

Original Article

Design, Cloning, and Expression assay of the *NP* Gene in a Bicistronic Vector Harboring the Mouse *IL-18* Gene: Potential Implications for Type A Influenza Vaccine Investigations

Mojtaba Taheri¹, Mohammad Shenagari^{2*}, Iraj Nikokar¹, Mahmoud Khosravi¹, Mehran Nemattalab²

- 1- M.Sc., Department of Biotechnology, Faculty of Para-Medicine, Guilan University of Medical Sciences, Langroud, Iran
- 2- Assistant Professor, Department of Microbiology, Faculty of Medicine, Guilan University of Medical Sciences, Rasht, Iran
- 3- Associate Professor, Department of Biotechnology, Faculty of Para-Medicine, Guilan University of Medical Sciences, Langroud, Iran
- 4- Instructor, Department of Biotechnology, Faculty of Para-Medicine, Guilan University of Medical Sciences, Langroud, Iran
- 5- M.Sc., Department of Microbiology, Faculty of Medicine, Guilan University of Medical Sciences, Rasht, Iran

*Corresponding Address: Postal Code: 4199613769, Department of Microbiology, Faculty of Medicine, Guilan University of Medical Sciences, Rasht, Iran

Email: Shenagari@gums.ac.ir, Shenagari@gmail.com

Received: 16/May/2016, Accepted: 12/Dec/2016

Abstract

Objective: Vaccination is the most effective tool to prevent influenza virus morbidity and mortality. Despite surface antigen mutability, the influenza virus inner proteins are remarkably conserved among various strains. The high similarity of NP protein sequences among various strains of influenza type A from one side, and the potency of IL-18 molecular adjuvant in shifting immune response toward Th1 from the other side, has persuaded us to evaluate the possibility to clone and express the influenza type A NP gene in a bicistronic vector that harbored the mice *IL-18* gene. We sought to assess their immunogenic activities in a susceptible mouse model.

Methods: Initially, we extracted genomic RNA from the influenza virus PR8. After cDNA synthesis, the target gene encoding NP was amplified by PCR after which the NP gene was cloned in the pJET1.2/blunt TA vector. The accuracy of cloned gene was confirmed by PCR, enzymatic digestion and sequencing. The pJET1.2-NP plasmid and pIRES-Igk/mIL18/Fc plasmids were simultaneously digested by *BstXI/NotI* enzymes. We inserted the digested NP fragment into the pIRES-Igk/mIL18/Fc plasmid using T4 ligase. Transformation into DH5 α and colony selection was done. Gene cloning was confirmed by PCR, enzymatic double-digestion and sequencing. Eventually, by transfection of the constructed mIL-18-pIRES2-NP plasmid into BHK-21 and RAW264.7 cell lines, we assessed the expressions of *NP* and *IL-18* by indirect immunofluorescence and ELISA, respectively.

Results: Electrophoresis of the PCR product, enzymatic digestion, and sequencing showed that the influenza *NP* gene successfully cloned into pIRES-Igk/mIL18/Fc to generate the mIL-18-pIRES2-NP plasmid. Indirect immunofluorescence and ELISA indicated the successful expressions of *NP* and mIL-18 from the produced plasmid in eukaryotic cell lines.

Conclusion: The results of the present study confirm expressions of *NP* and *IL-18* genes from mIL-18-pIRES2-NP. This is a proper candidate for *influenza A* gene vaccine in future investigations.

Keywords: Influenza, Cloning, *NP* gene, Mouse *IL-18*, Bicistronic vector

Pathobiology Research, Vol. 19 (2016-2017), No.2, Pages: 45-58

طراحی، همسانه‌سازی و بررسی بیان ژن NP در ناقل دوسیسترونی واجد ژن اینترلوکین ۱۸ موشی با هدف استفاده در مطالعات واکسن آنفلوانزا

مجتبی طاهری^۱، محمد شناگری^{۲*}، ایرج نیکوکار^۳، محمود خسروی^۴، مهران نعمت طلب^۵

۱- کارشناس ارشد، گروه بیوتکنولوژی پزشکی، دانشکده پیراپزشکی، دانشگاه علوم پزشکی گیلان، لنگرود، ایران

۲- استادیار، گروه میکروب شناسی، دانشکده پزشکی، دانشگاه علوم پزشکی گیلان، رشت، ایران

۳- دانشیار، گروه بیوتکنولوژی پزشکی، دانشگاه علوم پزشکی گیلان، دانشکده پیراپزشکی، لنگرود، ایران

۴- مربی، گروه بیوتکنولوژی، دانشکده پیراپزشکی، دانشگاه علوم پزشکی گیلان، رشت، ایران

۵- کارشناس ارشد، گروه میکروب شناسی، دانشکده پزشکی، دانشگاه علوم پزشکی گیلان، رشت، ایران

*آدرس نویسنده مسئول: ایران، رشت، کلبستی: ۴۱۹۹۶۱۳۷۶۹، دانشگاه علوم پزشکی گیلان، دانشکده پزشکی، گروه میکروب شناسی

Email: Shenagari@gums.ac.ir, Shenagari@gmail.com

پذیرش مقاله: ۹۵/۰۹/۰۷

دریافت مقاله: ۹۵/۰۷/۲۷

چکیده

هدف: در حال حاضر واکسیناسیون مهم‌ترین استراتژی در کاهش آمار مبتلایان و مرگ و میر سالیانه ناشی از آنفلوانزا فصلی تلقی می‌شود. بر خلاف آنتی‌ژن‌های سطحی مورد استفاده در ترکیب واکسن‌های موجود، پروتئین‌های داخلی ساختاری و غیر ساختاری ویروس آنفلوانزا به خوبی حفاظت شده هستند. با توجه به سطح حفاظت شدگی نسبتاً بالای نوکلئوپروتئین ویروس آنفلوانزا و قابلیت ادجوانتی اینترلوکین ۱۸ در تحریک پاسخ‌های ایمنی و میل به Th1، این مطالعه در صدد ساخت یک پلاسمید دو سیسترونی با قابلیت بیان ژن‌های NP و اینترلوکین ۱۸ موشی بود تا در صورت نیل به این هدف به‌عنوان یک کاندید واکسن قابلیت ایمنی‌زایی آن در مطالعات بعدی ارزیابی شود.

مواد و روش‌ها: در مرحله اول RNA ژنومی ویروس آنفلوانزا تیپ A سویه H1N1/PR8 استخراج شد و پس از تولید cDNA، توالی ژن کل‌کننده NP با استفاده از آغازگر اختصاصی ژن و با روش PCR تکثیر شد. در مرحله بعد ژن NP در ناقل همسانه‌سازی pJET1.2/blunt با استفاده از آغازگر اختصاصی ژن و با روش PCR تکثیر شد. پس از تأیید درستی همسانه‌سازی ژن در ناقل pJET1.2/blunt از طریق تعیین توالی، هضم آنزیمی و PCR، قطعه مزبور توسط هضم آنزیمی دو گانه خارج شد. پلاسمید pIRES-Igk/mIL18/Fc با استفاده از آنزیم‌های BstXI/NotI هضم دوگانه شد و قطعه مربوط به eGFP خارج شد. سپس فرآیند الحاق ژن NP در ناقل دو سیسترونی pIRES-Igk/mIL18/Fc هضم شده با استفاده از آنزیم T4 لیگاز صورت پذیرفت. محصول لیگاسیون به سویه استاندارد DH5α ترانسفورم شد و انتخاب کلونی‌های مثبت با استفاده از کلونی PCR صورت پذیرفت. به‌منظور بررسی درستی همسانه‌سازی از آزمون PCR، هضم آنزیمی و تعیین توالی استفاده شد. در نهایت بیان ژن NP و اینترلوکین ۱۸ از سازه ژنی mL-18-pIRES2-NP در رده سلولی BHK-21 و RAW264.7 ترانسفکت شده با پلاسمید به وسیله رنگ آمیزی ایمنوفلورسنت غیر مستقیم و الیزا ارزیابی شد.

