

الگوریتم مبتنی بر قدرت تعمیم‌دهی شبکه‌های عصبی برای همگرایی سریع

الگوریتم ژنتیک در طراحی بهینه‌ی آیرودینامیکی

نعمت‌الله فولادی (کارشناس ارشد)

علیرضا جهانگیریان (دانشیار)

دانشکده‌ی مهندسی هوافضا، دانشگاه صنعتی آهونگپور

در این نوشتار یک الگوریتم بهینه‌سازی ترکیبی، مشکل از الگوریتم ژنتیک و شبکه‌های عصبی در طراحی بهینه‌ی اشکال آیرودینامیکی بر مبنای مدل‌سازی عددی جریان ارائه شده است. در این روش بهمراه جست‌جوی حالت بهینه با الگوریتم ژنتیک برآزنگی تعدادی از کروموزوم‌های تولیدشده در نسل‌های گذشته به یک شبکه‌ی عصبی تعلیم داده می‌شود. سپس با یک راهکار مناسب از علم شبکه‌ی عصبی مزبور و قدرت تعمیم‌دهی آن برای شناسایی کروموزوم‌های برتر در فضاهای طراحی ناشناخته (تعلیم نگرفته توسط شبکه‌ی عصبی) و بازتولید الگوریتم ژنتیک استفاده می‌شود. به این ترتیب با کاهش تعداد ارزیابی‌ها توسط کد CFD، که بخش عمده‌ی زمان محاسباتی کل فرایند بهینه‌سازی را تشکیل می‌دهد، زمان رایانه‌یی مورد نیاز به میزان چشمگیری کاهش می‌یابد. روش ارائه شده در نوشتار حاضر برای طراحی بهینه‌ی مقطع آیرودینامیکی در شرایط جریان حدود صوت مورد استفاده قرار گرفته است. ارزیابی حالت‌های منتخب با حل عددی معادلات اوبل تراکم‌بزیر بر روی شبکه محاسباتی بی‌سازمان صورت گرفته و از شیوه‌ی جایه‌جایی خودکار شبکه‌ی محاسباتی به جای تولید مجدد آن استفاده شده است. همچنین برای پارامتری کردن شکل مقطع آیرودینامیکی، از روش PARSEC با ۹ پارامتر هندسی استفاده شده است. تابع به دست آمده حاکی از آن است که استفاده از روش ترکیبی حاضر منجر به کاهش زمان رایانه‌یی در حدود ۵۰٪ در مقایسه با الگوریتم ژنتیک متداول در طراحی مقطع آیرودینامیکی می‌شود.

۱. مقدمه

(یه‌جای مشتق آن)، عدم تداخل پیچیده با کدهای CFD و استفاده‌ی آسان از پردازشگرهای موازی در طراحی آیرودینامیکی حائز اهمیت است.^[۵] علی‌رغم مزیت‌های یادشده، طراحی آیرودینامیکی با استفاده از این الگوریتم به لحاظ فراخوانی‌های موازی^[۶]، طراحی عملگرهای است. استفاده از اصول پردازشگرهای موازی^[۷]، طراحی عملگرهای ژنتیکی تطبیقی^[۸]، و استفاده از راهکار جست‌جوی تطبیقی^[۸] از جمله تلاش‌های محققین برای رفع مشکل مزبور به شمار می‌روند. در تحقیق حاضر از شبکه‌های عصبی تعلیم یافته به‌منظور شناسایی بعضی از کروموزوم‌ها با برآزنگی بالاتر و مبتنی بر داشن شبکه‌های عصبی از کروموزوم‌های نسل‌های گذشته، برای همگرایی سریع الگوریتم ژنتیک استفاده شده است. پردازش داده‌ها در شبکه‌های عصبی مصنوعی همانند شبکه‌های عصبی زیست‌شناختی به صورت موازی انجام می‌شود؛ از این روش‌ها شبکه‌های عصبی ابزاری قدرتمند در مدل‌سازی عددی غیرخطی‌اند. این شبکه‌ها با پردازش داده‌ها، دانش با قانون نهفته در ورای داده‌های مزبور را به ساختار شبکه منتقل می‌کنند و به‌همین خاطر به آنها سیستم‌های هوشمند گفته می‌شود. شبکه‌های عصبی در چین یادگیری علم کسب می‌کنند و این علم در داخل وزن‌های اتصالی آنها ذخیره می‌شود.

