

بهبود الگوریتم ساختاری مونت کارلوی زنجیر مارکوف در مدل‌های چندسطحی با متغیر پاسخ نرمال

عاطفه فرخی، موسی گل‌علی‌زاده

گروه آمار، دانشگاه تربیت مدرس

تاریخ دریافت: ۱۳۸۸/۷/۱۶ تاریخ آخرین بازنگری: ۱۳۸۹/۲/۲۳

چکیده: مدل‌های چندسطحی در علوم کاربردی شامل علوم اجتماعی، جامعه‌شناسی، پزشکی و اقتصاد برای تحلیل داده‌های همبسته مورد استفاده قرار می‌گیرند. روش‌های متفاوتی برای برآورد این مدل‌ها با متغیر پاسخ نرمال وجود دارند. در این مقاله برای به کارگیری روش بیزی از تعمیم الگوریتم مونت کارلوی زنجیر مارکوف استفاده می‌شود که قالبی ساده داشته و باعث حذف همبستگی بین نمونه‌های شبیه‌سازی شده برای پارامترهای ثابت و خطاهای منتبه به گروه‌ها می‌شود. چون بعد ماتریس کواریانس بردار خطای جدید افزایش می‌یابد، برای تسریع همگرایی این روش دو راهکار بر مبنای تجزیه چولسکی ماتریس‌های کواریانس پیشنهاد می‌شود. سپس عملکرد این روش‌ها در مطالعه شبیه‌سازی و مثالی کاربردی مورد ارزیابی قرار می‌گیرد.

واژه‌های کلیدی: داده‌های چندسطحی، مدل‌های عرض از مبداء تصادفی، الگوریتم مونت کارلوی زنجیر مارکوف، تجزیه چولسکی.

آدرس الکترونیک مسئول مقاله: موسی گل‌علی‌زاده، golalizadeh@modares.ac.ir

کد موضوع بنای ریاضی (۲۰۰۰): ۶۲۹۹ و ۶۲۹۹

۱ مقدمه

ممکن‌الگوریتم بررسی‌های آماری روابط بین متغیرهای تبیینی و وابسته که به صورت ترکیب‌های مختلف از مشاهدات کمی و کیفی باشند در قالب رگرسیون، تحلیل واریانس و تحلیل‌های کواریانس صورت می‌گیرد. یکی از فرض‌های اساسی در کاربرد این گونه مدل‌ها استقلال آماری بین مشاهدات است. گاهی اوقات این فرض برای موضوع مورد مطالعه صادق نبوده، در نتیجه به کارگیری مدل‌های رگرسیونی متداول دارای اشکال می‌باشد. به عنوان نمونه پینه‌ریو و بیتس (۲۰۰۰) نشان دادند، نادیده گرفتن فرض همبستگی بین مشاهدات منجر به کم برآورده خطا برآورد ضرایب رگرسیونی می‌شود. مثال‌های زیادی در حوزه علوم کاربردی شامل علوم اجتماعی، علوم پزشکی، جامعه‌شناسی و غیره وجود دارند که در آن‌ها همبستگی بین مشاهدات کاملاً مشهود است. به عنوان مثال، در بررسی میزان کلسیترول خون تعدادی بیمار، می‌توان انتظار داشت شباهتی نسبی بین وضعیت بیمارانی که تحت درمان یک پزشک هستند وجود داشته باشد (توایسک، ۲۰۰۶). مدل مناسب تحلیل داده‌هایی مانند مثال فوق، مدل چندسطحی است. ویژگی اصلی داده‌های چندسطحی خصوصیت گروه‌بندی آن‌ها است که در مدل‌بندی آماری لحظه می‌شود. روش‌های استنباط آماری زیادی راجع به پارامترهای مدل‌های چندسطحی معرفی شده است (گلداستاین، ۱۹۹۹). طبق معمول چنین استنباط‌هایی به دو شیوه بسامدی و بیزی صورت می‌گیرد. در این بین روش‌های بیزی شامل موضوعات نظری و روش‌های مبتنی بر شبیه‌سازی کامپیوتری و به‌ویژه روش‌های مونت کارلوی زنجیر مارکوف^۱ (MCMC) هستند. مقایسه این روش‌ها توسط براون و درایپر (۲۰۰۰) صورت گرفت. گلفنند و همکاران (۱۹۹۵) نیز کاربرد روش‌های مختلف بیزی را در مدل‌های چندسطحی مورد مطالعه قرار دادند.

برای برآورده کردن پارامترهای مدل چندسطحی با روش‌های MCMC و برطرف کردن مشکل همگرایی نمونه‌های تولید شده سرجنت و همکاران (۲۰۰۰) روشهای بنام روش ساختاری مونت کارلوی زنجیر مارکوف^۲ (SMCMC) را پیشنهاد کردند.

^۱ Markov Chain Monte Carlo

^۲ Structured Markov Chain Monte Carlo

این روش کارایی بسیار خوبی در مقایسه با روش‌های بازپارامتری داشته و در عین حال از ساختار ساده‌ای برخوردار است، به طوری که اکثر مدل‌های چندسطحی را می‌توان در آن گنجاند. اما نکته قابل تأمل در روش SMC-MCMC حجم بالای محاسبات ناشی از بزرگ بودن ماتریس کواریانس مدل تغییر یافته است.

در بخش دوم این مقاله روش SMC-MCMC به اختصار معروفی می‌شود. سپس در بخش سوم ابتدا راهکارهایی برای بهبود روش SMC-MCMC پیشنهاد شده و به منظور تشریح بهتر مطالب دو مدل عرض از مبدأ تصادفی در نظر گرفته می‌شود. در بخش چهارم با شبیه‌سازی و یک مثال کاربردی روش‌های موجود و پیشنهادی مورد مقایسه قرار می‌گیرند. بحث و نتیجه‌گیری در بخش پنجم ارائه خواهد شد.

۲ روش ساختاری مونت کارلوی زنجیر مارکوف

در روش‌های MCMC تعیین زمان همگرایی، اخذ نمونه‌های تقریباً مستقل، کاهش برآورد خطای برآوردهای خصوصیات کارای دیگر زنجیر از موضوعات بسیار اساسی به شمار می‌رود. برای آنکه بتوان نمونه‌هایی تقریباً مستقل از توزیع هدف تولید کرد، لازم است نحوه تولید زنجیر مارکوف، زمان همگرایی آن، کاهش همبستگی نمونه‌های حاصل از زنجیر و معیارهای دیگر مورد توجه قرار گیرد. مقاله‌های متعددی در بررسی این مطالب چاپ شده‌اند. به عنوان مثال می‌توان به هیل و اسمیت (1992)، گیلکس و رابرт (1996) اشاره کرد. در بین روش‌های MCMC موضوع بهبود زمان دستیابی به همگرایی از طریق کاهش همبستگی نمونه‌های حاصل از زنجیر و در عین حال رسیدن به برآورد دقیق انگیزه‌ای شد تا محققین در این زمینه تحقیقات بیشتری به عمل آورند. روش‌های بازپارامتری^۲ یکی از نتایج این فعالیت‌ها بوده است. روش‌های بازپارامتری شامل روش‌های متعامدسازی^۳ (هیل و اسمیت، 1992)، روش‌های مرکزی کردن سلسیله مراتبی^۴

^۲ Reparameterization

^۳ Orthogonalization

^۴ Hierarchical centering

(گلوفنده و همکاران، ۱۹۹۵) و روش‌های بسط پارامتر^۶ (گلمن و همکاران، ۲۰۰۸) است. پاپاس پیلیوپوس و همکاران (۲۰۰۷) نیز یک صورت کلی برای پارامتریندی مدل‌های سلسله مراتبی ارائه کردند.

