه‌های ژنتیکی متعدد و مرتبط با عملکرد استقاماتی پردازند [۱۸]. یک ژن کاندید، ژن Guanine Nucleotide Binding Protein Beta (GNB3) است. ژن GNB3 یکی از ۵ ژن رمزگذاری شده برای زیر واحد بتا از پروتئین G است که در ژنوم انسان شناسایی شده است [۱۹]. عملکرد پلیمورفیسم C825T [rs 5443] در

پایگاه اطلاعات علمی جهاد دانشگاهی کشور مطالعه‌ای یافت نشد. به همین دلیل کلیه مطالعات انجام شده به زبان انگلیسی که تا تاریخ ۳۱ فوریه ۲۰۱۵ به چاپ رسیده بود، بررسی شد.

معیار انتخاب مقالات

مقالات با ویژگی‌های زیر برای انجام متانالیز انتخاب شد:

- ۱) مقالات اصیل پژوهشی، ۲) مطالعاتی که ارتباط بین پلی‌مورفیسم ژن GNB3 و روزش استقامتی را در جمعیت بزرگسالان بررسی کرده بود؛ ۳) مطالعاتی که فراوانی آلل و ژنوتیپ را به طور مجزا برای افراد ورزشکار و گروه کترول گزارش کرده بود و ۴) مطالعاتی که پلی‌مورفیسم ژن GNB3 را به عنوان متغیر مستقل اصلی در نظر گرفته بود. از بین ۳۰۴ مقاله حاصل از جستجو، ۱۰ مطالعه مرتبط با عنوان برای ورود به مطالعه حاضر انتخاب شد.



شکل ۱ دیاگرام چگونگی انتخاب مقالات

برای انجام متانالیز در بخش ورزشی انتخاب شد (شکل ۱).

استخراج داده‌ها

اطلاعات مربوط به نام نویسنده اول مقاله، سال انتشار، کشور محل اجرای مطالعه، حجم نمونه، سن، جنس شرکت‌کنندگان، روش نمونه‌گیری، فراوانی آلل و ژنوتیپ از گروه‌های کترول و نمونه، روش اندازه‌گیری پلی‌مورفیسم ژن GNB3 از مقالات استخراج شد (جداول ۱ و ۲). مقالات به چاپ رسیده از اینون

مواد و روش‌ها

روش جستجوی مقالات

در این بررسی جستجو در پایگاه‌های داده‌های Embase با Google Scholar، Science direct، PubMed، Medline هدف یافتن منابع مرتبط انجام شد. برای یافتن مقالات منتشر شده در مجلات پژوهشی کشور، پایگاه اطلاعات علمی جهاد دانشگاهی (Scientific Information Database: SID) بررسی شد. فهرست منابع مورد استفاده در تمامی مقالات و گزارش‌های مرتبطی که در جستجوی الکترونیک فوق یافت شد، به شکل دستی ارزیابی شد تا سایر منابع احتمالی نیز پیدا شو. کلید واژه‌های مورد استفاده برای جستجوی منابع از پایگاه عناوین موضوعی پزشکی MESH انتخاب شد و عبارت بود از: "GNB3" در ترکیب با "mutation" یا "polymorphism" یا "variant" و در ترکیب با "endurance sport". از جستجو در

معیار خروج مقالات

مطالعات انتخاب شده به صورت دقیق‌تر بررسی شد. مطالعاتی که به صورت مروری انجام شده بود [۳۰] یا نمونه آن‌ها از بین ورزشکاران انتخاب نشده بود [۲۲، ۲۴] یا این که نمونه آن‌ها از بین یک ورزش خاص انتخاب شده بود [۳۱] و همچنین تکرار مطالعاتی که با داده‌های قبلی صورت گرفته بود [۳۲] از متانالیز حذف شد. در نهایت ۳ مطالعه که نمونه آن‌ها از ورزشکاران نخبه استقامتی استفاده شده بود [۲۹، ۲۶، ۲۵]،

پلیمورفیسم GNB3 و ورزش استقامتی

فراروانی آلل و ژنوتیپ را به صورت کلی گزارش شده است. به همین دلیل در این مطالعه فراروانی آلل و ژنوتیپ به طور کلی برای هر دو جنس در نظر گرفته شد.

(Eynon) و همکاران [۲۵] و سوزاک (Sawczuk) و همکاران [۲۹] فراروانی آلل و ژنوتیپ را به صورت مجزا برای زنان و مردان بررسی کرده‌اند. اما در مطالعه رویز (Ruiz) و همکاران [۲۶]

جدول ۱ اطلاعات استخراج شده از مطالعات

شماره	نویسنده اول مقاله	سال	نوع مطالعه	حجم نمونه	سن	کشور مورد مطالعه	مجموعت مطالعه	نمونه مورد آزمایش	روش اندازه‌گیری
۱	ایون [۲۵]	۲۰۰۹	هم گروهی (Cohort)	۷۶ و ۲۳۴	۳۵/۹±۱۲/۲	اورزشکاران استقامتی: ۷۶ و کنترل: ۲۳۴	اورزشکاران استقامتی: ۷۶ و کنترل: ۲۳۴	سرم	PCR-RFLP
۲	رویز [۲۶]	۲۰۱۱	هم گروهی	۱۷۴ و ۳۴۰	-۲۰ تا -۳۹	اورزشکاران استقامتی: ۱۷۴ و کنترل: ۳۴۰	اورزشکاران استقامتی: ۱۷۴ و کنترل: ۳۴۰	سرم	PCR-RFLP
۳	سوزاک [۲۹]	۲۰۱۴	موردی-شاهدی (Case control)	۱۲۳ و ۳۵۴	۴۱-۱۹	اورزشکاران استقامتی: ۱۲۳ و کنترل: ۳۵۴	اورزشکاران استقامتی: ۱۲۳ و کنترل: ۳۵۴	سرم	PCR