نتایج: نتایج PCR، هضم آنزیمی و تعیین توالی با استفاده از آغازگرهای اختصاصی به صورت دو جهته نشان داد که ژن NP ویروس آنفلوانزا در ناقل pIRES-Igk/mIL18/Fc به‌صورت موفق و در راستای درست کلون شده است. ترانسفکشن و بررسی قابلیت بیان سازه ژنی mL-18-pIRES2-NP با استفاده از رنگ آمیزی ایمنوفلورسنت و الیزا بیان موفق‌آمیز ژن‌های NP و اینترلوکین ۱۸ از mL-18-pIRES2-NP در سلول یوکاریوتی را اثبات کرد.

نتیجه‌گیری: نتایج به‌دست آمده در این تحقیق بیان موفقیت‌آمیز ژن NP و اینترلوکین ۱۸ از سازه mL-18-pIRES2-NP را نشان داد. با توجه به آثار ادجوانتی سایتوکاین اینترلوکین ۱۸، پلاسمید ساخته شده می‌تواند به‌عنوان یک کاندید مناسب واکسن ژنی برای پیشگیری از عفونت ناشی از ویروس آنفلوانزا در مطالعات ارزیابی ایمنولوژیک آتی مطرح شود.

کلیدواژگان: همسانه‌سازی، آنفلوانزا، واکسن ژنی، ژن NP، اینترلوکین ۱۸

همسانه‌سازی ژن نوکلئوپروتئین آنفلوانزا در ناقل واجد اینترلوکین ۱۸

استراتژی جایگزین برای واکسن آنفلوانزا که می‌تواند اکثر معایب فوق را برطرف سازد پلاسمید بیان کننده آنتی‌ژن‌های محافظت شده ویروس آنفلوانزا است. واکسن‌های ژنی دارای مزایای بسیاری نظیر تحریک هر دو بازوی سیستم ایمنی و پایداری در شرایط دمایی بوده و تولید راحت و ارزان آن‌ها در مقیاس وسیع امکان‌پذیر است [۶، ۷]. شاید بتوان مهم‌ترین ایراد این نوع واکسن‌ها را کارآیی پایین آن‌ها در ایجاد پاسخ ایمنی در انسان‌ها و پریمات‌های غیر انسانی دانست [۸]. با وجود آن که پاسخ‌های آنتی‌بادی، به شدت اختصاصی و مستعد به گریز ویروس به وسیله تغییرات آنتی‌ژنی کوچک و بزرگ هستند، پاسخ‌های ایمنی سلولی واجد خصیصه واکنش متقاطع (cross-reactive) هستند. بی‌قاعدگی گیرنده سلول‌های TCD4 و TCD8 می‌تواند به آن‌ها اجازه شناسایی اپی‌توپ‌ها را حتی پس از جهش نقطه‌ای بدهد [۹] از سوی دیگر؛ حضور قبلی سلول‌های TCD4 با واکنش متقاطع می‌تواند در تولید سریع آنتی‌بادی‌های خنثی‌کننده اختصاصی تایپ نیز مؤثر باشد [۱۰]. بر خلاف پروتئین‌های سطحی، پروتئین‌های داخلی ساختاری و غیر ساختاری ویروس آنفلوانزا به خوبی محافظت شده هستند. این پروتئین‌ها سبب تحریک و القای شکل‌گیری سلول‌های T سیتوتوکسیک (Cytotoxic T Lymphocytes) می‌شوند که قادر به تخریب سلول‌های آلوده به ویروس هستند [۱۱]. نوکلئوپروتئین یک زنجیره پلی‌پپتیدی است که توسط قطعه شماره ۵ ژنوم ویروس آنفلوانزا کد می‌شود. هم‌ردیفی توالی ژن‌های نوکلئوپروتئین سه گونه و همچنین تحلیل فیلوژنیک سویه‌های ویروس جدا شده از میزبان‌های مختلف آشکار می‌سازد که ژن نوکلئوپروتئین نسبتاً در طول فرآیند تکامل محافظت شده است و حداکثر تفاوت آمینواسیدی آن‌ها ۱۱ درصد است [۱۲].

اینترلوکین ۱۸ (Interleukin 18: IL-18) یک سایتوکاین پیش التهابی و یک عامل القا کننده ایتررفرون گاما محسوب می‌شود که تولید ایتررفرون گاما را در سلول‌های کشنده طبیعی و لئوسیت‌های T سیتوتوکسیک القا می‌کند و همچنین خاصیت

مقدمه

ویروس آنفلوانزا (Influenza virus) به خاطر تغییرات ژنتیکی و آنتی‌ژنیک، به عنوان عامل بالقوه خطرناک برای ایجاد اپیدمی (Epidemic) و پاندمی (Pandemic) شناخته می‌شود. ویروس آنفلوانزا سالیانه به طور تقریبی ۲۰ درصد از جمعیت جهان را درگیر می‌کند و بیش از ۵۰۰ هزار نفر به علت عوارض ناشی از این عفونت جان خود را از دست می‌دهند [۱]. علاوه بر این اپیدمی‌ها؛ همه‌گیری‌های جهانی آنفلوانزا می‌تواند در صورت ایجاد یک ویروس آنفلوانزای واجد زیرگونه‌های جدید هم‌آگلوتینین (Hemagglutinin) ظهور کند و با سرعت بسیار زیاد در میان افراد سرایت پیدا کند. ده همه‌گیری بزرگ جهانی طی ۳۰۰ سال اخیر اتفاق افتاده است که سه مورد از این پاندمی‌ها در قرن بیستم منجر به مرگ حداقل چهل میلیون نفر شده است [۲]. نخستین همه‌گیری جهانی قرن ۲۱ در سال ۲۰۰۹ با آغاز عفونت از مکزیک و گسترش آن در عرض چند ماه به اکثریت کشورهای دنیا با میزان مرگ و میر حدود ۲۸۴۰۰ نفر از مبتلایان باعث شد تا سازمان بهداشت جهانی سطح دوم بالاترین هشدار را در مورد این بیماری اعلام کند [۳].

واکسن غیر فعال سه ظرفیته (Trivalent Inactivated influenza Vaccine: TIV) و واکسن زنده ضعیف شده (Live, Attenuated Influenza Vaccine: LAIV) هر ساله برای پیشگیری از سویه‌های غالب آنفلوانزای قابل پیش‌بینی طراحی و ساخته می‌شوند [۴]. واکسن‌های مورد استفاده دارای مجوز از چندین منظر دارای نقص هستند؛ از جمله صرف هزینه و وقت بسیار برای تولید تخم مرغ عاری از عامل بیماری‌زا و همچنین امکان ایجاد علائم مربوط به حساسیت در بعضی از افراد، احتیاج به بازبینی سالیانه ترکیب واکسن، چرخه تولید نسبتاً طولانی حدود ۹ ماه از زمان پیش‌بینی سویه شایع سال تا تولید و عرضه، تأثیر جزئی بر سویه واجد HA تغییر یافته و همچنین محدودیت در میزان دوز تولیدی و عدم ایجاد پاسخ ایمنی سلولی در صورت استفاده از TIV [۵، ۶]. یک

و Oligo analyzer انجام شد. در طراحی آغازگرها، قابلیت در تکثیر مؤثر قطعه کامل ژنی همچنین الحاق جایگاه برش برای آنزیم‌های BstXI و NotI مد نظر قرار گرفت. به منظور بیان بهتر ژن NP توالی کوزاک (Kozak sequence) در طراحی آغازگرها لحاظ شد. پس از تأیید کارایی آغازگرها در سطح In silico سنتز آغازگرها توسط شرکت Bioneer (کره جنوبی) با خلوص HPLC انجام شد. توالی آغازگرهای مورد استفاده TAGTCACCACAACCATGGCGTCCCAAGGCACCAA (BstXI) (آغازگر جلویی) و TAGTGTGCGGCCGCTTAATTGTCGTACTCCTCTG (NotI) (آغازگر برگشتی) بود.