سرجنت و همکاران (۲۰۰۰) به نیت کاهش همبستگی نمونه‌های حاصل از زنجیر مریبوط به پارامترهای مدل‌های چندسطحی روش جدیدی تحت عنوان SMC مطالعه خود را روی مدل‌هایی با پارامترهای زیاد متمرکز کردند. مدل‌هایی با پارامتر زیاد شامل مدل‌های سلسله مراتبی، مدل‌های مولفه واریانس و بعضی از مدل‌های فضایی است (بسیگ و همکاران، ۱۹۹۲). قابل ذکر است که روش SMC در تعدادی از مدل‌های اقتصادی و همچنین مدل‌های رشد نیز به کار گرفته شد (میرا و سرجنت، ۲۰۰۳). همچنین استفاده عملی آن در مدلی خاص از آمار فضایی و نمایش کارایی آن نسبت به مدل گزینی‌های دیگر توسط بازرگانی و همکاران (۲۰۰۴) صورت گرفت.

ساده‌ترین مدل سلسله مراتبی، مدلی با اثرات تصادفی یک طرفه متعادل به صورت

$$y_{ij} = \beta_0 + u_j + \epsilon_{ij}, \quad i = 1, \dots, n_j, \quad j = 1, \dots, J \quad (1)$$

است، که در آن اندیس‌های i و j به ترتیب بیانگر سطح اول و سطح دوم، $\sum_{j=1}^J n_j = N$ تعداد کل مشاهدات، β_0 پارامتر ثابت بیانگر عرض از مبدأ، u_j و ϵ_{ij} ها مستقل و دارای توزیع نرمال با میانگین صفر و واریانس‌های به ترتیب σ_u^2 و σ_ϵ^2 هستند. مدل (1) مدل عرض از مبدأ تصادفی با متغیر پاسخ پیوسته y_{ij} نامیده گلداستاین (۱۹۹۹) است که علاوه بر مطالعه آن‌ها برآورد بسامدی پارامترهای مدل را نیز ارائه کرده است. برآورد بیزی پارامترهای این مدل و مدل‌های چندسطحی دیگر در برآون (۲۰۰۹) آمده است.

^۶ Parameter expansion

با پیروی از سرجنت و همکاران (۲۰۰۰) و به منظور به کارگیری روش قرار داده می شود $y_{ij} = \beta_0 + u_j$. این رابطه را می توان به صورت SMC MC نیز نوشت. با توجه به این تساوی و رابطه (۱) داریم

$$\begin{aligned} y_{ij} &= \beta_0 + \epsilon_{ij} \\ 0 &= -\beta_0 + \beta_0 + u_j. \end{aligned} \quad (2)$$

حال به ازای $i = 1, \dots, n_j$ و $j = 1, \dots, J$ رابطه (۲) را می توان به صورت برداری

$$\begin{pmatrix} y_{11} \\ y_{21} \\ \vdots \\ y_{n_J J} \\ 0_J \end{pmatrix} = \begin{pmatrix} 1_{n_1} & 0_{n_1} & \dots & 0_{n_1} \\ 0_{n_2} & 1_{n_2} & \dots & 0_{n_2} \\ \vdots & \ddots & \vdots & \vdots \\ 0_{n_J} & \dots & 1_{n_J} & 0_{n_J} \\ -I_J & & & 1_J \end{pmatrix} \begin{pmatrix} \beta_0 \\ \beta_0 \\ \vdots \\ \beta_0 \\ \beta_0 \end{pmatrix} + \begin{pmatrix} \epsilon_{11} \\ \vdots \\ \epsilon_{n_J J} \\ u_1 \\ \vdots \\ u_J \end{pmatrix} \quad (3)$$

نوشت، که در آن 0_q بردار ستونی q بعدی از صفرها، 1_q بردار ستونی q بعدی از یکها و I_J ماتریس همانی با بعد J است. واضح است برابری (۳) را می توان به صورت ماتریسی

$$Y = X\Theta + E \quad (4)$$

نوشت، که در آن $Y = (y_{11}, \dots, y_{n_J J}, 0_J)^T$ بردار متغیرهای وابسته،

$$X = \begin{pmatrix} diag\{1_{n_1}, \dots, 1_{n_J}\} & 0_N \\ -I_J & 1_J \end{pmatrix}$$

ماتریس طرح، $\Theta = (\beta_0, \dots, \beta_0, \beta_0)^T$ بردار پارامترهای مدل و $E = (\epsilon_{11}, \dots, \epsilon_{n_J J}, u_1, \dots, u_J)^T = (\epsilon, u)^T$ بردار خطاهای در ساختار جدید هستند. در ادامه رابطه رگرسیونی جدید (۴) مدل جدید یا مدل ساختاری نامیده می شود. واضح است بردار خطاهای E در رابطه (۴) دارای توزیع نرمال چندمتغیری با بردار میانگین 0_{N+J} و ماتریس کواریانس $\Sigma = \Sigma_{N+J}$

$$\Sigma = \begin{pmatrix} Cov(\epsilon) & 0_{N \times J} \\ 0_{J \times N} & Cov(u) \end{pmatrix} = \begin{pmatrix} \sigma_e^2 I_N & 0_{N \times J} \\ 0_{J \times N} & \sigma_u^2 I_N \end{pmatrix}.$$

است (رنچر، ۱۹۹۵). به کمک اطلاعات موجود و در نظر گرفتن پیشین ناآگاهی بخش تخت برای بردار $1 + J$ بعدی پارامتر Θ ، یعنی $1 \propto (\Theta)^{\pi}$ ، توزیع شرطی کامل آن عبارت است از

$$\Theta | (Y, X, \Sigma) \sim MVN\left((X^T \Sigma^{-1} X)^{-1} (X^T \Sigma^{-1} Y), (X^T \Sigma^{-1} X)^{-1}\right). \quad (5)$$

به کمک الگوریتم نمونه گیری گیبس می توان نمونه های تصادفی از توزیع شرطی کامل Θ تولید کرد و از طریق آن به استنباط بیزی راجع به پارامتر های β_0 و $\beta_{0J}, \dots, \beta_{01}$ یا به طور معادل u_1, \dots, u_J پرداخت.

روش SMC می تنها تغییر اساسی را در به روز رسانی Θ اعمال می کند. در حالی که به روز نمودن σ_e^2 و σ_{eJ}^2 بدون تغییر و با استفاده از روش های معمول نمونه گیری گیبس و از توزیع شرطی کامل آنها که گاما یا وارون گاما است انجام می شود (براون، ۲۰۰۹). به عنوان مثال برای مدل (۱) با انتخاب پیشین $\Gamma(a_u, b_u)$ و $\Gamma(a_e, b_e)$ به ترتیب برای $1/\sigma_u^2$ و $1/\sigma_{eJ}^2$ توزیع های شرطی کامل به ترتیب $\Gamma(N/2 + a_e, b_e + \sum_{i,j} e_{ij}^2/2)$ و $\Gamma(J/2 + a_u, b_u + \sum_{j=1}^J u_j^2/2)$ خواهد بود، که در آنها $e_{ij} = y_{ij} - \beta_0 - u_j$. این موضوع برای مدل های دیگری که در ادامه مطالعه می شوند نیز صادق است جز این که تغییرات جزئی در پارامتر های توزیع های گاما رخ خواهد داد. به منظور جلوگیری از افزایش حجم مطالب مقاله از بیان جزئیات بیشتر راجع به انتخاب توزیع های پیشین و تاثیر آنها بر توزیع های پسین و شرطی کامل پارامتر های درگیر مدل خودداری می شود. خواننده علاقه مند به مطالعه بیشتر در این زمینه به براون و درایپر (۲۰۰۹) و براون (۲۰۰۰) ارجاع داده می شود.

در روش های معمول MCMC پارامتر های $\beta_0, \dots, \beta_{0J}, u_1, \dots, u_J$ مجزا به روز می شوند و چون در طی تولید زنجیر بین آنها همبستگی به وجود می آید روش معمول باعث تاخیر در زمان همگرایی می شود (براون، ۲۰۰۹). لذا اخذ نمونه های تقریبا مستقل از توزیع های پسین آنها مستلزم اجرای الگوریتم MCMC برای مدت طولانی است تا بتوان از تاثیر همبستگی بین نمونه ها کاست. اما نکته حائز اهمیت در به کار گیری روش SMC می باشد که به دلیل به روز شدن توان پارامتر های $\beta_0, \dots, \beta_{0J}$ در یک بلوک زمان همگرایی الگوریتم MCMC کاهش می یابد.

