

## تنوع ژنتیکی و برآورد وراثت پذیری برخی صفات کمی در ژنتیپ‌های انتخابی فسکیوی بلند

رضا محمدی<sup>\*</sup>، سید مجتبی خیام نکوبی<sup>۲</sup>، آفاحر میرلوحی<sup>۳</sup>

<sup>\*</sup>- نویسنده مسئول مکاتبات، پژوهشکده بیوتکنولوژی کشاورزی منطقه مرکزی کشور، پست الکترونیک: m-reza51@yahoo.com

- استادیار، پژوهشکده بیوتکنولوژی کشاورزی، کرج.

- استاد دانشکده کشاورزی دانشگاه صنعتی اصفهان، اصفهان.

تاریخ پذیرش: ۱۳۸۷/۹/۲۷

تاریخ دریافت: ۱۳۸۷/۴/۲۷

### چکیده

این تحقیق به منظور ارزیابی تنوع ژنتیکی ۵۰ ژنتیپ انتخابی از گونه فسکیوی بلند (*Festuca arundinacea* Schreb.) در پژوهشکده بیوتکنولوژی کشاورزی منطقه مرکزی کشور انجام گرفت. ژنتیپ‌های انتخاب شده از طریق تقسیم بوته کلن شدن و در یک طرح آزمایشی بلوک‌های کامل تصادفی در ۴ تکرار کشت گردیدند. بر اساس نتایج تجزیه واریانس اختلاف ژنتیپ‌های مورد مطالعه برای همه صفات در سطح یک درصد معنی دار شد. نتایج برآورد اجزای واریانس، ضریب تنوع و قابلیت توارث نشان داد که ضریب تنوع ژنتیکی برای صفات عملکرد بذر، عملکرد علوفه تر و خشک در سه چین و تعداد ساقه بالا و بین ۴۱/۲۷-۲۷/۳۰ بود که نشان‌دهنده وجود تنوع بالا در بین نمونه‌های مورد مطالعه برای این صفات می‌باشد. تعداد روز تا ظهرخوشة، تعداد روز تا گرده افسانی و ارتفاع بوته جزء واریانس ژنتیکی مطلوبی داشتند و از قابلیت توارث عمومی بالایی بین ۸۹ تا ۹۴ درصد برخوردار بودند. بررسی ضرایب همبستگی بین صفات نشان داد که عملکرد علوفه خشک سالیانه با صفات عملکرد علوفه در سه چین، تعداد ساقه در چین اول و قطر یقه در هر سه چین همبستگی مثبت و معنی‌داری دارد. با تجزیه به مولفه‌های اصلی سه مولفه اول در مجموع ۸۳ درصد از کل واریانس متغیرها را توجیه کردند. صفات عملکرد علوفه در هر سه چین و قطر یقه عملده ترین نقش را در تبیین مولفه اول داشتند. در مولفه دوم صفات تعداد روز تا ظهرخوشة، تعداد روز تا گرده افسانی، ارتفاع بوته و طول خوشه دارای اهمیت بیشتری بودند. بر اساس تجزیه خوشه‌ای ۵۰ ژنتیپ در ۳ گروه ژنتیپی مختلف قرار گرفتند. نتایج مربوط به تجزیه واریانس و مقایسه میانگین صفات در گروههای حاصل از تجزیه خوشه‌ای نشان داد که میانگین مربعات بین گروهها از نظر کلیه صفات به جز تعداد روز تا ظهرخوشه، تعداد روز تا گرده افسانی و ارتفاع بوته معنی دار می‌باشد. نتایج این مطالعه نشان داد که تنوع ژنتیکی قابل توجهی از نظر صفات مهم زراعی در بین ژنتیپ‌های مورد بررسی وجود دارد. لذا بسته به هدف برنامه‌های اصلاحی، گیاهان مورد مطالعه زمینه ژنتیکی مناسبی را جهت انتخاب ژنتیپ‌های برتر به منظور تولید ارقام ساختگی فراهم می‌کند.

واژه‌های کلیدی: فسکیوی بلند، تنوع ژنتیکی، قابلیت توارث عمومی، ضرایب همبستگی.

## مقدمه

دارای دوره نمو طولانی بوده و در بهار، تابستان و پائیز می‌تواند محصول خوبی تولید کند. بنابراین گونه‌ای مناسب به منظور احیاء مراتع کشور، احداث چراگاه و تولید علوفه مناسب می‌باشد (سندگل، ۱۳۶۸). فسکیوی بلند به دلیل سازگاری خوبی که به شرایط خشکی دارد، در بیشتر مناطق دنیا برای استفاده به منظور چمن نیز کشت می‌شود (Casler & Duncan, 2003).

فسکیوی بلند گونه‌ای خودناسازگار و دگرگشن است، که گرده افشاری در آن به وسیله باد صورت می‌گیرد (Kasperbauer, 1990). به دلیل کوچک بودن گلهای، اخته کردن گل در آن دشوار می‌باشد. بنابراین بیشتر سیستم‌های اصلاحی در گراس‌های چمنی دگرگشن چند ساله نظری فسکیوی بلند، روش‌هایی هستند که نیازی به اخته کردن و یا تلاقي با دست ندارند و از ماهیت چند ساله بودن گیاهان و توانایی آنها برای تکثیر رویشی بهره‌برداری می‌کنند و حداقل استفاده را از واریانس ژنتیکی افزایشی می‌برند. سیستم‌های اصلاحی تامین کننده این نیازها، سیستم‌های اصلاحی جوامع گیاهی هستند که از انتخاب دوره‌ای استفاده می‌کنند. هر دوره انتخاب شامل دو مرحله می‌باشد: شناسایی ژنتیپ‌های برتر در یک جامعه مبدأ برای صفات در حال اصلاح، سپس آمیزش بین ژنتیپ‌های برتر برای تولید ترکیبات جدید ژنی که صفات مورد نظر در آنها بهبود پیدا کند. روش‌های اصلاحی گیاهان دگرگشن تا حد زیادی بر پایه قواعد اصلاح جامعه استوار می‌باشد، بدین ترتیب که فراوانی ژن‌ها برای اهداف اصلاحی مورد نظر در جامعه افزایش یابد. ارقام تولید شده با استفاده از روش‌های انتخاب دوره‌ای، جوامع اصلاح شده‌ای هستند که به صورت واریته‌های ساختگی آزاد

جنس فستوکا یک جنس بزرگ و متنوع با ۴۵۰ گونه می‌باشد. این جنس شامل گونه‌های چند ساله دارای محصول علوفه‌ای زیاد، مقاوم به تنش‌های محیطی و با سازگاری وسیع است که برای اهداف کشاورزی، حفاظت خاک و تولید علوفه مورد کشت و کار قرار می‌گیرند. در ایران گونه‌های مهم جنس فستوکا مانند فستوکا روبرا (*Festuca rubra* L.), فستوکا اوینا (*F. ovina* L.), فستوکا پراتنسیس (*F. arundinacea* Schreb.) و فسکیوی بلند (*F. pratensis*) در مناطق مختلف رویش دارند. فسکیوی بلند از مهمترین گونه‌های این جنس می‌باشد که به منظور تولید علوفه، حفاظت خاک و احداث چمن به کار می‌رود. (Kasperbauer, 1990). بیشترین سطح زیر کشت آن در ایالات متحده آمریکا و در حدود ۱۴ میلیون هکتار می‌باشد (Sleper & West, 1996). زراعت این گیاه در ایران مرسوم نیست ولی در آذربایجان، تالش، دامنه الوند، درود، فارس، خراسان، تهران و اصفهان به طور طبیعی رویش دارد. این گیاه دائمی و با ریشه عمیق و گستردگی بوده که در حدود ۱/۵ متر در خاک‌های مرطوب فرو می‌رود و تحت شرایط مناسب عمر طولانی دارد. به علت وجود برگ‌های زیاد در قسمت پائین این گیاه، دوام آن در برابر چرا خوب است (آهکپز، ۱۳۷۹). این گیاه بهترین رشد را در شرایط آب و هوای سرد انجام می‌دهد، ولی تنها گراس فصل سرد است که تابستان‌های گرم و زمستان‌های سرد را برای سالیان متتمادی تحمل می‌کند. توانایی آن برای رویش در خاک‌های مرطوب و تحمل به شوری و قلیائی بودن خاک و نیز تولید چمن انبوه، آن را در زمرة گراس‌های ممتاز قرار داده است. فسکیوی بلند

