

ارزیابی کاربرد باکتری‌های محرک رشد گیاه (PGPR) و حل‌کننده فسفات (PSM) بر عملکرد و اجزای عملکرد گندم (رقم N₈₀) در سطوح مختلف نیتروژن و فسفر در شرایط گلخانه

سیده حدیثه بهاری ساروی^{۱*} - همت الله پیردشتی^۲

تاریخ دریافت: ۸۹/۱۲/۱

تاریخ پذیرش: ۹۱/۶/۶

چکیده

به منظور ارزیابی کاربرد باکتری‌های محرک رشد (PGPR) و حل‌کننده فسفات (PSM) بر عملکرد و اجزای عملکرد گندم، آزمایشی در گلخانه‌ی دانشگاه علوم کشاورزی و منابع طبیعی ساری در سال ۱۳۸۸ به صورت فاکتوریل در قالب طرح کاملاً تصادفی و در سه تکرار اجرا شد. تیمارهای آزمایشی شامل کود بیولوژیک (شامل عدم کاربرد کود بیولوژیک، فسفات بارور^۲) Pseudomonas fluorescens or Psu+Bacillus subtilis (Azp + Psu + (or BAC)، نیتروکسین (Azotobacter brasiliense or Azt+Azospirillum lipoferum or Azp) و سوبرنیتروپلاس (BAC))، کود نیتروژن در سه سطح (۰، ۶۰ و ۱۲۰ کیلوگرم در هکتار) بود. نتایج نشان داد که کود بیولوژیک، کود نیتروژن و کود فسفر بر صفات تعداد دانه در سنبله، وزن هزار دانه، عملکرد گاه، عملکرد بیولوژیک و شاخص برداشت گندم تأثیر معنی‌دار داشتند. برهمکنش معنی‌داری نیز بین کود بیولوژیک و کود شیمیایی نیتروژن از نظر عملکرد دانه گندم مشاهده شد. بر همین اساس بالاترین عملکرد دانه گندم در تیمار کاربرد همزمان ۷۵ کیلوگرم در هکتار کود نیتروژن و استفاده از نیتروکسین به دست آمد. بر اساس جدول مقایسه میانگین بالاترین عملکرد گاه با مصرف ۱۵۰ کیلوگرم نیتروژن به دست آمد. همچنین بالاترین عملکرد بیولوژیک و شاخص برداشت در تیمار کاربرد نیتروکسین حاصل شد. با توجه به ضرایب همبستگی بین صفات، عملکرد دانه بیشترین همبستگی را با عملکرد بیولوژیک (r=+0.85**) داشت. همچنین عملکرد دانه با تعداد دانه در سنبله (r=+0.73**)، وزن هزار دانه (r=+0.68**)، عملکرد گاه (r=+0.56**) و شاخص برداشت (r=+0.69**) همبستگی مثبت و معنی‌داری نشان داد. بر اساس نتایج این پژوهش کاربرد کودهای بیولوژیک توانت مصرف کودهای شیمیایی نیتروژن و فسفر را کاهش داده و عملکرد گیاه را افزایش دهد.

واژه‌های کلیدی: اجزای عملکرد، کود بیولوژیک، گندم، عملکرد دانه

مقدمه

غیراصولی این کودها از سوی دیگر، تفکر استفاده از شیوه‌های زیستی برای تقویت رشد محصولات را قوت پختنیده است، به طوری که چیزی است که در اکثر محافای علمی صحبت از توسعه سیستم‌های پایدار کشاورزی به میان آمده است (۲۰).

نیتروژن از مهمترین عناصر غذایی مورد نیاز گیاه بوده که نقش عمده‌ای در فرآیندهای فیزیولوژیکی گیاه به عهده داشته و عامل کلیدی دستیابی به عملکرد مطلوب در محصولات زراعی می‌باشد به طوری که کمبود آن بیش از سایر عناصر غذایی، عملکرد کمی و کیفی را محدود می‌کند (۳). تلفات کودهای نیتروژنی به روش‌های مختلفی مانند تصعید، نیترات‌زایی و آبشویی باعث آلودگی آبهای زیرزمینی و تحمیل زیان اقتصادی به کشاورزان می‌شود (۱۹). فسفر نیز به عنوان یکی از عناصر ضروری و پر مصرف، محدود کننده‌ترین

کودهای شیمیایی به عنوان ابزاری برای رسیدن به حداکثر تولید در واحد سطح استفاده می‌شوند و کشاورزان به طور مداوم تلاش می‌کنند تا با رفع کمبود عناصر غذایی خاک و مدیریت صحیح، تولید محصول را به حد بالقوه ژنتیکی نزدیک کنند (۲۸). با این وجود مشکلات اقتصادی ناشی از افزایش رو به رشد هزینه کودهای شیمیایی از یک سو و مسائل زیستمحیطی مرتبط با مصرف

۱- دانشجوی کارشناسی ارشد، گروه زراعت و اصلاح نباتات، دانشگاه علوم کشاورزی و منابع طبیعی ساری

(*)- نویسنده مسئول: (Email: hadisbahari@yahoo.com)

۲- دانشیار، گروه زراعت و اصلاح نباتات، پژوهشکده ژنتیک و زیست فناوری کشاورزی طبرستان، دانشگاه علوم کشاورزی و منابع طبیعی ساری

آزمایشاتی در خصوص بررسی کودهای بیولوژیک بر گندم انجام شد و نتایج بررسی‌ها نشان داد که پاسخ گندم بوسیله تلقیح با این باکتری‌ها در مورد بیشتر شاخص‌های رشدی (عملکرد، وزن هزار دانه و...) مثبت گزارش شد (۲۹ و ۲۴). همچنین رضوان بیدختی و همکاران (۶) دریافتند که کاربرد باکتری‌های حل‌کننده فسفات بر عملکرد و اجزای عملکرد در گندم تأثیر مثبت داشت.

