

شناسایی باکتری استافیلوکوکوس اورئوس تولید کننده انتروتوکسین تاپ C از نمونه های ناقلین سالم به وسیله PCR

دکتر مجتبی سعادتی^۱، بابک براتی^۲، مهدی شیرازی^۳، دکتر محمد جواد سلطان پور^۴

^۱ استادیار میکروب شناسی، مرکز تحقیقات بیوتکنولوژی کاربردی و محیط زیست، دانشگاه علوم پزشکی بقیه ا... (عج)

^۲ کارشناس ارشد سلولی و مولکولی، مریم مرکز تحقیقات بیوتکنولوژی کاربردی و محیط زیست، دانشگاه علوم پزشکی بقیه ا... (عج)

^۳ کارشناس ارشد سلولی و مولکولی، گروه علوم زیستی دانشگاه امام حسین(ع)

^۴ دکترای علوم آزمایشگاهی، آزمایشگاه مرکزی بیمارستان بقیه ا...، دانشگاه علوم پزشکی بقیه ا... (عج)

نشانی نویسنده مسؤول: تهران، دانشگاه علوم پزشکی بقیه ا... (عج)، مرکز تحقیقات بیوتکنولوژی کاربردی و محیط زیست، دکتر مجتبی سعادتی

E-mail: saadati_m@yahoo.com

وصول: ۸۶/۴/۱۶، ۸۶/۵/۸، اصلاح: ۸۶/۶/۱۸، پذیرش:

چکیده

زمینه و هدف: استافیلوکوکوس اورئوس یک پاتوژن است که در شرایط مساعد می تواند با رشد در مواد غذایی و تولید انتروتوکسین سبب مسمومیت غذایی در انسان شود. تنها برخی از سویه های استافیلوکوکوس اورئوس توانایی تولید انتروتوکسین و ایجاد مسمومیت غذایی را دارند که با استفاده از روش های تکثیر DNA می توان حضور سویه های استافیلوکوکوس اورئوس انتروتوکسوژنیک را بر اساس توالی اختصاصی ژن شناسایی نمود. لذا این پژوهش با هدف شناسایی سویه های استافیلوکوکوس اورئوس که قادر به تولید انتروتوکسین تاپ C هستند، انجام گردید.

مواد و روش ها: در این مطالعه با استفاده از سواپ استریل از ۱۵۰ نفر ناقل باکتری از طریق بینی، ۹۵ سویه استافیلوکوکوس اورئوس جداسازی شدند که با آزمایش های بیوشیمیایی شناسایی و تأیید شدند. سپس با پرایمرهای طراحی شده برای ژن انتروتوکسین استافیلوکوکی تاپ C (sec) و تکثیر در واکنش PCR، اقدام به شناسایی سویه های انتروتوکسوژنیک تاپ C گردید.

یافته ها: قطعات تکثیر یافته DNA برای ژن نوکلئاز استافیلوکوکی ۳۹7bp و برای ژن انتروتوکسین تاپ C استافیلوکوکی ۷۷1bp بود که توسط هضم آنزیمی و تعیین توالی قطعه تکثیر شده مورد تأیید قرار گرفت. از همه سویه های مورد مطالعه، تنها ۹/۵ درصد سویه جدا شده حاوی ژن sec بودند. ویژگی و حساسیت واکنش نیز مورد ارزیابی قرار گرفت که حساسیت آن ۱۲۵ سلول تعیین گردید.

نتیجه گیری: این روش سریع، حساس، اختصاصی، ارزان و متفاوت نسبت به سنجش های مرسوم بیوشیمیایی و سرولوژیکی بوده و قادر است عامل تولید کننده انتروتوکسین تاپ C استافیلوکوکی را شناسایی نماید. (مجله دانشکده علوم پزشکی و خدمات بهداشتی درمانی سبزوار، دوره ۱۴/شماره ۲ / صص ۱۲۷-۱۱۷).

واژه های کلیدی: شناسایی، استافیلوکوکوس اورئوس، انتروتوکسین تاپ C؛ PCR

ژنیک و مولکولی مانند SEC1 (۱۵) SEC2 (۱۶) و SEC3 (۱۷،۱۸) گزارش شده است.

انتروتوكسین‌های استافیلوکوکی، پروتئین‌هایی با وزن مولکولی ۲۶-۲۹ کیلودالتون هستند که به وسیله استافیلوکوک کوآگولاز مثبت تولید می‌شوند (۳,۱۰). مهم‌ترین خصوصیات انتروتوكسین استافیلوکوکی، توانایی ایجاد استفراغ در پریمات‌ها، مقاومت به حرارت و هضم پپسین و خاصیت سوپرآنتی‌ژنیسیته است (۱۹). علائم مسمومیت با انتروتوكسین‌های استافیلوکوکی در انسان شامل افزایش بزاق دهان، تهوع، استفراغ و سپس دلپیچه و اسهال می‌باشد که در برخی موارد همراه با خون نیز دیده می‌شود (۲). تقریباً ۵ درصد مسمومیت‌های غذایی ناشی از انتروتوكسین‌های تولیدشده توسط این باکتری می‌باشد (۲۰). این در حالی است که گزارش مسمومیت‌های ناشی از این انتروتوكسین به دلیل شناسایی تایپ‌های جدید رو به افزایش است (۸,۱۲) اما در ایران اطلاعات دقیقی در این خصوص گزارش نشده است. برگداش گزارش نمود که ۹۵ درصد مسمومیت‌های ناشی از انتروتوكسین استافیلوکوکوس اورئوس به علت تایپ‌های A، B، C، D و E بوده و ۵ درصد باقی مانده به علت دیگر تایپ‌های این باکتری می‌باشد (۲۱).