استخراج RNA و ویروسی و سنتز cDNA

برای این منظور رده سلولی MDCK (Madin-Darby Canine Kidney Epithelial Cells) از بانک سلولی و ویروس Influenza A/PR8/34 (H₁N₁) از بخش آنفلوانزا انستیتو پاستور ایران تهیه شد. بعد از بهینه‌سازی شرایط کشت، کشت و استحصال ویروس از رده سلولی یادشده انجام شد. پس از برداشت ویروس آنفلوانزا و انجام آزمون هم‌اگلوتیناسیون، استخراج RNA و ویروسی با استفاده از کیت QIAamp Viral RNA Mini kit (QIAGEN، آلمان) طبق دستورالعمل شرکت سازنده انجام شد. واکنش RT-PCR با استفاده از کیت سنتز cDNA (Capacity cDNA Reverse High-Transcription Kit) (ABI، آمریکا) نیز طبق دستورالعمل شرکت سازنده صورت پذیرفت. در پایان از محصول به دست آمده به عنوان الگو در واکنش PCR استفاده شد.

واکنش PCR برای تکثیر ژن NP

تکثیر ژن NP از طریق واکنش زنجیره‌ای پلیمرز (PCR) در حجم ۲۵ میکرولیتر و با استفاده از ۱۰ پیکومول آغازگر جلویی و برگشتی، ۲/۵ میلی مولار MgSO₄، ۱ میلی مولار

سلول کشی وابسته به Fas و پرفورین (Perforin) را در این سلول‌ها بالا می‌برد [۱۳]. این سایتوکاین نقش اساسی در فعالیت کمکی لنفوسیت‌های T کمک کننده (T helper 1) دارد [۱۴]. خصوصیت بارز این سایتوکاین در تحریک سلول‌های کشنده طبیعی و سلول‌های T سیتوتوکسیک و به دنبال آن افزایش فعالیت کشندگی این سلول‌ها موجب شده که استفاده از این سایتوکاین در تحقیقات تولید واکسن و ایمنی درمانی تومورها بسیار مورد توجه قرار گیرد [۱۵]. مطالعات جدید نشان داده است که عرضه همزمان آنتی ژن و ادجوانت توسط سلول‌های APC (Antigen-Presenting Cell) تحریک بهتر لنفوسیت‌ها را به دنبال خواهد داشت [۸، ۱۶، ۱۷]. از آنجا که DNA واکسن‌ها به عنوان یک پیشنهاد جدی و ماندگار برای پیشگیری از بیماری‌های مسری کلاسیک و نوظهور در آینده مطرح هستند و با توجه به خطرات بالقوه ویروس آنفلوانزا، همچنین قابلیت ادجوانتی IL-18 در تحریک پاسخ‌ها به Th1، این مطالعه به منظور ساخت یک پلاسמיד دو سیستمی با قابلیت بیان ژن‌های NP و IL-18 موشی انجام شد تا در مطالعات بعدی به عنوان یک کاندید واکسن قابلیت ایمنی‌زایی این سازه ژنی در مدل موشی ارزیابی شود.

مواد و روش‌ها

مطالعه حاضر دارای تأییدیه از کمیته اخلاق دانشگاه علوم پزشکی گیلان است

بررسی بیوانفورماتیکی و طراحی آغازگرها

به منظور کلونینگ ژن NP از ویروس Influenza A/PR8/34 (H1N1)، نخست دو جفت آغازگر برای تکثیر ژن طراحی شد. برای این منظور ابتدا توالی ژن از بانک ژنی NCBI دریافت شد و سایت‌های برش آنزیم‌های محدود کننده موجود در توالی با استفاده از نرم‌افزار Ncb cutter بررسی شد. سپس طراحی آغازگرها با کمک نرم‌افزارهای Oligo7، NCBI Blast

همسانه‌سازی ژن نوکلئوپروتئین آنفلوانزا در ناقل واجد اینترلوکین ۱۸

دوگانه با آنزیم‌های محدود کننده BstXI و NotI انجام شد. پس از تأیید نتایج توسط این آزمون به منظور بررسی درستی توالی کلون شده، توالی‌یابی دو جهته پلاسمید با استفاده از ست آغازگر اختصاصی موجود در کیت که واجد جایگاه اتصال در بدنه ناقل بود توسط شرکت Bioneer (کره جنوبی) انجام شد.

توالی آغازگرهای مورد استفاده برای تعیین توالی

3'-CGACTCACTATA GGGGA GA GCGGC-5'

(آغازگر جلویی) و

3'-AAGAACATCGATTTTCCATGGCA G-5'

(آغازگر برگشتی) بود.

ساب کلون ژن NP از ناقل NP - pJET1.2 به سازه ژنی واجد ژن IL-18 (Igk/mL18/Fc) - pIRES

در این مطالعه به منظور همسانه‌سازی ژن NP در پلاسمید واجد IL-18 (pIRES-Igk/mL18/Fc) می‌بایست ژن eGFP (enhanced Green Fluorescent Protein) واقع در جایگاه بعد از توالی IRES (Internal Ribosome Entry Site)، با استفاده از دو آنزیم BstXI و NotI از ناقل خارج و سپس ژن NP هضم شده و خارج شده از pJET1.2-NP در این ناحیه وارد می‌شد. برای این منظور نخست هضم آنزیمی pJET1.2-NP و pIRES-Igk/mL18/Fc انجام شد. میکروتیوب‌های حاوی واکنش‌های فوق به مدت یک و نیم ساعت در دمای ۳۷ درجه سانتی‌گراد و سپس به منظور غیر فعال‌سازی آنزیم NotI به مدت ۲۰ دقیقه در ۸۰ درجه سانتی‌گراد انکوبه شدند. بعد از آن به هر میکروتیوب ۰/۵ میکرولیتر آنزیم BstXI افزوده و یک ساعت در ۵۵ درجه سانتی‌گراد انکوبه شد. سپس به منظور غیر فعال نمودن این آنزیم، مجدداً به مدت ۲۰ دقیقه در ۸۰ درجه سانتی‌گراد انکوبه شد. محصول هضم آنزیمی دو واکنش فوق روی دو ژل آگارز ۰/۸ درصد تهیه شده از آگارز با دمای ذوب پایین الکتروفورز

dNTP، ۳۰۰ نانوگرم cDNA انجام شد. برای جلوگیری از جهش احتمالی از آنزیم Pfu (Fermentas، کانادا) استفاده شد. چرخه دمایی واکنش PCR ۵ دقیقه در ۹۴ درجه سانتی‌گراد، ۱۵ ثانیه در ۹۴ درجه سانتی‌گراد، ۱۵ ثانیه در ۵۵ درجه سانتی‌گراد و ۱۲۰ ثانیه در ۶۸ درجه سانتی‌گراد برای ۳۰ چرخه بود و در نهایت ۱۰ دقیقه در ۶۸ درجه سانتی‌گراد برای سنتز نهایی در نظر گرفته شد.

همسانه‌سازی ژن NP در ناقل pJET1.2/blunt

محصول PCR بر روی ژل آگارز با دمای ذوب پایین (Low Melting Agarose) با غلظت ۰/۸ درصد در مجاورت نشانگر DNA ۱ کیلوباز الکتروفورز شد. برش قطعه مربوط به ژن NP از روی ژل انجام و سپس با کیت استخراج DNA از ژل (QIAquick gel extraction kit) طبق دستورالعمل شرکت سازنده تخلیص شد و در ناقل pJET1.2/blunt با استفاده از کیت CloneJET PCR Cloning طبق دستورالعمل شرکت سازنده کلون شد. غلظت مواد مورد استفاده برای واکنش لیگاسیون شامل ۱۱۳ نانوگرم محصول PCR، ۱۰ میکرولیتر بافر، ۵۰ نانوگرم ناقل pJET1.2/blunt، ۱ میکرولیتر آنزیم T4 ligase با حجم نهایی ۲۰ میکرولیتر بود. میکروتیوب حاوی واکنش به مدت ۳۰ دقیقه در ۲۲ درجه سانتی‌گراد انکوبه شد. سپس به منظور غیر فعال‌سازی آنزیم ۵ دقیقه در ۷۰ درجه سانتی‌گراد قرار گرفت. پس از اتمام انکوباسیون، محصول فرآیند لیگاسیون به سویه استاندارد DH5α مستعد شده با کلسیم کلراید ترانسفورم شد و سلول‌های ترانسفورم شده روی پلیت واجد ۱۰۰ میکروگرم/میکرولیتر آمپی‌سیلین کشت داده شد.