از آنجایی که به کارگیری اصول و روش‌های کشاورزی پایدار از اهداف اصلی متخصصان کشاورزی به شمار می‌رود، لذا برای نیل به این هدف و اقتصادی کردن امر تولید، استفاده از کودهای بیولوژیک، مصرف بهینه و صحیح کودها افزایش مواد آلی خاک و حفاظت از محیط زیست لازم به نظر می‌رسد (۹). لذا با توجه به مصرف نادرست کودهای شیمیایی و با نظر به اهمیت گندم به عنوان مهمترین غله و یک محصول راهبردی در تأمین غذای مردم جهان و ایران، این مطالعه با هدف بررسی کاهش مصرف کودهای شیمیایی نیتروژن و فسفره و جایگزینی بخشی از آن‌ها با کاربرد باکتری‌های محرك رشد و حل‌کننده‌ی فسفات تولید شده در کشور اجرا شد.

مواد و روش‌ها

این آزمایش در گلخانه‌ی دانشگاه علوم کشاورزی و منابع طبیعی ساری با عرض جغرافیایی ۳۶ درجه و ۳۹ دقیقه شمالی و طول جغرافیایی ۵۳ درجه و ۴ دقیقه شرقی و ارتفاع ۱۴ متر از سطح دریا در سال ۱۳۸۸ اجرا شد. قبل از شروع آزمایش به منظور تعیین خصوصیات خاک، نمونه‌برداری از خاک انجام گرفت که خصوصیات فیزیکوشیمیایی آن در جدول ۱ نشان داده شده است.

آزمایش به صورت فاکتوریل در قالب طرح کاملاً تصادفی و با سه تکرار اجرا شد. فاکتورهای آزمایشی شامل کودهای زیستی در چهار سطح (عدم کاربرد کود زیستی، فسفات بارور، نیتروکسین و سوپر نیتروپیلاس)، کود نیتروژن در سه سطح (بدون مصرف نیتروژن، ۷۵ و ۱۵۰ کیلوگرم اوره در هکتار) و کود فسفره در سه سطح (بدون مصرف فسفر، ۶۰ و ۱۲۰ کیلوگرم سوپر فسفات تریپل در هکتار) بود. رقم مورد استفاده در این تحقیق گندم N₈₀ بود. این رقم در برابر خشکی نیمه متحمل و در برابر آب گرفتگی حساس بوده و مناسب‌ترین منطقه برای کاشت آن مناطق دشت می‌باشد. تلقیح بذور گندم بوسیله کود حاوی از توباکتر و آزو سپریاکوم، کود حاوی آزو سپریاکوم، سودوموناس و باسیلوس و کود حاوی سودوموناس و باسیلوس، صورت گرفت و سپس بذور را ضمن رعایت دستورالعمل شرکت تولیدکننده در سایه و به دور از تابش مستقیم آفتاب قرار داده شد تا خشک گردد. برخی از مشخصات کودهای بیولوژیک در جدول ۲ آمده است.

عنصر بعد از نیتروژن برای گیاه به شمار می‌رود. فسفر چندین نقش کلیدی در گیاه ایفا می‌کند که شامل شرکت در واکنش‌های انتقال انرژی، فتوسنتز، تبدیل قند به نشاسته و انتقال خصوصیات ژنتیکی در گیاه می‌باشد (۳۲). برای رفع کمبود فسفر مورد نیاز گیاهان، این عنصر به صورت کودهای شیمیایی فسفردار به خاک اضافه می‌شود که مقادیر زیادی از فسفر موجود در این کودها بعد از ورود به خاک نامحلول شده و در خاک‌های آهکی به ترکیبات نامحلول کلسیم و منیزیم و در خاک‌های اسیدی به فسفات آهن و الومینیوم تبدیل شده و از دسترس گیاه خارج می‌شود (۲۴ و ۲۱).

در این راستا بکارگیری کودهای بیولوژیک، به عنوان گزینه‌ای جایگزین برای کودهای شیمیایی، به منظور افزایش حاصلخیزی خاک در تولید محصولات کشاورزی پایدار مطرح شده‌اند (۱۵). استفاده از کودهای بیولوژیک در خاک‌های فقیر از لحاظ عناصر غذایی، ضرورتی اجتناب‌ناپذیر برای حفظ ارزش کیفی خاک عنوان شده است (۲۳). این کودها در مقایسه با مواد شیمیایی مزایای قابل توجهی دارند. از جمله این که در چرخه‌ی غذایی مواد سمی و میکروبی تولید نکرده، قابلیت تکثیر خودبخودی داشته و باعث اصلاح خصوصیات فیزیکی و شیمیایی خاک می‌شوند. کودهای بیولوژیک در حقیقت شامل انواع ریزموحدات آزادی بوده که طی فرآیندهای توانایی تبدیل عناصر اصلی را از شکل غیرقابل دسترس به شکل قابل دسترس دارند (۱۴ و ۳۱). از مهمترین اثرات این ریزوباکترها افزایش فراهمی عناصر معدنی با تثبیت نیتروژن و محلول کردن فسفر، مهار زیستی عوامل بیماریزا با تولید پادزیهای زیستی و تولید مواد تنظیم‌کننده رشد گیاه به ویژه اکسین و جیبرلین می‌باشد (۱۹ و ۲۷). در این میان باکتری‌های محرك رشد گیاه^۱ (PGPR) طیف وسیعی از باکتری‌ها مانند سودوموناس‌ها، از توباکتر، آزو سپریاکوم و باسیلوس را در بر می‌گیرد، که به طور مستقیم و با ترشح هورمون‌های رشد و به طور غیرمستقیم با کاهش یا پیشگیری از اثرات زیان‌آور بیماری‌زایی میکرووارگانیسم‌های دیگر، سبب افزایش رشد گیاهان می‌شود (۳۱). همچنین میکرووارگانیسم‌های حل‌کننده‌ی فسفات^۲ (PSM) به عنوان اجزای مکمل چرخه‌ی فسفر قادرند از طریق مکانیسم‌های مختلف، فسفر را از منابع نامحلول آزاد کنند (۳۳). در ایران رسولی و همکاران (۵) گزارش کردند که سودوموناس و بالاخص *Pseudomonas fluorescens* از مهمترین ارگانیسم‌های ریزوفسفری به شمار رفته و اثرات مثبت ناشی از تلقیح آن‌ها بر رشد گیاهان به اثبات رسیده است. بسیاری از این باکتری‌ها با تولید فسفاتاز، آزاد شدن فسفر را از ترکیبات فسفردار موجب می‌شوند. همچنین در پژوهش‌های دیگری اثرات مثبت این باکتری‌ها در گیاهان زراعی به اثبات رسیده است.