(سرجنت و همکاران، ۲۰۰۰). به عبارتی دیگر با بهروز نمودن توان این پارامترها همبستگی درونی بین آن‌ها در کل زنجیر کاهش می‌یابد و لذا زنجیر بهتر ترکیب می‌شود. واضح است که این امر خود موجب افزایش اندازه نمونه موثر^۷ (ESS) است. این نکته در ادامه در مثال‌های شبیه‌سازی و کاربردی منعکس خواهد شد.

تعییم مدل (۱)، مدل عرض از مبدا تصادفی همراه با حضور متغیرهای مستقل x_{ij} و با متغیر پاسخ پیوسته y_{ij} عبارت است از

$$y_{ij} = \beta_0 + u_j + x_{ij}\beta_1 + \epsilon_{ij} \quad (6)$$

فرض‌های مدل (۶) همان فرض‌های مدل (۱) می‌باشد جز این‌که در مدل اخیر پارامتر ثابت اضافی β_0 بیانگر شبیه‌سازی مدل است (گلداستاین، ۱۹۹۹). برای بکارگیری روش SMC-MC ابتدا رابطه (۶) را به صورت دو معادله

$$\begin{aligned} y_{ij} &= \beta_0 + x_{ij}\beta_1 + \epsilon_{ij} \\ \circ &= -\beta_0 + \beta_1 + u_j. \end{aligned}$$

نوشته و سپس به ازای کلیه مشاهدات آنرا به صورت برداری

$$\begin{pmatrix} y_{11} \\ \vdots \\ y_{n_J J} \\ 0_J \end{pmatrix} = \begin{pmatrix} 1_{n_1} & 0_{n_1} & \dots & 0_{n_1} & x_1 & 0_{n_1} \\ 0_{n_2} & 1_{n_2} & \dots & 0_{n_2} & x_2 & 0_{n_2} \\ \vdots & \ddots & \vdots & \vdots & \vdots & \vdots \\ 0_{n_J} & \dots & 1_{n_J} & 0_{n_J} & x_J & 0_{n_J} \\ & & -I_J & & 0_J & 1_J \end{pmatrix} \begin{pmatrix} \beta_0 \\ \vdots \\ \beta_{n_J} \\ \beta_1 \\ \beta_0 \end{pmatrix} + \begin{pmatrix} \epsilon_{11} \\ \vdots \\ \epsilon_{n_J J} \\ u_1 \\ \vdots \\ u_J \end{pmatrix}$$

می‌نویسیم، که در آن $x_q = (x_{1q}, x_{2q}, \dots, x_{n_q q})^T$. واضح است این تساوی نیز می‌تواند به صورت ماتریسی $Y = X\Theta + E$ با ماتریس طرح جدید نوشته شود. لذا توزیع شرطی کامل Θ همان توزیع (۵) خواهد بود، جز اینکه ماتریس طرح X تغییر خواهد کرد. به عنوان مثال، بنا به مدل جدید و رابطه (۵) معکوس ماتریس

^۷ Effective Sample Size

بیهود الگوریتم SMCYC در مدل‌های چندسطحی

کواریانس توزیع شرطی Θ به شرط سه‌تایی (X, Y, Σ) به صورت زیر خواهد بود

$$X^T \Sigma^{-1} X = \begin{pmatrix} \frac{1}{\sigma_u^2} + \frac{n_1}{\sigma_e^2} & \cdots & \circ & \sum_{i=1}^{x_{i1}} & \frac{-1}{\sigma_u^2} \\ \vdots & \ddots & \vdots & \vdots & \vdots \\ \circ & \circ & \frac{1}{\sigma_u^2} + \frac{n_J}{\sigma_e^2} & \sum_{j=1}^{x_{iJ}} & \frac{-1}{\sigma_u^2} \\ \sum_{i=1}^{x_{i1}} & \cdots & \sum_{i=1}^{x_{iJ}} & \sum_{j=1}^J \sum_{i=1}^{n_j} x_{ij} & \circ \\ \frac{-1}{\sigma_u^2} & \cdots & \frac{-1}{\sigma_u^2} & \circ & \frac{J}{\sigma_u^2} \end{pmatrix}. \quad (\text{V})$$

مجدداً برآورد بردار پارامترهای $(\beta_0, \dots, \beta_{0J})^T$ به کمک نمونه‌گیری گیز از توزیع (5) با ماتریس طرح جدید X به دست می‌آید. همچنین σ_e^2 و σ_u^2 با روش معمول نمونه‌گیری گیبس و به کمک نمونه‌های تولید شده از توزیع وارون گاما برآورد می‌شوند.

به منظور به کارگیری الگوریتم SMCYC برای مدل‌های عرض از مبدا تصادفی و همچنین مدل‌های چندسطحی دیگر ضروری است معادله مدل به صورت معادله رگرسیونی $Y = X\Theta + E$ نوشته شود. سپس به کمک رابطه (5) برآورد تعدادی از پارامترهای مدل به کمک روش‌های شبیه‌سازی MCMC انجام می‌گیرد. در روش SMCYC به دلیل تعریف مدل ساختاری همبستگی بین پارامترهای ثابت و خطاهای مربوط به سطوح بالا کم خواهد شد. اما نکته مهم روش SMCYC این است که معمولاً بعد ماتریس کواریانس مدل جدید خیلی زیاد است و به دلیل این‌که به روز نمودن این ماتریس در هر گام از الگوریتم MCMC ضروری است، به کارگیری این روش زمان همگرایی زنجیر را افزایش خواهد داد. نکته دیگر این‌که با افزایش تعداد گروه‌ها و همچنین ورود متغیرهای مستقل و لحظه نمودن مدل‌های مختلف چندسطحی بعد ماتریس $(X^T \Sigma^{-1} X)^{-1}$ بزرگ‌تر شده و محاسبه آن حجم وسیعی از محاسبات مربوط به تولید نمونه برای پارامترها را به خود اختصاص خواهد داد. در مقاله حاضر، برای رفع مشکلاتی شبیه آن‌چه در بالا به آن‌ها اشاره شد دو روش پیشنهاد و کارایی آن‌ها نسبت به روش SMCYC مورد ارزیابی قرار می‌گیرد. روش‌های پیشنهادی را بهبودهای روش SMCYC می‌نامیم. بیان این نکته ضروری است که توجه این مقاله تنها معطوف به مدل عرض از مبدا تصادفی بوده و مدل‌های دیگر چندسطحی مثل مدل شبیه تصادفی مورد مطالعه قرار نگرفته است. یکی از

دلایل این امر عدم بهبود مناسب روش‌های پیشنهادی برای مدل‌های دیگر شامل مدل شیب تصادفی بوده است. اما امید می‌رود در تحقیقات آتی این موضوع نیز با راهکارهای دیگر مورد مطالعه قرار گیرد.

۳ بهبود روش ساختاری مونت کارلوی زنجیر مارکوف

به دلیل افزایش بیش از حد بعد ماتریس کواریانس به روش SMCMC انتظار می‌رود دقت برآوردهای پارامترها در مسائل کاربردی کاهش یابد. این امر از تقریب وارون ماتریس کواریانس و ترکیب آن با ماتریس طرح ناشی می‌شود. یک راه حل مناسب برای بهبود روش SMCMC استفاده از تجزیه ماتریس است.