الگوریتم ژنتیک^۲ یکی از روش‌های بهینه‌سازی تصادفی است که اخیراً در طراحی آیرودینامیکی شدیداً مورد توجه قرار گرفته است. این الگوریتم برایه‌ی اصل قدرتمند «تکامل» پایه‌گذاری شده و بعضی از پدیده‌های طبیعی مانند وراثت ژنتیکی و نظریه‌ی داروین را برای بقا مدل می‌کند.^[۹] الگوریتم ژنتیک از نقطه‌نظر کمینه‌یاب کلی بودن، استفاده از مقدار تابع هدف در تعیین مسیر جست‌جو

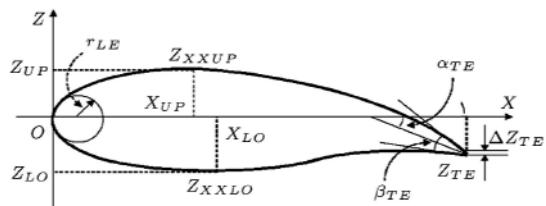
ملاحظات سازه‌یی در نظر گرفته شده است. برای تبدیل مسئله‌ی بهینه‌ی مقید به حالت غیر مقید از روش تابع جریمه کمک گرفته شده، و با توجه به حساسیت بالای ضخامت جسم آیرودینامیکی در توزیع کمیت‌های جریان از یک تابع جریمه‌ی نمایی استفاده شده است. عبارت نمایی در حالتی که ضخامت بیشینه کمتر از 12° باشد به صورت یک تابع جریمه عمل می‌کند و طی فریزنده بهینه‌سازی، باعث عدم توقف فرایند جستجو در نواحی غیرقابل قبول می‌شود. عدد 10° (عددی که به صورت تجربی انتخاب شده است) در عبارت نمایی باعث افزایش اثر عبارت جریمه می‌شود. طبق تحقیق حاضر، اعمال قیدها در تابع هدف به صورت یک عبارت جریمه، سازگاری بالایی با نحوه کار الگوریتم ژنتیک دارد.

۲. پارامتری کردن شکل مقطع آیرودینامیکی

در ایجاد فضای طراحی پارامتری برای انتخاب مقطع بال بهینه روش‌های متعددی به کار رفته است که یکی از بهترین نوع آن روش ایرفویل PARSEC است.^[۴] این روش قادر است دامنه‌ی تغییرات بزرگی از اشكال مقطع بال را با تعدادی از پارامترهای هندسی آن نمایش دهد. روش مذکور در تحقیق حاضر برای پارامتری کردن مقاطع آیرودینامیکی مورد استفاده قرار گرفته است. در این روش شکل مقطع بال با ترکیب خطی توابع شکل^۳ نوشته می‌شود:

$$Z = \sum_{n=1}^6 a_n X^{\frac{(n-1)}{7}} \quad (2)$$

که در آن X و Z مختصات نقاط مقطع بال و $a_{n=1,2,\dots,6}$ ضرایب توابع شکل هستند که مقدار آنها به مقادیر پارامترهای هندسی مقطع بال بستگی دارد. در این روش برای مشخص کردن شکل مقطع بال در حدود ۱۱ پارامتر به کار گرفته می‌شود. شکل ۱ نماینده‌ی از یک مقطع بال به همراه ۱۱ پارامتر را نشان داده است. مطابق شکل، پارامترها عبارت اند از شاعع لبه‌ی حمله (R_{LE})، ارتفاع لبه‌ی فوار (z_{TE})، زاویه‌ی خط میانی لبه‌ی فوار با انقلاب (α_{TE})، زاویه‌ی گوه لبه‌ی فوار (β_{TE})، مختصات و انحنای بیشترین ضخامت روی سطح بالایی (سه پارامتر X_{up} ، X_{xxup} و Z_{xxup})، مختصات و انحنای بیشترین ضخامت روی سطح پایینی (سه پارامتر Z_{lxlo} ، Z_{xxlo} و Z_{xlo}) و ضخامت لبه‌ی



شکل ۱. نمایش پارامتری مقطع آیرودینامیکی^[۴].