بررسی درستی همسانه‌سازی ژن NP در ناقل

pJET1.2/blunt

به منظور تأیید همسانه‌سازی یک واکنش هضم آنزیمی

5'-GCTTTACATGTGTTTATGTCGAGGTT-3'
(آغازگر جلویی ۱)،
5'-AGGCA GGA CTTGTGA GCAACCGA-3'
(آغازگر برگشتی ۱)،
5'-AATGATGGATCAA GTGA GA GA GA-3'
(آغازگر جلویی ۲) و
5'-AATCAGCCATACCA CATTGTGA GA GG-3'
(آغازگر برگشتی ۲) بود.

ترانسفکشن سازه ژنی NP-18-pIRES2-mIL

ارزیابی بیان ژن‌های NP و mL-18 از پلاسمید mL-18-pIRES2-NP در سلول یوکاریوتی با بهره‌گیری از رده‌های سلولی BHK21 و RAW264.7 (تهیه شده از بانک سلولی انستیتو پاستور ایران) انجام شد. برای این منظور ۲۴ ساعت قبل از ترانسفکشن ۱۰^۶ سلول به هر چاهک پلیت ۱۰ سانتی‌متری منتقل شد و در محیط DMEM (Dulbecco's Modified Eagle's Medium) (Biosera، انگلستان) حاوی ۱۵ درصد FBS (Fetal Bovine Serum) (Biosera، انگلستان)، دمای ۳۷ درجه سانتی‌گراد، ۵ درصد CO₂ و ۹۶ درصد رطوبت کشت شد به طوری که در روز ترانسفکشن تراکم سلول‌ها ۹۵-۱۰۰ درصد بود. ۲۰ میکروگرم از سازه ژنی NP-18-pIRES2- در mL-18 در ۱۰۰ میکرولیتر آب دیونیزه رقیق شد. ۳۵۰ میکرولیتر آب دیونیزه استریل همراه با ۵۰ میکرولیتر کلسیم کلراید ۲/۵ مولار درون یک میکروتیوب مخلوط شد سپس سازه ژنی به این میکروتیوب افزوده شد. ۵۰۰ میکرولیتر بافر HEPES [4-(2-hydroxyethyl)-1-piperazineethane-] 2X درون یک فالکون ریخته شد. کمپلکس کلسیم کلراید/DNA به دست آمده از مرحله قبل به آرامی به فالکون حاوی بافر HEPES افزوده شد و محلول همگن شد؛ سپس سریعاً محلول ۵ ثانیه ورتکس (Vortex) و ۲۰ دقیقه در دمای اتاق انکوبه شد. کمپلکس حاصل روی سلول‌های هر چاهک توزیع شد. پس از ۱۵ ساعت محیط کشت چاهک‌ها تخلیه شد و سلول‌ها با PBS (Phosphate Buffered Saline) شسته شدند. ۲ میلی‌لیتر DMSO (Dimethyl sulfoxide) ۱۰ درصد

شد و پس از تکمیل، باندهای اختصاصی مربوط به NP و pIRES-Igk/mIL18/Fc از ژل بریده شد و با کیت استخراج از ژل (QIAquick gel extraction kit) طبق دستورالعمل سازنده استخراج شد. به‌منظور الحاق ژن NP در ناقل pIRES-Igk/mIL18/Fc واکنش لیگاسیون با استفاده از آنزیم T4 لیگاز (Takara، ژاپن) طبق دستورالعمل پیشنهادی شرکت انجام شد. میکروتیوب حاوی واکنش به مدت ۱۴ ساعت در ۱۶ درجه سانتی‌گراد انکوبه شد. پس از اتمام انکوباسیون محصول واکنش لیگاسیون با روش شوک حرارتی به باکتری اشریشیا کلی سویه DH5 α ترانسفورم شد و باکتری‌ها به‌صورت چمنی روی پلیت آگار واجد ۵۰ میکروگرم بر میلی‌لیتر کانامایسن کشت داده شدند و به مدت ۲۴ ساعت در ۳۷ درجه سانتی‌گراد انکوبه شدند.

ارزیابی درستی همسانه‌سازی NP در ناقل pIRES-Igk/mIL18/Fc

پس از ۲۴ ساعت کلونی‌های ایجاد شده از نظر حضور ژن NP بررسی شد. برای این منظور Colony PCR با استفاده از آغازگرهای اختصاصی ژن NP روی کلونی‌های ایجاد شده، انجام شد. کلونی‌های مثبت در محیط LB مایع واجد آنتی‌بیوتیک کانامایسن تلقیح شد و به مدت ۱۴ ساعت در دمای ۳۷ درجه سانتی‌گراد و سرعت ۱۲۰ دور در دقیقه انکوبه شد. سپس با استفاده از کیت استخراج پلاسمید (QIAprep Spin Miniprep Kit) پلاسمیدهای مربوطه استخراج شد. برای تأیید همسانه‌سازی نخست آزمون هضم آنزیمی دوگانه با آنزیم‌های BstXI و NotI روی پلاسمیدهای استخراج شده انجام شد. همچنین از آزمون PCR با بهره‌گیری از آغازگرهای اختصاصی ژن NP طبق واکنش استاندارد، برای تأیید حضور قطعه مربوطه استفاده شد. در نهایت از تعیین توالی دو جهت با استفاده از آغازگرهای اختصاصی برای درستی توالی و جهت الحاق ژن همسانه‌سازی شده استفاده گردید. توالی آغازگرهای طراحی شده برای تعیین توالی ژن NP شامل

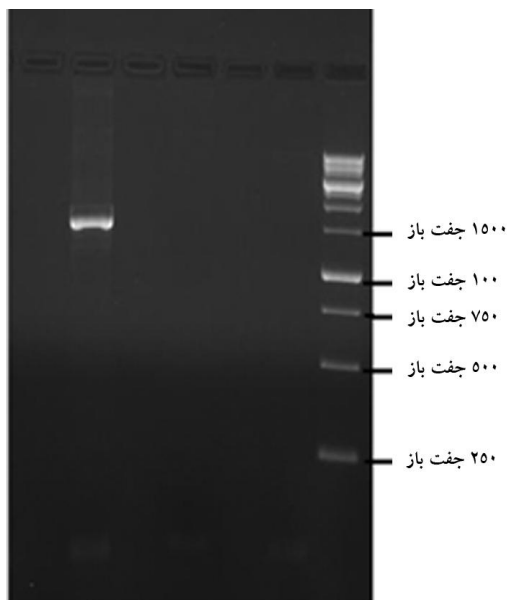
همسانه‌سازی ژن نوکلئوپروتئین آنفلوانزا در ناقل واجد اینترلوکین ۱۸

PBS شست‌شده شد. ۱ میلی‌لیتر محلول ۱/۵۰ آنتی‌بادی پلی کلونال ضد IgG موشی کونژوگه با FITC (Fluorescein isothiocyanate) (AbCAM، ایالات متحده آمریکا) در PBS حاوی ۱ درصد BSA تهیه و به هر چاهک اضافه شد. اسلاید به مدت ۱ ساعت در دمای اتاق انکوبه شد و بعد از آن ۳ مرتبه با PBS و یک مرتبه با آب شست‌شده شد. در انتها بیان ژن NP در سلول‌ها با استفاده از میکروسکوپ فلورسنت بررسی شد.

نتایج

الکتروفورز محصول PCR ژن NP

واکنش PCR با استفاده از آغازگرهای اختصاصی طراحی شده برای ژن NP انجام گرفت. محصول PCR روی ژل آگارز ۰/۸ درصد در مجاورت نشانگر ۱ کیلوبازی الکتروفورز شد. نتیجه الکتروفورز محصول PCR در شکل ۱ آمده است. همان‌طور که مشخص است، باند ۱۵۰۰ جفت بازی حاصل از PCR ژن NP تأیید کننده تکثیر اختصاصی ژن NP بود.