روش‌های مختلفی برای شناسایی سم این باکتری از جمله لاتکس آگلاتیناسیون، الایزا، ایمونو دیفورژن و رادیو ایمنتوسی و وجود دارد که در همه این روش‌ها نیاز به فراهم شدن شرایطی برای بیان شدن ژن انتروتوكسین استافیلوکوکی می‌باشد (۲۲, ۲۳, ۱۱). در حالی که ممکن است باکتری در شرایط خاص علیرغم داشتن ژن تولید-کننده سم، قادر به تولید آن نبوده و نتایج به دست آمده در روش‌های فوق الذکر را منفي نماید. لذا تلاش محققین بر آن بود تا روش‌های تشخیص مولکولی را جانشین روش‌های بیوشیمیایی و سرولوژیکی نمایند. در روش مولکولی که با شناسایی ژن گُدکننده سم انجام می‌شود، می‌توان نسبت به شناسایی استافیلوکوکوس اورئوس‌هایی که واجد

مقدمه

باکتری استافیلوکوکوس اورئوس به عنوان تنها جنس مهم خانواده میکروکوکاسیه، دارای اشکال گرد به قطر ۰/۵ تا ۱/۵ میکرومتر با آرایش نامنظم، گرم مثبت، کاتالاز مثبت، بی‌حرکت، بدون اسپور و بی‌هوای اختیاری بوده که روی محیط کشت جامد رنگدانه‌های مختلف از جمله طلایی، لیمویی و سفید رنگ ایجاد می‌نماید. این باکتری در شرایط مساعد می‌تواند در تمام نقاط بدن انسان و حیوان عفونت‌های شدید و خطرناک ایجاد نماید و موجب مسمومیت غذایی در افراد گردد. استافیلوکوکوس اورئوس عوامل حذت زایی را ترشح می‌کند که در استقرار و بیماری‌زایی این باکتری در میزبان‌های پستاندار دخالت دارند (۱). یکی از این عوامل انتروتوكسینی است که توسط سویه‌های مختلف این باکتری SEE, SED, SEC_n, SEB, SEA تولید می‌شود (۴-۲). اخیراً انتروتوكسین‌هایی مانند SEO, SEN, SEM, SEL, SEK, SEJ, SEI, SEH, SEG روش‌های جدید مورد شناسایی قرار گرفته است (۵-۹). تحقیقات فراوانی در مورد انتروتوكسین‌های تولید شده توسط استافیلوکوکوس اورئوس انجام شده و تاکنون بیش از ۱۴ نوع انتروتوكسین مختلف که ساختمان و توالی نسبتاً یکسانی دارند گزارش شده است (۱۰-۱۲).

محل قرار گرفتن ژن‌های انتروتوكسین‌ها متفاوت است. برخی همچون *sej* و *sec1* درون پلاسمید واقع شده‌اند در حالی که *sei*, *sem*, *sen* و *seo* در کروموزوم و به صورت گروهی قرار گرفته‌اند. ژن *sea* در پروفاز و *sek* در فازهای ناقص واقع شده است و ژن‌های *see* و *sel* در جزایر پاتوژنیسته جای گرفته‌اند. برخی از ژن‌های انتروتوكسین استافیلوکوکی در چند محل قابل مشاهده هستند؛ به طور مثال ژن *seb* در کروموزوم، پلاسمید و ترانسپوزون واقع شده است (۱۱,۱۲). ژن گُدکننده انتروتوكسین تایپ C در جزایر پاتوژنیسته قرار دارد (۱۴) برای سروتایپ SEC چندین اختلاف آنتی-

درون محیط کشت مانیتول سالت آگار کشت و سپس به وسیله آزمایش‌های بیوشیمیایی تعیین هویت گردید.

پرایمرهای مورد استفاده: با استفاده از توالی ژن‌های nuc و sec در بانک‌های ژنی به طراحی دو جفت پرایمر برای ژن‌های آنزیم دزکسی‌ربیونوکلئاز (nuc) که شاخصی برای شناسایی استافیلوکوکوس اورئوس نیز (sec) می‌باشد و انتروتوکسین استافیلوکوکی تایپ C آزاد گردید. پس از انتخاب پرایمرهای مورد نظر، وجود لوب، دمای ذوب و سایر خصوصیات پرایمرها به وسیله نرم‌افزارهای مولکولی (DNASIS, BLAST, Oligo) مورد بررسی قرار گرفت. به دنبال تأیید خصوصیات، پرایمرها جهت ساخت به شرکت MWG آلمان سفارش داده شد. پس از ساخته شدن پرایمرها و قبل از استفاده در واکنش PCR کیفیت آن‌ها با الکتروفوروز بر روی ژل ادرصد پلی اکریل آمید نیز مورد بررسی قرار گرفت. در این تحقیق از پرایمرهای IpaH F و sea R به عنوان کنترل استفاده گردید. این پرایمرها عبارت بودند از: nucF: 5'- CTG GCA TAT GTA TGG CAA TTG - 3' nucR: 5'- AAT GCA CTT GCT TCA GGA CC-3' secF : 5' CTC AAG AAC TAG ACA TAA AAG CTA GG -3' secR : 5' TTA TAT CAA AAT CGG ATT AAC ATT ATC -3' seaF : 5'TTG CGA AAA AAG TCT GAA TTG C -3'

(به عنوان کنترل مورد استفاده قرار گرفت)

seaR: 5'ATT AAC CGA AGG TTC TGT AGA
AGT A -3'

(به عنوان کنترل مورد استفاده قرار گرفت)

IpaH F: 5' CCT TGA CCG CCT TTC CGA TA -3'

(به عنوان کنترل مورد استفاده قرار گرفت)

تخلیص ژنوم: پس از کشت باکتری نسبت به تخلیص ژنوم آن اقدام گردید. استخراج ژنوم به روش قلیایی انجام شد و ژنوم‌های تخلیص شده در دمای ۴ درجه سانتی‌گراد نگهداری شدند. جهت بررسی کیفیت محصول تخلیص شده، DNA ژنومی روی ژل آکاروز یک درصد الکتروفورز شد. برای اندازه‌گیری غلظت