هدف اصلی تحقیق پیش رو بهبود عملکرد الگوریتم ژنتیکی در طراحی‌های آیرودینامیکی با حل عددی جریان است. برای روشن شدن بیشتر موضوع، الگوریتم پیشنهادی با مثالی از بهینه‌سازی مقطع آیرودینامیکی ارائه می‌شود (در اینجا طراحی کاربردی مقطع آیرودینامیکی مد نظر نیست). برای این منظور ابتدا بهینه‌سازی مقطع آیرودینامیکی با استفاده از الگوریتم ژنتیک متداول و بدون استفاده از شبکه‌های عصبی ارائه و عملکرد آن بررسی شده است. سپس با شناسنادن توانایی شبکه‌ی عصبی تعلیم‌گرفته در شناسایی کروموزوم‌های برازنده‌تر در فضای طراحی (تعلیم‌نگرفته) الگوریتم پیشنهادی تشریح می‌شود. این روش در اغلب مسائل بهینه‌سازی با الگوریتم ژنتیک شامل فضاهای طراحی بزرگ و ارزیابی‌های دشوار (وقتگیر) را گشاست ولی در این نوشتار کاربرد آن در طراحی شکل مقطع آیرودینامیکی با استفاده از حل عددی معادلات اویلر تراکم پذیر در شرایط جریان حدود صوت ارائه شده است. در نهایت، نتایج به دست آمده و زمان محاسبات با نتایج حاصل از روش بدون استفاده از شبکه‌ی عصبی مقایسه شده است.

۲. طراحی مقطع آیرودینامیکی با الگوریتم ژنتیک متداول

۱.۲. تعریف تابع هدف

انتخاب تابع تابع هدف در طراحی مقطع آیرودینامیکی بستگی زیادی به مأموریت وسائل هواپی دارد و ممکن است یک یا چند نوع تابع هدف در نظر گرفته شود. همچنین تابع‌های هدف به صورت مقید یا غیرمقید تعریف می‌شوند. تابع هدف چندگانه قابل تبدیل به یک تابع هدف مقیدند، به طوری که سایر توابع به شکل قید بهینه‌سازی اعمال می‌شوند. ضریب لیفت به درگ بیشینه، و همچنین ضریب درگ کمینه از توابع هدف مرسوم در جوامع علمی‌اند که به طور گسترده در بهینه‌سازی مقطع آیرودینامیکی مورد استفاده قرار گرفته‌اند. کلیات بحث ارائه شده در نوشتار حاضر مستقل از نوع یا تعداد تابع هدف است و به خاطر رعایت عمومیت موضوع بهینه‌سازی در اینجا یک تابع هدف مقید در نظر گرفته می‌شود.

بیشینه‌کردن نسبت ضریب لیفت به ضریب درگ تحت قید ضخامت بیشینه‌ی مقطع آیرودینامیکی (بزرگتر از 12°)، هدف طراحی حاضر را تشکیل می‌دهد. بنابراین تابع هدف چنین معرفی می‌شود:

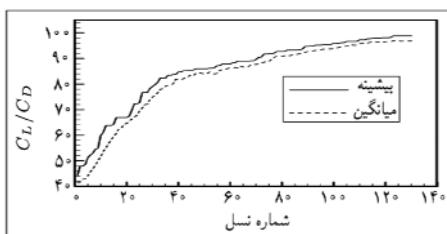
$$\text{تابع هدف} = \begin{cases} \frac{C_L}{C_D} & t_{\max} \geq 12^\circ \\ \frac{C_L}{C_D} e^{1^\circ (t_{\max} - 12^\circ)} & t_{\max} < 12^\circ \end{cases} \quad (1)$$