جدول ۲ فراروانی ژنوتیپ و آلل در ورزشکاران و گروه کنترل

نویسنده اول مقاله	فراروانی ژنوتیپ ورزشکاران									
	فراروانی آلل T	فراروانی آلل C	ورزشکاران	کنترل	CC	CT	TT	CC	CT	TT
ایون [۲۵]	۸۲	۳۲	۹۰	۱۲۴	۲۰	۲۵	۳۵	۱۴	۳۳	۱۴
رویز [۲۶]	۱۲۶	۷۰	۱۳۲	۱۶۹	۳۹	۵۷	۹۴	۲۳	۱۰۰	۲۳
سوزاک [۲۹]	۱۱۴	۳۷	۱۵۵	۱۷۰	۲۹	۵۹	۵۵	۹	۹۵	۹

ثبت (Fixed-effects model) استفاده شد [۳۳]. سوگیری در چاپ مقالات (Publication bias) با استفاده از ارزیابی چگونگی نمودارهای قیفی (Funnel plot) رسم شده بررسی شد. ارزیابی‌های نمودارهای قیفی نامتقارن به وسیله آزمون رگرسیون نامتقارن Egger's و آزمون Begg's انجام شد [۳۴]. تجزیه و تحلیل داده‌ها با استفاده از نرم‌افزار آماری STATA (نسخه ۱۲) صورت گرفت. سطح معنی‌داری $P < 0.05$ در نظر گرفته شد.

نتایج

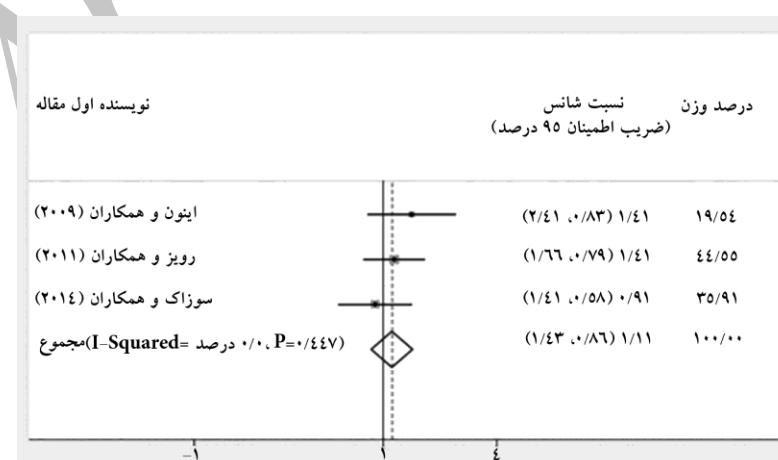
در مجموع ۳۰۴ مقاله با استفاده از ترکیب متفاوت کلید واژه‌ها از جستجو در پایگاه داده‌های Medline Embase

تجزیه و تحلیل آماری

در این متانالیز ارتباط بین پلیمورفیسم ژن GNB3 و ورزش استقامتی با استفاده از مدل آللی (Tvs C)، مدل جمعی (TT vs CC)، مدل غالب (TT+ CT vs CC) و مدل مغلوب (CT+ CC) بررسی شد [۳۳]. آلل‌ها و ژنوتیپ‌های بین افراد ورزشکار و گروه کنترل با استفاده از نسبت شانس (Odd Ratio) با ضریب اطمینان (Confidence Interval) ۹۵ درصد بررسی شد. برای تعیین هتروژنیتی (Heterogeneity) مطالعات از آزمون‌های chi-square و I square استفاده شد. (شواهد برای هتروژنیتی $P < 0.05$ درصد I^2). بین مطالعات در هر چهار مدل ژنتیکی ناهمگنی مشاهده نشد، در این صورت از مدل آثار