شکل ۱ الکتروفورز محصول PCR ژن NP

به هر چاهک افزوده شد سپس پلیت ۵ دقیقه در دمای اتاق انکوبه شد. پس از اتمام دوره انکوباسیون سلول‌ها مجدداً با PBS شسته شدند و به آن‌ها محیط کشت DMEM حاوی ۱۵ درصد FBS افزوده شد. یک ساعت در انکوباتور و شرایط استاندارد رشد انکوبه شدند و بعد از آن محیط کشت کامل با محیط کشت جدید جایگزین شد. مجدداً ۲۴ ساعت در شرایط استاندارد انکوبه شد.

ارزیابی بیان و فعالیت زیستی IL-18 از سازه

ژنی NP-pIRES2-IL-18

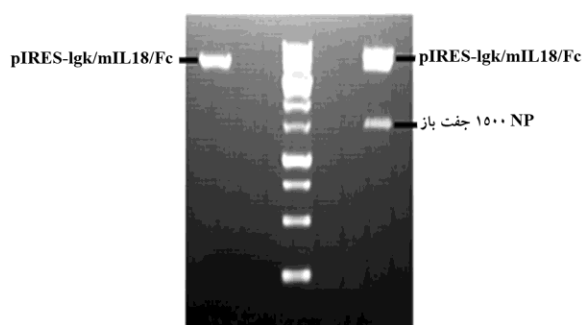
به منظور بررسی بیان IL-18 از پلاسمید ساخته شده و فعالیت زیستی آن، از رده مونسیت ماکروفاژی موشی (RAW264.7) استفاده شد. محیط کشت رویی سلول‌های ترانسفکت شده برای ارزیابی بیان IL-18 و IFN- γ جمع‌آوری شد و در نهایت با استفاده از کیت الایزای IL-18 موشی (Bender MedSystems، اتریش) و کیت الایزای (U-cytech bioscience، هلند) IFN- γ میزان بیان سایتوکاین‌های IL-18 و IFN- γ ارزیابی شد.

رنگ آمیزی ایمونوفلورسنت سلول‌های BHK-21

به منظور ارزیابی بیان ژن NP

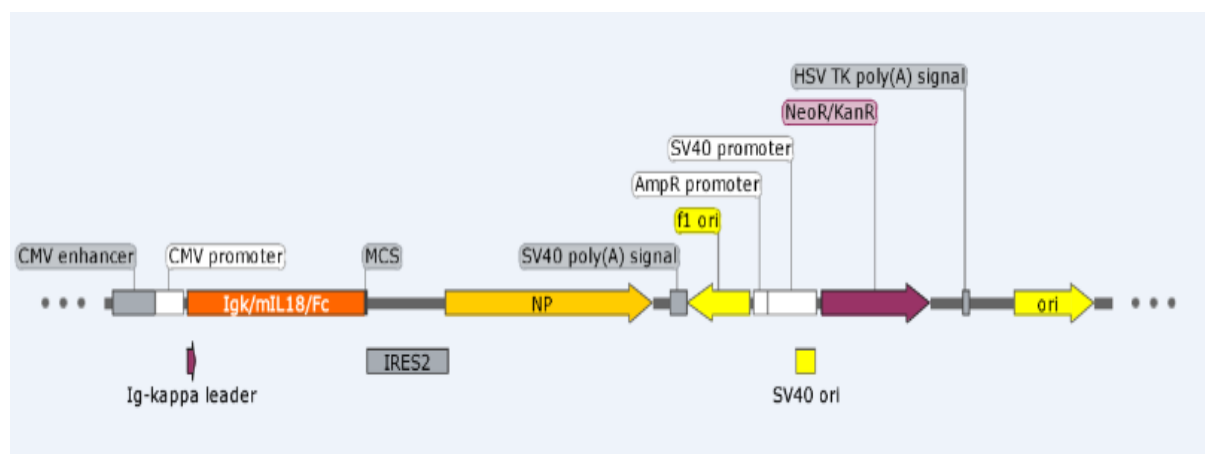
سلول‌های ترانسفکت شده نخست با PBS شسته شد و سپس ۱ میلی‌لیتر فرمالدئید ۴ درصد به هر چاهک افزوده و پلیت به مدت ۱۵ دقیقه در دمای اتاق انکوبه شد. بعد از آن مجدداً سلول‌ها با PBS شسته شدند. ۱ میلی‌لیتر Triton-X100، ۰/۲۵ درصد به هر چاهک افزوده و پلیت به مدت ۱۰ دقیقه در دمای اتاق انکوبه شد. سپس سلول‌ها با PBS شسته شدند. ۱ میلی‌لیتر محلول ۱/۳۰ آنتی‌بادی مونوکلونال ضد NP (AbCAM، ایالات متحده آمریکا) در PBS حاوی ۱ درصد BSA آماده و به هر چاهک اضافه شد. اسلاید تهیه شده به مدت ۱ ساعت در دمای اتاق انکوبه شد. سپس اسلاید با

همسانه‌سازی این ژن در ناقل pIRES-Igk/mIL18/Fc و تولید محصول ۱۵۰۰ جفت بازی بود. نتایج هضم دوگانه با آنزیم‌های NotI و BstXI و الکتروفورز محصول واکنش هضم نیز مطابق با پیش‌بینی و خروج قطعه ۱۵۰۰ جفت بازی مربوط به NP از ناقل بود.



شکل ۲ نتیجه الکتروفورز محصول هضم آنزیمی دوگانه سازه mIL-18-pIRES2-NP

همچنین نتیجه تعیین توالی قطعه کلون شده در ناقل با استفاده از آغازگرهای طراحی شده نشان دهنده تشابه کامل توالی این قطعه با توالی ژن NP ویروس آنفلوانزا Influenza A/PR8/34 (H₁N₁) بود. شکل ۳ نقشه ژنتیکی پلاسمید ساخته شده mIL-18-pIRES2-NP را نشان می‌دهد.



شکل ۳ نقشه ژنتیکی پلاسمید ساخته شده mIL-18-pIRES2-NP

نتایج آزمون‌های ارزیابی درستی همسانه‌سازی NP در ناقل pJET1.2/blunt

پس از الحاق (Ligation) ژن NP به پلاسمید pJET1.2/blunt، درستی نوترکیبی با انجام هضم آنزیمی، PCR و توالی‌یابی بررسی شد. برای این منظور پلاسمید استخراج شده از کلونی با استفاده از دو آنزیم NotI و BstXI هضم شد، همان‌طور که انتظار می‌رفت قطعه ۱۵۰۰ جفت بازی مربوط به ژن NP از ناقل خارج شد. نتایج PCR نیز تأیید کننده حضور ژن NP در سازه ژنی pJET1.2/blunt_NP بود. همچنین نتایج تعیین توالی توسط نرم‌افزار Chromas بازیابی شد و با توالی NP، blastn و با استفاده از نرم‌افزارهای BioEdit و AlleleID هم‌ردیفی چندگانه انجام شد. نتایج نشان دهنده تشابه صد در صدی توالی ژن همسانه‌سازی شده با توالی ژن NP ویروس آنفلوانزا Influenza A/PR8/34 (H₁N₁) بود.

نتایج آزمون‌های ارزیابی درستی ساب کلونینگ ژن NP در ناقل pIRES-Igk/mIL18/Fc

از آزمون PCR برای اثبات حضور ژن NP در کلون‌های ایجاد شده استفاده شد که نتایج الکتروفورز تأیید کننده

همسانه‌سازی ژن نوکلئوپروتئین آنفلوانزا در ناقل واجد اینترلوکین ۱۸

همان‌طور که در شکل ۴ می‌بینید اثبات‌کننده قابلیت بیان ژن NP از سازه ژنی mL-18-pIRES2-NP در سلول‌های یوکاریوتی است.