ژن گُدکننده این سم هستند، اقدام نمود. در این روش می‌توان سوش‌هایی را شناسایی کرد که میزان تولید انتروتوكسین پایینی دارند و در روش‌های ایمنولوژیکی نمی‌توان آن‌ها را آشکار نمود (۲۴، ۲۵، ۲۶). البته گزارشات متعددی در زمینه جداسازی و شناسایی این باکتری‌های انتروتوكیوزنیک استافیلوکوکوس اورئوس از مواد غذایی، ناقلین سالم، عفونت‌ها و نیز مدفوع انسان وجود دارد (۲۶-۲۲، ۱۴). لذا هدف از این تحقیق، جداسازی باکتری استافیلوکوکوس اورئوس و شناسایی سویه‌های واجد ژن گُدکننده انتروتوكسین تایپ C به وسیله PCR بود. این اولین بار است که در ایران این تایپ شناسایی، و گزارش می‌شود.

مواد و روش‌ها

آنزیم محدودالاثر و مارکر 100 bp DNA ladder از شرکت محدودالاثر خردباری شد. Tris-base EDTA، Fermentase، RNAse، MgCl₂، dNTP از آنژیم Taq DNA polymerase از آنژیم استافیلوکوکوس اورئوس (ATCC=25923)، استافیلوکوکوس اپیدرمیدیس او رئوس (ATCC=9341)، باسیلوس لوتنوس (ATCC=9341)، باسیلوس شدنده. میکروکوکوس لوتنوس (ATCC=11778)، سالمونلا پاراتیفی (NCTC=5702)، سالمونلا پاراتیفی A (ATCC=8094)، پلی میگسا (ATCC=1070)، پروتنوس یرسینیا سودوتوبرکلوزیس (PCTC=6380)، ولگاریس سویه ox19 (ATCC=6380)، و باکتری اشتریشیا کلی نیز از سازمان پژوهش‌های علمی و صنعتی ایران تهیه شد. باکتری تولیدکننده انتروتوکسین تایپ A استافیلوکوکوس اورئوس از دانشگاه امام حسین (ع) تهیه شد.

در این تحقیق که به صورت تجربی و در آزمایشگاه انجام شد، ۱۵۰ نمونه از مخاطبین افراد (ناقلین سالم) نمونه برداری شد. سوابی نمونه برداری شده

PCR انجام شد و جهت محاسبه تعداد باکتری در هر رقت، فرآیند شمارش باکتری (Colony count) انجام گرفت.

یافته‌ها

در این تحقیق ۱۵۰ نمونه مورد بررسی قرار گرفت که ۹۵ نمونه استافیلوکوکوس اورئوس با استفاده از روش‌های بیوشیمیایی مورد شناسایی قرار گرفت. سپس نسبت به استخراج DNA و آرمایش PCR با استفاده از پرایمرهای تهیه شده اقدام گردید.

نتیجه الکتروفورز DNA ژنومیک تخلیص شده: از ژل الکتروفورز جهت مشاهده ژنوم و بررسی کیفیت تخلیص استفاده گردید، پس از گذشت ۶۰ دقیقه از زمان الکتروفورز، نتیجه حاصل از الکتروفورز مورد بررسی قرار گرفت. عدم وجود باندهای اضافی، نشان دهنده تخلیص نسبتاً مناسب DNA ژنومیک باکتری‌های ذکر شده بود. کیفیت پرایمرهای سفارش داده شده با الکتروفورز بر روی ژل ۱۵ درصد پلی اکریل آمید نیز مورد بررسی قرار گرفت. در این تحقیق از پرایمرهای sea R ، sea F و IpaH F به عنوان کنترل استفاده گردید

برای جستجوی استافیلوکوکوس اورئوس انتروتوكسوزنیک تایپ C واکنش PCR با دو جفت پرایمر ویژه ژن‌های sec و nuc انجام شد که وجود قطعه ۳۹۷ جفت باز مربوط به تکثیر بخشی از ژن nuc، نشان دهنده وجود این ژن در باکتری استافیلوکوکوس اورئوس بود که از این طریق نسبت به شناسایی این باکتری اقدام گردید (تصویر شماره ۱ ستون ۵) و وجود قطعه ۲۷۱ جفت باز نیز مربوط به تکثیر بخشی از ژن sec بود که وجود ژن کُدکننده انتروتوكسین تایپ C را تأیید می‌نمود (تصویر شماره ۱ ستون ۴). جهت شناسایی همزمان باکتری استافیلوکوکوس اورئوس و تایپ نمودن از روش multiplex PCR استفاده شد (تصویر شماره ۱ ستون ۲) که در این روش، علاوه بر شناسایی باکتری نسبت به

DNA نیز از دستگاه UV spectrophotometer UV و جذب-های ۲۶۰nm و ۲۸۰ nm استفاده گردید.

واکنش PCR: واکنش در حجم نهایی ۲۵ میکرولیتر انجام گردید. در این واکنش، ۱ میکرولیتر از Taq DNA polymerase (۵ واحد در میکرولیتر)، ۰/۵ میکرولیتر از هر پرایمر (۲۰ پیکومول در میکرولیتر)، ۲ میکرولیتر از مخلوط دزوکسی نوکلئوتیدهای تری‌فسفات ۲/۵ میلی‌مولار)، ۰/۵ میکرولیتر بافر PCR (۱۰ x) و ۱/۵ میکرولیتر از نمک MgCl₂ (۵۰ میلی‌مولار) با یکدیگر مخلوط و حجم نهایی با آب دوبار تقطیر به ۲۵ میکرولیتر رسانده شد. واکنش در ۳۲ سیکل انجام گردید. جهت بررسی محصول واکنش، ۵ میکرولیتر از آن جهت الکتروفورز روی ژل آگاروز ۱ درصد انتقال داده شد. سپس با اتیدیوم بروماید رنگ‌آمیزی و مورد ارزیابی قرار گرفت. جهت تأیید محصولات به دست آمده در واکنش فوق به منظور تعیین توالی، ابتدا ۵۰ میکرولیتر از قطعه تکثیر شده توسط کیت تخلیص محصول PCR شرکت Fermentase تخلیص شد و فرآیند تعیین توالی توسط شرکت زیست فناوری کوثر انجام گرفت.