1-Plant growth promoting rhizobacteria (PGPR)

2-Phosphate solubilizing microorganism (PSM)

جدول ۱- نتایج تجزیه نمونه خاک اولیه قبل از اجرای آزمایش

هدايت الکترویکی (دسى زيمنس بر متر)	اسیدیته	کربن آلی نیتروژن (درصد)	فسفر پتانسیم (درصد)	شن دس سیلت	بافت خاک	
					قابل جذب(میلی گرم بر کیلوگرم)	رسی - سیلتی
				۵۴/۲	۲۸/۸۱	۱۷
				۳۸۰	۱۶/۸۸	۰/۴۱
					۴	۷/۰۸
						۳/۳۶

جدول ۲- برخی مشخصات کودهای بیولوژیک مورد استفاده

کود بیولوژیک	ماده مؤثره	واحد تشکیل‌دهنده کلونی در (CFU/ml لیتر)	هر میلی لیتر
نیتروکسین	<i>Azotobacter brasiliense</i> , <i>Azospirillum lipoferum</i>	10^8 در هر میلی لیتر	
فیسفات بارور ۲	<i>Pseudomonas fluorescens</i> , <i>Bacillus subtili</i>	10^8 در هر میلی لیتر	
سوپرنیتروپلاس	<i>Azospirillum</i> , <i>Pseudomonas</i> , <i>Bacillus</i>	10^8 در هر میلی لیتر	

۱). برهمکنش کود بیولوژیک و سطوح کود نیتروژن بر عملکرد دانه ($P \leq 0.05$) معنی دار بود (جدول ۳). بر همین اساس حداکثر عملکرد دانه ($4/00$ گرم در بوته) مربوط به کود بیولوژیک حاوی از توباكتر و آزوسبیریلوم و مصرف 75 کیلوگرم در هکتار کود نیتروژن بود که با مصرف باکتری سودوموناس و باسیلوس به همراه 75 کیلوگرم در هکتار کود نیتروژن و کود حاوی از توباكتر و آزوسبیریلوم و فقط تیمار 15 کیلوگرم در هکتار نیتروژن از نظر آماری اختلاف معنی داری نشان نداد (شکل ۲). کمترین عملکرد دانه در تیمار عدم تلقیح و بدون مصرف کود شیمیایی بود. افزایش آزادسازی فسفر از منابع نامحلول آن بوسیله‌ی باکتری‌های حل کننده فیسفات و تولید هورمون‌های گیاهی نظیر اکسین، سیتوکنین و سنتز و تولید سیدروفورهای کلات کننده‌ی آهن توسط باکتری‌های محرك رشد سبب بهبود استقرار گیاه، گسترش سیستم ریشه‌ای، توسعه‌ی اندام‌های گیاهی، افزایش پنجه و شکل گیری دانه و در نهایت باعث افزایش عملکرد دانه می‌شود (۱۲). همچنین پاتیدار (۲۶) و ظپیر و همکاران (۳۴) گزارش کردنده که تلقیح با گلیه‌ی سویه‌های محرك رشد گیاه باعث افزایش عملکرد دانه گندم شد. افزایش عملکرد دانه گزارش شده است (۳۲).

عملکرد کاه

در بررسی اثر نیتروژن بر عملکرد کاه مشاهده شد که بین سطوح مختلف نیتروژن از لحاظ این صفت اختلاف معنی دار در سطح احتمال یک درصد وجود داشت (جدول ۳).

پس از معین شدن تیمارها کاشت بدوزر به تعداد 10 بذر در گلدان‌هایی به ابعاد 30×28 سانتی‌متر و به حجم $0/018$ متر مکعب (معادل 10 کیلوگرم) انجام شد. زمان کاشت گندم اوایل اسفند و طول دوره‌ی رشد آن در گلخانه 120 روز بود. زمان آبیاری گلدان‌ها بر اساس 60 درصد تخلیه مجاز رطوبت از حد ظرفیت زراعی صورت گرفت. بوته‌های گندم پس از رسیدگی فیزیولوژیکی، برای اندازه‌گیری عملکرد و اجزای عملکرد (شامل عملکرد دانه، عملکرد کاه، عملکرد بیولوژیک، شاخص برداشت، تعداد دانه در سنبله و وزن هزار دانه) به تعداد پنج بوته به طور تصادفی از هر گلدان برداشت شد. پس از خشک نمودن دانه‌ها در آون با دمای 25 درجه سانتی‌گراد به مدت 24 ساعت، وزن هزار دانه محاسبه شد. تجزیه آماری داده‌ها با استفاده از SAS Institute, (SAS9.1) و نرمافزار آماری (ANOVA ۱۹۹۷) و مقایسه میانگین با آزمون حداقل تفاوت معنی دار (LSD) در سطح احتمال پنج درصد انجام شد.

نتایج و بحث

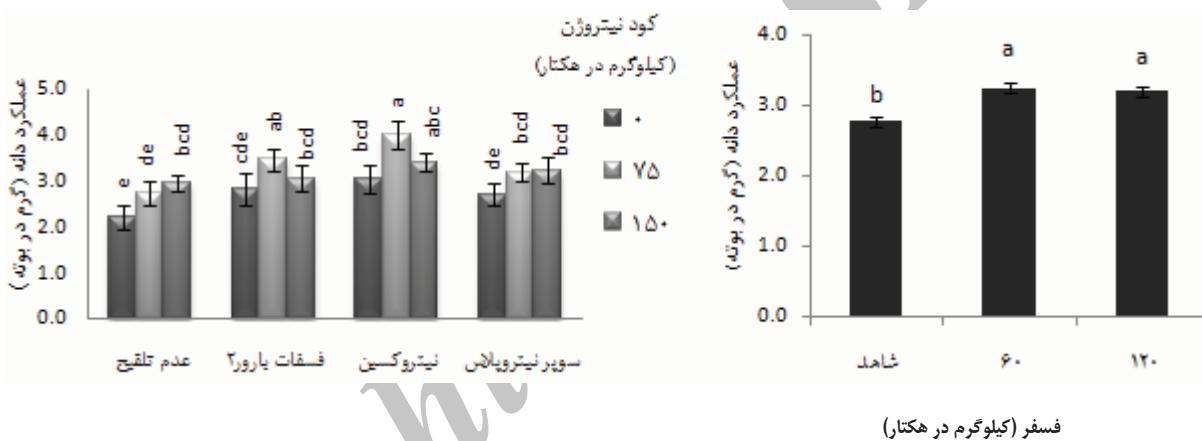
عملکرد دانه

نتایج نشان داد که سطوح مختلف فسفر تأثیر معنی داری بر عملکرد دانه ($P \leq 0.05$) داشتند (جدول ۳). بیشترین عملکرد دانه با مصرف 60 کیلوگرم ($3/24$ گرم در بوته) بدست آمده که با مصرف 120 کیلوگرم کود از نظر آماری تفاوت معنی دار نداشت. کمترین عملکرد دانه ($2/76$ گرم در بوته) در تیمار شاهد مشاهده شد (شکل ۱- Least significant difference