افشانی و مقاومت در برابر بیماری زنگ انتخاب شدند. هر یک از ژنتوتیپ‌ها از طریق تقسیم بوته کلن شدند و در یک طرح بلوک‌های کامل تصادفی در ۴ تکرار کشت گردیدند. فاصله بوته‌ها در روی ردیف و بین ردیف‌ها ۷۰ سانتیمتر در نظر گرفته شد. پس از کاشت گیاهان بالا فاصله آبیاری صورت گرفت. عملیات داشت شامل آبیاری، کوددهی و وجین در طی فصل رشد به طور مرتب انجام گرفت. اندازه‌گیری صفات از فروردین ۱۳۸۵ با رعایت اثر حاشیه‌ای آغاز شد که شامل تعداد روز تا ظهر خوش، تعداد روز تا گرده افشاری، ارتفاع بوته در چین اول، طول خوش در چین اول، تعداد ساقه در چین اول، عملکرد علوفه تر و علوفه خشک در سه چین، قطر یقه بعد از هر چین و عملکرد بذر بودند. داده‌های حاصل از اندازه‌گیری صفات بر اساس مدل آماری طرح بلوک‌های کامل تصادفی و مورد تجزیه واریانس قرار گرفتند. اجزای واریانس محیطی و ژنتیکی بر اساس امید ریاضی میانگین مربعات برآوردهای گردیدند.

ضرایب تنوع ژنتیکی و ژنتیکی به ترتیب به صورت نسبت انحراف معیار ژنتیکی و ژنتیکی به میانگین هر صفت محاسبه گردید (فرشادفر، ۱۳۷۷).

$$V_E = \frac{MSe}{r}$$

$$V_G = \frac{MSg - MSe}{r}$$

$$V_P = V_G + V_E$$

$$PCV = \frac{\sqrt{V_P}}{X} \times 100$$

$$GCV = \frac{\sqrt{V_G}}{X} \times 100$$

می‌شوند (کاظمی، ۱۳۷۹). مراحل ایجاد رقم ساختگی مشتمل است بر: ۱- ارزیابی مشاهده‌ای کلن‌ها در خزانه مبدأ، ۲- استقرار خزانه لاین کلنی برای ارزیابی اضافی کلن‌هایی که از لحاظ ژنتیکی برترند، ۳- ارزیابی قدرت ترکیب پذیری عمومی از طریق آزمون نتاج پلی‌کراس کلن‌های برتر، ۴- ساختن رقم از طریق انتخاب و تلاقی بین تعداد محدودی کلن با قدرت ترکیب پذیری بالا در یک مزرعه ایزووله (ارزانی، ۱۳۷۸). اولین ارقام علوفه‌ای فسکیوی بلند ارقام Kentucky 31 و Alta بودند که به ترتیب در سال‌های ۱۹۴۰ و ۱۹۴۳ در ایالات متحده آمریکا آزاد شدند. اولین ارقام چمنی فسکیوی بلند، ارقام Rebel, Falcon و Olympic بودند که به ترتیب در سال‌های ۱۹۸۱ و ۱۹۸۲ آزاد شدند (Casler & Duncan, 2003). تجزیه و تحلیل تنوع ژنتیکی یکی از اساسی‌ترین مراحل در برنامه‌های اصلاحی می‌باشد، چون امکان طبقه‌بندی دقیق نمونه‌های تحت ارزیابی را فراهم کرده و اصلاحگر را در تشخیص مواد ژنتیکی مورد نیاز خود جهت برنامه‌های بعدی و پیشبرد سریعتر اهداف اصلاحی یاری می‌نماید (Mohammadi & Prasanna, 2003).

تحقیق به منظور ارزیابی تنوع ژنتیکی کلن‌های انتخابی گونه علوفه‌ای- مرتعی فسکیوی بلند (*arundinacea* Schreb.) (Festuca) جهت انتخاب کلن‌های برتر در پژوهشکده بیوتکنولوژی کشاورزی منطقه مرکزی کشور انجام گردید.

## مواد و روشها

در این تحقیق تعداد ۵۰ ژنتوتیپ (جدول ۱) از مزرعه خزانه فسکیوی بلند بر اساس داده‌های اندازه‌گیری شده در طی دو سال و با در نظر گرفتن صفات عملکرد علوفه، تاریخ گرده

نتایج تجزیه واریانس (جدول ۳) نشان داد که اختلاف ژنتیکی مورد مطالعه برای همه صفات در سطح احتمال ۱ درصد معنی دار می‌باشد که بیانگر وجود تنوع گسترده برای همه صفات مورد مطالعه در این ژنتیک‌ها می‌باشد. بر اساس نتایج به دست آمده از مقایسه میانگین صفات و در نظر گرفتن صفات مهمی مانند تعداد روز تا ظهر خوش، تعداد روز تا گرده افسانی، تعداد ساقه، عملکرد بذر و عملکرد علوفه ژنتیک‌های برتر شناخته شدند (جدول ۴). ژنتیک‌های ۳۶، ۸، ۳۳، ۴۶، ۷، ۲۵، ۷، ۲۵، ۲۶، ۵، ۲۶، ۱۹، ۱۸، ۲۲ و ۲۰ از نظر عملکرد علوفه خشک سالیانه بهترین بودند. ژنتیک‌های ۲۲، ۲۵، ۴۶، ۱۷، ۷، ۳۶، ۸، ۳۳، ۱۷، ۷، ۴۲، ۳، ۴۸، ۳۵، ۱۴، ۲۰، ۲۴، ۱۲، ۶، ۳۱، ۱۹، ۳۱، ۲، ۲۳، ۱۶، ۲، ۴۴، ۲۵، ۱۴، ۴۶ و ۴ دیررس‌ترین و ژنتیک‌های ۲۷، ۳۲، ۹، ۴۷، ۲۷، ۳۲، ۴۳، ۴۱، ۴۵، ۴۵، ۴۰، ۴۰، ۷، ۳۰، ۵، ۴۹، ۷، ۳۰ و ۵۰ زودرس‌ترین بودند. از نظر تعداد ساقه ژنتیک‌های ۳۳، ۲۵، ۳۲، ۴۵، ۴۵، ۳۶، ۱۹، ۳۵ و ۸ بیشترین بودند.

**برآورده اجزای واریانس، ضرایب تنوع و قابلیت توارث**  
نتایج برآورده اجزای واریانس، ضریب تنوع و قابلیت توارث صفات اندازه‌گیری شده در جدول ۵ آمده است. به طوری که ملاحظه می‌شود ضریب تنوع ژنتیکی برای صفات عملکرد بذر، عملکرد علوفه تر و خشک در سه چین و

در این فرمول‌ها  $V_E$  واریانس محیطی،  $V_G$  واریانس ژنتیکی،  $V_P$  واریانس فنتیپی،  $MSe$  میانگین مربعات خطای آزمایش،  $MSg$  میانگین مربعات ژنتیک‌ها (تیمار)،  $PCV$  ضریب تغییرات فنتیپی و  $GCV$  ضریب تغییرات ژنتیپی می‌باشند.