تعیین میزان ویژگی و حساسیت واکنش PCR :

برای تعیین ویژگی، واکنش PCR با ژنوم تخلیص شده ۱۱ باکتری شامل سوش‌های میکروکوکوس لوئوس، استرپتوکوکوس پیوژنر، باسیلوس سرئوس، باسیلوس پلی‌میگس، سالمونلا پاراتیفی A ، یرسینیا سودوتوبرکلوزیس، اشریشیا کلی، پروٹوس و لگاریس، سویه‌های استافیلوکوکوس اورئوس تایپ A و استافیلوکوکوس اپیدرمیدیس انجام شد. میزان حساسیت واکنش طراحی شده بر اساس تعداد باکتری محاسبه گردید. برای محاسبه حساسیت واکنش بر اساس تعداد باکتری، پس از کشت باکتری در محیط آبگوشت مغذی، ابتدا از محیط مورد نظر تا 10^{-9} رقت (۱۵ سلول در میکرولیتر) تهیه گردیده و برای تمامی رقت‌ها واکنش

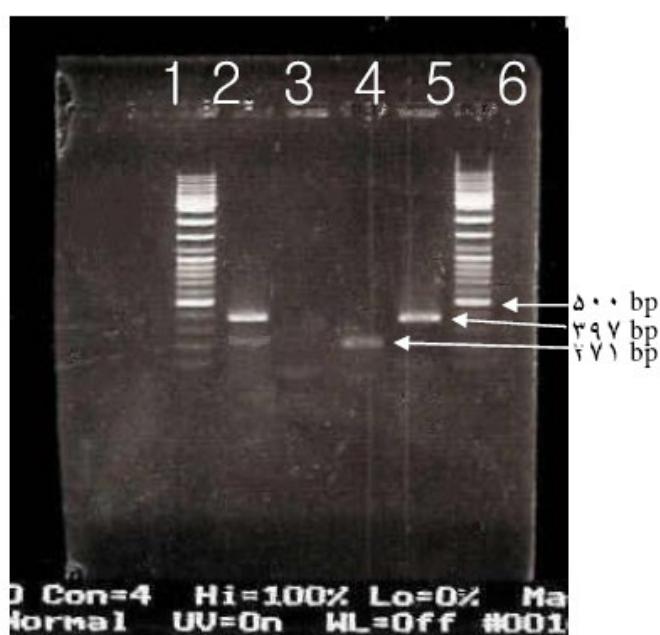
این ژن بود و به عنوان کترل منفی مورد استفاده قرار گرفت، انجام نشده است (تصویر شماره ۲ ستون های ۱۱ و ۱۵). در مورد دیگر باکتری های مورد بررسی نیز واکنشی صورت نگرفته است (تصویر شماره ۲ ستون های ۲، ۳، ۴، ۵، ۷، ۸، ۹، ۱۰، ۱۱ و ۱۳) که نشان از اختصاصی بودن پرایمرهای مورد استفاده در این تحقیق دارد.

به منظور بررسی حساسیت روش شناسایی مولکولی استافیلوکوکوس اورئوس، پس از کشت و شمارش نسبت به تهیه رقت از باکتری اقدام گردید. از رقت های تهیه شده (۴۰۰۰، ۲۰۰۰، ۱۰۰۰، ۵۰۰، ۲۵۰، ۱۲۵، ۶۰، ۳۰ و ۱۵ سلول در میکرولیتر) باکتری استافیلوکوکوس اورئوس که واجد ژن گذکننده انتروتوکسین تایپ C بود واکنش PCR صورت گرفت که نتایج آن در تصویر شماره ۳ نشان داده شده است. همان گونه که در تصویر شماره ۳ مشاهده می شود، واکنش PCR برای رقت های ۱۲۵ سلول و بیشتر از آن انجام گردید و محصول واکنش PCR آنها بر روی ژل

تایپ آن نیز در یک زمان اقدام می گردد. نتایج واکنش PCR از ژنوم این باکتری ها نشان داد که ۹/۵ درصد از افراد ناقلين سالم استافیلوکوکوس اورئوس تایپ C بوده و بقیه (۹۰/۵ درصد) فاقد ژن انتروتوکسین تایپ C بودند.

ویژگی و حساسیت واکنش : جهت تعیین میزان اختصاصی بودن واکنش PCR، نسبت به انجام واکنش

PCR با باکتری های میکروکوکوس لوئوس ATCC=9341، استرپتوكوکوس پیوژن (آزمایشگاه رفرانس)، باسیلوس سرئوس، باسیلوس پلی میکسا، سالمونلا پاراتیفی، یرسینیا سودوتوبرکلوزیس، اشريشیاکلی، پروتئوس ولگاریس، استافیلوکوکوس اپیدرمیدیس واستافیلوکوکوس اورئوس اقدام گردید. همان گونه که در تصویر ۲ مشاهده می شود واکنش در مورد استافیلوکوکوس اورئوسی که دارای ژن گذکننده انتروتوکسین تایپ C می باشد، صورت گرفته است (تصویر شماره ۲ ستون های ۱۲ و ۱۴). در حالی که این واکنش با باکتری های استافیلوکوکوس اورئوسی که فاقد