جدول ۳- نتایج تجزیه واریانس (میانگین مربعات) عملکرد گندم تحت تأثیر مصرف منابع مختلف کودی

منابع تغییرات	آزادی	درجه	عملکرد دانه	عملکرد کاه	عملکرد بیولوژیک	شاخص برداشت	تعداد دانه در سنبله	وزن هزار دانه
کود بیولوژیک (A)	۳		۳/۲۱**	۳/۸۲**	۱۳/۴***	۴۲/۵*	۲۰/۸*	۹۸/۶*
کود نیتروژن (B)	۲		۴/۱۰**	۱۳/۶**	۳۰/۶**	۴۹/۹*	۵۰/۳**	۶۳/۴**
کود فسفره (C)	۲		۲/۵۸**	۱/۹۳**	۸/۷۳**	۴۸/۷*	۲۹/۴*	۴۶/۵*
A×B	۶		۰/۳۵*	۰/۰۶	۰/۵	۱۶/۹	۳/۰۶	۱۱/۸
A×C	۶		۰/۱۹	۰/۰۴	۰/۳	۸/۴	۲/۴	۱۱/۶
B×C	۴		۰/۲۲	۰/۴	۰/۷۷	۲۱/۴	۳/۱۱	۱۵/۸
A×B×C	۱۲		۰/۱۹	۰/۰۴	۰/۲	۱۲/۹	۲/۰۹	۴/۲۶
خطای آزمایش			۰/۱۵	۰/۳	۰/۵۴	۱۲/۶	۶/۶۵	۹/۹۰
ضریب تغییرات (درصد)			۱۲/۹	۱۰/۳	۸/۷۱	۹/۸۴	۱۴/۰۱	۱۱/۴

* و ** به ترتیب معنی دار در سطح احتمال ۱ و ۵ درصد



شکل ۲- اثر متقابل کود بیولوژیک و کود نیتروژن بر عملکرد دانه گندم (LSD_{0.05/0.05}=۰/۳۷)

(میانگین‌های دارای دامنه همپوشان یکسان براساس آزمون LSD در سطح احتمال پنج درصد تفاوت معنی داری ندارند.)

درصد نسبت به شاهد برتری معنی دار داشتند (جدول ۴). در تحقیق هادی و همکاران (۱۰) افزایش وزن خشک گیاه سویا در تلقیق با باکتری‌های ازتوپاکتر و سودوموناس فلورسنت به دلیل تولید هورمون‌های محرک رشدی مانند اکسین و جیبریلین توسط باکتری‌هایی که محرك رشد گیاه بیان شد. همچنین پاملا و استیون (۲۵) در سورگوم و عباس‌منش و همکاران (۷) در گندم اثر باکتری‌های محرک رشد و حل کننده فسفات در افزایش عملکرد کاه آن‌ها را به دلیل کارایی جذب بهتر نیتروژن و فسفر گزارش کردند.

دامنه‌ی تغییرات این صفت از ۴/۶۹ (گرم در بوته) در تیمار شاهد (بدون مصرف کود) تا مقدار ۵/۵ (گرم در بوته) در تیمار مصرف ۱۵۰ کیلوگرم کود نیتروژن بود (جدول ۴). سطوح مختلف کود فسفره نیز بر عملکرد کاه اثر کاملاً معنی‌داری را نشان داد (جدول ۴). بیشترین عملکرد کاه با مصرف ۱۲۰ کیلوگرم در هکتار مشاهده شد که نسبت به تیمار شاهد حدود ۸/۶ درصد برتری داشت. اثر کود بیولوژیک نیز بر عملکرد کاه کاملاً معنی‌دار بود به طوری که استفاده از کود حاوی ازتوپاکتر و آزوسپریلیوم ۱۷/۳ درصد، کاربرد آزوسپریلیوم، سودوموناس و باسیلوس ۱۵/۲ درصد و کاربرد سودوموناس و باسیلوس ۱۱/۹

جدول ۴- جدول مقایسه میانگین اثرات ساده کود بیولوژیک، کود نیتروژن و کود فسفر بر عملکرد کاه، عملکرد بیولوژیک و شاخص برداشت گندم		تیمار	کود بیولوژیک
شاخص برداشت	عملکرد کاه (گرم در بوته)	عملکرد بیولوژیک (گرم در بوته)	
۳۵/۱b	۷/۴۸c	۴/۸۴b*	عدم تلقیح
۳۶/۳ab	۸/۵۳b	۵/۴۲a	فسفات باور
۳۷/۸a	۹/۱۶a	۵/۶۸a	نیتروکسین
۳۵/۳b	۸/۶۳b	۵/۵۸a	سوپرپرولاس
۱/۹	۰/۴	۰/۳**	(۵ درصد) LSD
		کود شیمیایی نیتروژن	
۳۶/۲ab	۷/۳۹b	۴/۶۹c	شاهد
۳۷/۳a	۸/۹۳a	۵/۵۷b	۷۵
۳۴/۹b	۹/۰۴a	۵/۷a	۱۵۰
۱/۶	۰/۳۵	۰/۲۶	(۵ درصد) LSD
		کود شیمیایی فسفر	
۳۴/۹b	۷/۸۸b	۵/۱۲b	شاهد
۳۷/۲a	۸/۷۱a	۵/۴۶a	۶۰
۳۶/۴ab	۸/۷۶a	۵/۵۶a	۱۲۰
۱/۶	۰/۳۵	۰/۲۶	(۵ درصد) LSD

* در هر ستون و برای هر تیمار میانگین‌های دارای حروف مشترک پر اساس آزمون حداقل تفاوت معنی دار (LSD) در سطح احتمال ۵ درصد اختلاف معنی داری با یکدیگر ندارند.