که در آن C_L ، C_D و t_{\max} به ترتیب ضریب درگ، ضریب لیفت، و بیشینه ضخامت مقطع آیرودینامیکی‌اند. قید کمینه‌ی t_{\max} به دلیل

کروموزوم صورت گرفته است، به طوری که هر ژن یک کروموزوم حالت کد شده (بهنجار بین صفر و ۱) نمایندهٔ مقدار یک پارامتر PARSEC است. همان‌طور که پیش‌تر اشاره شد، در طراحی حاضر از ۹ پارامتر مقطع آیرودبیاتیکی PARSEC استفاده شده است. اولین عضو جمعیت اولیهٔ مقطع آیرودبیاتیکی را NACA0012 قرار داده و بقیه را به صورت تصادفی در یک بازهٔ محدود از فضای طراحی در مجاورت آن انتخاب کرده‌اند. فضای طراحی به همراه مقطع آیرودبیاتیکی مبنا (NACA0012) مطابق جدول ۱ است. تعداد کروموزوم‌های هر نسل ۳۰ عدد انتخاب شده است. عملکرد انتخاب رقابتی^[۱۲]، عملکرد ترکیب با یک نقطهٔ تلاقی و احتمال ترکیب ۸۵٪ و عملکرد جهش با احتمال جهش ۱٪ در یک بازهٔ انتخاشی مشخص^[۱۵] در نظر گرفته شده‌اند. در تحقیق حاضر از یک روش ابتکاری^[۱۴]، که در آن دو عنصر از کروموزوهای بهتر هر نسل بدون هیچ تغییری به نسل بعد منتقل می‌شوند، برای کمک به همگرایی الگوریتم استفاده شده است. نگارندگان کد بهینه‌ساز مورد استفاده در تحقیق حاضر را با ساختار یادشده تدوین کرده‌اند. کد مزبور با طراحی معکوس اشکال آیرودبیاتیکی مورد ارزیابی قرار گرفته و صحت عمرکرد آن تأیید شده است.^[۱۵]

۵.۲. عملکرد الگوریتم ژنتیک متداول

ابتدا بهینه‌سازی مقطع آیرودبیاتیکی با استفاده از الگوریتم ژنتیک متداول با ارزیابی‌های کد CFD (بدون استفاده از شبکه‌های عصبی) در شرایط جریان مشخص (زاویهٔ حمله ۲ درجه و عدد ماخ ۷۴٪) انجام شده است. منحنی‌های همگرایی تابع هدف برای بهترین و میانگین جمعیت هر نسل بر حسب شماره نسل در شکل ۲ نشان داده شده است. طبق شکل ۲، روند بهینه‌سازی تا ۱۳۰ نسل ادامه داشته که منجر به یافتن کروموزومی با مقدار تابع هدف برابر با ۹۸ شده است. در تحقیق حاضر زمان لازم برای حل عددی معادلات حاکم بر جریان برای ارزیابی هر کروموزوم (با ریاضیاتی شخصی Pentium IV ۲.۴GHz) به طور متوسط در حدود ۹۰ ثانیه است. با توجه به این که هر نسل از فرایند بهینه‌سازی شامل ۳۰ کروموزوم است، کل فرایند بهینه‌سازی در حدود ۳۵۱۰۰۰ ثانیه (۹۷ ساعت و ۳۰ دقیقه) به طول می‌انجامد. چنان‌که تجربه‌های محاسباتی نشان می‌دهند، بیش از



شکل ۲. منحنی‌های همگرایی مقدار تابع هدف.

فرار (ΔZ_{TE}). ضرائب توابع شکل برای هر دسته از مقادیر پارامترهای روش PARSEC با حل یک سری دستگاه معادلات خطی برای نواحی مختلف مقطع آیرودبیاتیکی به دست می‌آیند. نحوهٔ استخراج معادلات مربوطه همراه با روش حل آنها ارائه شده است.^[۱۶] در تحقیق حاضر برای تعریف شکل مقطع آیرودبیاتیکی و تعیین هندسه‌ی آن با فرض ($Z_{TE} = ۱$ و $\Delta Z_{TE} = ۰$) از ۹ پارامتر استفاده شده است.