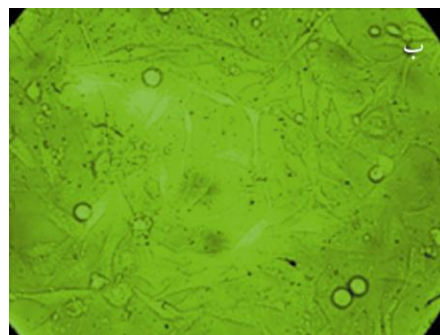
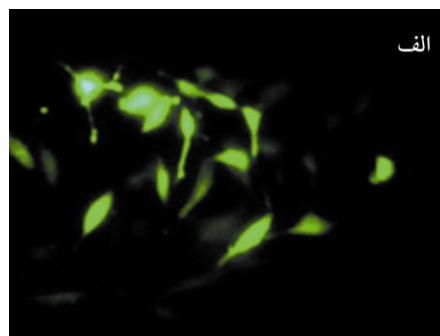
بحث

آنفلوانزا یکی از مهم‌ترین بیماری‌های عفونی در جهان مدرن است که هر ساله به دلیل فقدان داروهای وسیع‌الطیف و واکسن‌های با مدت اثر طولانی آسیب‌گسترده‌ای به سلامت عمومی جامعه وارد می‌سازد. علاوه بر این؛ به علت پتانسیل ژن‌نوز و تغییرپذیری گسترده آنتی‌ژنیک، این عامل بیماری‌زا تهدید مداوم برای ایجاد یک پاندمی جدید جهانی را نیز به ارمغان می‌آورد. بنابراین تحقیقات گسترده‌ای روی ارایه راه‌حل‌های جدید به منظور مبارزه با آنفلوانزا و کنترل آن متمرکز شده است. یکی از راه‌حل‌های احتمالی که می‌تواند به فایده آمدن بر مشکلات داروها و واکسن‌های موجود به جامعه بشری کمک کند واکسن‌های ژنی است. DNA واکسن‌های موجود علیه ویروس آنفلوانزا را می‌توان دو دسته اصلی تقسیم نمود: (۱) واکسن‌های با هدف کاربرد در دامپزشکی (اغلب علیه H_5N_1 برای کاربرد در پرندگان و همچنین علیه دیگر سویه‌های آنفلوانزا به منظور استفاده برای اسب، خوک و...)، (۲) واکسن‌های به منظور مقابله با آنفلوانزای پاندمیک و فصلی انسانی (از جمله H_5N_1 عامل احتمالی پاندمی آتی). اغلب اثربخشی این واکسن‌ها در موش یا موش خرما آزمایش شده است، هر چند در مورد برخی ارزیابی‌های بالینی قبلاً به چاپ رسیده است [۷]. پس از مطالعات متعدد روی واکسن‌های ژنی کدکننده پروتئین‌های سطحی ویروس (NA و HA)، کارآیی کم این واکسن‌ها در ایجاد ایمنی با واکنش متقاطع مشاهده شد. اغلب این کارآیی کم، نتیجه تغییرات ژنتیکی و سپس آنتی‌ژنیک در نوروآمینیداز و هم‌گلوکونین بود. بنابراین محققان برای ساخت واکسن‌های ژنی به پروتئین‌های ساختاری و غیر ساختاری درونی ویروس که از لحاظ آنتی‌ژنیک پایدار هستند، روی آوردند. با توجه به مطالب اشاره

نتایج بیان و فعالیت زیستی IL-18 موشی کلون

شده

بررسی بیان و فعالیت زیستی پروتئین الحاقی IL-18-Fcy2a در محیط کشت رویی سلول‌های RAW 264.7 ترانسفکت شده نشان دهنده بیان mL-18 در حد ۱۸۰ پیکوگرم در میلی‌لیتر و IFN- γ در حد تقریباً ۱۵ پیکوگرم در میلی‌لیتر بود.



شکل ۴ نتیجه رنگ‌آمیزی ایمونوفلورسنت غیر مستقیم سلول‌های BHK21 ترانسفکت شده با سازه ژنی mL-18-pIRES2-NP: (الف) تصویر سلول‌ها با نور مرئی، (ب) تصویر همان سلول‌ها با تابش فلورسنت

نتیجه ترانسفکشن و ارزیابی قابلیت بیان ژن NP

در سلول با روش رنگ‌آمیزی ایمونوفلورسنت

غیر مستقیم

به منظور بررسی قابلیت بیان ژن NP سلول‌های ترانسفکت شده تحت رنگ‌آمیزی ایمونوفلورسنت غیر مستقیم قرار گرفتند که نتیجه مشاهده سلول‌ها زیر میکروسکوپ فلورسنت

سال ۲۰۰۸ انجام شد نشان داده شد که DNA واکسن کد کننده نوکلئوپروتئین نه تنها می تواند سبب تحریک سیستم ایمنی شود، بلکه باعث ایجاد محافظت در برابر سویه های مختلف ویروس آنفلوانزا می شود [۲۳-۲۶]. در مطالعه ای که توسط اوپرچال (Operschall) و همکاران در سال ۱۹۹۹ انجام شد مشخص شد تلقیح همزمان DNA کد کننده ایتروکین ۱۲ و DNA کد کننده همگلوپروتئین ویروس آنفلوانزا A سبب تحریک بیشتر سیستم ایمنی، نسبت به حالت تلقیح جداگانه این DNA واکسن ها شده است. در مطالعه ای که توسط بابیوک (Babiuk) و همکاران در سال ۲۰۰۴ ارایه شد بیان داشتند که از سایتوکاین های مختلف یا کاست های بیانی آن ها می توان به عنوان ادجوانت زیستی در DNA واکسن آنفلوانزا استفاده کرد [۲۷]. مطالعه ای که توسط مارشال (Marshall) و همکاران در سال ۲۰۰۶ انجام شد نشان داد که پلاسمید کد کننده IL-18 و پلاسمید PSA (Prostate specific antigen) نقش مهمی در توسعه پاسخ ایمنی سلول های T، CD8⁺ و CD4⁺ به هنگام تلقیح همزمان IL-18 و پلاسمید PSA دارند [۲۸]. همچنین در مطالعه ای که توسط هیودا (Hyoda) و همکارانش در سال ۱۹۹۹ انجام شد مشخص شد که IL-18 سبب القای سلول های NK می شود [۲۹]. لیم (Lim) و همکاران در سال ۲۰۱۲ در مطالعه ای نشان دادند که ترکیبی از توالی های DNA کد کننده chIL15 و chIL18 هنگام تزریق داخل عضلانی به جوجه می تواند سبب بروز پاسخ التهابی شود. به طوری که گروه تلقیح شده با مخلوطی از پلاسمید های کد کننده همگلوپروتئین و chIL15 بهترین نتیجه را در آزمون مهار همگلوپروتئین جوجه از خود نشان دادند [۳۰]. این گروه تحقیقاتی در مطالعه ای دیگر در سال ۲۰۱۳ نشان دادند که اگر جوجه ها را با ترکیبی از پلاسمید های کد کننده chIL15 و chIL18 به همراه پلاسمید های کد کننده NINA یا NP تلقیح نمایند، هر دو پلاسمید کد کننده ایتروکین سبب ارتقا پاسخ ایمنی علیه NINA و NP می شوند. با این وجود بیشترین پتانسیل ایمنی زایی از ترکیب IL-15 و NINA حاصل شد [۳۱]. در