** میانگین‌هایی که تفاوت آن‌ها کمتر از میزان LSD باشد، بر اساس آزمون LSD در سطح احتمال پنج درصد اختلاف معنی داری ندارند.

(۱۳). افزایش عملکرد دانه، تعداد دانه در سنبله و عملکرد بیولوژیک در گندم با کاربرد تواأم/ازتوپاکتر و مایکوریزا نیز گزارش شده است (۲۲). بررسی اثرات ساده‌ی کود نیتروژن (شکل ۳) بهترین تیمار کود نیتروژن سطح کودی ۱۵۰ کیلوگرم در هکتار بود. مقایسه میانگین اثرات ساده‌ی کود فسفره نیز نشان داد بهترین تیمار کودی سطح کودی ۱۲۰ کیلوگرم در هکتار بود که نسبت به شاهد تفاوت معنی داری را نشان داد.

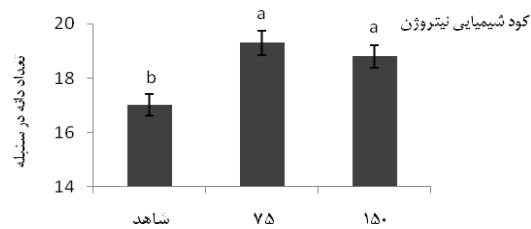
شاخص برداشت

نتایج تجزیه واریانس (جدول ۳) حاکی از اختلاف معنی دار در اثرات ساده کود نیتروژن، کود فسفر و کود بیولوژیک در سطح احتمال پنج درصد بود. با توجه به جدول مقایسه میانگین (جدول ۴) کاربرد تواأم/ازتوپاکتر و آزوسپیریلوم بهترین کود بیولوژیک بود که با کود بیولوژیک حل کننده فسفات در یک گروه آماری قرار گرفت ولی با کاربرد تواأم آزوسپیریلوم، سودوموناس و باسیلوس و شاهد اختلاف معنی داری را نشان داد و باعث افزایش هشت درصدی شاخص برداشت نسبت به شاهد گردید. در بررسی اثرات ساده‌ی کود نیتروژن مشاهده گردید که بالاترین شاخص برداشت مربوط به سطح کودی ۷۵ کیلوگرم در هکتار بود. بالاترین شاخص برداشت در اثر ساده‌ی کود فسفره نیز در سطح کودی ۶۰ کیلوگرم در هکتار مشاهده شد.

عملکرد بیولوژیک

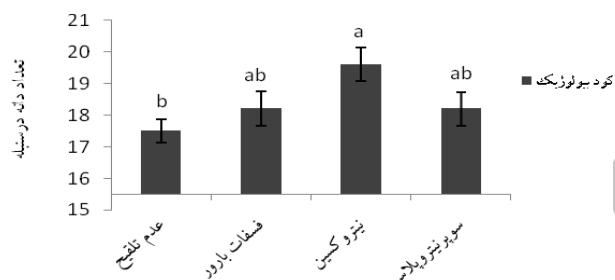
نتایج جدول تجزیه واریانس (جدول ۳) نشان دهنده‌ی معنی داری اثرات ساده‌ی کود بیولوژیک و سطوح کود نیتروژن و فسفر در سطح احتمال یک درصد بود. با بررسی مقایسه میانگین اثرات ساده‌ی کود بیولوژیک (جدول ۴) بهترین تیمار کود بیولوژیک از لحاظ عملکرد بیولوژیک، کاربرد باکتری‌های ازتوپاکتر و آزوسپیریلوم بود که با کاربرد باکتری‌های آزوسپیریلوم، سودوموناس و باسیلوس و حل کننده فسفات و همچنین شاهد تفاوت معنی داری را نشان داد. استفاده از باکتری‌های ازتوپاکتر و آزوسپیریلوم باعث افزایش ۲۲/۵ درصدی عملکرد بیولوژیک نسبت به شاهد گردید. می‌توان نتیجه گرفت که ازتوپاکتر و آزوسپیریلوم به عنوان ریزوباکتری‌های محرك رشد با تأثیر در جذب عناصر غذایی و ترشح هورمون‌های محرك رشد موجب افزایش رشد و نمو می‌شوند (۳۱). این باکتری‌ها به عنوان باکتری‌های تثبیت کننده‌ی نیتروژن احتمالاً با تأثیر بر میزان دسترسی به نیتروژن موجب بهبود عملکرد بیولوژیک شدن، زیرا مقدار نیتروژن قابل دسترس بر توزیع مواد فتوستتری بین اندام‌های رویشی مؤثر است و در اثر کمبود نیتروژن به علت کاهش سطح برگ و کاهش دوام سطح برگ، فتوستتر گیاه زراعی و همچنین عملکرد بیولوژیک گیاه کاهش می‌یابد (۱۸). گزارش‌هایی مبنی بر افزایش کل ماده‌ی خشک و عملکرد بیولوژیک در اثر مصرف باکتری‌های محرك رشد وجود دارد.

گرفت. کمترین وزن هزار دانه نیز در تیمار شاهد مشاهده گردید (شکل ۶). در تیمار کود فسفره (شکل ۷) بیشترین وزن هزار دانه مربوط به مصرف ۶۰ کیلوگرم در هکتار بوده که با مصرف ۱۲۰ کیلوگرم تفاوت معنی‌داری نداشت اما با شاهد اختلاف معنی‌داری داشت.



شکل ۴- اثر ساده کود نیتروژن بر تعداد دانه در سنبله گندم ($LSD = 1/2 = 0.5$)

(میانگین‌های داری حروف مشترک بر اساس آزمون LSD در سطح احتمال پنج درصد تفاوت معنی‌داری ندارند.)



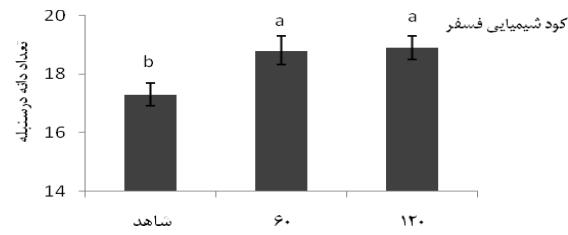
شکل ۵- اثر ساده کود بیولوژیک بر تعداد دانه در سنبله گندم ($LSD = 1/3 = 0.6$)

(میانگین‌های داری حروف مشترک بر اساس آزمون LSD در سطح احتمال پنج درصد تفاوت معنی‌داری ندارند.)