برآورده وراثت پذیری صفات نیز از طریق فرمول ذیل صورت گرفت (Halluer & Miranda, 1998). در این فرمول  $\sigma_g^2$  برآورده از واریانس ژنتیکی و  $\sigma_e^2$  برآورده واریانس خطای در جدول تجزیه واریانس و  $h^2$  وراثت پذیری عمومی صفت می‌باشد.

$$h^2 = \frac{\sigma_g^2}{\sigma_g^2 + \frac{\sigma_e^2}{r}}$$

به منظور گروه‌بندی ژنتیک‌ها از نظر کلیه صفات از تجزیه خوش ای<sup>۱</sup> به روش وارد<sup>۲</sup> استفاده شد. جهت تجزیه آماری داده‌ها از نرم افزارهای آماری SAS و SPSS استفاده گردید.

## نتایج

آمار توصیفی، تجزیه واریانس و مقایسه میانگین صفات آمار توصیفی مربوط به صفات مورد مطالعه در جدول ۲ آمده است. نتایج نشان داد که برای همه صفات مورد مطالعه تنوع زیادی در بین گیاهان این گونه وجود داشت. تفاوت بین مقدار حداقل و حداکثر (دامنه) هر یک از صفات عدد بزرگی را نشان می‌دهد که حاکی از اختلاف زیاد نمونه‌ها از نظر صفات مختلف می‌باشد.

<sup>۱</sup>-Cluster analysis

<sup>۲</sup>- Ward method

### همبستگی بین صفات

بررسی جدول ضرایب همبستگی بین صفات (جدول ۷) نشان داد که عملکرد علوفه خشک سالیانه با صفات عملکرد علوفه در سه چین، تعداد ساقه در چین اول و قطر یقه در هر سه چین دارای همبستگی مثبت و معنی‌داری است که مبین این امر می‌باشد که با افزایش این صفات، عملکرد علوفه سالیانه نیز بهبود پیدا می‌کند. ولی عملکرد علوفه خشک سالیانه با صفات تعداد روز تا خوش‌دهی، تعداد روز تا گردهافشانی، ارتفاع بوته و طول خوش‌دهی همبستگی معنی‌داری نداشت. عملکرد بذر با صفات عملکرد علوفه در هر سه چین، تعداد ساقه، قطر یقه در هر سه چین، طول خوش‌دهی، ارتفاع بوته و تعداد روز تا گردهافشانی همبستگی مثبت و معنی‌داری داشت. تعداد ساقه هم با قطر یقه در هر سه چین همبستگی مثبت و معنی‌داری داشت. عجفری (۱۳۸۰) همبستگی مثبت و معنی‌داری بین عملکرد علوفه با تعداد ساقه و قطر طوقه را در گیاه چچم دائمی (*Lolium perenne*) که از خویشاوندان نزدیک فسکیوی بلند است گزارش نموده است.

### تجزیه به مولفه‌های اصلی و تجزیه خوش‌دهی

با تجزیه به مولفه‌های اصلی سه مولفه اول در مجموع ۸۳ درصد از کل واریانس متغیرها را توجیه کردند. صفات عملکرد علوفه در هر سه چین و قطر یقه در هر سه چین عمده‌ترین نقش را در تبیین مولفه اول داشتند. در مولفه دوم صفات تعداد روز تا ظهر خوش‌دهی، تعداد روز تا گردهافشانی، ارتفاع بوته و طول خوش‌دهی دارای اهمیت بیشتری بودند. در مولفه سوم نیز صفاتی از قبیل تعداد روز تا ظهر

تعداد ساقه بالا و بین ۴۱/۲۷ - ۲۷/۳۰ بود که نشان‌دهنده وجود تنوع بالا در بین نمونه‌های مورد مطالعه برای این صفات می‌باشد. ضریب تنوع ژنتیکی برای صفات تعداد روز تا ظهر خوش‌دهی و طول خوش‌دهی به ترتیب ۲۰/۳۲ و ۲۰/۰۵ بود که حاکم از تنوع خوب برای این صفات می‌باشد. ضریب تنوع ژنتیکی برای سایر صفات نظری قطر یقه در هر سه چین و ارتفاع بوته بین ۸/۸۲ تا ۱۲/۴۵ بود که تنوع ژنتیکی متوسطی را نشان می‌دهد. تعداد روز تا ظهر خوش‌دهی، تعداد روز تا گردهافشانی، و ارتفاع بوته جزء واریانس ژنتیکی مطلوبی داشتند و از قابلیت توارث عمومی بالایی بین ۹۴/۵۹ تا ۸۹/۶۲ برخوردار بودند. قابلیت توارث عمومی برای طول خوش‌دهی ۸۴/۷۴، عملکرد علوفه تر سالیانه ۸۲/۱۹، عملکرد بذر ۸۲/۶۴، تعداد ساقه ۷۸/۹۰، عملکرد علوفه خشک سالیانه ۷۷/۶۸ و برای قطر یقه در سه چین ۷۲/۷۸ - ۶۸/۹۴ بود که بیانگر وجود وراثت پذیری خوبی برای این صفات می‌باشد. این نتایج نشان می‌دهد که بازده ناشی از انتخاب برای بیشتر این صفات در برنامه‌های اصلاحی بالا خواهد بود. عجفری و جاورسینه (۱۳۸۴) به منظور تخمین وراثت پذیری و بازده ژنتیکی عملکرد و کیفیت علوفه، فامیل‌های ناتنی فسکیوی بلند حاصل از پلی‌کراس والدین را مورد مطالعه قرار داده و وراثت پذیری را برای عملکرد علوفه ۵۵ درصد، تاریخ ظهر خوش‌دهی ۹۲ درصد، ارتفاع بوته ۵۰ درصد و محیط طوقه ۶۸ درصد گزارش نمودند. در مطالعه دیگری که به منظور بررسی تنوع ژنتیکی جمعیت‌های مختلف فسکیوی مرتعی (*Festuca pratensis*) انجام شد، وراثت پذیری عملکرد علوفه در این گیاه ۶۰ درصد گزارش گردید (Simonsen, 1977).

## بحث

بطور کلی نتایج این پژوهش نشان داد که تنوع ژنتیکی قابل ملاحظه‌ای از نظر صفات مهم زراعی در بین ژنتوتیپ‌های مورد بررسی وجود دارد. نتایج به دست آمده از تجزیه خوش‌های نشان داد که ژنتوتیپ‌های قرار گرفته در گروه دوم و سوم دارای ویژگی‌های مطلوبی از جمله عملکرد علوفه و عملکرد بذر بالا می‌باشند. بر همین اساس همه ژنتوتیپ‌های قرار گرفته در گروه دوم و سوم جزو ژنتوتیپ‌های برتر انتخاب شده بر اساس نتایج مقایسه میانگین صفات بودند (جدول ۴). از بین ژنتوتیپ‌های برتر، ژنتوتیپ‌های شماره ۲۷، ۳۲، ۴۲، ۴۵، ۳۰، ۳۹ و ۳۶ زودرس‌تر بودند که می‌توان از آنها برای تولید ارقام زودرس و سایر ژنتوتیپ‌ها را در تولید ارقام دیررس به کار برد. لذا جمعیت مورد مطالعه بسته به هدف برنامه‌های اصلاحی، زمینه ژنتیکی مناسبی را جهت انتخاب ژنتوتیپ‌های برتر فراهم می‌کند. بنابراین می‌توان با انتخاب ژنتوتیپ‌های مناسب و با استفاده از برنامه‌های به نژادی نظیر آزمون نتاج حاصل از تلاقی پلی کراس این ژنتوتیپ‌ها، نسبت به تولید ارقام ساختگی با خصوصیات زراعی مطلوب اقدام نمود.

## منابع مورد استفاده

- آهک‌پز، ف.، ۱۳۷۹. تجزیه و تحلیل کاربیوتیبی جمعیت‌های بومی گیاه فستوکا آرون‌دیناسه. پایان نامه کارشناسی ارشد، دانشکده کشاورزی، دانشگاه صنعتی اصفهان.
- ارزانی، ا.، ۱۳۷۸. اصلاح گیاهان زراعی. مرکز نشر دانشگاه صنعتی اصفهان. ۶۰۶ صفحه.