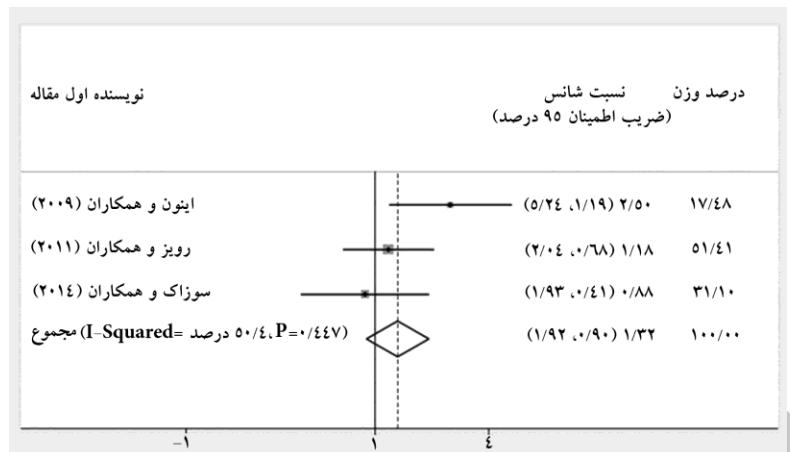
استقامتی ($OR = 1/0.98$ و $CI = 0/856, 1/408$) درصد و $P = 0/464$ ارتباط معنی داری وجود نداشت. البته با توجه به نمودار که فاصله اطمینان برای نسبت شانس یک را در بر می گیرد، می توان نتیجه گرفت که حامل های ژنتیپ TT+ CT در ژن GNB3 با عملکرد ورزشکاران استقامتی در ارتباط نیست. هتروژنیتی بین مطالعات معنی دار نبود ($I^2 = 0/291$ و $P = 0/291$). همچنین شکل ۵ ارتباط بین پلی مورفیسم ژن GNB3 و ورزش استقامتی را در مدل مغلوب نشان می دهد. با توجه به مدل آثار ثابت در مدل مغلوب TT vs CT+ CC ($OR = 0/111$ و $CI = 0/520, 1/157$) درصد و $P = 0/760$ هم رابطه معنی داری وجود نداشت. هتروژنیتی بین مطالعات نیز معنی دار نبود ($OR = 0/4$ و $CI = I^2 = 0/133$ و $P = 0/04$). هیچ مدرکی مبنی بر وجود سوگیرایی مربوط به چاپ مقالات برای مطالعاتی که ارتباط بین پلی مورفیسم ژن GNB3 و ورزش استقامتی را بررسی کرده بود، به دست نیامد. از طرح قیف های Begg و Egger برای ارزیابی تورش چاپ مقاله استفاده شد. آزمون Egger نیز در هر چهار مدل ژنتیکی معنی دار نبود (مدل آللی $P = 0/813$ ، مدل جمعی $P = 0/943$ ، مدل غالب $P = 0/982$ و مدل مغلوب $P = 0/943$ و $P = 0/082$) (شکل های ۶ تا ۹). نبود سوگیری انتشار در هر چهار مدل ژنتیکی (مدل آللی $P = 0/754$ و مدل جمعی $P = 0/867$ و مدل غالب $P = 0/939$ و مدل مغلوب $P = 0/867$) در این متانالیز با استفاده از آزمون Egger تأیید شد.

Google Scholar direct PubMed پس از حذف مطالعاتی که با موضوع مرتبط نبود، ۱۰ مطالعه در رابطه با عملکرد ورزشی و پلی مورفیسم ژن GNB3 برای گام بعدی بازبینی شد که ۳ مقاله اطلاعات لازم برای انجام متانالیز را دارا بود. همان طور که در شکل ۲ نشان داده شده است، ارتباط معنی داری بین آلل T و عملکرد استقامتی در مدل آللی ($OR = 1/11$ و $CI = 0/863, 1/428$) درصد و $P = 0/414$) وجود نداشت. نظر به این که فاصله اطمینان برای ارتباط معنی داری بین آلل T با بهبود عملکرد ورزشکاران استقامتی در ارتباط نیست. با توجه به شاخص I square و chi-square ناهمگنی بین مطالعات معنی دار نبود ($I^2 = 0/447$ و $P = 0/0447$). با توجه به همگن بودن مطالعات از مدل آثار ثابت استفاده شد. علاوه بر این؛ شکل ۳ ارتباط معنی داری بین ژنتیپ TT در مدل جمعی ($OR = 1/316$ و $CI = 0/924, 1/924$) درصد و $P = 0/157$) را نشان می دهد. با توجه به شاخص I square و chi square بین مطالعات هتروژنیتی معنی دار نبود ($I^2 = 0/133$ و $P = 0/04$) به دلیل همگنی مطالعات از مدل آثار ثابت استفاده شد که این مدل هم تفاوت معنی داری را نشان نداد. شکل ۴ ارتباط بین پلی مورفیسم ژن GNB3 و ورزش استقامتی را در مدل غالب نشان می دهد. در مدل غالب TT+ CT vs CC بین حامل های ژنتیپ TT+ CT و عملکرد

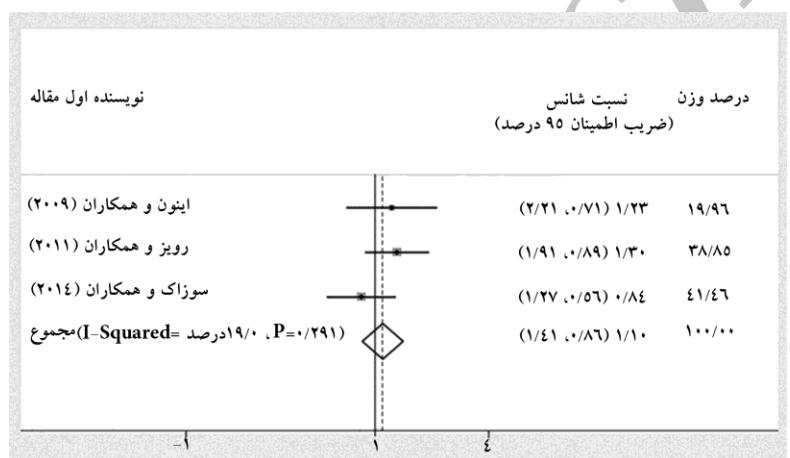


شکل ۲ نمودار جنگلی ارتباط بین پلی مورفیسم ژن GNB3 و عملکرد استقامتی در مدل آللی T vs C