اثر کود بیولوژیک نیز بر وزن هزار دانه معنی‌دار بود، بطوریکه کلیه‌ی کودهای زیستی مورد استفاده باعث افزایش وزن هزار دانه شدند (شکل ۸). بیشترین وزن هزار دانه در کودهای زیستی نیتروکسین، فسفات بارور ۲ و سوپر نیتروپلاس و کمترین مقدار آن در تیمار شاهد (عدم تلقیح) مشاهده شد. افزایش وزن هزار دانه در گیاه را می‌توان به واسطه نقش مثبت این میکرووارگانیسم‌ها در افزایش احتمالی سطح و تراکم ریشه جذب آب و عناصر غذایی و به ویژه نیتروژن و فسفر و انتقال آن‌ها به سلول‌های گیاه دانست که سبب بهبود رشد و افزایش فتوسنتز گیاه شده است و با انتقال شیره‌ی پرورده به دانه‌ها و پر شدن آن‌ها، دانه‌های درشت‌تر با وزن بیشتر تولید شد و در نتیجه باعث افزایش وزن هزار دانه گردید (۴).

تعداد دانه در سنبله

در بررسی اثر نیتروژن بر تعداد دانه مشاهده شد که بین سطوح مختلف نیتروژن از لحاظ این صفت اختلاف معنی‌داری در سطح احتمال یک درصد وجود داشت (جدول ۳). بیشترین تعداد دانه در سنبله با مصرف ۷۵ کیلوگرم در هکتار و کمترین مقدار آن در تیمار شاهد بدست آمد (شکل ۴). کود فسفره نیز اثر معنی‌داری در سطح ۵ درصد بر تعداد دانه در سنبله نشان داد. بیشترین تعداد دانه در سنبله در سطح کودی ۶۰ و ۱۲۰ کیلوگرم در هکتار دیده شده که از لحاظ آماری در یک گروه قرار دارند و با شاهد اختلاف معنی‌داری را نشان داد. اثر باکتری‌های محرک رشد و حل کننده فسفات نیز بر تعداد دانه در سنبله معنی‌دار بود. بیشترین تعداد دانه در سنبله (۱۹/۶) با مصرف کود بیولوژیک حاوی از توباكتر و آرسپیپریلوم بدست آمد که از نظر آماری با کاربرد سودوموناس و باسیلوس و کاربرد آزوسپیپریلوم، سودوموناس و باسیلوس اختلاف معنی‌داری نداشت (شکل ۵). کمترین تعداد دانه در سنبله (۱۷/۵) نیز در تیمار شاهد مشاهده شد. مصرف باکتری حل کننده فسفات با توجه به نقشی که فسفر در تحریک رشد زایشی و تشکیل دانه در گیاه ایفا می‌کند، در این نتایج مشهود بود. همچنین اردکانی و همکاران (۱) گزارش کردند که استفاده از باکتری‌های محرک رشد گیاه و حل کننده فسفر باعث افزایش تعداد دانه در سنبله گندم شد. در مطالعه‌ای دیگر افزایش تعداد دانه در سنبله گندم به وجود باکتری‌های تسهیل‌کننده‌ی جذب فسفر نسبت داده شده است (۱۷).



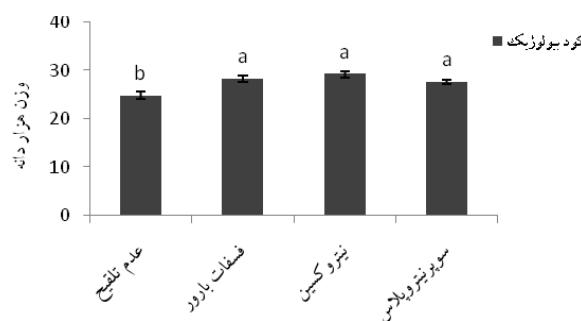
شکل ۳- اثر ساده کود فسفر بر تعداد دانه در سنبله گندم ($LSD = 1/2 = 0.5$)

(میانگین‌های داری حروف مشترک بر اساس آزمون LSD در سطح احتمال پنج درصد تفاوت معنی‌داری ندارند.)

وزن هزار دانه

با توجه به جدول ۱ می‌توان مشاهده کرد که اثر سطوح مختلف کود نیتروژن ($P \leq 0.1$) و فسفر ($P \leq 0.05$) بر وزن هزار دانه گندم معنی‌دار بود. در سطوح مختلف کود نیتروژن بالاترین وزن هزار دانه مربوط به سطح کودی ۷۵ کیلوگرم در هکتار بود که از لحاظ آماری با سطح کودی ۱۵۰ کیلوگرم در هکتار در یک گروه آماری قرار

($r=+0.85^{***}$) کمترین همبستگی را با عملکرد دانه داشت.

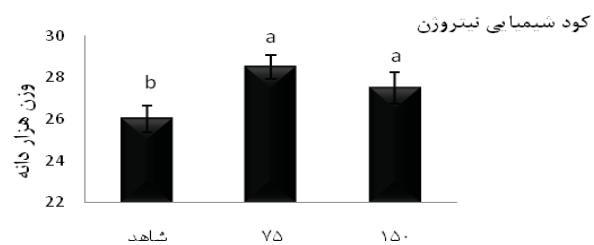


شکل ۸- اثر ساده کود بیولوژیک بر وزن هزار دانه گندم ($LSD=0.05=1/7$)

(میانگین‌های داری حروف مشترک بر اساس آزمون LSD در سطح احتمال پنج درصد تفاوت معنی‌دار ندارند.)