خوش، تعداد روز تا گرده افسانی، ارتفاع بوته و طول خوش بیشترین اهمیت را دارا بودند (جدول ۷).

بر اساس تجزیه خوش ای ۵۰ ژنتوتیپ در ۳ گروه ژنتوتیپی مختلف قرار گرفتند (شکل ۱). دسته‌بندی ژنتوتیپ‌ها با استفاده از دو مولفه اصلی اول، گروه بندی بر اساس تجزیه خوش‌های را تائید کرد و سه گروه در دسته‌های جدا از هم قرار گرفتند (شکل ۲). بطوری که در شکل ملاحظه می‌شود تعدادی از ژنتوتیپ‌های قرار گرفته در گروه‌های ۲ و ۳ از نظر دو مولفه اصلی بر سایر ژنتوتیپ‌ها فاصله دارند. نتایج مربوط به تجزیه واریانس و مقایسه میانگین صفات در گروه‌های حاصل از تجزیه خوش ای (جدول ۸) نشان داد که میانگین مربیعات بین گروه‌ها از نظر کلیه صفات به جز تعداد روز تا ظهرور خوش، تعداد روز تا گرده افسانی و ارتفاع بوته معنی دار می‌باشد. گروه‌های ژنتوتیپی ۱، ۲ و ۳ به ترتیب دارای ۲۵، ۲۰ و ۵ ژنتوتیپ بودند. گروه شماره یک شامل ۱۲ ژنتوتیپ خارجی و ۱۳ ژنتوتیپ داخلی بود. ژنتوتیپ‌های قرار گرفته در این گروه طول خوش، تعداد ساقه، عملکرد علوفه در هر سه چین، قطر یقه و عملکرد بذر کمتری داشتند. گروه شماره دو، شامل ۲ ژنتوتیپ خارجی و ۱۸ ژنتوتیپ داخلی بود که از نظر صفات طول خوش، تعداد ساقه، عملکرد علوفه در هر سه چین، قطر یقه و عملکرد بذر در حد متوسط قرار داشتند. در گروه شماره سه، ۵ ژنتوتیپ داخلی قرار گرفتند که از نظر صفات طول خوش، تعداد ساقه، عملکرد علوفه در هر سه چین، قطر یقه و عملکرد بذر دارای بالاترین میانگین بودند. ژنتوتیپ‌های هر سه گروه از نظر تعداد روز تا ظهرور خوش، تعداد روز تا گرده افسانی و ارتفاع بوته اختلاف معنی داری با هم نداشتند.

- Chapman, G.P. 1998. The Biology of Grasses. CAB International Press, pp.273.
- Casler, M. D., and R. R. Duncan. 2003. Turfgrass Biology, Genetics, and Breeding. John Wiley and Sons, Inc. Hoboken, New Jersey. pp. 367.
- Halluer, A. R., and J. B. Miranda. 1998. Quantitative Genetic In Maize Breeding. Iowa State Univ. Press, Ames Iowa.
- Kasperbauer, M. J. 1990. Biotechnology in Tall Fescue Improvement. CRC Press, Inc. Florida. Pp. 199.
- Mohammadi, S. A. and B.M. Prasanna. 2003. Analysis of genetic diversity in crop plants-Salient statistical tools and considerations. Crop Sci. 43:1235-1248.
- Simonsen, Q. 1977. Genetic variation in diploid and autotetraploid populations of *festuca pratensis*. Hereditas. 85:1-24.
- Sleper, D. A. and C. P. West. 1996. Tall fescue. p. 471-502. In Moser, L.E. et al. Cool-season Forage Grasses. American Society of Agronomy. Crop Science Society of America. Soil Science Society of America. AMA/CSSA/SSSA. Madison, WI (USA). 841 p.
- سنگل، ع.، ۱۳۶۸. اصول تولید و نگهداری بذر گیاهان مرتعمی و علوفه‌ای. انتشارات وزارت کشاورزی، موسسه تحقیقات جنگلها و مراتع. ۱۰۸ صفحه.
- جعفری، ع. ا.، ۱۳۸۰. تعیین فاصله ژنتیکی ۲۹ ژنوتیپ چشم دائمی (*Lolium perenne*) از طریق تجزیه کلستر بر اساس عملکرد علوفه و صفات مورفولوژیکی. تحقیقات ژنتیک و اصلاح گیاهان مرتعمی و جنگلی ایران، ۱: ۷۹-۹۹.
- جعفری، ع. ا. و ش. جاورسینه، ۱۳۸۴. تخمین وراثت پذیری و بازده ژنتیکی عملکرد و کیفیت علوفه در والدین و فامیل‌های ناتئی فسکیبوی بلند. مجموعه مقالات اولین همایش گیاهان علوفه‌ای کشور. ۱۸ تا ۲۰ مرداد ۱۳۸۴. دانشکده کشاورزی دانشگاه تهران.
- فرشادفر، ع.، ۱۳۷۷. کاربرد ژنتیک کمی در اصلاح نباتات، جلد اول. انتشارات دانشگاه رازی کرمانشاه. ۵۲۸ صفحه.
- کاظمی، ف.، ۱۳۷۹. سیستم‌های اصلاحی گراس‌های دگرگشن چندساله. تحقیقات ژنتیک و اصلاح گیاهان مرتعمی و جنگلی ایران، ۳: ۱۰۹-۱۴۸.
- مقدم، م. ر.، ۱۳۷۷. مرتع و مرتعداری. انتشارات دانشگاه تهران. ۴۷۰ صفحه.

**جدول ۱: فهرست ژنوتیپ‌های مورد مطالعه گونه *Festuca arundinacea***

شماره ژنوتیپ	کد جمعیت منبع	محل جمع آوری و تهیه بذر جمعیت منبع
۱	۶۰۰۰/۶۸-۱	اصفهان- بانک بذر پژوهشکده بیوتکنولوژی کشاورزی منطقه مرکزی کشور
۲	۴۰۰۰/۲۴۷-۱	اصفهان- بانک بذر پژوهشکده بیوتکنولوژی کشاورزی منطقه مرکزی کشور
۳	۶۰۰۰/۹-۱	اصفهان- بانک بذر پژوهشکده بیوتکنولوژی کشاورزی منطقه مرکزی کشور
۴	۴۰۰۰/۴۴	سمنان- شاهرود
۵	۴۰۰۰/۲۴۷-۲	اصفهان- بانک بذر پژوهشکده بیوتکنولوژی کشاورزی منطقه مرکزی کشور
۶	۶۰۰۰/۶۸-۲	اصفهان- بانک بذر پژوهشکده بیوتکنولوژی کشاورزی منطقه مرکزی کشور
۷	۱۲۰۰۰/۳۱	خارجی- هلند
۸	۱۰۰۰/۵۲	اصفهان- بانک بذر پژوهشکده بیوتکنولوژی کشاورزی منطقه مرکزی کشور
۹	۶۰۰۰/۱۱-۱	اصفهان- بانک بذر پژوهشکده بیوتکنولوژی کشاورزی منطقه مرکزی کشور
۱۰	۶۰۰۰/L۱۲-۱	اصفهان، مبارکه
۱۱	۶۰۰۰/۳۸	کلکسیون یزد آباد
۱۲	۶۰۰۰/۹-۲	اصفهان- بانک بذر پژوهشکده بیوتکنولوژی کشاورزی منطقه مرکزی کشور
۱۳	۶۰۰۰/۳۹-۱	کلکسیون یزد آباد
۱۴	۶۰۰۰/۳۸-۲	کلکسیون یزد آباد
۱۵	۶۰۰۰/۳۰	اصفهان- بانک بذر پژوهشکده بیوتکنولوژی کشاورزی منطقه مرکزی کشور
۱۶	۶۰۰۰/۹-۳	اصفهان- بانک بذر پژوهشکده بیوتکنولوژی کشاورزی منطقه مرکزی کشور
۱۷	۶۰۰۰/G6	اصفهان- بانک بذر پژوهشکده بیوتکنولوژی کشاورزی منطقه مرکزی کشور
۱۸	۶۰۰۰/L۱۲-۲	اصفهان، مبارکه
۱۹	۶۰۰۰/۸	اصفهان- بانک بذر پژوهشکده بیوتکنولوژی کشاورزی منطقه مرکزی کشور
۲۰	۶۰۰۰/۶۸-۳	اصفهان- بانک بذر پژوهشکده بیوتکنولوژی کشاورزی منطقه مرکزی کشور
۲۱	۶۰۰۰/۱۱۲-۱	اصفهان، داران
۲۲	۶۰۰۰/۳۹-۲	کلکسیون یزد آباد
۲۳	۶۰۰۰/۱۱۲-۲	اصفهان، داران
۲۴	RCAT064767	خارجی- مجارستان
۲۵	۶۰۰۰/۱۱۲-۳	اصفهان، داران
۲۶	۶۰۰۰/۱۱۹-۱	اصفهان، فریدن، چادگان، سدزاینده رود
۲۷	RCAT064769-1	خارجی- مجارستان
۲۸	۶۰۰۰/۶۸-۳	اصفهان- بانک بذر پژوهشکده بیوتکنولوژی کشاورزی منطقه مرکزی کشور
۲۹	RCAT042281-1	خارجی- مجارستان
۳۰	۶۰۰۰/۱۱۹-۲	اصفهان، فریدن، چادگان، سدزاینده رود