شده در مطالعه حاضر سعی شد تا به منظور دستیابی به استراتژی پیش گیرانه برای عفونت آنفلوانزا، DNA واکسنی طراحی شود که بازوی سلولی سیستم ایمنی را تحریک و ایمنی با واکنش متقاطع قابل قبولی را ایجاد کند. بنابراین برای نیل به این منظور ساختار ژنتیکی و آنتی ژنیک ویروس آنفلوانزا با هدف انتخاب آنتی ژن نسبتاً حفاظت شده در گونه ها و زیرگونه های مختلف این ویروس بررسی و مطالعه شد. مطالعات نشان داد که بر خلاف پروتئین های سطحی، پروتئین های داخلی ساختاری و غیر ساختاری ویروس آنفلوانزا به خوبی حفاظت شده هستند. این پروتئین ها سبب تحریک و القای شکل گیری سلول های T سیتوتوکسیک می شوند که قادر به تخریب سلول های آلوده به ویروس است [۱۱]. در بین این پروتئین ها نوکلئوپروتئین (NP) به طور ویژه ای نظر طراحان واکسن را به خود جلب کرده است. در مطالعه ای که توسط پورتلا (Portela) و همکاران در سال ۲۰۰۲ و در مطالعه دیگر که توسط شری (Sherry) و همکاران در سال ۲۰۱۴ انجام شد، مشخص شد که NP یک پروتئین بسیار حفاظت شده در سویه های مختلف ویروس آنفلوانزا است که از لحاظ فیلوژنی دچار تغییرات کمتری نسبت به پروتئین های سطحی شده و از طرفی نقش های متعددی در فرآیند تکثیر ویروس و انتقال آن به هسته داشته و با پروتئین های مختلف سلولی و ویروسی، برهمکنش دارد. بنابراین می تواند یک ساختار آنتی ژنی مناسب برای ایجاد ایمنی با واکنش متقاطع باشد [۱۲، ۱۹]. در مطالعات اولیه که توسط کودیهالی (Kodihalli) و همکاران در سال ۲۰۰۰، پرتمر (Pertmer) و همکاران در سال ۱۹۹۶، روی (Roy) و همکاران در سال ۲۰۰۷ صورت گرفت نشان داده شد که DNA پلاسمید کد کننده ژن نوکلئوپروتئین سیستم ایمنی را به اندازه کافی برای ایجاد حفاظت علیه ویروس های آنفلوانزای هترولوگ و همولوگ تحریک نمی کند [۲۰-۲۲]. اما در مطالعات دیگری که توسط اولمر (Ulmer) و همکاران در سال ۱۹۹۴، اپستین (Epstein) و همکاران در سال ۲۰۰۵، ساها (Saha) و همکاران در سال ۲۰۰۶ و لوو (Luo) و همکاران در

همسانه‌سازی ژن نوکلئوپروتئین آنفلوانزا در ناقل واجد اینترلوکین ۱۸

(ژاپن) با عنوان pIRES2-eGFP بود. با توجه به ادعای شرکت سازنده، ناقل مورد استفاده در این مطالعه مبنی بر بیان مساوی دو ژن کلون شده در جایگاه MCS (Multiple Cloning Site) و جایگاه پس از IRES موقعیت‌های انتخاب شده برای همسانه‌سازی این دو ژن به ترتیب موقعیت MCS برای ژن IL-18 و موقعیت پس از IRES برای ژن NP بودند. استفاده از دو نوع پلاسمید می‌توانست تکرارپذیری آزمایش‌ها را کاهش دهد که برای همین منظور از ناقل دو سیستمی برای اطمینان از همسان بودن مولی ژن‌ها (Equimolar) در فرمولاسیون واکسن ژنی همچنین عرضه همزمان آنتی ژن و ادجوانت استفاده شد تا در آینده ایمن‌سازی یکنواخت گروه‌های تجربی با این ساختار میسر شود. در مجموع نتایج تعیین توالی، ترانسفکشن و تأیید بیان با استفاده از روش رنگ‌آمیزی فلورسنت غیر مستقیم نشان داد که ژن NP ویروس آنفلوانزا و IL-18 موشی به‌صورت موفق در رده سلول‌های یوکاریوتی BHK21 و RAW264.7 بیان می‌شوند و استفاده از این سازه به‌عنوان کاندید واکسن برای ویروس آنفلوانزا امکان‌پذیر است.

تشکر و قدردانی

نویسندگان بدین‌وسیله از تمامی همکاران مرکز تحقیقات سلولی و مولکولی و گروه میکروبیولوژی دانشگاه علوم پزشکی گیلان بابت کمک‌های علمی و اجرایی در انجام این تحقیق کمال تشکر و قدردانی را به‌عمل آورند. این مقاله برگرفته از پایان‌نامه کارشناسی ارشد رشته بیوتکنولوژی پزشکی دانشگاه علوم پزشکی گیلان است.

مطالعات صورت گرفته توسط هنکه (Henke) و همکاران در سال ۲۰۰۴ و ژو (Xu) و همکاران در سال ۲۰۰۷ از پلاسمید PIREs به‌طور موفقیت‌آمیزی برای ساخت یک DNA واکسن دو سیستمی بیان‌کننده آنتی‌ژن‌های بیماری‌زاهای Bromchitivirus و Salmonella استفاده شد [۳۲، ۳۳]. در مطالعه‌ای که توسط هنکه و همکاران در سال ۲۰۰۶ انجام شد، مشخص شد که پلاسمید بایسیسترونیک PIREs/NA/IL2 و PIREs/HA/IL2 که باعث بیان همزمان توالی اختصاصی ویروس به همراه سایتوکاین IL-2 می‌شود سبب ارتقای پاسخ ایمنی کراس راکتیو موش‌های BALB/C در برابر ویروس آنفلوانزا A در مقایسه با واکسن‌های تولید شده با پلاسمیدهای کد کننده HA و NA به همراه GM-CSF یا IL-12 می‌شود. از مشکلات اصلی استفاده از واکسن‌های ژنی در انسان لزوم تهیه مقادیر بسیار زیاد از DNA است تا قادر به ایجاد ایمنی حفاظتی در انسان شود که برای رفع این مشکل راه‌کارهای زیادی نظیر استفاده از ادجوانت‌های مختلف یا سایتوکین‌ها پیشنهاد شده‌است. از آنجایی که مطالعات متعددی در زمینه اهمیت و کاربرد واکسن‌های ژنی صورت گرفته بود که واکسن‌های ژنی را به‌عنوان یک پیشنهاد جدی و ماندگار برای پیش‌گیری از بیماری‌های کلاسیک و نوظهور در آینده مطرح می‌ساخت، همچنین با توجه به قابلیت ادجوانتی IL-18 در تحریک پاسخ‌های ایمنی و میل به Th1، این مطالعه در صدد ساخت یک پلاسمید دو سیستمی واجد ژن‌های NP و IL-18- موشی بود تا در مطالعات بعدی قابلیت ایمنی‌زایی این پلاسمید در مدل موشی ارزیابی شود. ناقل مورد استفاده در این تحقیق یک پلاسمید دو سیستمی ساخت شرکت Clonetech

منابع

[1] Yavarian J, Shafiei Jandaghi NZ, Rezeai F, Mokhtari Azad T. Adamantane and Neuraminidase resistant influenza A/H3N2 isolated in Iran from 2005 to 2013. Tehran Univ Med J 2014;72(1):40-5.

[2] Kukol A, Hughes DJ. Large-scale analysis of influenza A virus nucleoprotein sequence conservation reveals potential drug-target sites. Virology 2014; 454-455: 40-7.