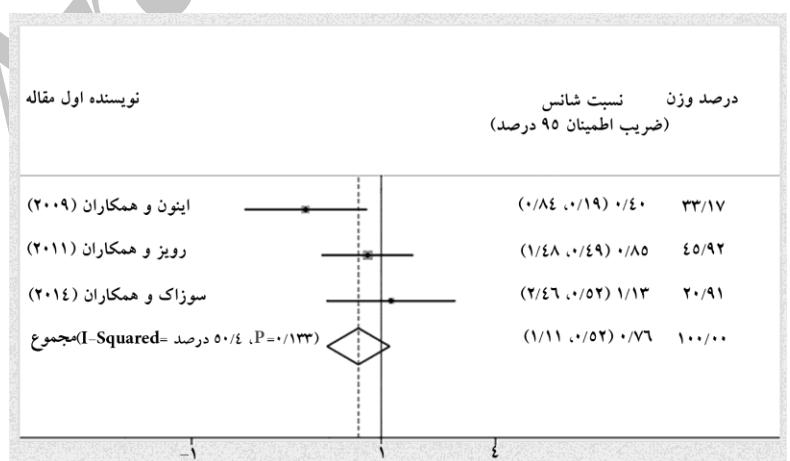
پلیمورفیسم GNB3 و ورزش استقامتی



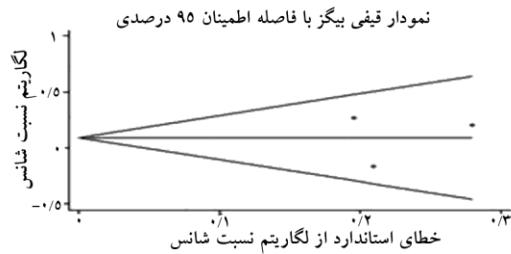
شکل ۳ نمودار جنگلی ارتباط بین پلیمورفیسم ژن GNB3 و عملکرد استقامتی در مدل جمعی TT vs CC



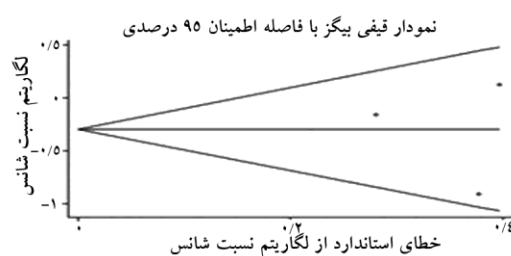
شکل ۴ نمودار جنگلی ارتباط بین پلیمورفیسم ژن GNB3 و عملکرد استقامتی در مدل غالب TT+ CT vs CC



شکل ۵ نمودار جنگلی ارتباط بین پلیمورفیسم ژن GNB3 و عملکرد استقامتی در مدل مغلوب TT vs CT+ CC



شکل ۸ نمودار قیفی بیگز ارتباط بین پلی‌مورفیسم ژن GNB3 و ورزش استقامتی در مدل غالب TT + CT vs CC



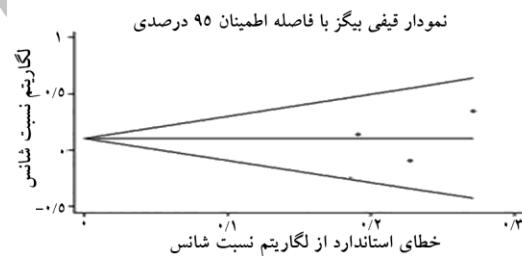
شکل ۹ نمودار قیفی بیگز ارتباط بین پلی‌مورفیسم ژن GNB3 و ورزش استقامتی در مدل مغلوب TT vs CT + CC

بحث

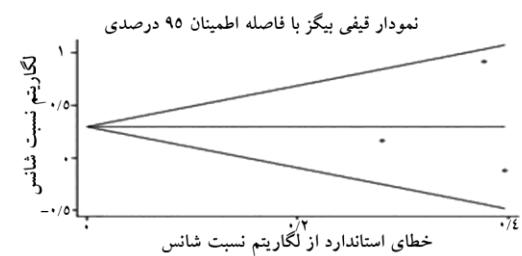
مرور سیستماتیک و متآنالیز حاضر نشان داد که بین پلی‌مورفیسم ژن GNB3 و عملکرد بهتر ورزشکاران استقامتی نخ به در جمعیت کلی ارتباط معنی‌داری وجود ندارد که با نتایج مطالعات حاضر در این پژوهش سازگار است [۲۶، ۲۹]. متآنالیز حاضر که به طور کلی ۳۷۱ نفر ورزشکار استقامتی نخ به و ۹۲۸ نفر به عنوان گروه کنترل از جمعیت‌های اسپانیا، اسرائیل و لهستان را در بر می‌گیرد [۲۵، ۲۶، ۲۹]، شواهد بیشتری را در خصوص ارتباط پلی‌مورفیسم ژن GNB3 و ورزش استقامتی نشان می‌دهد. برای بررسی نقش پلی‌مورفیسم ژن GNB3 در ورزش استقامتی، در این مطالعه از اثر مدل‌های ژنتیکی مختلف شامل TT vs C, TT vs CC, TT + CT vs CC, TT + CT vs CC + CC استفاده شد. پژوهش‌ها نشان می‌دهد که آرایش وسیعی از فتوتیپ‌های انسان به تأثیر عملکردهای ورزشی از