شماره ژنو تیپ	کد جمعیت منبع	محل جمع آوری و تهیه بذر جمعیت منبع
۳۱	RCAT064772	خارجی - مجارستان
۳۲	RCAT064769-2	خارجی - مجارستان
۳۳	۶۰۰۰/L۱۲-۳	اصفهان، مبارکه
۳۴	RCAT041849	خارجی - مجارستان
۳۵	RCAT040739	خارجی - مجارستان
۳۶	۶۰۰۰/L۱۲-۴	اصفهان، مبارکه
۳۷	۶۰۰۰/۱۱۹-۳	اصفهان، فریدن، چادگان، سد زاینده رود
۳۸	RCAT041815-1	خارجی - مجارستان
۳۹	۶۰۰۰/L۱۲-۵	اصفهان، مبارکه
۴۰	RCAT041815-2	خارجی - مجارستان
۴۱	RCAT042281-2	خارجی - مجارستان
۴۲	۶۰۰۰/L۱۲-۶	اصفهان، مبارکه
۴۳	RCAT042279	خارجی - مجارستان
۴۴	۶۰۰۰/L۷	اصفهان، سمیرم
۴۵	RCAT042281-3	خارجی - مجارستان
۴۶	۶۰۰۰/۳۹-۳	کلکسیون یزد آباد
۴۷	RCAT041815-3	خارجی - مجارستان
۴۸	۶۰۰۰/۳۹-۴	کلکسیون یزد آباد
۴۹	۶۰۰۰/۱۱-۲	اصفهان - بانک بذر پژوهشکده بیوتکنولوژی کشاورزی منطقه مرکزی کشور
۵۰	RCAT041877	خارجی - مجارستان

جدول ۲: میانگین، دامنه و انحراف استاندارد صفات مورد مطالعه

صفت	میانگین	دامنه	انحراف استاندارد
- تعداد روز تا ظهور خوش	۲۶/۶۹	۸-۳۷	۵/۹۸
- تعداد روز تا گرده افشانی	۴۲/۰۵	۳۲-۵۲	۴/۷۸
- ارتفاع بوته در چین اول (سانتیمتر)	۱۶۴/۸۰	۱۲۷-۲۰۵	۱۷/۴۵
- طول خوش در چین اول (سانتیمتر)	۳۱/۳۰	۱۸-۴۹	۶/۵۶
- تعداد ساقه در چین اول	۷۷/۸۸	۱۰-۱۶۴	۲۹/۴۳
- عملکرد علوفه تر چین اول (گرم در بوته)	۹۸۵/۷۸	۲۱۹-۲۳۰۵	۴۱۳/۳۶
- عملکرد علوفه خشک چین اول (گرم در بوته)	۳۹۸/۶۸	۹۸-۹۵۳	۱۶۶/۷۰

صفت	میانگین	دامنه	انحراف استاندارد
۸- قطر یقه چین اول (سانتیمتر)	۲۰/۶۱	۱۱-۲۳	۴/۰۵
۹- عملکرد بذر در چین اول (گرم در بوته)	۵۸/۲۱	۸-۱۸۴	۳۲/۳۸
۱۰- عملکرد علوفه تر چین دوم (گرم در بوته)	۷۱۰/۹۳	۱۴۳-۲۰۰۰	۳۳۴/۹۰
۱۱- عملکرد علوفه خشک چین دوم (گرم در بوته)	۲۲۴/۳۲	۴۷-۶۷۰	۱۲۲/۲۵
۱۲- قطر یقه چین دوم (سانتیمتر)	۲۷/۶۲	۱۶-۴۵	۵/۳۵
۱۳- عملکرد علوفه تر چین سوم (گرم در بوته)	۶۴۴/۰۸	۱۰۰-۱۸۹۸	۳۰۳/۰۴
۱۴- عملکرد علوفه خشک چین سوم (گرم در بوته)	۲۱۲/۳۲	۳۵-۶۸۵	۱۰۵/۳۷
۱۵- قطر یقه چین سوم (سانتیمتر)	۲۹/۶۷	۱۷-۴۵	۴/۹۲
۱۶- عملکرد علوفه تر سالیانه (گرم در بوته)	۲۳۴۵/۸۰	۶۳۸-۵۰۰۰	۹۶۸/۶۳
۱۷- عملکرد علوفه خشک سالیانه (گرم در بوته)	۸۳۲/۱۱	۲۳۵-۱۹۸۵	۳۴۹/۰۷

جدول ۳: میانگین مربوطات منابع تغییر در تجزیه واریانس و ضریب تغییرات در گونه *F.arundinacea*