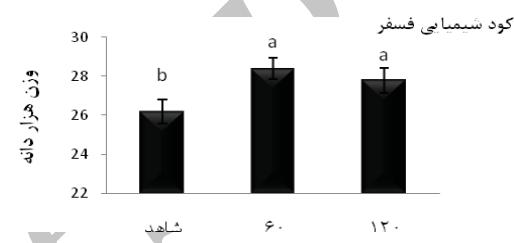
نتیجه‌گیری

به طور کلی، نتایج این تحقیق نشان داد که تلقیح باکتری‌های محرک رشد و حل کننده فسفر، کارایی مصرف کودهای شیمیایی را به طور معنی‌داری نسبت به شاهد (عدم تلقیح) افزایش داد، می‌توان گفت که گرچه برای تأمین نیازهای غذایی گیاهان همواره استفاده بیش از حد کودهای شیمیایی متداول است اما با استفاده از کودهای زیستی به صورت مکمل با میزان مناسب از کودهای شیمیایی می‌توان علاوه بر صرفه‌جویی در مصرف کودهای شیمیایی و کاهش آلودگی خاک و کمک به محیط زیست، در تولید محصول بهتر و مطلوب‌تر گام برداشت.



شکل ۶- اثر ساده کود نیتروژن بر وزن هزار دانه گندم ($LSD=0.05=1/4$)

(میانگین‌های داری حروف مشترک بر اساس آزمون LSD در سطح احتمال پنج درصد تفاوت معنی‌دار ندارند.)



شکل ۷- اثر ساده کود فسفر بر وزن هزار دانه گندم ($LSD=0.05=1/4$)

(میانگین‌های داری حروف مشترک بر اساس آزمون LSD در سطح احتمال پنج درصد تفاوت معنی‌دار ندارند.)

همبستگی صفات عملکرد و اجزای عملکرد

بررسی جدول ضرایب همبستگی (جدول ۵) نشان داد که صفات تعداد دانه در سنبله، وزن هزار دانه، عملکرد کاه، عملکرد بیولوژیک و شاخص برداشت همبستگی مثبت و معنی‌داری با عملکرد دانه داشتند. عملکرد بیولوژیک با ($r=+0.85^{***}$) بیشترین و عملکرد کاه با

جدول ۵- ضریب همبستگی عملکرد و اجزای عملکرد ($n=108$)

	تعداد دانه در سنبله	وزن هزار دانه	عملکرد کاه	عملکرد بیولوژیک	شاخص برداشت
تعداد دانه در سنبله	۱				
وزن هزار دانه		۰.۰۱			
عملکرد دانه			۰.۶۸***	۰.۷۳***	
عملکرد کاه				۰.۲۵**	۰.۵۶***
عملکرد بیولوژیک					۰.۷۲***
شاخص برداشت					۰.۳۷**

* و ** به ترتیب معنی دار در سطح احتمال ۱ و ۵ درصد

منابع

- اردکانی، م. د.، مظاہری، م. مجد و ق. نورمحمدی. ۱۳۸۰. بررسی کارایی آزوسپیریلوم، میکوریزا و استرپتومایس به همراه مصرف کودهای دامی در گندم با استفاده از فسفر-۳۲. مجله علوم زراعی ایران. (۳): ۵۶-۵۹.
- بحرانی، ع. م.، حسینی، س. معمار، و ز. طهماسبی سروستانی. ۱۳۸۶. بررسی تأثیر باکتری‌های آزوسپیریلوم و ازتوباکتر همراه با مصرف ریزمغذی‌ها به صورت محلول‌پاشی و کاربرد در خاک بر خصوصیات کمی و کیفی ۵ رقم گندم بعد از کشت ذرت در استان فارس. مجله علوم کشاورزی ایران. (۲): ۳۷۶-۳۶۷.
- جهان، م. ع.، کوچکی، و م. نصیری محلاتی. ۱۳۸۶. رشد، فتوستتر و عملکرد ذرت در پاسخ به تلقیح با قارچ میکوریزا و باکتری‌های آزادی تثبیت‌کننده نیتروژن در نظامهای زراعی رایج اکولوژیک. مجله پژوهش‌های زراعی ایران. (۵): ۵۳-۶۹.
- ذبیحی، ح. ر. غ. ر. ثوابقی، ک. خوازی، و ع. گنجعلی. ۱۳۸۸. رشد و عملکرد گندم در پاسخ به تلقیح به باکتری‌های محرک رشد گیاه در سطوح مختلف فسفر. مجله پژوهش‌های زراعی ایران. (۷): ۴۱-۵۱.
- رسولی، م. ح.، ک. خوازی، ح. رحیمیان، م. ج. ملکوتی، و ح. رحمانی. ۱۳۸۵. ارزیابی پتانسیل ذاتی سودوموناس فلورسنست در محیط ریزوفسفر گندم. مجله علمی آب و خاک. (۲۰): ۱۳۴-۱۳۳.
- رضوان بیدختی. ش. ع.، ر. دشتیان، م. کافی، و س. سنجانی. ۱۳۸۸. ارزیابی اثر کاربرد سویه‌هایی از باکتری سودوموناس بر عملکرد و اجزای عملکرد گندم در سطوح مختلف فسفر. مجله بوم‌شناسی کشاورزی. (۱): ۳۳-۴۰.
- عباس‌منش. گ. ن.، و ع. موحدی نایینی. ۱۳۸۸. اثر پتانسیل‌های محرک رشد ازتوباکتر روی رشد و عملکرد و جذب عناصر غذایی گندم. یازدهمین کنگره علوم خاک ایران. ۲۱-۲۴ تیر. گرگان. ص ۳۵۹-۳۶۱.
- فرجی، م. ح. ر. انجام، و ح. ر. اولیایی. ۱۳۸۸. تأثیر کود بیولوژیک نیتروکسین بر عملکرد و اجزای عملکرد دو رقم برنج در منطقه یاسوج. یازدهمین کنگره علوم خاک ایران. ۲۱-۲۴ تیر. گرگان. ص ۷۵-۷۶.
- معلم، ا. ح.، و ح. ر. عشقی‌زاده. ۱۳۸۶. کاربرد استفاده از کودهای زیستی و محدودیت آن. دومین همایش ملی بوم‌شناسخی کشاورزی، ایران. ۲۶-۲۵ مهر. گرگان. صفحه ۴۷.
- ح. ا. اصغرزاده، ج. دانشیان، و آ. حمیدی. ۱۳۸۹. تأثیر مایه تلقیح سوبا و ازتوباکتر بر گیاهان حاصل از بذرهای سویا تولید شده در شرایط تنفس خشکی. مجله پژوهش‌های خاک. (۲): ۱۷۶-۱۶۵.
- م. ه. پیردشتی. م. ع. اسماعیلی، و م. ع. بهمنیار. ۱۳۸۹. اثر تلقیح باکتری‌های حل کننده فسفر و محرک رشد بر کارایی مصرف کودهای ازته و فسفره در کشت ذرت سینگل کراس ۶۰۴. مجله الکترونیک تولید گیاهان زراعی. (۳): ۶۵-۸۰.
- 11- Alamri, S. A. and Y. S., Mostafa. 2009. Effect of nitrogen supply and *Azospirillum brasiliense* SP-248 on the response of wheat to seawater irrigation. Saudi Journal of Biological Sciences. 16: 101-107.
- 12- Behl, R. K., H. Sharma, V. Kumar, and K. P. Singh. 2003. Effect of dual inoculation of V A micorrhiza and *Azotobacter chroococcum* on above flag leaf characters in wheat. Agronomy and Soil Science. 49(1): 25-31.
- 13- Chen, Y.P., P. D., Rekha, A. B. Arun, F. T., Shen, W. A Lai, and C. Young. 2005. Phosphate solubilizing bacteria from subtropical soil and their tricalcium phosphate solubilizing abilities. Department of Soil and Environmental Sciences, National Chung Hsing University. Applied Soil Ecology. 34(1): 33-41.
- 14- Cherr, C. M., J. M. S. Scholberg, and R. McSorley. 2006. Green manure approaches to crop production. Agronomy Journal. 98: 302-319.
- 15- Diaz, M., M. Virginia, and F. Caniglia. 2009. Field performance of a liquid formulation of *Azospirillum brasiliense* on dryland wheat productivity. European Journal of Soil Biology. 45(1): 3-11.
- 16- Freitas, J.R.de., M.R., Banerjee, and J.J. Germide, 1997. Phosphate-solubilizing rhizobacteria enhance the growth and yield but not phosphorus uptake of canola (*Brassica napus* L.). Biological Fertilizer Soils. 24: 358-364.
- 17- Gillick, B. R., D. Penrose, and M. Wenbo. 2001. Bacteria promotion of plant growth. Biotechnology Advances. 19: 135-138.
- 18- Jha, B., M. C., Thakur, I., Gontia, V. Albrecht, M. Stoffels, and H. Hartman. 2009. Isolation, partial identification and application of diazotrophic rhizobacteria from traditional Indian rice cultivars. European Journal of Soil Biology. 45: 62-72.