تصویر شماره ۱: نتیجه حاصل از الکتروفورز محصول واکنش PCR شناسایی استافیلوکوکوس اورئوس و قطعه تکثیر یافته ۱۰۰ bp -۱- مارکر ۱۰۰ bp -۲- قطعه تکثیر یافته ۳۹۷ جفت بازی ویژه شناسایی استافیلوکوکوس اورئوس و قطعه تکثیر یافته ۲۷۱ جفت بازی جهت شناسایی ژن انتروتوکسین تایپ C استافیلوکوکوس اورئوس -۳- کنترل منفی واکنش ۴- قطعه تکثیر یافته ۲۷۱ جفت بازی جهت شناسایی ژن انتروتوکسین تایپ C استافیلوکوکوس اورئوس -۵- قطعه تکثیر یافته ۳۹۷ جفت بازی ویژه شناسایی استافیلوکوکوس اورئوس -۶- مارکر ۱۰۰ bp

تعیین گردید (تصویر شماره ۳ ستون ۷). از نشانگر وزن مولکولی ۱۰۰ bp نیز در ستون ۱ استفاده شد.

آگاروز ۱ درصد ایجاد قطعه ۲۷۱ جفت باز به خوبی قابل تشخیص بود (ستونهای ۲، ۴، ۵، ۶، ۷، ۸، ۹، ۱۰، ۱۱، ۱۲، ۱۳، ۱۴، ۱۵، ۱۶).



تصویر شماره ۲: تعیین ویژگی واکنش با استفاده از باکتری‌های مختلف

شماره ۱: نشانگر وزن مولکولی ۱۰۰ bp

شماره ۲: میکروکوکوس لوتوس ATCC=9341

شماره ۳: استرپتوفیکوس پیوئنز (آزمایشگاه رفرانس)

شماره ۴: پاسیلوس سرثوس NCTC=10320, ATCC = 11778

شماره ۵: پاسیلوس پلی میکا NCIB = 8094, ATCC = 10401

شماره ۶: نشانگر وزن مولکولی ۱۰۰ bp

شماره ۷: سالمونلا پاراتیفی NCTC=5702 A

شماره ۸: برسینیا سودو توبر کلوزیس RI=273, PCTC=1070

شماره ۹: اشربیشیا کلی O111 (آزمایشگاه رفرانس)

شماره ۱۰: پروتئوس ولکاریس سویه ox19 ATCC=6380

شماره ۱۱: استافیلوکوکوس اورثوس ATCC=25923

شماره ۱۲: استافیلوکوکوس اورثوس (دارای ژن تولید کننده انتروتوکسین تایپ C)

شماره ۱۳: استافیلوکوکوس اپیدرمیدیس (آزمایشگاه رفرانس)

شماره ۱۴: استافیلوکوکوس اورثوس (دارای ژن تولید کننده انتروتوکسین تایپ C)

شماره ۱۵: استافیلوکوکوس اورثوس دارای ژن تولید کننده انتروتوکسین تایپ A

شماره ۱۶: نشانگر وزن مولکولی ۱۰۰ bp

به منظور اطمینان از تکثیر قطعه مورد نظر، نسبت به تعیین توالی قطعه ۲۷۱ جفت باز تکثیریافته نیز اقدام گردید. نتایج تعیین توالی قطعه تکثیر شده که توسط شرکت زیست فناوری کوثر انجام گرفت نیز با توالی ژن

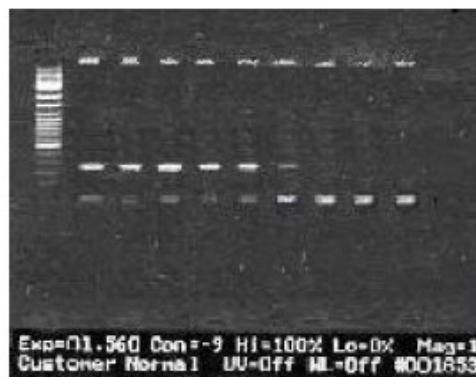
این در حالی بود که برای کمتر از ۱۲۵ باکتری در واکنش PCR هیچ گونه قطعه‌ای بر روی ژل آگاروز مشاهده نشد (ستونهای ۹، ۸ و ۱۰). لذا حد تشخیص این روش با استفاده از نمونه‌های مستقیم حدود ۱۲۵ سلول

نسبت به آنتی بیوتیک های لینکومایسین، تتراسیکلین، وانکومایسین، کلرامفینیکل و اریترومامایسین حساس می باشد (جدول ۱).

بحث

باکتری استافیلوکوکوس اورئوس قادر به تولید پروتئین های مختلفی است. یکی از این پروتئین ها انتروتوکسین می باشد که می تواند در افراد ایجاد مسمومیت غذایی نماید. در این تحقیق که بر روی باکتری استافیلوکوکوس انجام شد، نسبت به شناسایی ناقلين سالم multiplex PCR این باکتری و تایپ نمودن آن با روش اقدام گردید. در این روش از ژن sec جهت سویه های استفاده شد که قادر به تولید انتروتوکسین تایپ C بودند و سپس مقاومت این باکتری به آنتی بیوتیک های رایج مورد ارزیابی قرار گرفت. توجه محققین در ایران بر روی تایپ A این باکتری مرکز بوده است زیرا در بین سرو تایپ های استافیلوکوکی بیشترین گاسترولانتریت توسط این تایپ گزارش شده است. در حالی که مطالعات کمتری در خصوص دیگر تایپ های این باکتری از جمله تایپ C انجام شده است.