صفات	بلوک	رنویپ	خطا	ضریب تغییرات (CV%)	میانگین مربوطات
	df=۳	df=۴۹	df=۱۴۷		
۱- تعداد روز تا ظهرور خوش	۱۷/۲۳ ns	۱۲۴/۴۲ **	۶/۷۲	۹/۷۱	
۲- تعداد روز تا گرده افشاری	۱۳/۷۱ ns	۷۶/۴۳ **	۵/۲۷	۵/۴۵	
۳- ارتفاع بوته در چین اول (سانتیمتر)	۲۲/۹۴ ns	۹۴۲/۸۷ **	۹۷/۸۲	۶/۰۰	
۴- طول خوش در چین اول (سانتیمتر)	۱۹/۹۷ ns	۱۱۹/۱۷ **	۱۸/۱۸	۱۳/۶۲	
۵- تعداد ساقه در چین اول	۱۸/۲۱ ns	۲۱۵۳/۸۸ **	۴۵۴/۳۵	۳۱/۴۰	
۶- عملکرد علوفه تر چین اول (گرم)	۲۱۷۹۱/۳۴ ns	۴۱۶۵۸/۶۰ **	۹۱۹۷۸/۳۰	۳۰/۷۶	
۷- عملکرد علوفه خشک چین اول (گرم)	۸۰۴۰/۹۰ ns	۶۳۵۸۳/۲۸ **	۱۶۹۱۵/۳۰	۳۲/۸۸	
۸- قطر یقه چین اول (سانتیمتر)	۱۳/۴۷ ns	۳۶/۲۳ **	۹/۸۶	۱۵/۲۳	
۹- عملکرد بذر در چین اول (گرم)	۱۷۷/۸۷ ns	۲۷۹۴/۱۰ **	۴۸۵/۰۰	۳۷/۸۳	
۱۰- عملکرد علوفه تر چین دوم (گرم)	۹۱۲۰/۶/۱۷ ns	۲۶۳۸۲۵/۶۷ **	۶۲۰۳۱/۵۶	۳۴/۷۸	
۱۱- عملکرد علوفه خشک چین دوم (گرم)	۱۹۷۱۹/۵۵ ns	۲۸۱۳۱/۲۸ **	۱۰۴۵۴/۰۸	۴۵/۵۷	
۱۲- قطر یقه چین دوم (سانتیمتر)	۹۸/۰۵ **	۵۷/۱۸ **	۱۷/۷۶	۱۵/۲۵	
۱۳- عملکرد علوفه تر چین سوم (گرم)	۹۵۷۳/۶۹ ns	۲۵۹۳۸۱/۷۰ **	۳۷۶۶۷/۳۶	۳۰/۱۳	
۱۴- عملکرد علوفه خشک چین سوم (گرم)	۳۸۶۱/۷۶ ns	۲۷۴۱۷/۷۸ **	۵۸۱۲/۶۴	۳۵/۹۰	
۱۵- قطر یقه چین سوم (سانتیمتر)	۰/۶۰ ns	۵۱/۷۴ **	۱۵/۰۶	۱۳/۲۹	
۱۶- عملکرد علوفه تر سالیانه (گرم)	۲۰۸۳۷۵/۷۵ ns	۲۴۷۵۰۲۶۹/۲۳ **	۴۴۰۸۱۵/۷۴	۲۸/۳۰	
۱۷- عملکرد علوفه خشک سالیانه (گرم)	۲۸۹۱۶/۲۷ ns	۲۹۵۳۸۶/۰۳ **	۶۰۹۰۵/۸۹	۳۰/۸۵	

\*\* و ns به ترتیب معنی دار در سطح احتمال ۱ درصد و غیر معنی دار.





جدول ۵: میانگین مربعات، برآوردهای اجزای واریانس، ضریب تنوع و قابلیت توارث صفات مختلف فسکیوی بلند

قابلیت توارث	برآوردهای اجزای واریانس						صفات
	عمومی %	ضدتنوع (CV%)	ضریب تنوع	محیطی	ژنتیکی	فتوتیپی	
۹۴/۵۹	۲۰/۸۹	۲۰/۳۲	۱/۶۸	۲۹/۴۲	۳۱/۱۰	۱- روز تا ظهور خوش	
۹۳/۱۰	۱۰/۳۹	۱۰/۰۳	۱/۳۲	۱۷/۷۹	۱۹/۱۱	۲- روز تا گرده افشاری	
۸۹/۶۲	۹/۳۲	۸/۸۲	۲۴/۴۵	۲۱۱/۲۶	۲۳۵/۷۲	۳- ارتفاع بوته	
۸۴/۷۴	۱۷/۴۴	۱۶/۰۵	۴/۵۴	۲۵/۲۴	۲۹/۷۹	۴- طول خوش	
۷۸/۹۰	۳۴/۱۸	۳۰/۳۶	۱۱۳/۵۸	۴۲۸/۸۸	۵۳۸/۴۷	۵- تعداد ساقه	
۷۷/۹۲	۳۲/۷۴	۲۸/۹۰	۲۲۹۹۴/۵۸	۸۱۱۷۰/۰۸	۱۰۴۱۶۴/۷	۶- عملکرد علوفه تر چین اول	
۷۳/۳۹	۳۱/۸۸	۲۷/۳۰	۴۲۲۸/۸۲	۱۱۶۶۶/۹۹	۱۵۸۹۵/۸۲	۷- عملکرد علوفه خشک چین اول	
۷۲/۷۸	۱۴/۶۰	۱۲/۴۵	۲/۴۶	۶/۰۹	۹/۰۶	۸- قطر یقه چین اول	
۸۲/۶۴	۴۵/۴۰	۴۱/۲۷	۱۲۱/۲۵	۵۷۷/۲۷	۶۹۸/۵۲	۹- عملکرد بذر	
۷۶/۴۸	۳۵/۸۷	۳۱/۳۷	۱۰۰۰/۹/۸۹	۵۰۴۴۸/۰۳	۶۵۹۵۶/۴۲	۱۰- عملکرد علوفه تر چین دوم	
۶۲/۸۳	۳۷/۳۸	۲۹/۶۳	۲۶۱۳/۵۲	۴۴۱۹/۳۰	۷۰۳۲/۸۲	۱۱- عملکرد علوفه خشک چین دوم	
۶۸/۹۴	۱۳/۶۹	۱۱/۳۶	۴/۴۴	۹/۸۵	۱۴/۲۹	۱۲- قطر یقه چین دوم	
۸۵/۴۷	۳۹/۵۴	۳۶/۵۵	۹۴۱۶/۸۴	۵۵۴۲۸/۰۹	۶۴۸۴۵/۴۳	۱۳- عملکرد علوفه تر چین سوم	
۷۸/۷۹	۳۸/۹۹	۳۴/۶۱	۱۴۵۳/۱۶	۵۴۰۱/۲۸	۶۸۵۴/۴۴	۱۴- عملکرد علوفه خشک چین سوم	
۶۹/۹۲	۱۲/۱۲	۱۰/۱۳	۳/۸۹	۹/۰۴	۱۲/۹۳	۱۵- قطر یقه چین سوم	
۸۲/۱۹	۳۳/۵۳	۳۰/۴۰	۱۱۰۲۰۳/۹	۵۰۸۶۲۲/۶	۶۱۸۸۲۶/۵۰	۱۶- عملکرد علوفه تر سالیانه	
۷۷/۶۸	۳۲/۶۶	۲۸/۷۸	۱۶۴۷۶/۴۷	۵۷۳۷۰/۰۴	۷۳۸۴۶/۵۱	۱۷- عملکرد علوفه خشک سالیانه	

جدول ۶: ضرایب همبستگی فتوتیپی صفات در گونه *F.arundinacea*

صفات	۱	۲	۳	۴	۵	۶	۷	۸	۹	۱۰	۱۱	۱۲	۱۳	۱۴	۱۵	۱۶	
۱- تعداد روز تا ظهر خوش																	
۲- تعداد روز تا گرده افشاری	۱																
۳- ارتقای بوته در چین اول		۱															
۴- طول خوش در چین اول			۱														
۵- تعداد ساقه در چین اول				۱													
۶- عملکرد علوفه تر چین اول					۱												
۷- عملکرد علوفه خشک چین اول						۱											
۸- قطر یقه چین اول							۱										
۹- عملکرد بذر در چین اول								۱									
۱۰- عملکرد علوفه تر چین دوم									۱								
۱۱- عملکرد علوفه خشک چین دوم										۱							
۱۲- قطر یقه چین دوم											۱						
۱۳- عملکرد علوفه تر چین سوم												۱					
۱۴- عملکرد علوفه خشک چین سوم													۱				
۱۵- قطر یقه چین سوم														۱			
۱۶- عملکرد علوفه تر سالانه														۱			
۱۷- عملکرد علوفه خشک سالانه															۱		