۳.۲. ارزیابی حالت‌های منتخب

ارزیابی تابع هدف برای حالت‌های منتخب طرح^۴ در این تحقیق با استفاده از روش حل عددی معادلات حاکم بر جریان غیرلایز تراکم‌پذیر صورت می‌گیرد. روش حل عددی معادلات به طور خلاصه روشی است مبتنی بر حجم کنترل و اختلاف مرکزی با اضافه کردن عبارت‌های لزجت مصنوعی درجه‌ی اول و سوم.^[۱۱] همچنین شبکه‌ی محاسباتی بی‌سازمان در اطراف مقطع آیرودبیاتیکی مبنا (NACA0012) به روش ریزکردن متوالی^۵ ایجاد شده است.^[۱۲] در خلال فرایند بهینه‌سازی، شکل مقطع‌های متنوعی ایجاد می‌شوند و به عبارت دیگر مراحلی شکل آیرودبیاتیکی تغییر می‌یابند. برای پوشش دادن میدان جریان جدید، ماید با یک روش مناسب شبکه‌ی محاسباتی از میدان جریان قبلی بدون تقاطع اضلاع و با حفظ کیفیت شبکه جایه‌جا شود. روش متداول برای این منظر عمده‌ی میانگین بر روش مدل‌سازی فنر خطی به همراه تدایری برای جلوگیری از عدم تقاطع اضلاع شبکه در ضمن جایه‌جا آن هستند. مدل‌سازی شبکه با روش سیستم کشش فشری، متصمن عدم تقاطع اضلاع در جایه‌جای های بزرگ مرز نیست. نگارندگان با هدف خودکارکردن نحوهٔ جایه‌جای شبکه و ایجاد ضمانت بیشتر در عدم تقاطع اضلاع آن راهکار مناسبی ارائه دادند.^[۱۰] که در تحقیق حاضر نیز از آن استفاده شده است. روش مزبور با تقسیم جایه‌جای های نقاط مرزی به گام‌های کوچک‌تر و با در نظر گرفتن تغییرات المان‌های مجاور مرز عمل کرده و از روش‌های مدل‌سازی فنر خطی و پیچشی^۶ در جایه‌جای نقاط داخل شبکه بهره می‌گیرد.

۴.۲. ساختار الگوریتم ژنتیک

نحوهٔ کدکردن متغیرهای تصمیم‌گیری (نوع ژن)، تولید جمعیت اولیه، انتخاب نوع عملکردهای ژنتیکی، اتخاذ مقادیر مناسب برای متغیرهای الگوریتم ژنتیک (تعداد کروموزوم‌ها در هر نسل، احتمال جهش، احتمال ترکیب و میزان بازه انتخاشی در جهش ژن‌های هر کروموزوم) و در نظر گرفتن تدایر و بیزه در همگرایی سریع فرایند بهینه‌سازی، ساختار الگوریتم ژنتیک را تشکیل می‌دهند. نحوهٔ انتخاب ساختار جست‌وجوی بهینه با الگوریتم مزبور برای مسائل مختلف متفاوت است و عموماً نیازمند فرایند سعی و خطاب توسعه کاربر است.

نحوهٔ کدکردن متغیرهای طراحی با نمایش حقیقی ژن‌های هر

جدول ۱. مقادیر پارامترهای مقطع آبرودینامیکی مینا، مرز بالا و مرز پایین.