روش های متعددی جهت شناسایی این باکتری و نیز تایپ نمودن آن مورد استفاده قرار گرفته است. در روش الیزا برای تایپ نمودن استافیلوکوکوس اورئوس که بر اساس انتروتوکسین باکتری و نیز جسم باکتری طراحی گردیده است، مزایایی از قبیل کیت های تجاری اختصاصی و سادگی وجود دارد. ولی معایبی از جمله زمان بر بودن، هزینه زیاد و شناسایی تعداد محدودی از آنتی ژن ها نیز وجود دارد که همیشه با مشکل واکنش متقاطع به ویژه در مورد انتروتوکسین تایپ C نیز روبرو است. نتایج به دست آمده در تحقیقات انجام شده توسط هولکوا و همکارانش نشان داده است که بین RIA و PCR و dot blot تفاوتی در شناسایی سویه های مختلف استافیلوکوکوس اورئوس مشاهده نگردید (۲۷). در حالی که در روش



تصویر شماره ۳: تعیین حساسیت بر حسب تعداد باکتری. پس از تهیه غلظت ۴۰۰۰ باکتری، رقت های زیر از باکتری برای بررسی حساسیت واکنش PCR مورد استفاده قرار گرفت. ۱. مارکر، ۲. ۴۰۰۰ باکتری، ۳. ۲۰۰۰ باکتری، ۴. ۱۰۰۰.۵ باکتری، ۵. ۵۰۰.۵ باکتری، ۶. ۲۵۰.۶ باکتری، ۷. ۱۲۵.۷ باکتری، ۸. ۶۰.۸ باکتری، ۹. ۳۰.۹ باکتری، ۱۰. ۱۵ باکتری

به طور کامل هم خوانی داشته و صحت وجود ژن sec در سویه های شناسایی شده، تأیید گردید.

به منظور بررسی مقاومت آنتی بیوتیکی این باکتری نسبت به تست حساسیت نیز اقدام گردید. در این تحقیق از ۱۱ نوع آنتی بیوتیک استفاده شد که با توجه به نتایج به دست آمده، باکتری استافیلوکوکوس اورئوس تایپ C مقاوم به آنتی بیوتیک های متی سیلین، آموکسی سیلین، کلوكساسیلین و پنی سیلین می باشد. در حالی که باکتری

جدول ۱: بررسی مقاومت باکتری استافیلوکوکوس اورئوس تولید کننده انتروتوکسین تایپ C به ۱۱ نوع آنتی بیوتیک مختلف

ردیف	آنتی بیوتیک	مقاوم	نیمه حساس	حساس	نیمه حساس	آنتی بیوتیک
۱	لینکومایسین	+				
۲	تتراسیکلین	+				
۳	متی سیلین	+				
۴	وانکومایسین	+				
۵	آموکسی سیلین	+				
۶	کلوكساسیلین	+				
۷	کلرامفینیکل	+				
۸	اریترومامایسین	+				
۹	آموکسی کلاو	+				
۱۰	آمپی سیلین	+				
۱۱	پنی سیلین	+				

اورئوس شناسایی شدند. بدین معنی که ۷۰/۳۷ درصد، ناقلین سالم استافیلوکوکوس اورئوس تشخیص داده شدند که از این تعداد، ۹/۵ درصد واجد ژن sec بودند. به طور کل از ۹۵ سویه استافیلوکوکوس اورئوس، تنها ۹ سویه واجد ژن انتروتوكسین استافیلوکوکی تایپ C بود که تقریباً کمتر از نصف فراوانی به دست آمده در تحقیق شوک و همکاران و نیز کنی و همکارانش می‌باشد. علت عدمه تفاوت‌ها در میزان فراوانی سویه‌های انتروتوكسوزنیک تایپ C در این تحقیق با سایر محققین و همچنین تفاوت این فراوانی‌ها در گزارشات مختلف، می‌تواند مربوط به منشاء جداسازی باکتری باشد. میزان فراوانی سویه‌های استافیلوکوکوس اورئوس انتروتوكسوزنیک تایپ C با منشاء حیوان، انسان، عفونت‌ها، غذا و یا محیط متفاوت است (۲۴, ۲۵) که البته در هر یک از موارد فوق نیز تفاوت‌های وجود داشته است به طوری که این میزان در انواع غذایها و عفونت‌های مختلف، متفاوت گزارش شده است (۳۱, ۳۲).

در بسیاری از تحقیقات انجام شده از روش‌های مختلف PCR جهت شناسایی ژن‌های گُددکننده انتروتوكسین‌های استافیلوکوکی در مواد غذایی مختلف استفاده شده و واکنش بهینه می‌گردد تا حساسیت واکنش در نمونه‌های غذایی مختلف به بالاترین سطح ممکن بررسد. به طور مثال، برای شناسایی ژن‌های گُددکننده انتروتوكسین استافیلوکوکی در شیر خشک، میزان حساسیت را ۱۰۰۰ باکتری تعیین کردند. (۳۳, ۳۴) این در حالی که حساسیت به دست آمده در تحقیق حاضر، برابر ۱۲۵ باکتری است. علت حساسیت نسبتاً خوب این تحقیق، شناسایی باکتری در محیط بافری است اما چنان‌چه باکتری در مواد غذایی مورد آزمایش قرار گیرد (به طور مثال در شیر خشک) به علت وجود مواد ممانع-کننده در ماده غذایی، میزان حساسیت ممکن است کمتر باشد (۳۵).