\* و \*\* به ترتیب معنی دار در سطح احتمال ۵ درصد و ۱ درصد

ns = غیر معنی دار

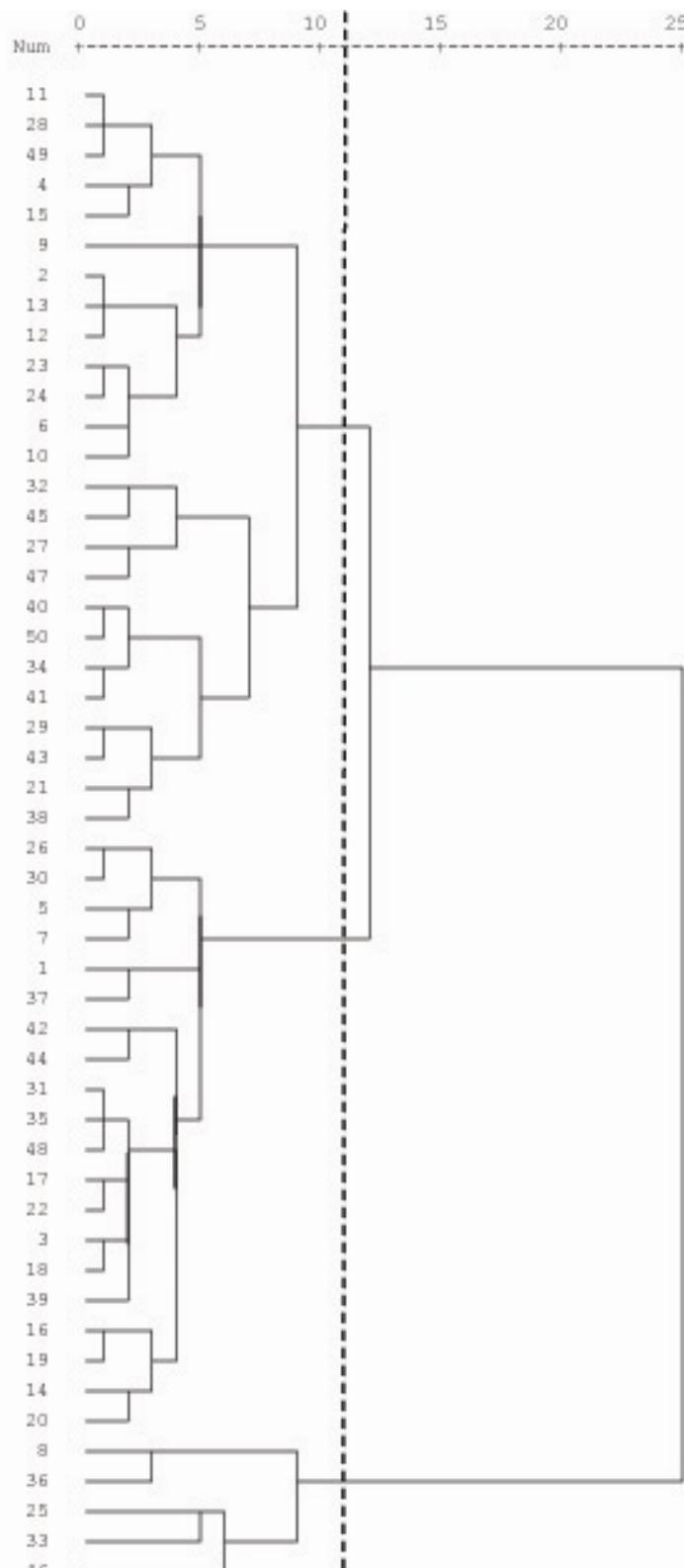
## جدول ۷: بردارهای ویژه، واریانس‌های نسبی و تجمعی مولفه‌های اصلی برای کلیه صفات.

صفات	مؤلفه اول	مؤلفه دوم	مؤلفه سوم
۱- تعداد روز تا ظهر خوش	۰/۰۱۷	۰/۰۴۶	۰/۰۵۱۶
۲- تعداد روز تا گرده افسانی	۰/۰۴۶	۰/۰۵۲۷	۰/۳۷۷
۳- ارتفاع بوته در چین اول (سانتیمتر)	۰/۰۸۳	۰/۰۴۰۶	-۰/۴۵۱
۴- طول خوش در چین اول (سانتیمتر)	۰/۱۰۸	۰/۰۴۴۲	-۰/۲۸۵
۵- تعداد ساقه در چین اول	۰/۲۰۵	۰/۰۲۹	-۰/۲۱۱
۶- عملکرد علوفه تر چین اول (گرم)	۰/۰۲۹۹	۰/۰۴۱	-۰/۱۲۳
۷- عملکرد علوفه خشک چین اول (گرم)	۰/۰۲۹۴	۰/۰۰۳۹	-۰/۱۹۰
۸- قطر یقه چین اول (سانتیمتر)	۰/۰۲۴۷	۰/۰۰۴۰	-۰/۱۱۵
۹- عملکرد بذر در چین اول (گرم)	۰/۰۲۳۷	۰/۰۱۹۳	-۰/۱۷۶
۱۰- عملکرد علوفه تر چین دوم (گرم)	۰/۰۲۸۱	-۰/۰۱۳۶	۰/۱۶۳
۱۱- عملکرد علوفه خشک چین دوم (گرم)	۰/۰۲۸۲	-۰/۰۰۸۰	۰/۱۳۳
۱۲- قطر یقه چین دوم (سانتیمتر)	۰/۰۲۶۷	-۰/۰۱۷۹	۰/۰۱۹
۱۳- عملکرد علوفه تر چین سوم (گرم)	۰/۰۲۷۱	-۰/۰۱۱۷	۰/۲۲۳
۱۴- عملکرد علوفه خشک چین سوم (گرم)	۰/۰۲۷۴	-۰/۰۰۵۰	۰/۲۴۲
۱۵- قطر یقه چین سوم (سانتیمتر)	۰/۰۲۷۶	-۰/۰۰۶۸	-۰/۰۰۰۵
۱۶- عملکرد علوفه تر سالیانه (گرم)	۰/۰۳۰۲	-۰/۰۰۶۵	۰/۰۷۸
۱۷- عملکرد علوفه خشک سالیانه (گرم)	۰/۰۳۰۷	-۰/۰۰۲۲	۰/۰۲۶
مقادیر ویژه	۱۰/۰۳۶	۲/۶۸	۱/۱۳
واریانس تصحیح شده	۰/۶۱	۰/۱۶	۰/۰۷
واریانس تصحیح شده تجمعی	۰/۶۱	۰/۷۷	۰/۸۳

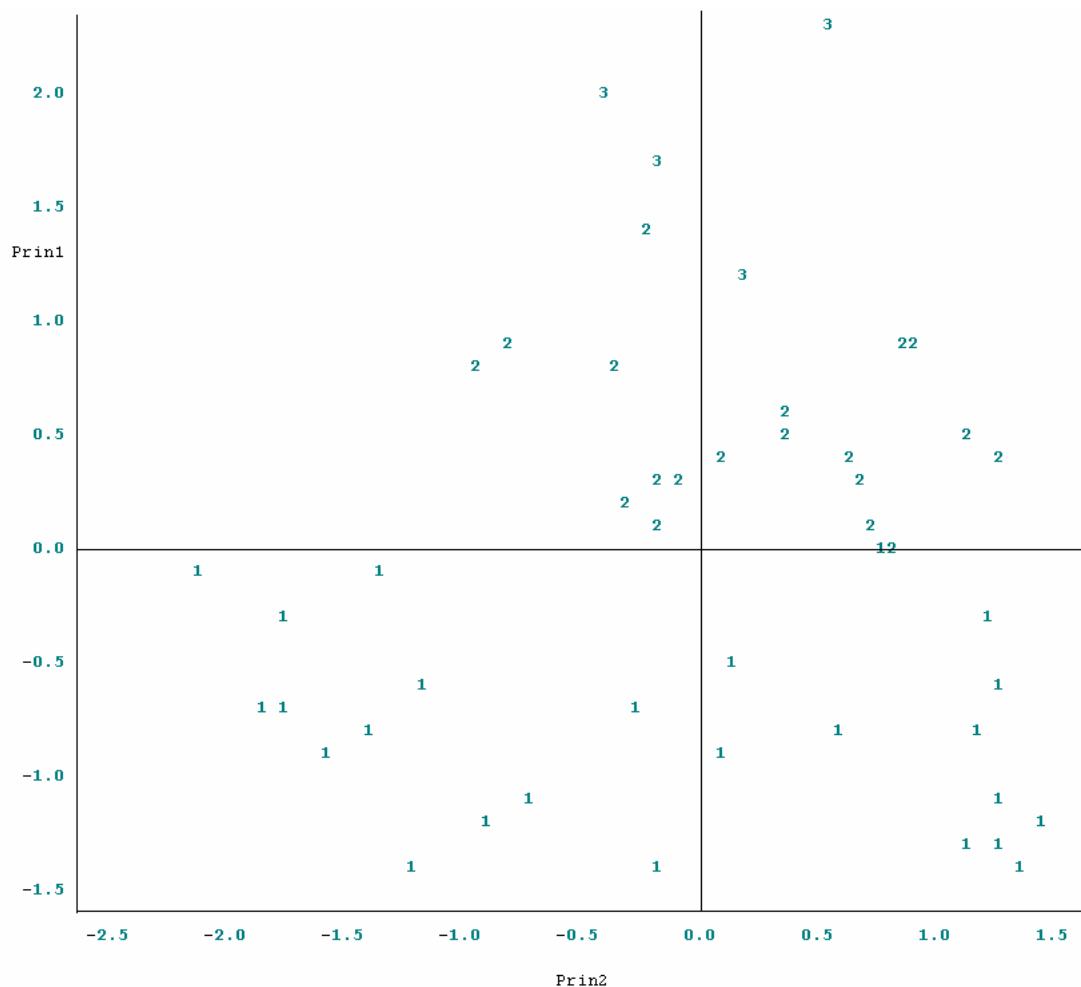
### جدول ۸: تعداد کلاستر، تعداد ژنوتیپ و میانگین ۱۷ صفت مورد مطالعه در هر یک از کلاسترها