روش‌های مختلفی برای تجزیه یک ماتریس وجود دارد که هر کدام دارای محسن و معایب خاص خود هستند. اما تجزیه چولسکی به دلیل سرعت بالای محاسبات نسبت به تجزیه‌های دیگر ارجحیت دارد (بیکر، ۲۰۰۳). اگر A ماتریسی متقارن معین مثبت باشد، تجزیه چولسکی آن به صورت $A = LL^T$ است که در آن L ماتریسی بالا مشابه است. توجه کنید برای مدل‌های این مقاله شاید تجزیه‌های دیگر ساختار مناسب‌تری برای معکوس ماتریس کواریانس اوائمه دهنده ولی بنا به بیکر (۲۰۰۳) استفاده از آن‌ها بهبود قابل ملاحظه‌ای در دقت و زمان همگرایی روش SMCMC ایجاد نخواهد کرد.

بیان این نکته ضروری است که برای پیاده‌سازی روش‌های بهبود یافته SMCMC، ابتدا با نرم‌افزار Maple نسخه ۱۱ تجزیه چولسکی معکوس ماتریس‌های مورد نیاز محاسبه و سپس مدل‌بندی و دستیابی به برآوردهای مورد نیاز با نرم‌افزار R نسخه ۲.۹.۰، انجام شده‌اند. همچنین برای برآش مدل‌های چندسطحی تعدادی از کتابخانه‌های ضروری شامل MASS و nlme در نرم‌افزار آماری R به خدمت گرفته شده است.

۱.۳ تجزیه چولسکی وارون ماتریس کواریانس پارامترهای بلوک بندی شده

در این بخش برای بهبوود روش SMCYC از تجزیه چولسکی ماتریس کواریانس استفاده می‌شود. از آنجا که محاسبه ماتریس کواریانس پارامترهای بلوک بندی شده زمانبر است، با استفاده از تجزیه چولسکی مشکل افزایش بعد ماتریس کواریانس مدل ساختاری و تاثیر آن در زمان همگرایی روش SMCYC مرتفع می‌شود. روش پیشنهادی برای دو مدل مطرح شده در بخش قبل به کار گرفته خواهد شد. با توجه به مدل عرض از مبدا تصادفی (۱) و بنا به رابطه (۵) تجزیه چولسکی وارون ماتریس کواریانس مدل ساختاری یعنی $X^T \Sigma^{-1} X$ عبارت است از

$$\Sigma^* \Sigma^{*T} = \begin{pmatrix} aI_{J+1} & \frac{-1}{a\sigma_u^2} \\ 0_J & \sqrt{\frac{n_J}{n\sigma_u^2 + \sigma_e^2}} \end{pmatrix}^T \begin{pmatrix} aI_{J+1} & \frac{-1}{a\sigma_u^2} \\ 0_J & \sqrt{\frac{n_J}{n\sigma_u^2 + \sigma_e^2}} \end{pmatrix} \quad (8)$$

که در آن

$$a = \sqrt{\frac{n\sigma_u^2 + \sigma_e^2}{\sigma_u^2 \sigma_e^2}}.$$

با توجه به این تساوی و رابطه (۵) به نظر می‌رسد محاسبات مربوط به اجرای الگوریتم MCMC خیلی ساده‌تر از حالت معمول آن (عدم استفاده از تجزیه چولسکی) باشد. به ویژه با جایگذاری تجزیه چولسکی $\Sigma^* \Sigma^{*T}$ به جای $X^T \Sigma^{-1} X$ در رابطه (۵)، ماتریس کواریانس توزیع شرطی کامل Θ به صورت $(\Sigma^{*T})^{-1} (\Sigma^*)^{-1}$ خواهد بود. بنابراین توزیع شرطی کامل Θ به صورت

$$\Theta | (Y, X, \Sigma) \sim MVN \left((\Sigma^* \Sigma^{*T})^{-1} (X^T \Sigma^{-1} Y), (\Sigma^* \Sigma^{*T})^{-1} \right)$$

تغییر خواهد کرد، که با توجه به رابطه (۸) محاسبه واریانس ساده‌تر خواهد شد. از آنجا که عبارت $X^T \Sigma^{-1} Y$ برابر حاصل ضرب تعدادی مقادیر معلوم در $1/\sigma_e^2$ است، با محاسبه مقادیر ثابت آن خارج از تکرار الگوریتم MCMC می‌توان زمان همگرایی را بیش از پیش کاهش داد. به عنوان مثال برای مدل عرض از مبدا تصادفی و بدون حضور متغیر مستقل (رابطه (۱) را بینید) کمیت $X^T \Sigma^{-1} Y$ عبارت است از

$$\frac{1}{\sigma_e^2} \left(\sum_{i=1}^{n_1} y_{ij}, \sum_{i=1}^{n_2} y_{ij}, \dots, \sum_{i=1}^{n_J} y_{ij} \right)^T.$$

حال نحوه به کارگیری روش SMCMC در مدل عرض از مبدا تصادفی و با حضور یک متغیر تبیینی تشریح می شود. واضح است روش های پیشنهادی برای وقتی که تعداد متغیرهای تبیینی بیشتر باشند نیز قابل تعمیم است. توجه کنید تجزیه چولسکی ماتریس $X^T \Sigma^{-1} X$ در مدل چندسطوحی عرض از مبدا تصادفی و با حضور متغیر تبیینی در مدل هایی که تعداد واحدهای درون سطوح نابرابر باشند دارای فرم استانداردی نیست. به عبارتی دیگر تجزیه چولسکی بسته به تعداد واحد هر گروه دارای ساختار متفاوتی است. لذا نمی توان یک دستورالعمل سراسری را برای چنین مدل هایی پیشنهاد نمود. از اینرو برای آشنایی بیشتر با نحوه اجرای روش SMCMC و در عین حال سادگی محاسبات آتی واحدهای سطوح متفاوت مدل چندسطوحی عرض از مبدا تصادفی و با حضور متغیر تبیینی به صورت برابر در نظر گرفته می شود. چنین طرحی به طرح متعادل معروف است.

وارون ماتریس کوواریانس مدل چندسطوحی عرض از مبدا تصادفی و با حضور متغیر مستقل در (۷) آمده است. با لحاظ نمودن فرض طرح متعادل، تجزیه چولسکی ماتریس (۷) عبارت است از

$$\Sigma^* \Sigma^{*T} = \begin{pmatrix} f_0 I_J & & & 0_{J \times 2} \\ \frac{\sum x_{i1}}{\sqrt{f_0 \sigma_e^2}} & \dots & \frac{\sum x_{iJ}}{\sqrt{f_0 \sigma_e^2}} & f_1 & \circ \\ \frac{-1}{\sqrt{f_0 \sigma_u^2}} & \dots & \frac{-1}{\sqrt{f_0 \sigma_u^2}} & f_2 & f_2 \\ \frac{\sum x_{i1}}{\sqrt{f_0 \sigma_u^2}} & \dots & \frac{\sum x_{iJ}}{\sqrt{f_0 \sigma_u^2}} & f_1 & \circ \end{pmatrix} \times \\ \begin{pmatrix} f_0 I_J & & & 0_{J \times 2} \\ \frac{\sum x_{i1}}{\sqrt{f_0 \sigma_e^2}} & \dots & \frac{\sum x_{iJ}}{\sqrt{f_0 \sigma_e^2}} & f_1 & \circ \\ \frac{-1}{\sqrt{f_0 \sigma_u^2}} & \dots & \frac{-1}{\sqrt{f_0 \sigma_u^2}} & f_2 & f_2 \end{pmatrix}^T$$