از آن جا که مقاومت‌های میکروبی هر روز بیشتر

RIA و dot-blot hybridization شناسایی در مقایسه با روش PCR مورد نیاز می‌باشد. کلوتز و همکاران با استفاده از روش multiplex PCR مشخص نمودند که ۴۷/۳۱ درصد سویه‌های استافیلوکوکوس اورئوس جداسازی شده واجد ژن‌های گُددکننده انتروتوكسین‌های مختلف است که ۲۱/۵۱ درصد واجد ژن sec بودند (۱۴). در جمهوری اسلواکی، هولکوا همکاران در بررسی نمونه‌های غذایی مختلف (سوسیس و انواع سوپ‌های رشتہ‌ای) تعداد ۴۳ سویه استافیلوکوکوس اورئوس را شناسایی و جداسازی نمودند که ۱۵ سویه (۳۴/۸۸) از استافیلوکوکوس اورئوس‌ها پس از آزمایش multiplex PCR انتروتوكسوزنیک شناخته شدند. از این ۱۵ باکتری ۷ سویه (۱۶/۲۸) واجد ژن گُددکننده انتروتوكسین تایپ بودند. در این تحقیق از سوآپ بینی و گلوی تولیدکنندگان پنیر گوسفندی، سویه استافیلوکوکوس اورئوس جداسازی شد که یکی از این سویه‌ها (۵/۲۶) درصد) واجد ژن sea بود (۱۸). در مطالعه‌ای که در سال ۲۰۰۰ توسط شوک و همکارانش بر روی گاوها مبتلا به تورم پستان انجام دادند، ۹۴ سویه استافیلوکوکوس اورئوس جدا شد و نشان دادند که ۲۲ سویه واجد ژن sec بودند. در این مطالعه، آن‌ها نتوانستند سویه واجد ژن see را پیدا نمایند (۲۸). اگرچه انتروتوكسین‌ها از نظر ساختمنی و بیولوژیکی مشابه می‌باشند، اما مقدار تولید سم در بین این تایپ‌ها متفاوت است (۲۹). مقدار بیان انتروتوكسین تایپ B و C بیش از دیگر انتروتوكسین‌ها گزارش شده است. برگداش نشان داد که مقدار ترشح انتروتوكسین تایپ A و D کمتر از انتروتوكسین B و C می‌باشد (۳۰) این در حالی است که کلوتز و همکارانش گزارش کردند که مقدار انتروتوكسین تایپ B و C از لحاظ ژنوتیپی و فنوتیپی تقریباً یکسان می‌باشد (۱۴).

در تحقیق حاضر از ۱۵۰ نمونه استافیلوکوکوس مورد آزمایش، ۹۵ سویه به عنوان استافیلوکوکوس

نماید، لذا توجه به این مسئله در درمان بیماران از اهمیت ویژه‌ای برخوردار می‌باشد.

تشکر و قدردانی
از سرکار خانم مجیدی به جهت کمک در انجام این تحقیق، کمال تشکر را داریم.

می‌شود، مقاومت آنتی‌بیوتیکی استافیلوکوکوس اورئوس تایپ C در تحقیق حاضر مورد بررسی قرار گرفت و مشاهد گردید که این باکتری به متی سیلین مقاوم بود. میزان مقاومت به این آنتی‌بیوتیک در کشورهای مختلف متفاوت می‌باشد به طوری که کمتر از ۱ درصد تا ۶۰ درصد متغیر گزارش شده است (۳۶,۳۷). از آن جا که این باکتری مقاوم می‌تواند در بیماران مشکلاتی را ایجاد

References

1. Dinges MM, Dinges P, Orwin M, Schlievert P. Exotoxins of *Staphylococcus aureus*. *Clin Microbiol Rev*. 2000; 13(1): 16–34.
2. Balaban N, Rasooly A. Staphylococcal enterotoxins. *Int J Food Microbiol*. 2000; 61(1): 1-10.
3. Bania J, Dabrowsk A, Bystron J, Korzekwak, Chrzonowska J, Molenday. Distribution of newly described enterotoxin-like genes in *Staphylococcus aureus* from food. *Inter J Food Microbiol*. 2006; 108(1): 36-41.
4. Lowy F. D. *Staphylococcus aureus* infection. *N Engl J Med*. (1998). 339:520-532
5. Su Y C, and Wong AC. Identification and purification of a new staphylococcal enterotoxin H. *Appl Environ Microbiol*. 1995; 61 (4): 1438–43.
6. Munson S H, Tremaine MT, Betley MJ, Welch RA. Identification and characterization of staphylococcal enterotoxin types G and I from *Staphylococcus aureus*. *Infect Immun*. 1998; 66 (7): 3337-48.
7. Jarraud S, Cozon G, Vandenesch F, Bes M, Etienne J, Lina G. Involvement of enterotoxin G and I in staphylococcal toxic shock syndrome and staphylococcal scarlet fever. *J Clin Microbiol*. 1999; 37(8): 2446-9.
8. Omoe K, Ishikawa M, Shimoda Y, Hu D, Ueda S, Shinagawa K. Detection of seg, seh, and sei genes in *Staphylococcus aureus* Isolates and Determination of the Enterotoxin Productivities of *S. aureus* Isolates Harboring seg, seh, or sei Genes. *J Clin Microbiol*. 2002; 40(3): 857-62.
9. Sergeev N, Volokhov D, Chizhikov V, Rasooly A. Simultaneous analysis of multiple staphylococcal enterotoxin genes by an oligonucleotide microarray assay. *J Clin Microbiol*. 2004; 42(5): 2134-43.
10. LeLoir Y, Baron F, Gautier M. Review *Staphylococcus aureus* and food poisoning. *Genet Mol Res*. 2003; 2(1): 63-76
11. Orwin P M, Fitzgerald J R, Leung D Y, Gutierrez J A, Bohach G A, Schlievert P M. Characterization of *Staphylococcus aureus* Enterotoxin L. *Infect. Immun*. 2003; 71: 2916-19.
12. Rosec J P, Gigaud O. Staphylococcal enterotoxin genes of classical and new types detected by PCR in France. *Int J Food Microbiol*. 2002; 77(1-2): 61-70.
13. Iandolo J J. Genetic analysis of extracellular toxins of *Staphylococcus aureus*. *Annu Rev Microbiol*. 1989; 43: 375-402
14. Klotz M, Opper S, Heeg K, Zimmermann S. Detection of *Staphylococcus aureus* Enterotoxins A to D by Real-Time Fluorescence PCR Assay. *J Clin Microbiol*. 2003; 41(10): 4683-7.
15. Bohach G A, Schlievert P M. Nucleotide sequence of the staphylococcal enterotoxin C1 gene and relatedness to other pyrogenic toxins. *Mol Gen Genet*. 1987; 209(1): 15–20.