ردیف	نام کلاستر	میانگین صفات در گروه‌ها		میانگین مربعات بین گروه‌ها	صفات
		گروه ۱ = ۳	گروه ۲ = ۲		
۱	۲۸/۶۰ a	۲۷/۴۴ a	۲۵/۶۴ a	۳۱/۵۶	-۱- تعداد روز تا ظهر خوش
۲	۴۴/۳۰ a	۴۳/۰۵ a	۴۰/۸۰ a	۱۸/۱۲	-۲- تعداد روز تا گرده افسانی
۳	۱۶۵/۳۵ a	۱۷۰/۴۱ a	۱۶۰/۲۰ a	۲۲۱/۰۵	-۳- ارتفاع بوته در چین اول (سانتیمتر)
۴	۳۲/۷۰ ab	۳۴/۱۷ a	۲۸/۷۳ b	۲۳/۸۲	-۴- طول خوش در چین اول (سانتیمتر)
۵	۱۰۰/۴۰ a	۷۴/۳۷ b	۵۶/۱۸ c	۳۵۸/۱۱	-۵- تعداد ساقه در چین اول
۶	۱۵۷۱/۵۰ a	۱۱۵۲/۶۴ b	۷۳۵/۱۵ c	۲۶۸۴۰/۷۴	-۶- عملکرد علوفه تر چین اول (گرم)
۷	۶۰۹/۳۵ a	۴۶۵/۵۵ b	۲۹۷/۶۱ c	۴۷۱۷/۳۴	-۷- عملکرد علوفه خشک چین اول (گرم)
۸	۲۴/۸۵ a	۲۱/۶۷ b	۱۸/۹۱ c	۵/۵۱	-۸- قطر یقه چین اول (سانتیمتر)
۹	۹۷/۴۵ a	۷۳/۳۶ b	۳۸/۲۵ c	۲۵۴/۸۲	-۹- عملکرد بذر در چین اول (گرم)
۱۰	۱۲۱۵/۱۰ a	۸۰۸/۹۱ b	۵۴۱/۷۲ c	۲۲۴۳۳/۳۶	-۱۰- عملکرد علوفه تر چین دوم (گرم)
۱۱	۳۸۰/۷۰ a	۲۵۴/۷۹ b	۱۶۷/۶۸ c	۲۶۸۸/۸۱	-۱۱- عملکرد علوفه خشک چین دوم (گرم)
۱۲	۳۲/۹۵ a	۲۹/۳۵ b	۲۵/۱۸ c	۷/۴۴	-۱۲- قطر یقه چین دوم (سانتیمتر)
۱۳	۱۱۳۴/۷۰ a	۷۴۶/۹۰ b	۴۶۳/۷۰ c	۲۰۱۹۱/۹۸	-۱۳- عملکرد علوفه تر چین سوم (گرم)
۱۴	۳۸۷/۷۵ a	۲۴۱/۹۵ b	۱۵۳/۵۴ c	۱۶۶۰/۷۱	-۱۴- عملکرد علوفه خشک چین سوم (گرم)
۱۵	۳۵/۱۰ a	۳۱/۵۳ b	۲۷/۱۰ c	۵/۳۵	-۱۵- قطر یقه چین سوم (سانتیمتر)
۱۶	۳۹۲۱/۳ a	۲۷۰۸/۵ b	۱۷۴۰/۶ c	۱۳۰۲۸۰/۰۵	-۱۶- عملکرد علوفه تر سالیانه (گرم)
۱۷	۱۳۷۷/۸۰ a	۹۶۲/۲۹ b	۶۱۸/۸۳ c	۱۳۹۰۳/۳۷	-۱۷- عملکرد علوفه خشک سالیانه (گرم)

\* و ns به ترتیب معنی دار بودن میانگین مربعات اختلاف بین کلاسترها در سطح احتمال ۱ درصد و غیر معنی دار.



شکل ۱- دندروگرام حاصل از تجزیه خوشه‌ای به روش Ward روی ۵۰ ژنوتیپ انتخابی از گونه *Festuca arundinacea* بر مبنای ۱۷ صفت مطالعه.



شکل ۲: نمودار دو بعدی پراکنش کلاسترها بر مبنای مولفه‌های اول و دوم حاصل از تجزیه مولفه‌های اصلی

**Genetic variation and heritability of several quantitative traits in selected genotypes of tall fescue****R. Mohammadi<sup>1\*</sup>, M. Khayyam-Nekouei<sup>2</sup>, A.F. Mirlohi<sup>3</sup>**

1\*- Corresponding Author, MSC., Agricultural Biotechnology Research Institute of Iran, Central region, Isfahan, I.R.Iran.  
Email: m-reza51@yahoo.com

2 – Assis. Prof., Agricultural Biotechnology Research Institute, Karaj, I.R.Iran.  
2- Prof., Isfahan University of Technology, Isfahan, I.R.Iran.

Received: 18.08.2008

Accepted: 17.12.2008

**Abstract**

The objectives of this study were to assess genetic variation and characterize 50 selected genotypes of tall fescue. The experiment was conducted according to a randomized complete block design with 4 replications. Analysis of variance showed significant differences among genotypes for the studied traits. High genotypic coefficients of variation were obtained on the seed yield, number of stems per plant and forage yield. The genotypic coefficients of variation for days to heading, peduncle length, crown diameter, and plant height were high. Broad-sense heritability was very high (89-94%) for days to heading, days to pollination and plant height. For peduncle length, seed yield, yearly forage fresh yield, number of stems, yearly forage dry yield, and crown diameter, broad-sense heritability ranged between 68-84%. Using principal components analysis, the first five components determined 83% of the total variance. Yearly forage yield and crown diameter were the most important traits in the first component. Day to heading, days to pollination, plant height and peduncle length were the most important traits in second component. Cluster analysis grouped the 50 genotypes into 3 clusters with cluster 1 containing 25 genotypes with low forage yield and low values for other traits. Cluster 2 contained 20 genotypes with medium values for all traits including forage yield. Cluster 3 had 5 genotypes characterized by higher forage yield, high seed yield, high stem number and higher values for other traits. Our results indicated a broad genetic base in this germplasm for selection and synthetic variety development.

**Key words:** *Festuca arundinacea* Schreb., Genetic variation, Broad-sense heritability.