R _{LE}	X _{up}	Z _{mup}	Z _{xxup}	α_{TE}	β_{TE}	X _{lo}	Z _{lo}	Z _{xxlo}	پارامترها
۰,۰۱۵	۰,۳	۰,۰۶	-۰,۴۸	۰,۰	۱۶	۰,۳	-۰,۰۶	۰,۴۸	ایروفیل مینا
۰,۰۲	۰,۵۵	۰,۰۸	-۰,۰۳	۲۰	۲۰	۰,۴	-۰,۰۴	۰,۹	مرز بالا
۰,۰۰۸	۰,۲۵	۰,۰۵	-۰,۰۵۵	۰,۰	۵	۰,۲۵	-۰,۰۷	۰,۳	مرز پایین

- نوع شبکه‌ی عصبی: شبکه‌ی پرسپترون با دو لایه‌ی پنهان و با اتصالات نرونی کامل؛

(CFD) دارد و لذا در این تحقیق هدف اصلی کاهش تعداد مراجعات به کد CFD است.

- تعداد ورودی‌ها به لایه‌ی ورودی: ۹ (مقادیر زن‌های هر کروموزم)؛

- تعداد خروجی‌ها: ۱ (مقدار برازنده‌گی کروموزم ورودی)؛

- تعداد نرون‌های لایه‌های مختلف: $1 \times 5 \times 25$ ؛

- تابع برانگیزش نرون‌ها: سیگموید تکقطبی.

برای نشان دادن توانایی شبکه‌ی عصبی تعلمی‌پافته در تخمین برازنده‌گی کروموزوم‌های با برازنده‌گی بالاتر در دو ناحیه‌ی متفاوت (ناحیه‌ی تعلمی داده شده و ناحیه‌ی تعلمی داده نشده)، برازنده‌گی کروموزوم‌های بهتر در بهینه‌سازی با الگوریتم رتیک (بخش ۲) تا نسل ۶۰ توسط شبکه‌ی عصبی مذبور تخمین زده شده است (شکل ۴). مطابق شکل ۴ شبکه‌ی عصبی در ناحیه‌ی تعلمی‌پافته مقادیر برازنده‌گی کروموزوم‌ها را به خوبی تخمین زده است، اما در ناحیه‌ی تعلمی‌پافته هرچند تخمین خوبی برای مقادیر دقیق برازنده‌گی کروموزوم‌ها ارائه نشده، در بیشتر موارد برازنده‌گی آنها را نسبت به هم تشخیص داده است. به عبارت دیگر شبکه‌ی عصبی تعلمی‌پافته قادر است در نواحی جدید بعضی کروموزوم‌های با برازنده‌گی بالا را شناسایی کند.

۲.۳. الگوریتم پیشنهادی

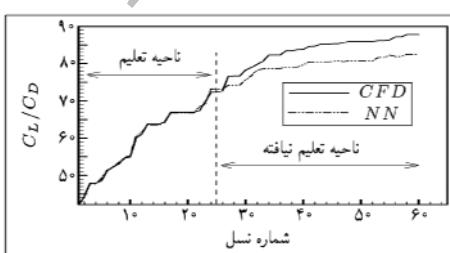
هدف اصلی الگوریتم جدید شناسایی کروموزوم‌های برازنده‌تر در فضای طراحی با صرف زمان رایانه‌ای کمتر و نیز کمک به همگرایی سریع فرایند جستجو با الگوریتم رتیک است. برای این منظور از علم شبکه‌ی عصبی نسبت به برازنش کروموزوم‌های تولید شده در نسل‌های گذشته‌ی الگوریتم رتیک استفاده شده است. مراحل مختلف الگوریتم یادشده عبارت اند از:

۳. راههای روش حل مسئله

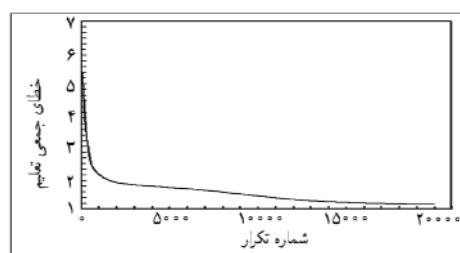
۳.۱. بررسی قابلیت‌های شبکه‌ی عصبی تعلمی‌پافته

در صورتی که مقادیر برازنده‌گی نسل‌های اولیه در بهینه‌سازی انجام گرفته در بخش قبلی به یک شبکه‌ی عصبی تعلمی داده شود، می‌توان از رفتار شبکه‌های عصبی در میان شناسایی کروموزوم‌های برازنده‌تر در نسل‌های بعدی (تعلمی نگرفته توسط این شبکه) به عنوان پیش‌زمینه‌ی ارائه‌ی الگوریتم جدید استفاده کرد.