نمودارهای جنگلی ارتباط بین پلی‌مورفیسم ژن GNB3 و ورزش استقامتی در هر چهار مدل ژنتیکی و فاصله اطمینان ۹۵ درصد بر اساس مدل آثار ثابت را نشان می‌دهد. نقطه وسط هر پاره خط برآورد میزان شیوع و طول پاره خط فاصله اطمینان ۹۵ درصدی در هر مطالعه را نشان می‌دهد. علامت لوزی نشان‌دهنده فاصله اطمینان برای مجموع مطالعات است. با توجه به این‌که لوزی خط یک را قطع می‌کند، می‌توان نتیجه گرفت که بین پلی‌مورفیسم ژن GNB3 و ورزش استقامتی در هر چهار مدل ژنتیکی ارتباط معنی‌داری وجود ندارد.

نمودارهای بیگز (Begg's) برای شناسایی سوگیری انتشار رسم شده است و نشان می‌دهد که سوگیری انتشار در نتایج به دست آمده در هر چهار مدل ژنتیکی بخش ورزشی تأثیری نداشته است که به صورت تقارن در نمودارهای قیفی نشان داده شده است.



شکل ۶ نمودار قیفی بیگز ارتباط بین پلی‌مورفیسم ژن GNB3 و ورزش استقامتی در مدل آللی T vs C



شکل ۷ نمودار قیفی بیگز ارتباط بین پلی‌مورفیسم ژن GNB3 و ورزش استقامتی در مدل جمعی TT vs CC

پلیمورفیسم GNB3 و ورزش استقاماتی

ستز زیر واحد $\beta 3$ ، پروتئین G ضروری است [۴۰]. تنوع اتصال می‌تواند بهوسیله پلی‌مورفیسم C825T از ژن GNB3 القا شده باشد که می‌تواند منجر به حذف ۴۱ اسید‌آمینه از زیر واحد $\beta 3$ شود [۲۰]. شواهدی وجود دارد که این پروتئین (واقع در کروموزوم ۱۳ ۱۲P) در آدیپوژن (Adipogenesis)، توزیع چربی و وزن بدن نقش دارد. به طور ویژه جهش 825T در اگزون ۱۰ با اضافه وزن بعد از بارداری در ارتباط است. این پروتئین در غشای پلاسمایی متمنکر می‌شود و به عنوان میانجی برای پاسخ آگونیست‌های گیرنده عمل می‌کند [۴۱]. همچنین طیف گسترده‌ای از فرآیندهای زیستی را بهوسیله انتقال پیام‌ها بین گیرنده سطح سلولی و مسیرهای پیام‌رسانی داخل سلولی کنترل می‌کند [۴۲]. ورزش هوایی تأثیر عمیقی روی متابولیسم پروتئین، یعنی روی پروتئین G دارد. از مزیت‌های ویژه آن، این است که ورزش استقاماتی روی مسیرهای متابولیکی عضله اسکلتی (که حاوی ۴۰ درصد از ذخایر کلی پروتئین بدن است) تأثیر می‌گذارد [۴۳، ۴۴]. اندازه و مسیر ورزش هوایی که G پروتئین‌ها را تحت تأثیر قرار می‌دهد، توسط عوامل مختلف از جمله: عوامل رونویسی، رشد سلول، ترشح، حالت، شدت و مدت زمان ورزش انجام شده تحت تأثیر قرار می‌گیرد [۴۵، ۴۶]. توضیح احتمالی نقش ژنوتیپ TTGNB3 در عملکرد استقاماتی ورزشکاران نخبه، تعریف خوبی از تأثیر زیر واحد $\beta 3$ روی برخی از ایزوفورم‌های (Isoform) آنزیم‌های پیامبر ثانویه کلاسیک است. زیر واحد $\beta 3$ کیناز گیرنده β آدرنژیک را به سمت غشا جذب می‌کند، جایی که کیناز گیرنده‌های β آدرنژیک فعال را فسفریله می‌کند [۴۷]. تحريك گیرنده‌های β آدرنژیک از طریق مسیر cAMP، پیام گیرنده انسولین را افزایش می‌دهد که لیپولیز را در سلول‌های چربی فعال می‌کند [۴۸]. نقش حیاتی کاتکولامین‌ها (Catecholamine) در تنظیم به حرکت درآوردن سوسترا منجر به این باور می‌شود که این مسیر فیزیولوژیکی ممکن است یک برتری روی عملکرد استقاماتی بهوسیله افزایش متابولیسم گلیکوژن و اسید چرب داشته باشد [۲۰]. از سوی دیگر؛ نتایج متناقضی بین مطالعات