16. Avena R M, Bergdoll M S. Purification and some physicochemical properties of enterotoxin C Staphylococcus aureus strain. 361. *Biochemistry* 1967; 6(5): 1474–80.
17. Reiser R F, Robbins R N, Noletto A, Khoe G P, Bergdoll M S. Identification, purification, and some physicochemical properties of staphylococcal enterotoxin C3. *Infect Immun.* 1984; 45(3): 625–30.
18. Marr J C, Lyon J D, Roberson J R, Lupher M, Davis W, Bohach G A. Characterization of novel type C staphylococcal enterotoxin: biological and evolutionary implications. *Infect Immun.* 1993; 61(10): 4254–62.
19. Hawryluk T, Hirshfield I. A superantigen bioassay to detect staphylococcal enterotoxin A. *J Food Prot.* 2002; 65(7): 1183–7.
20. Kokan N P, Bergdoll M S. Detection of low-enterotoxin-producing *Staphylococcus aureus* strains. *Appl Environ Microbiol.* 1987; 53(11): 2675–6.
21. Bergdoll M. S. Enterotoxins p. 559–598. In C. S. F. Easton and C. Adlam (ed.), *Staphylococci and staphylococcal infections*. 1983; Academic Press, London, United Kingdom.
22. Evenson M L, Hinds M W, Bernstein R S, Bergdoll M S. Estimation of human dose of staphylococcal enterotoxin A from a large outbreak of staphylococcal food poisoning involving chocolate milk. *Int J Food Microbiol.* 1988; 7(4): 311–6.
23. Park C E, Akhtar M, Rayman M K. Nonspecific reactions of a commercial enzyme-linked immunosorbent assay kit (TECRA) for detection of staphylococcal enterotoxins in foods. *Appl Environ Microbiol.* 1992; 58(8): 2509–12.
24. Cremonesi P, Luzzana M, Brasca M, Lodi R, Vimercati C, et al. Development of a multiplex PCR assay for the identification of *Staphylococcus aureus* enterotoxigenic strains isolated from milk and dairy products. *Mol Cell Probes.* 2005; 19(5): 299–305.
25. Najera-Sanchez G, Maldonado-Rodriguez R, Ruiz Olvera P, Garza L M. Development of two multiplex polymerase chain reactions for the detection of enterotoxigenic strains of *Staphylococcus aureus* isolated from foods. *J Food Prot.* 2003; 66(6): 1055–62.
26. Bystron J, Molenda J, Bania J, Czerw M. Occurrence of enterotoxigenic strains of *Staphylococcus aureus* in raw poultry meat. *Pol J Vet Sci.* 2005; 8(1): 37–40.
27. Holeckova B, Holoda E, Fotta M, Gondol J, Grolemus J. Occurrence of enterotoxigenic *Staphylococcus aureus* in food. *Ann Agric Environ Med.* 2002; 9(2): 179–82.
28. Zschokck M, Botzler D, Blok cher S, Sommerhak J, and Hamann H. P. Detection of genes for enterotoxins (ent) and toxic shock syndrome toxin-1 (tst) in mammary isolates of *Staphylococcus aureus* by polymerase-chain-reaction. *Int Dairy J.* 2000; 569–574.
29. Marrack P, Kappler J. The staphylococcal enterotoxins and their relatives. *Science.* 1990; 248(4956): 705–11.
30. Bergdoll M S. Staphylococcal intoxications. In: H. Riemann H, Bryan F L, editors. *Foodborne infection and intoxications*. New York: Academic Press; 1979. 443–93.
31. Blaiotta G, Ercolini D, Pennacchia C, Fusco V, Casaburi A, Pepe O. PCR detection of staphylococcal enterotoxin genes in *Staphylococcus* spp. strains isolated from meat and dairy products. Evidence for new variants of seG and seI in *S. aureus* AB-8802. *J Appl Microbiol.* 2004; 97(4): 719–30.
32. Loncarevic S, Jorgensen H J, Lovseth A, Mathisen T, Rorvik L M. Diversity of *Staphylococcus aureus* enterotoxin types within single samples of raw milk and raw milk products. *J Appl Microbiol.* 2005; 98(2): 344–50.
33. Holeckova B, Kalinacova V, Gondol J, Fotta M, and Holoda E. Production of enterotoxins by *Staphylococcus aureus* isolated from sheep milk. *Bull Vet Inst.* 2004; 48: 41–5.
34. Hu D L, Omoe K, Shimoda Y, Nakane A, Shinagawa K. Induction of Emetic Response to Staphylococcal Enterotoxins in the House Musk Shrew (*Suncus murinus*). *Infect Immun.* 2003; 71(1): 567–70.
35. Hiroshi F, Satoshi M. Modeling *Staphylococcus aureus* growth and enterotoxin production in milk. *Food Microbiol.* 2006; 23(5): 260–67.

36. Kimura A, Igarashi H, Ushioda H, Okuzuki K, Kobayashi H, and Otsuka T. Epidemiological study of *Staphylococcus aureus* isolated from Japanese national university and medical college hospitals. *Kansenshogaku Zasshi*. 1992; 66 (11):1543–9
37. Voss A, Milatovic D, Wallrauch-Schwarz C, Rosdahl V, T, Braveny I. Methicillin-resistant *Staphylococcus aureus* in Europe. *Eur J Clin Microbiol Infect Dis*. 1994; 13 (1) :50–5.