با استفاده از روش الگوریتم رتیک مطابق بخش قبل تا نسل ۲۵ ام در حدود ۷۵۰ کروموزوم توسط کد CFD ارزیابی شده‌اند. کروموزوم‌های مذبور به همراه مقادیر برازنده‌گی آنها از طریق الگوریتم یادگیری پس انتشار خطاب به یک شبکه‌ی عصبی تعلمی داده شده است. شکل ۳ نشان‌گر محننی همگرایی خطای جمعی تعلمی است. تعداد لایه‌های پنهان، تعداد نرون‌ها در هر لایه، اتصالات نرون‌ها و نوع تابع برانگیزش آنها ساختار یک شبکه‌ی عصبی را تشکیل می‌دهند. معمولاً در انتخاب این پارامترها برای مدل‌سازی مسائل مختلف قاعده‌ی خاصی وجود ندارد، و انتخاب ساختاری مناسب که بتواند با دادگان تعلمی کمتر، یادگیری و تعمیم دهی بهتری داشته باشد خود نیاز به سعی و خطای طراح دارد؛ اما شبکه‌ی مصنوعی پرسپترون با دو لایه‌ی پنهان غالباً در مدل‌سازی آبرودینامیکی مورد استفاده قرار گرفته است.^[۱۶] براساس تجربه‌ی مؤلفین، ساختار شبکه‌ی عصبی مورد استفاده در فعالیت حاضر عملکرد مناسبی از خود نشان داده که عبارت است از:^[۱۷]



شکل ۴. مقادیر تابع هدف بهترین عضوهای جمعیت طرح.



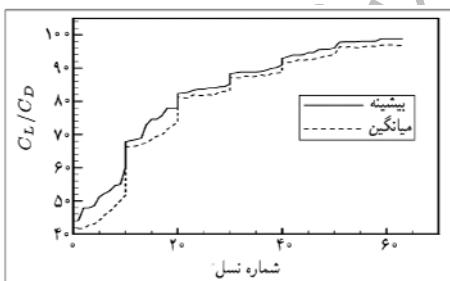
شکل ۵. خطای جمعی تعلمی شبکه‌ی عصبی.

نسل متواالی از جستجوی محلی در کروموزوم‌های برازنده‌تر بهبود قابل توجهی حاصل نشود، جستجوی محلی متوقف شود.

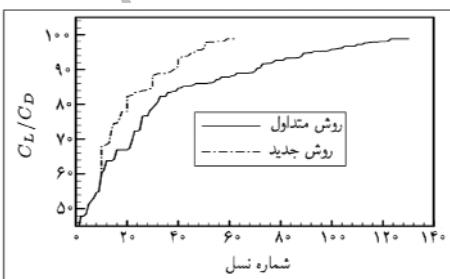
۴. ارزیابی نتایج

در این بخش، فرایند بهینه‌سازی انجام‌گرفته در بخش ۲ مجدداً با بهکارگیری الگوریتم جدید انجام شده است. تعداد نسل‌های جدید در هر بار مراجعت الگوریتم به مراحل ۱ و ۴ از الگوریتم جدید به ترتیب برابر ۱۰ و ۲۰ در نظر گرفته شده‌اند. شکل ۵ منحنی‌های همگرایی مقدار تابع هدف را برای بهترین عضو و میانگین اعضا جمعیت طرح برحسب شماره نسل نشان داده است. چنان‌که ملاحظه می‌شود اجرای برنامه‌ی تولید نسل نشان داده است. مطابق این شکل، در شماره نسل‌های ۱۰، ۳۰، ۵۰ و ۷۰ جستجوی محلی با شبکه‌ی عصبی باعث چهشی قابل توجه در روند همگرایی شده است.