که در آن f_0, f_1, f_2 و f_3 به صورت زیر تعریف می شوند

$$f_0^2 = (n\sigma_u^2 + \sigma_e^2)/(\sigma_u^2 \sigma_e^2),$$

$$f_1^2 = \left(\sigma_e^2 \sum x_{ij}^2 + (n-1) \sum x_{ij}^2 \sigma_u^2 - 2\sigma_u^2 \sum x_{ij} x_{mj} \right) / (f_0 \sigma_e^2),$$

$$f_2^{\text{v}} = \frac{((nm - 1)\sigma_e^{\text{v}} + nm(n - 1)\sigma_u^{\text{v}}) \sum x_{ij}^{\text{v}} - 2(nm\sigma_u^{\text{v}} + \sigma_e^{\text{v}}) \sum x_{ij}x_{mj}}{f_0\sigma_e^{\text{v}}\sigma_u^{\text{v}}\sigma_e^{\text{v}} \sum x_{ij}^{\text{v}} + (n - 1) \sum x_{ij}^{\text{v}}\sigma_u^{\text{v}} - 2\sigma_u^{\text{v}} \sum x_{ij}x_{mj}},$$

$$f_2^{\text{v}} = \frac{\sum x_{ij}\sqrt{\sigma_e^{\text{v}}}}{(f_0\sigma_u^{\text{v}}\sigma_e^{\text{v}}\sigma_e^{\text{v}} \sum x_{ij}^{\text{v}} + (n - 1) \sum x_{ij}^{\text{v}}\sigma_u^{\text{v}} - 2\sigma_u^{\text{v}} \sum x_{ij}x_{mj})}.$$

فرآیند به کارگیری این تجزیه در بهروز کردن پارامتر Θ مشابه وضعیتی است که برای مدل عرض از مبدا تصادفی بدون حضور متغیر تبیینی توضیح داده شد. تنها تغییر جزئی ورود متغیر تبیینی x_{ij} در مدل و در نتیجه در تجزیه چولسکی است. با این حال همان‌گونه که روابط مربوط به ساختار تجزیه چولسکی برای مدل عرض از مبدا تصادفی و با حضور یک متغیر تبیینی نشان می‌دهد با اضافه نمودن متغیرهای مستقل دیگر تجزیه چولسکی وضعیتی به مراتب پیچیده‌تر به خود خواهد گرفت. لذا اعمال آن در فرآیند بهروز کردن پارامترها تأثیر بسزایی در کاهش زمان همگرایی الگوریتم MCMC نخواهد داشت.

روش پیشنهادی به کارگرفته شده در این بخش را روش SMC-MC1 نامیده و با یک مثال کاربردی و مطالعه شبیه‌سازی دقت برآوردهای حاصل و همچنین زمان همگرایی سیستم با استفاده از این روش با روش‌های دیگر مقایسه می‌شوند. اما قبل از آن روش پیشنهادی دوم این مقاله که در مورد نحوه به کارگیری روش تجزیه چولسکی ماتریس کواریانس مدل اولیه برای دو مدل عرض از مبدا و عرض از مبدا در حضور متغیر مستقل است مورد مطالعه قرار می‌گیرد.

۲.۳ تجزیه چولسکی ماتریس کواریانس مدل ساختاری

پیشنهاد دیگر برای بهبود روش SMC-MC استفاده از تجزیه چولسکی برای ماتریس کواریانس مدل ساختاری است. به عبارتی دیگر در این روش ابتدا تجزیه چولسکی معکوس ماتریس کواریانس مدلی که به صورت رابطه (۴) نوشته شده باشد را محاسبه و سپس با دخالت آن در رابطه (۵) مدلی ساده‌تر به دست آورده می‌شود. این روش را SMC-MC2 نامگذاری می‌نماییم.

برای مدل عرض از مبدا تصادفی (۱) ماتریس کواریانس مدل ساختاری (۴) ماتریسی قطری متشكل از N تا σ_e^2 و J تا σ_u^2 است. لذا ماتریس بالا مشتمل حاصل از تجزیه چولسکی، که با Σ_1 نمایش داده می‌شود، ماتریسی قطری بترتیب شامل مقدار σ_e^{-1} و J مقدار σ_u^{-1} است. حال با جایگذاری این تجزیه در عبارت $N X^T \Sigma^{-1} X$ نمونه‌گیری از توزیع شرطی کامل Θ به صورت

$$\Theta | (Y, X, \Sigma) \sim MVN \left((X^T \Sigma_1 \Sigma_1^T X)^{-1} X^T \Sigma_1^T \Sigma_1 Y, (X^T \Sigma_1 \Sigma_1^T X)^{-1} \right). \quad (9)$$

خواهد بود. اکنون پیش‌بینی می‌شود با اختیار متغیر جدید $Z = X \Sigma_1^{-1}$ روش SMCMC، بهبود بیشتری نسبت به روش SMCMC1 داشته باشد. به کمک ماتریس جدید، میانگین وواریانس توزیع شرطی کامل Θ در (۹) به ترتیب برابر $(Z^T Z)^{-1} Z^T \Sigma_1 Y$ و $(Z^T Z)^{-1}$ خواهد بود. به عبارتی دیگر به منظور به روز کردن Θ ضروری است از توزیع نرمال چندمتغیره با میانگین $(Z^T Z)^{-1} Z^T \Sigma_1 Y$ و واریانس $(Z^T Z)^{-1}$ نمونه‌گیری کرد. لذا محاسبه Z و ذخیره‌سازی آن به جای محاسبه مستقیم $(X^T \Sigma_1 \Sigma_1^T X)^{-1}$ بر سرعت همگرایی خواهد افزود.

شکل ماتریسی تجزیه چولسکی ماتریس کواریانس به روش SMCMC2 در مدل عرض از مبدا تصادفی و در حضور تنها یک متغیر تبیینی مانند مدل عرض از مبدا تصادفی و بدون حضور متغیر مستقل است. تنها تفاوت این دو مدل در ماتریس طرح آن‌ها خواهد بود. در این حالت اگر تجزیه چولسکی ماتریس کواریانس مدل ساختاری مربوطه با Σ^* نشان داده شود رابطه (۵) به صورت

$$\Theta | (Y, X, \Sigma) \sim MVN \left((X^T \Sigma^* \Sigma^* X)^{-1} X^T \Sigma^* \Sigma^* Y, (X^T \Sigma^* \Sigma^* X)^{-1} \right).$$

تغییر خواهد کرد. همان‌طور که ملاحظه می‌شود تعدادی از کمیت‌های موجود در ماتریس کواریانس در بردار میانگین نیز ظاهر شده‌اند. لذا با ذخیره اولیه تعدادی از کمیت‌های ثابت که در مراحل شبیه‌سازی SMCMC نیازی به به روز سازی آن‌ها نیست بر سرعت الگوریتم SMCMC افزوده خواهد شد.

۴ تحلیل یک مثال کاربردی و مطالعه شبیه‌سازی

در این بخش ابتدا یک مثال واقعی مورد مطالعه قرار خواهد گرفت. سپس با شبیه‌سازی داده‌هایی که تا حدودی مشابه مثال کاربردی بخش ابتدایی هستند تحلیل آماری مربوطه صورت می‌گیرد. به ویژه اجرای الگوریتم‌های پیشنهادی با روش‌های موجود قبلی مورد مقایسه قرار می‌گیرد.

۱.۴ مثال کاربردی

پایگاه <http://www.emgo.nl/quality-of-our-research/research-tools/multilevel> شامل داده‌هایی مربوط به ۴۴۱ بیمار در محدوده سنی ۴۴ تا ۸۶ سال است که تحت درمان ۱۲ پزشک بوده و میزان کلسترول خون آن‌ها بر حسب میلی مول در لیتر ثبت شده است. بنا به نمادگذاری مدل چندسطحی گروه‌بندی بیماران بر اساس پزشکان است. از آن جا که از نقطه نظر کلسترول خون بیماران تحت پزشک خاص تا حدودی با هم شباهت دارند، برای تحلیل مشاهدات نمی‌توان از روش‌های متداول رگرسیونی که همبستگی بین بیماران را نادیده می‌گیرد استفاده کرد. از این رو از مدل دو سطحی، که سطح اول بیماران تحت درمان و سطح دوم پزشکان هستند، استفاده می‌شود. با توجه به داده‌ها تعداد بیماران هر گروه، یعنی n_j ، به ازای $1, \dots, 12 = j$ به ترتیب عبارتند از ۳۶، ۳۶، ۳۶، ۳۶، ۳۶، ۳۶، ۳۶، ۳۶، ۳۶، ۳۶، ۳۶. این داده‌ها با ترکیب‌های مختلفی از مدل‌های چندسطحی با روش کمترین توان‌های دوم تعمیم یافته بازگشتی مورد تحلیل قرار گرفت (توایسک، ۲۰۰۶). اما برآورد بیزی پارامترهای مدل و به ویژه با روش MCMC تعیین نشده است. در ادامه ابتدا پارامترهای مدل چندسطحی با استفاده از روش‌های MCMC و بهبودهای روش SMC-MC برآورد خواهند شد. سپس زمان همگرایی الگوریتم در روش‌های متفاوت مورد بررسی قرار خواهد گرفت. هنگام اجرای روش‌های MCMC، SMC-MC و بهبودهای آن زنجیر 100000 بار تکرار کرده و برای محاسبه میانگین‌های توزیع‌های شرطی کامل، به عنوان برآورد پارامترها، گام داغیدن برابر 1000 در نظر گرفته شده است. همچنین توزیع‌های پیشین پارامترهای