جمله قدرت عضلانی، ساختار اسکلتی، کشش تاندون، قلب و انداره ریه بستگی دارد. این فنوتیپ‌ها خود تحت تأثیر دیگر فرآیندها و مسیرهای سلولی قرار می‌گیرد که در نهایت توسط تعداد زیادی از ژن‌های فردی و مرتبط تحت تأثیر قرار می‌گیرد [۴]. به علاوه؛ نتایج مطالعات نشان می‌دهد که فنوتیپ‌های عملکرد استقاماتی نخبه توسط عوامل محیطی شامل تمرين و تغذیه و همچنین توسط اجزا ژنتیکی با ویژگی الیگوژنیک تحت تأثیر قرار می‌گیرد [۲۵]. با پیشرفت سریع تحقیقات مولکولی در ورزش، چند نشان گر ژنتیکی مرتبط با عملکرد ACE بدنبال کشف شده است. در این میان می‌توان نشان گر ۱۰۰۰ میانجی α- ACTN3، (Angiotensin I-converting enzyme) Adenosine monophosphate (AMPD1)، actinin 3، β -2 adrenergic receptor (ADRB2)، (deaminase NOS3)، (Growth differentiation factor 8) GDF-8 Peroxisome) PPARGC1A، (Nitric oxide synthase 3) proliferator-activated receptor gamma, coactivator Peroxisome proliferator- (PPARA)، (1 alpha Hypoxia-indusible) HIF1، (activated receptor alpha Mitochondrial DNA) MtDNA، (factor 1 [۳۵، ۳۶]. تاکنون هیچ مطالعه متانالیز قبلی مبنی بر ارتباط این ژن با ورزش استقاماتی گزارش نشده است. مقالات متانالیز پیشین به بررسی پلی‌مورفیسم این ژن با بیماری‌هایی از جمله فشار خون، سرطان، سکته و نشانگان روده تحریک‌پذیر (Irritable bowel syndrome) پرداخته بود [۲۲، ۲۴، ۳۷-۳۹]. در بعضی مطالعات بین ژن GNB3 و فشار خون ارتباط معنی‌داری وجود داشت [۲۲، ۳۷]. اما در برخی مطالعات نیز میان ژن GNB3، سکته، فشار خون و نشانگان روده تحریک‌پذیر ارتباط معنی‌داری یافت نشد [۳۴-۳۸]. در متانالیز انجام شده توسط ژانگ (Zhang) و همکاران (2015) نیز ارتباط معنی‌داری بین این ژن و سرطان یافت نشد [۴۰]. پروتئین G یکی از مهم‌ترین اعضای گیرنده‌های سلولی است و با رشد سلولی و میتوز مرتبط است. ژن GNB3 برای

جمعیت اسپانیا وجود نداشت [۲۶] که با نتایج مطالعه حاضر همسو است. اما به طور کلی، یافته‌های این متانالیز نشان می‌دهد که ارتباط معنی داری بین پلی‌مورفیسم ژن GNB3 و ورزش استقاماتی در بین ورزشکاران نخبه استقاماتی وجود ندارد.

تشکر و قدردانی

از جناب آقای روحانی دانشجوی دکتری علوم تغذیه دانشگاه علوم پزشکی اصفهان برای راهنمایی در انجام این مطالعه کمال تشکر را داریم.

انجام شده در خصوص پلی‌مورفیسم GNB3 و ورزش استقاماتی گزارش شده است. از مطالعات قبلی محققان حاضر نمی‌توان نتیجه گیری روشی داشت که آیا پلی‌مورفیسم ژن GNB3 با ورزش استقاماتی در ارتباط است یا خیر. به عنوان مثال ارتباط مشبّتی بین ژنتیپ TT و احتمال یک ورزشکار استقاماتی نخبه شدن در جمعیت اسرائیلی وجود داشت [۲۵] که با نتایج مطالعه حاضر متناقض بود. این در حالی بود که هیچ ارتباط معنی داری بین وضعیت ورزشکاران نخبه لهستانی و جایگاه پلی‌مورفیسم C825T GNB3 وجود نداشت [۲۹]. همچنین ارتباط معنی داری بین پلی‌مورفیسم این ژن و عملکرد ورزشکاران نخبه استقاماتی در

منابع

- [1] Sologub E, Taimazov V. *Sportivnaya genetika (Sports Genetics)*. Moscow: Terra-Sport. 2000.
- [2] Woods D, Hickman M, Jamshidi Y, Brull D, Vassiliou V, Jones A, Humphries S, Montgomery H. Elite swimmers and the D allele of the ACE I/D polymorphism. *Hum Genet* 2001;108(3):230-2.
- [3] Rogozkin VA, Nazarov, I.B., and Kazakov, V.I. Genotypic Markers of Human Physical Working Capacity. *Teor Prakt Fiz Kul't.* 2000;12:33.
- [4] Ma F, Yang Y, Li X, Zhou F, Gao C, Li M, Gao L. The association of sport performance with ACE and ACTN3 genetic polymorphisms: a systematic review and meta-analysis. *PLoS One* 2013;8(1):e54685.
- [5] Macarthur DG, North KN. Genes and human elite athletic performance. *Hum Genet* 2005;116(5):331-9.
- [6] De Moor MH, Spector TD, Cherkas LF, Falchi M, Hottenga JJ, Boomsma DI, De Geus EJ.
- [7] Bray MS, Hagberg JM, Pérusse L, Rankinen T, Roth SM, Wolfarth B, Bouchard C. The human gene map for performance and health-related fitness phenotypes: the 2006-2007 update. *Med Sci Sports Exerc* 2009;41(1):35-73.
- [8] Joyner MJ, Coyle EF. Endurance exercise performance: the physiology of champions. *J Physiol* 2008;586(1):35-44.
- [9] Bouchard C, Dionne FT, Simoneau JA, Boulay MR. Genetics of aerobic and anaerobic performances. *Exerc Sport Sci Rev* 1992;20:27-58.
- [10] Rahmati M, Gharakhanlou R2, Movahedin M3, Mowla SJ4, Khazani A5, Fouladvand M6, Jahani Golbar S. Treadmill training modifies KIF5B motor protein in the STZ-induced diabetic rat spinal cord and sciatic nerve. *Arch Iran Med* 2015;18(2):94-101.
- [11] Rahmati M, Taherabadi SJ, Mehrabi M.