[3] Dawood FS, Iuliano AD, Reed C, Meltzer MI,

- Shay DK, Cheng PY, Bandaranayake D, Breiman RF, Brooks WA, Buchy P, Feikin DR, Fowler KB, Gordon A, Hien NT, Horby P, Huang QS, Katz MA, Krishnan A, Lal R, Montgomery JM, Mølbak K, Pebody R, Presanis AM, Razuri H, Steens A, Tinoco YO, Wallinga J, Yu H, Vong S, Bresee J, Widdowson MA. Estimated global mortality associated with the first 12 months of 2009 pandemic influenza A H1N1 virus circulation: a modelling study. *Lancet Infect Dis* 2012; 12(9): 687-95.
- [4] Harper SA, Fukuda K, Uyeki TM, Cox NJ, Bridges CB. Prevention and control of influenza. Recommendations of the Advisory Committee on Immunization Practices (ACIP). *MMWR* 2005; 54: 1-40.
- [5] Boyce TG, Poland GA. Promises and challenges of live-attenuated intranasal influenza vaccines across the age spectrum: a review. *Biomedicine & Pharmacotherapy* 2000; 54(4): 210-8.
- [6] Roustaf F, Fotouhi F, Ghaemi A, Heidarchi B, Mazaheri V, Fazeli M, Torabi A, Ghaffari M. Effects of aqueous Echinacea purpurea extract on immunogenicity of DNA vaccine encoding M2 gene of Influenza virus. *J Gorgan Uni Med Sci* 2012; 14(4): 82-8.
- [7] Stachyra A, Góra-Sochacka A, Sirko A. DNA vaccines against influenza. *Acta Biochim Pol* 2014; 61(3): 515-22.
- [8] Henke A, Rohland N, Zell R, Wutzler P. Co-expression of interleukin-2 by a bicistronic plasmid increases the efficacy of DNA immunization to prevent influenza virus infections. *Intervirology* 2006; 49(4): 249-52.
- [9] Scholtissek C. Source for influenza pandemics. *Eur J Epidemiol* 1994; 10(4): 455-8.
- [10] Berkhoff EG, Boon AC, Nieuwkoop NJ, Fouchier RA, Sintnicolaas K, Osterhaus AD, Rimmelzwaan GF. A mutation in the HLA-B*2705-restricted NP383-391 epitope affects the human influenza A virus-specific cytotoxic T-lymphocyte response in vitro. *J Virol* 2004; 78(10): 5216-22.
- [11] Altstein AD, Gitelman AK, Smirnov YA, Piskareva LM, Zakharova LG, Pashvykina GV, Shmarov MM, Zhimov OP, Varich NP, Ilyinskii PO, Shneider AM. Immunization with influenza A NP-expressing vaccinia virus recombinant protects mice against experimental infection with human and avian influenza viruses. *Arch Virol* 2006; 151(5): 921-31.
- [12] Portela A, Digard P. The influenza virus nucleoprotein: a multifunctional RNA-binding protein pivotal to virus replication. *J Gen Virol* 2002; 83(Pt 4): 723-34.
- [13] Ushio S, Namba M, Okura T, Hattori K, Nukada Y, Akita K, Tanabe F, Konishi K, Micallef M, Fujii M, Torigoe K, Tanimoto T, Fukuda S, Ikeda M, Okamura H, Kurimoto M. Cloning of the cDNA for human IFN-gamma-inducing factor, expression in Escherichia coli, and studies on the biologic activities of the protein. *J Immunol* 1996; 156(11): 4274-9.
- [14] Micallef MJ, Ohtsuki T, Kohno K, Tanabe F, Ushio S, Namba M, Tanimoto T, Torigoe K, Fujii M, Ikeda M, Fukuda S, Kurimoto M. Interferon-gamma-inducing factor enhances T helper 1 cytokine production by stimulated human T cells: synergism with interleukin-12

همسازیه سازی ژن نوکلئوپروتئین آنفلوانزا در ناقل واجد اینترلوکین ۱۸

- for interferon-gamma production. *Eur J Immunol* 1996; 26(7): 1647-51.
- [15] Barouch DH, Santra S, Tenner-Racz K, Racz P, Kuroda MJ, Schmitz JE, Jackson SS, Lifton MA, Freed DC, Perry HC, Davies ME, Shiver JW, Letvin NL. Potent CD4+ T cell responses elicited by a bicistronic HIV-1 DNA vaccine expressing gp120 and GM-CSF. *J Immunol* 2002; 168(2): 562-8.
- [16] Yamaoka Y, Kikuchi S, el-Zimaity HM, Gutierrez O, Osato MS, Graham DY. Importance of *Helicobacter pylori* oipA in clinical presentation, gastric inflammation, and mucosal interleukin 8 production. *Gastroenterology* 2002; 123(2): 414-24.
- [17] O'Donovan LH, McMonagle EL, Taylor S, Argyle DJ, Nicolson L. Bioactivity and secretion of interleukin-18 (IL-18) generated by equine and feline IL-18 expression constructs. *Vet Immunol Immunopathol* 2004; 102(4): 421-8.
- [18] Pouriayevali MH, Memarnejadian AR, Sadat SM, Zavvar M, Siadat SD, Hartoonian C, Aghasadeghi MR. Designing and construction of bicistronic plasmid pIRES-Igk/mL18/Fc: potential implications for vaccine investigations. *Modares Journal of Medical Sciences: Pathobiology*. 2011; 14(2): 13-23.
- [19] Sherry L, Smith M, Davidson S, Jackson D. The N terminus of the influenza B virus nucleoprotein is essential for virus viability, nuclear localization, and optimal transcription and replication of the viral genome. *J Virol* 2014; 88(21): 12326-38.
- [20] Kodihalli S, Kobasa DL, Webster RG. Strategies for inducing protection against avian influenza A virus subtypes with DNA vaccines. *Vaccine* 2000; 18(23): 2592-9.
- [21] Pertmer TM, Roberts TR, Haynes JR. Influenza virus nucleoprotein-specific immunoglobulin G subclass and cytokine responses elicited by DNA vaccination are dependent on the route of vector DNA delivery. *J Virol* 1996; 70(9): 6119-25.
- [22] Roy S, Kobinger GP, Lin J, Figueredo J, Calcedo R, Kobasa D, Wilson JM. Partial protection against H5N1 influenza in mice with a single dose of a chimpanzee adenovirus vector expressing nucleoprotein. *Vaccine* 2007; 25(39-40): 6845-51.
- [23] Ulmer JB, Donnelly JJ, Parker SE, Rhodes GH, Felgner PL, Dwarki VJ, Gromkowski SH, Deck RR, DeWitt CM, Friedman A. Heterologous protection against influenza by injection of DNA encoding a viral protein. *Science* 1993; 259(5102): 1745-9.
- [24] Epstein SL, Kong WP, Misplon JA, Lo CY, Tumpey TM, Xu L, Nabel GJ. Protection against multiple influenza A subtypes by vaccination with highly conserved nucleoprotein. *Vaccine* 2005; 23(46-47): 5404-10.
- [25] Saha S, Yoshida S, Ohba K, Matsui K, Matsuda T, Takeshita F, Umeda K, Tamura Y, Okuda K, Klinman D, Xin KQ, Okuda K. A fused gene of nucleoprotein (NP) and herpes simplex virus genes (VP22) induces highly protective immunity against different subtypes of influenza virus. *Virology* 2006; 354(1): 48-57.
- [26] Luo M, Tao P, Li J, Zhou S, Guo D, Pan Z. Immunization with plasmid DNA encoding influenza A virus nucleoprotein fused to a tissue plasminogen activator signal sequence elicits

- strong immune responses and protection against H5N1 challenge in mice. *J Virol Methods* 2008; 154(1-2): 121-7.
- [27] van Drunen Littel-van den Hurk S, Babiuk SL, Babiuk LA. Strategies for improved formulation and delivery of DNA vaccines to veterinary target species. *Immunol Rev* 2004; 199: 113-25.
- [28] Marshall DJ, Rudnick KA, McCarthy SG, Mateo LR, Harris MC, McCauley C, Snyder LA. Interleukin-18 enhances Th1 immunity and tumor protection of a DNA vaccine. *Vaccine* 2006; 24(3): 244-53.
- [29] Hyodo Y, Matsui K, Hayashi N, Tsutsui H, Kashiwamura S, Yamauchi H, Hiroishi K, Takeda K, Tagawa Y, Iwakura Y, Kayagaki N, Kurimoto M, Okamura H, Hada T, Yagita H, Akira S, Nakanishi K, Higashino K. IL-18 up-regulates perforin-mediated NK activity without increasing perforin messenger RNA expression by binding to constitutively expressed IL-18 receptor. *J Immunol* 1999; 162(3): 1662-8.
- [30] Lim KL, Jazayeri SD, Yeap SK, Alitheen NB, Bejo MH, Ideris A, Omar AR. Co-administration of avian influenza virus H5 plasmid DNA with chicken IL-15 and IL-18 enhanced chickens immune responses. *BMC Vet Res* 2012; 8: 132.
- [31] Lim KL, Jazayeri SD, Yeap SK, Mohamed Alitheen NB, Bejo MH, Ideris A, Omar AR. Antibody and T cell responses induced in chickens immunized with avian influenza virus N1 and NP DNA vaccine with chicken IL-15 and IL-18. *Res Vet Sci* 2013; 95(3): 1224-34.
- [32] Henke A, Chiang CS, Zell R, Stelzner A. Co-expression of interleukin-2 to increase the efficacy of DNA vaccine-mediated protection in coxsackievirus B3-infected mice. *Antiviral Res* 2004; 64(2): 131-6.
- [33] Xu C, Li ZS, Du YQ, Gong YF, Yang H, Sun B, Jin J. Construction of recombinant attenuated *Salmonella typhimurium* DNA vaccine expressing *H pylori ureB* and IL-2. *World J Gastroenterol* 2007; 13(6): 939-44.