مدل به صورت

$$\pi(\beta_1) \propto 1, \quad \pi(\beta_0) \propto 1, \quad \pi(1/\sigma_u^2) \sim \Gamma(a_u, b_u), \quad \pi(1/\sigma_e^2) \sim \Gamma(a_e, b_e)$$

اختیار شده است به طوری که مقادیر ابر پارامترها همان مقادیر پیشنهاد شده توسط براون و درایپر (۲۰۰۰) و براون (۲۰۰۹) یعنی $a_u = a_e = b_u = b_e = 0.001$ هستند. توجه شود که انتخاب پیشینهای یکنواخت برای پارامترهای اثربخش منجر به تساوی برآوردهای بیزی و ماکسیمم درستنمایی خواهد شد. برای برآورد پارامترها در مدل‌های چندسطوحی ابتدا پارامترهای مدل ساده عرض از مبدأ تصادفی و بدون حضور متغیر مستقل برآورد می‌شوند. سپس مدل عرض از مبدأ تصادفی و با حضور متغیر مستقل سن مورد بررسی قرار می‌گیرد.

برآورد پارامترها همراه با خطای برآورد عرض از مبدأ در یک مدل دوستطوحی عرض از مبدأ تصادفی در جدول ۱ آمده است. برآورد پارامترهای مدل عرض از مبدأ تصادفی با روش‌های MCMC، SMCMC1، SMCMC2 و محاسبه SMCMC2 شده است. تغییرات کم برآورد β_0 حاکی از دقیقیت روش‌های برآورد است. نتایج نشان می‌دهند که با استفاده از روش‌های متفاوت، تفاوت زیادی بین برآورد پارامترها وجود ندارد. اما در ادامه نشان داده خواهد شد که روش پیشنهادی از دو مزیت عمده برخوردار است.

جدول ۱: برآورد و خطای استاندارد برآورد پارامترهای مدل عرض از مبدأ تصادفی با روش‌های مختلف MCMC.

$\hat{\sigma}_e^2$	$\hat{\sigma}_u^2$	$\hat{\beta}_0 (SE(\hat{\beta}_0))$	روش
۰/۵۴۱	۰/۵۲۲	۵/۹۰۰ (۰/۰۷۲)	MCMC
۰/۵۳۶	۰/۵۲۳	۵/۹۸۱ (۰/۰۸۱)	SMCMC
۰/۵۳۶	۰/۵۲۸	۶/۰۲۹ (۰/۰۸۲)	SMCMC1
۰/۵۳۶	۰/۵۲۳	۵/۹۸۱ (۰/۰۸۱)	SMCMC2

تجزیه چولسکی ماتریس کواریانس ساختاری برای مدل عرض از مبدأ تصادفی و در حضور متغیر تبیینی در حالتی که تعداد واحدها در گروههای متفاوت یکسان نباشد روند منظمی را دنبال نمی‌کند. اما برای انجام یک مقایسه مناسب

تعداد مشاهدات هر گروه ۳۶ در نظر گرفته شد و برآورد پارامترهای مدل به روش SMC-MC1 انجام شده است. قابل ذکر است متغیر مستقل مدل سن بیماران تحت درمان است. نتایج آن همراه با روش‌های MCMC، SMC-MC2 و در جدول ۲ ارائه شده است. نتایج نشان می‌دهد بین برآورد پارامترها با روش‌های متفاوت تنها تغییرات جزئی وجود دارد. اما برآورد پارامترها در این مدل با برآورد پارامترها در مدل عرض از مبدأ تصادفی و بدون حضور متغیر مستقل متفاوت است. به علاوه مشاهده می‌شود مقدار عرض از مبدأ (β_0) نسبت به قبل کاهش چشمگیری داشته و در واریانس‌های مدل نیز تغییراتی ایجاد شده است. همان‌گونه که در

جدول ۲: برآورده و خطای استاندارد برآورده پارامترهای مدل عرض از مبدأ تصادفی با حضور متغیر تبیینی سن با روش‌های مختلف MCMC

$\hat{\sigma}_e^2$	$\hat{\sigma}_{u_0}^2$	$\hat{\beta}_1(SE(\hat{\beta}_1))$	$\hat{\beta}_0(SE(\hat{\beta}_0)) \times 10^5$	روش
۰/۳۲۵	۰/۴۹۱	۰/۰۴۹(۰/۰۷۷)	۲/۹۲۹(۹/۸۱۲)	MCMC
۰/۳۲۴	۰/۴۹۲	۰/۰۴۹(۰/۰۹۲)	۲/۹۴۸(۳/۲۴۱)	SMC-MC
۰/۳۲۰	۰/۴۹۴	۰/۰۴۹(۰/۰۷۸)	۲/۹۲۰(۹/۴۳۹)	SMC-MC1
۰/۳۲۲	۰/۴۹۸	۰/۰۵۰(۰/۰۸۸)	۲/۹۰۱(۱/۱۵۱)	SMC-MC2

دو مدل مورد بررسی ملاحظه شد، روش SMC-MC و بیهودهای آن برآوردهایی حدودا مشابه روش‌های موجود قبلی ارائه می‌نمایند. اما نکته قابل تأمل در مورد روش‌های SMC-MC و بیهودهای آن نتایج حاصل از مقدار ESS و میزان زمان مصروفی سیستم (به ثانیه) در ارائه برآورده پارامترهای مدل‌های چندسطحی متفاوت شامل مدل عرض از مبدأ تصادفی و عرض از مبدأ تصادفی در حضور متغیر تبیینی سن است. جدول ۳ مقدار ESS و میزان زمان مصروفی سیستم در دستیابی به برآورده پارامترهای مدل عرض از مبدأ تصادفی و بدون حضور متغیر مستقل به روش‌های MCMC، SMC-MC1 و SMC-MC2 را نشان می‌دهد. همان‌گونه که ملاحظه می‌شود هم زمان محاسبه برآورده پارامترهای مدل مورد نظر با روش تجزیه چولسکی ماتریس کواریانس به روش SMC-MC2 خیلی کمتر است و هم ESS آن از همه بیشتر است. گرچه زمان کاربر در روش SMC-MC2 تنها

بیشتر از روش SMC-MC است، اما این خسارت ناشی از تعدادی دستورات اضافی ضروری در این روش بوده و زیاد چشمگیر نمی باشد.

جدول ۳: مقدار ESS و زمان دستیابی برآورد پارامترها در مدل عرض از مبداء تصادفی با روش‌های مختلف MCMC.

روش	<i>ESS</i>	زمان کاربر (به ثانیه)	زمان سیستم (به ثانیه)
<i>MCMC</i>	۳۷۴۲۱	۱۴۴/۰۷	۰/۱۱
<i>SMCMC</i>	۹۵۷۴۱	۱۰۸/۷۸	۰/۱۷
<i>SMCMC1</i>	۹۵۸۸۲	۱۹۹/۹۲	۰/۱۳
<i>SMCMC2</i>	۹۶۳۹۶	۱۱۰/۱۵	۰/۰۶

جدول ۴: مقدار ESS و زمان (بر حسب ثانیه) دستیابی به برآورد پارامترها در مدل عرض از مبدأ تصادفی با حضور متغیر تبیینی سن با روش های مختلف MCMC.