پلیمورفیسم GNB3 و ورزش استقامتی

- Decreased Activity in Neuropathic Pain Form and Gene Expression of Cyclin-Dependent Kinase5 and Glycogen Synthase Kinase-3 Beta in Soleus Muscle of Wistar Male Rats. Iran Red Crescent Med J 2015;17(6):e23324.
- [12] Keshavarz M, Gharakhanlou R, Movaheddin M, Rahmati M, Dakhili A. The effect of endurance training on gene expression of CDK5 in sensory neurons of male wistar rats with diabetic neuropathy. Medical Daneshvar 2013; 21(107): 49-58.(Persian)
- [13] Kazemi A, Rahmati M, Hosseinpour M. The effects of six weeks of sciatic nerve ligation on dynactin gene expression in sciatic nerve of male wistar rats. Urmia Medical Journal 2015; 26(2):121-8.(Persian)
- [14] Kazemi A, Rahmati M, Nezhadzamani A. Chronic effect of decreased activity in the form of spinal nerve ligation on KIF1B gene expression in male Wistar rat sciatic nerve fiber. SJKU 2015; 20(3): 23-32.(Persian)
- [15] Montoye HJ, Gayle R. Familial relationships in maximal oxygen uptake. Hum Biol 1978; 50(3): 241-9.
- [16] Lesage R, Simoneau JA, Jobin J, Leblanc J, Bouchard C. Familial resemblance in maximal heart rate, blood lactate and aerobic power. Hum Hered 1985; 35(3): 182-9.
- [17] Lortie G, Bouchard C, Leblanc C, Tremblay A, Simoneau JA, Thériault G, Savoie JP. Familial similarity in aerobic power. Hum Biol 1982; 54(4): 801-12.
- [18] Rankinen T, Wolfarth B, Simoneau JA, Maier-Lenz D, Rauramaa R, Rivera MA, Boulay MR, Chagnon YC, Pérusse L, Keul J, Bouchard C. No association between the angiotensin-converting enzyme ID polymorphism and elite endurance athlete status. J Appl Physiol (1985) 2000; 88(5): 1571-5.
- [19] Elefsinioti AL, Bagos PG, Spyropoulos IC, Hamodrakas SJ. A database for G proteins and their interaction with GPCRs. BMC Bioinformatics 2004; 5: 208.
- [20] Siffert W, Rosskopf D, Siffert G, Busch S, Moritz A, Erbel R, Sharma AM, Ritz E, Wichmann HE, Jakobs KH, Horsthemke B. Association of a human G-protein $\beta 3$ subunit variant with hypertension. Nature Genetics 1998; 18(1): 45-8.
- [21] Weinstein LS, Chen M, Xie T, Liu J. Genetic diseases associated with heterotrimeric G proteins. Trends Pharmacol Sci 2006; 27(5): 260-6.
- [22] Bagos PG, Elefsinioti AL, Nikolopoulos GK, Hamodrakas SJ. The GNB3 C825T polymorphism and essential hypertension: a meta-analysis of 34 studies including 14,094 cases and 17,760 controls. J Hypertens 2007; 25(3): 487-500.
- [23] Rankinen T, Rice T, Leon AS, Skinner JS, Wilmore JH, Rao DC, Bouchard C. G protein beta 3 polymorphism and hemodynamic and body composition phenotypes in the HERITAGE Family Study. Physiol Genomics 2002; 8(2): 151-7.
- [24] Faruque MU, Millis RM, Dunston GM, Kwagyan J, Bond V Jr, Rotimi CN, Davis T, Christie R, Campbell AL. Association of GNB3 C825T polymorphism with peak oxygen consumption. Int J Sports Med 2009; 30(5): 315-9.
- [25] Eynon N, Oliveira J, Meckel Y, Sagiv M,