- 19- Kapulnik, Y., Y. Okon and Y. Henis. 2007. Changes in root morphology of wheat caused by *Azospirillum* inoculation. *Microbiology*. 31: 881-887.
- 20- Kumuta, K., Sempaualan, J. and Krishnan, P.S. 2004. Effect of insoluble phosphate and dual inoculation on soybean. In: Kannaryan, S., Kumar, K., Gouidarajan, K. (eds), *Biofertilizers*. pp: 354-358.
- 21- Naiman, A. D., A. Latronico, and G. Salamon. 2009. Inoculation of wheat *Azospirillum brasiliense* and *Pseudomonas fluorescens*: Impact on the production and culturable rhizosphere microflora. 2009. *European Journal of Soil Biology*. 45: 44-51
- 22- Nikolay, S., A. Strigul, and V. Kravchenco. 2006. Mathematical modeling of PGPR inoculation into the rhizosphere. *Environmental Modeling and Software*. 21: 1158-1171.
- 23- Oliveira, C. A., Alves, M. C. Marriel, I. E. Gomes, E. A. Scotti, M. R. Carneiro, N. P. Guimaraes, C.T. Schaffert R. E and Sa, N. M. 2008. Phosphate solubilizing microorganisms isolated from rhizosphere of maize cultivated in an oxisol of the Brazilian Cerrado Biome. *Soil Biology and Biochemistry*. 3: 1-6.
- 24- Pamella, A.C., Steven, S.H., 1982. Inorganic phosphate solubilization by rhizosphere in a zostera marine community. *Canadian Journal of Microbiology*. 28: 605-610.
- 25- Patidar, M. 2001. Integrated nutrient management in sorghum (*Sorghum bicolor*) and its residual effect on wheat (*Triticum aestivum*). *Indian Journal of Agricultural Sciences*. 71(9): 587-590.
- 26- Piromyou, P., Buranabanyat, B., Tantasawat, P., Tillabutr P, and Teaumroong, N. 2011. Effect of plant growth promoting rhizobacteria (PGPR) inoculation on microbial community structure in rhizosphere of forage corn cultivated in Thailand. *European Journal of Soil Biology*. 47: 44-54.
- 27- Roberts, T. L. 2008. Improving nutrient use efficiency. *Turkish Journal Agriculture and Forestry Sciences*. 32: 177-182.
- 28- Roesi, D., Gaur, R., Johri, B. N., Imfeld, G., Sharma, S., Kawaljeet K, and Aragno, M. 2006. Plant growth stage, fertilizer management and bio-inoculation of arbuscular mycorrhizal fungi and plant growth promoting rhizobacteria affect the rhizobacteria community structure in rainfed wheat fields. *Soil Biological Biochemistry*. 38: 1111-1120.
- 29- SAS Institute. 1997. *SAS/STAT User's Guide, Version 6.12*. SAS Institute, Inc., NC.
- 30- Turan, M., Ataoglu, N and Sahin, F. 2006. Evaluation of the capacity of phosphate solubilizing bacteria and fungi on different forms of phosphorus in liquid culture. *Sustainable Agricultural*. 28: 99-108.
- 31- Wagar, A., B. Shahrna, Z. A. Zahir and M. Arshad. 2004. Isolation with ACC deaminase containing rhizobacteria for improving growth and yield of wheat. *Pakistan Journal of Agricultural Research*. 41: 119-124.
- 32- Wu, B., S. C. Caob, Z. H. Lib, Z. G Cheunga, and K. C. Wonga. 2005. Effects of biofertilizer containing N-fixr, P and K solubilizer and AM fungi on maize growth. *Geoderma*. 125: 155-162.
- 33- Zahir, Z. A, U. Chani, M. Naveed, S.M. Nadeem, H. N., Asghar. 2009. Comparative effectiveness of *Pseudomonas* and *Serratia* Sp. Containing ACC-deaminase for improving growth and yield of wheat (*Triticum aestivum* L.) under salt-stressed conditions. *Archives of Microbiology Journal*. 191: 415-424.