روش	ESS	زمان کاربر	زمان سیستم
MCMC	۲۵۸۷۶	۱۸۰/۰۷	۲۲/۴
SMC MCMC	۸۸۷۲۵	۱۲۴/۱۶	۰/۳۶
SMC MCMC ۱	۸۸۴۳۲	۱۶۲/۶۱	۰/۱۶
SMC MCMC ۲	۸۸۹۳۲	۱۵۲/۴۴	۰/۱۱

۲.۴ مطالعه شبیه‌سازی

در این بخش بر اساس داده‌های شبیه‌سازی از مدل‌های تحت بررسی، روش‌های پیشنهادی مقایسه می‌شوند. بنا به خلاصه‌های آماری مربوط به متغیرهای کلسیرون خون و سن بیماران در بخش قبل، سعی شد داده‌های شبیه‌سازی تا حدودی مشابه آن‌ها باشند. با استفاده از ۴۴۱ بار شبیه‌سازی از توزیع‌های $N(6, 1)$ و $N(3, 9)$ برای متغیر وابسته و از توزیع‌های $U(44, 86)$ و $U(65, 81)$ برای متغیر تبیینی به تحلیل آماری روش‌های پیشنهادی پرداخته شد. برای اجرای روش‌های SMC MCMC و بیهودهای متناظر با آن زنجیر 100000 بار تکرار و در محاسبه میانگین‌های توزیع‌های شرطی کامل، به عنوان برآورد پارامترها، 1000 مرحله داغیدن در نظر گرفته شده‌اند. فرض‌های زیر بنایی مدل همانند بخش‌های قبل در نظر گرفته شده است. برآورد پارامترهای مدل دوستطحی عرض از مبدأ تصادفی به روش‌های مختلف SMC MCMC و تحت شبیه‌سازی از دو توزیع مشروحه فوق در جدول ۵ آمده است.

همان طور که ملاحظه می‌شود، برآورد پارامترها تحت توزیع نرمال برای متغیر وابسته تفاوت چندانی با برآوردهای متناظر آن هنگام کار با داده‌های واقعی ندارد. با این حال در هنگام استفاده از توزیع یکنواخت برآورد واریانس خطای سطح اول خیلی کم شده است. این موضوع ناشی از تغییرپذیری زیاد مشاهدات هنگام استفاده از توزیع یکنواخت است. در نتیجه استواری برآوردها نسبت به تغییرپذیری توزیع‌ها کم است. نکته مهم شbahت نسبی برآوردها تحت روش‌های مختلف اما با فرض

جدول ۵: برآورده و خطای استاندارد برآورد پارامترهای مدل عرض از مبداء تصادفی با روش‌های مختلف MCMC.

$\hat{\sigma}_e^2$	$\hat{\sigma}_u^2$	$\hat{\beta}_0 (SE(\hat{\beta}_0))$	روش	توزیع
۲/۹۵۵	۰/۰۷۷	۶/۰۲۹ (۰/۰۴۷)	SMCMC	
۲/۹۵۹	۰/۰۸۴	۶/۱۲۹ (۰/۰۴۷)	SMCMC۱	یکنواخت
۲/۹۵۵	۰/۰۷۶	۶/۰۲۹ (۰/۰۴۶)	SMCMC۲	
۵/۰۶۴	۰/۰۵۸	۶/۰۱۰ (۰/۰۵۳)	SMCMC	
۶/۰۷۸	۰/۰۱۹	۶/۰۷۸ (۰/۰۵۳)	SMCMC۱	نرمال
۶/۰۶۴	۰/۰۱۶	۵/۹۸۲ (۰/۰۵۲)	SMCMC۲	

یک توزیع خاص برای متغیرهای مورد مطالعه است. این موضوع مقایسه روش‌های برآورده براساس مقدار ESS و زمان مصرفی سیستم را میسر می‌سازد.

با فرض ثابت بودن شبیه‌سازیون برای گروه‌های متغیر تبیینی را وارد مدل نموده و با روش SMCMC و بهبود آن پارامترهای مدل برآورده شد. نتایج در جدول ۶ ارائه شده‌اند. همان‌طور که ملاحظه می‌شود بین برآورده پارامترها هنگام استفاده از توزیع‌های یکنواخت و نرمال و برآوردهای متناظر آن‌ها هنگام استفاده از داده‌های واقعی تفاوت عمده‌ای وجود دارد. بویژه برآوردهای دارای خطاً سطح اول در هر دو حالت کاهش یافته و لی مقدار آن در سطح دوم افزایش یافته است. به علاوه، مثل حالت مدل عرض از مبداء تصادفی، مقایسه برآوردهای حاصل از یک توزیع خاص، مثلاً نرمال، نشانگر شباهت نسبی بین برآوردها و خطای برآورده است. در نتیجه می‌توان آن‌ها را بر اساس مقدار ESS و زمان مصرفی سیستم مورد مقایسه قرار داد.

علاوه بر بررسی دقت و نیرومندی برآوردها با استفاده از شبیه‌سازی مدل، لازم است میزان بهبود زمان اجرای الگوریتم‌های برآورده بر اساس روش‌های موجود مورد ارزیابی قرار گیرد. برای این منظور مقدار ESS، زمان‌های کاربر و سیستم برای هر کدام از وضعیت‌ها و مدل‌ها در جدول‌های ۷ و ۸ ارائه شده‌اند. نتایج حاکی از آن است که روش تجزیه چولسکی وارون ماتریس کواریانس مدل اولیه کمترین زمان سیستم (به ثانیه) در دستیابی به برآورده پارامترها را به خود اختصاص داده

است. به علاوه مقدار ESS حاصل از این روش در هر دو وضعیت شبیه‌سازی داده‌ها بیشترین مقدار ممکن را دارد. در نتیجه روش تجزیه چولسکی معکوس ماتریس کواریانس مدل اولیه روش برتر در بین روش‌های مورد بررسی است.

برای مدل عرض از مبدا تصادفی همراه با حضور یک متغیر تبیینی نیز مقدار ESS و مقایسه زمان سیستم در تولید نمونه‌های کارا مورد محاسبه قرار گرفت. همان‌گونه که در جدول ۸ ملاحظه می‌شود تجزیه چولسکی وارون ماتریس کواریانس مدل اولیه و سپس اجرای الگوریتم SMCMC از زمان مصرفی کمتری برخوردار است. به علاوه مقدار ESS حاصل از این روش در هر دو وضعیت شبیه‌سازی داده‌ها بیشترین مقدار ممکن را دارد. بنابراین اجرای الگوریتم SMCMC همراه با تجزیه چولسکی ماتریس کواریانس مدل ساختاری بهبود قابل ملاحظه‌ای در کاهش زمان مصرفی سیستم برای تولید نمونه‌های کارا اعمال می‌نماید. جالب اینکه کاهش زمان مصرفی متأثر از توزیع‌های آماری مربوط به متغیرهای مورد مطالعه نیست. اجرای شبیه‌سازی یک نتیجه فرعی دیگری را نیز ارائه نموده است. پایداری برآوردها شدیداً تحت تاثیر توزیع‌ها است. در حالی که با فرض نرمال بودن متغیرهای تبیینی وابسته برآوردها مورد اعتمادند، اما این وضعیت با فرض توزیع یکنواخت از اعتبار لازم برخوردار نیست.