- Yamin C, Sagiv M, Amir R, Duarte JA. The guanine nucleotide binding protein beta polypeptide 3 gene C825T polymorphism is associated with elite endurance athletes. *Exp Physiol* 2009; 94(3): 344-9.
- [26] Ruiz JR, Eynon N, Meckel Y, Fiua-Luces C, Santiago C, Gómez-Gallego F, Oliveira J, Lucia A. GNB3 C825T Polymorphism and elite athletic status: A replication study with two ethnic groups. *Int J Sports Med* 2011; 32(2): 151-3.
- [27] Lee J, Park S, Kim D, Han T, Lee S, Kim D, Lee Y, Hong H, Lee E, Im A, Hong Y, Shin S. Effect of a 12-wk Aerobic Exercise Program on Obesity Indices, Cardiopulmonary Fitness, and Metabolic Syndrome Markers Across the GNB3 C825T Gene Polymorphism in Mid-Life Korean Women. *Medicine & Science in Sports & Exercise* 2006; 38(5): S830-S1.
- [28] Guttersohn A, Naber C, Müller N, Erbel R, Siffert W. G protein $\beta 3$ subunit 825 TT genotype and post-pregnancy weight retention. *The Lancet* 2000; 355(9211): 1240-1.
- [29] Sawczuk M, Maciejewska-Karłowska A1, Cięszczyk P2, Leońska-Duniec A. Is gnb3 c825t polymorphism associated with elite status of polish athletes? *Biol Sport* 2014; 31(1): 21-5.
- [30] Roth SM, Rankinen T, Hagberg JM, Loos RJ, Pérusse L, Sarzynski MA, Wolfarth B, Bouchard C. Advances in exercise, fitness, and performance genomics in 2011. *Med Sci Sports Exerc* 2012; 44(5): 809-17.
- [31] Gülyasar T, Oztürk L, Sipahi T, Bayraktar B, Metin G, Yücesir I, Süt N. GNB3 gene c.825C>T polymorphism and performance parameters in professional basketball players. *Acta Physiol Hung* 2014; 101(2): 176-84.
- [32] Eynon N, Meckel Y, Alves AJ, Nemet D, Eliakim A. Is there an interaction between BDKRB2 -9/+9 and GNB3 C825T polymorphisms and elite athletic performance. *Scand J Med Sci Sports* 2011; 21(6): e242-6.
- [33] Ma ZJ, Chen R, Ren HZ, Guo X, Guo J, Chen LM. Association between eNOS 4b/a polymorphism and the risk of diabetic retinopathy in type 2 diabetes mellitus: a meta-analysis. *J Diabetes Res* 2014; 2014: 549747.
- [34] Pan ZG, Xiao C, Su DX. No association of G-protein beta polypeptide 3 polymorphism with irritable bowel syndrome: evidence from a meta-analysis. *World J Gastroenterol* 2014; 20(20): 6345-52.
- [35] Pitsiladis Y, Wang G, Wolfarth B, Scott R, Fuku N, Mikami E, He Z, Fiua-Luces C, Eynon N, Lucia A. Genomics of elite sporting performance: what little we know and necessary advances. *Br J Sports Med* 2013; 47(9): 550-5.
- [36] Ahmetov II, Fedotovskaya ON. Sports genomics: Current state of knowledge and future directions. *Cell Mol Exerc Physiol (CMEP)* 2012; 1(1): 1-24.
- [37] Zheng H, Xu H, Cui B, Xie N, Wang Z, Luo M. Association between polymorphism of the G-protein $\beta 3$ subunit C825T and essential hypertension: an updated meta-analysis involving 36,802 subjects. *Biol Res* 2013; 46(3): 265-73.
- [38] Niu W, Qi Y. Association of α -adducin and G-protein $\beta 3$ genetic polymorphisms with hypertension: a meta-analysis of Chinese

پلیمورفیسم GNB3 و ورزش استقامتی

- populations. PLoS One 2011; 6(2): e17052.
- [39] Guo L, Zhang LL, Zheng B, Liu Y, Cao XJ, Pi Y, Li BH, Li JC. The C825T polymorphism of the G-protein $\beta 3$ subunit gene and its association with hypertension and stroke: an updated meta-analysis. PLoS One 2013; 8(6): e65863.
- [40] Zhang Y, Han D, Wei W, Xu X, Zhang R, Dong Q, Wang X, Zhang J, Wang Y, Liu N. The polymorphism of G protein $\beta 3$ subunit C825T and cancer risk: A Meta-analysis. Edorium J Tumor Bio 2015; 2: 1-10.
- [41] Casiglia E, Tikhonoff V, Caffi S, Martini B, Guidotti F, Bolzon M, Bascelli A, D'Este D, Mazza A, Pessina AC. Effects of the C825T polymorphism of the GNB3 gene on body adiposity and blood pressure in fertile and menopausal women: a population-based study. J Hypertens 2008; 26(2): 238-43.
- [42] Hwang IC, Kim KK, Ahn HY, Suh HS, Oh SW. Effect of the G-protein $\beta 3$ subunit 825T allele on the change of body adiposity in obese female. Diabetes Obes Metab 2013; 15(3): 284-6.
- [43] Biolo G, Maggi SP, Williams BD, Tipton KD, Wolfe RR. Increased rates of muscle protein turnover and amino acid transport after resistance exercise in humans. Am J Physiol 1995; 268(3 Pt 1): E514-20.
- [44] Rennie MJ, Tipton KD. Protein and amino acid metabolism during and after exercise and the effects of nutrition. Annu Rev Nutr 2000; 20: 457-83.
- [45] Pikosky MA, Gaine PC, Martin WF, Grabarz KC, Ferrando AA, Wolfe RR, Rodriguez NR. Aerobic exercise training increases skeletal muscle protein turnover in healthy adults at rest. J Nutr 2006; 136(2): 379-83.
- [46] Rosskopf D, Busch S, Manthey I, Siffert W. G protein beta 3 gene: structure, promoter, and additional polymorphisms. Hypertension 2000; 36(1): 33-41.
- [47] Hamm HE. The many faces of G protein signaling. J Biol Chem 1998; 273(2): 669-72.
- [48] Carmen GY, Victor SM. Signalling mechanisms regulating lipolysis. Cell Signal 2006; 18(4): 401-8.