بحث و نتیجه‌گیری

با گسترش توانایی کامپیوتر برای برآورد بیزی پارامترها در مدل‌های چندسطحی محققین تعمیم‌های متفاوتی از الگوریتم MCMC را معرفی نمودند. یکی از آن روش‌ها روش SMCMC است. در این مقاله داده شد که اگرچه روش SMCMC به کمک تعریف ساختار جدید باعث حذف همبستگی بین پارامترهای ثابت و خطای تصادفی مربوط به سطوح بالا می‌شود اما به دلیل افزایش بعد ماتریس کواریانس مدل ساختاری و بهروز نمودن آن در هر گام MCMC زمان همگرایی روش SMCMC کاهش می‌یابد. برای رفع این مشکل دو روش بر اساس تجزیه چولسکی ماتریس کواریانس پیشنهاد شد. همچنین کارکرد روش‌های پیشنهادی بر

عاطفه فرخی، موسی گلعلیزاده ۵۵

جدول ۶: برآورده و خطای استاندارد برآورده پارامترهای مدل عرض از مبدأ تصادفی در حضور متغیر تبیینی با روش‌های مختلف MCMC

$\hat{\sigma}_e^2$	$\hat{\sigma}_u^2$	$\hat{\beta}_1 (SE(\hat{\beta}_1))$	$\hat{\beta}_0 (SE(\hat{\beta}_0) \times 10^5)$	روش	توزیع
۲/۹۵۰	۰/۰۱۳	۰/۰۱۰ (۰/۱۵۵)	۶/۰۰۴ (۲/۲۴)	<i>SMCMC</i>	
۲/۹۴۹	۰/۰۱۲	۰/۰۱۰ (۰/۲۰۰)	۶/۰۰۶ (۵/۵۹)	<i>SMCMC1</i>	یکنواخت
۲/۹۴۹	۰/۰۱۳	۰/۰۱۰ (۰/۲۴۲)	۶/۰۰۶ (۵/۵۹)	<i>SMCMC2</i>	
۶/۰۷۶	۰/۰۱۸	۰/۰۰۷ (۰/۱۷۴)	۵/۵۰۸ (۲/۹۰)	<i>SMCMC</i>	
۶/۰۵۰	۰/۰۱۸	۰/۰۰۷ (۰/۱۸۴)	۵/۵۰۹ (۳/۵۰)	<i>SMCMC1</i>	نرمال
۶/۰۴۹	۰/۰۱۸	۰/۰۰۷ (۰/۱۸۲)	۵/۵۰۷ (۳/۳۰)	<i>SMCMC2</i>	

جدول ۷: مقدار ESS و زمان (بر حسب ثانیه) محاسبه برآورده پارامترها در مدل عرض از مبدأ تصادفی با روش‌های مختلف MCMC

زمان سیستم	زمان کاربر	ESS	روش	توزیع
۰/۰۴	۱۱۱/۱۷	۶۴۲۲۱	<i>SMCMC</i>	
۰/۰۷	۱۶۶/۹۷	۸۴۲۲۹	<i>SMCMC1</i>	یکنواخت
۰/۰۳	۱۱۱/۰۰	۸۶۵۶۷	<i>SMCMC2</i>	
۰/۱	۱۰۸/۵۸	۵۷۲۰۰	<i>SMCMC</i>	
۰/۱۲	۱۶۲/۴۸	۲۴۲۸۷	<i>SMCMC1</i>	نرمال
۰/۰	۱۰۹/۷۰	۲۶۹۳۱	<i>SMCMC2</i>	

جدول ۸: مقدار ESS و زمان (بر حسب ثانیه) محاسبه برآورده پارامترها در مدل عرض از مبدأ تصادفی در حضور متغیر تبیینی با روش‌های مختلف MCMC

زمان سیستم	زمان کاربر	ESS	روش	توزیع
۰/۰۲	۱۲۵/۴۳	۵۴۶۵۴	<i>SMCMC</i>	
۰/۰۴	۱۳۰/۸۸	۷۴۵۰۰	<i>SMCMC1</i>	یکنواخت
۰/۰۱	۱۲۰/۷۸	۷۶۵۰۰	<i>SMCMC2</i>	
۰/۸۴	۱۵۵/۵۸	۴۹۱۰۰	<i>SMCMC</i>	
۰/۸۶	۱۶۳/۷۸	۷۰۵۰۱	<i>SMCMC1</i>	نرمال
۰/۰۷	۱۵۲/۰۲	۷۲۸۹۳	<i>SMCMC2</i>	

اساس یک مثال کاربردی و یک مطالعه شبیه‌سازی مورد ارزیابی قرار گرفت و تجزیه ماتریس کواریانس مدل ساختاری و سپس اجرای روش شبیه‌سازی MCMC به عنوان یک راه کار مفید و موثر به منظور تولید نمونه‌های موثر مستقل بیشتر و همچنین کاهش زمان اجرای الگوریتم SMC-MC پیشنهاد گردید. به علاوه نشان داده شد که کارائی روش SMC-MC با فرض نرمال بودن متغیرهای درگیر بیشتر از فرض توزیع یکنواخت است و پیش‌بینی می‌شود این مطلب با فرض توزیع‌های دیگر نیز صادق باشد.

تقدیر و تشکر

نویسنده‌گان از داوران محترم که پیشنهادهای سازنده‌ای برای بهبود این مقاله ارائه کردند تقدیر و تشکر می‌نمایند.

مراجع

- Baker, A. J. (2003), *Matrix Groups: An Introduction to Lie Group Theory*, New York, Springer-Verlag.
- Banerjee, S, Carlin, B. P. and Gelfand, A. E. (2004), *Hierarchical Modelling and Analysis for Spatial Data*, London, Chapman and Hall.
- Besag, J., York, J. and Mollier, A. (1992), Bayesian Image Restoration with Two Applications in Spatial Statistics, *Annals of Institute of Statistical Mathematics*, **43**, 1-59.
- Browne, W. J. (2009), *MCMC Estimation in MLwiN (Version 2.10)*, Center for Multilevel Modelling, University of Bristol.
- Browne, W. J. and Draper, D. (2000), Implementation Issues in Bayesian Fitting of Multilevel Models, *Computational Statistics*, **15**, 391-420.

۵۷ عاطفه فرخی، موسی گلعلیزاده

- Gelfand, A. E., Sahu, S. K. and Carlin, B. P. (1995), Efficient Parameterisations for Linear Mixed Models, *Biometrika*, **83**, 479-488.
- Gelman, A., van Dyk, D. A., Huang, Z.Y. and Boscardin, W. J. (2008), Using Redundant Parameterization to Fit Hierarchical Models, *Journal of Computational and Graphical Statistics*, **17**, 95-122.
- Gilks, W.R. and Robert, G. O. (1996), Strategies for Improving MCMC, In: Gilks, W. R., Richardson, S. and Spiegelhalter, D. J. (eds), *Markov Chain Monte Carlo in Practice*, 89-140, London, Chapman and Hall.
- Goldstein, H. (1999), *Multilevel Statistical Models*, London, Institute of Education, Multilevel Project.
- Hills, S. E. and Smith, A. F. M. (1992), Parameterization Issues in Bayesian Inference, In Bernardo, J., Berger, J., Dawid, A. and Smith, A. *Bayesian Statistics*, **4**, 227-246.
- Mira. A. and Sargent. D. J. (2003), A New Strategy for Speeding Markov Chain Monte Carlo Algorithms. *Statistical Methods and Applications*, **12**, 49-60.
- Papaspiliopoulos, O., Roberts, G. O. and Skold, M. (2007), A General Framework for Parametrisation of Hierarchical Models, *Statistical Sciences*, **22**, 59-73.
- Pinherio, J. C. and Bates, D. M. (2000), *Mixed-Effects Models in R and S-plus*, New York, Springer-Verlag.
- Rencher, A. C. (1995), *Methods of Multivariate Analysis*, New York, Wiley.

بهبود الگوریتم SMC-MC در مدل‌های چندسطحی ۵۸

- Sargent, D. J., Hodges, J. S. and Carlin, B. P. (2000), Structured Markov Chain Monte Carlo, *Journal of Computational and Graphical Statistics*, **9**, 217-234.
- Twisk, J. W. R. (2006), *Applied Multilevel Analysis: Practical Guides to Biostatistics and Epidemiology*, Cambridge, Cambridge University Press.

Archive of SID