شکل ۶ منحنی‌های همگرایی مقدار تابع هدف را با استفاده از الگوریتم ژنتیک متداول و روش جدید مقایسه کرده است. مطابق شکل مذکور و با احتساب زمان لازم برای تعلم شبکه‌ی عصبی و جستجوهای محلی به عنوان مقدار میانگین از الگوریتم ژنتیک در زمان ۰.۵٪ در زمان کل فرایند بهینه‌سازی صرفه‌جوی شده است. مشخصات مقطع آیرودینامیکی مبنای (NACA0012) و مقطع آیرودینامیکی طراحی شده در جدول ۲ ارائه شده است.



شکل ۵. مقادیر تابع هدف برای بهترین عضوهای جمعیت طرح در الگوریتم ژنتیکی.



شکل ۶. مقایسه‌ی منحنی‌های همگرایی دو روش.

۱. روند عادی جستجو با الگوریتم ژنتیک تا یک نسل معین با ارزیابی کد CFD:

۲. تشکیل لیست داده‌ها از کروموزوم‌های جدید ایجاد شده در مرحله‌ی ۱:

۳. تعلیم لیست داده‌های مزبور به یک شبکه‌ی عصبی توسط الگوریتم یادگیری:

۴. جستجوی محلی با ارزیابی‌های شبکه‌ی عصبی:

۵. تشکیل لیستی از کروموزوم‌های بهتر هر نسل در جستجوی محلی:

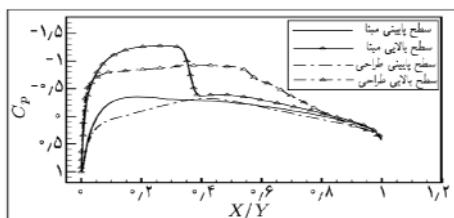
۶. ارزیابی لیست کروموزوم‌های مرحله‌ی قبل توسط کد CFD:

۷. بازتولید نسل‌های جدید با مبنای قرارگرفتن کروموزوم برنه‌ی محلی:

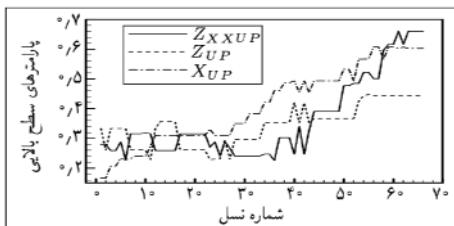
۸. ادامه‌ی جستجو از مرحله‌ی ۱ تکرار می‌شود.

در مرحله‌ی اول، شماره‌ی نسل مزبور ممکن است توسط کاربر معرفی، یا به صورت تابعی از عملکرد خود الگوریتم ژنتیک در نظر گرفته شود؛ به عنوان مثال در چند نسل متواالی روند بهبود تابع هدف پس از کند باشد. در مرحله‌ی دوم لیستی شامل مقادیر زن‌های هر کروموزوم و بازندگی آن، تهیه می‌شود. در مرحله‌ی سوم ضمن تعذیب مقادیر زن‌های هر کروموزوم به ورودی شبکه‌ی عصبی، مقادیر بازندگی مستقر با آنها برای تصحیح خطای خروجی شبکه‌ی عصبی و پس انتشار آن به وزن‌های اتصالی نرون‌ها مورد استفاده قرار می‌گیرد. در مرحله‌ی چهارم، برای شناسایی کروموزوم‌های جدید با بازندگی بالا توسط شبکه‌ی عصبی جستجوی محلی در فضای طراحی مورد نیاز است. با توجه به علم محدود شبکه‌ی عصبی این جستجو با یاد پیرامون دادگان تعلم صورت گیرد. در تحقیق حاضر، برای این منظور از الگوریتم ژنتیک با همان ساختار قبلی استفاده شده است. کروموزوم‌های آخرین نسل در مرحله‌ی اول به عنوان جمعیت اولیه‌ی الگوریتم ژنتیک در جستجوی محلی قرار داده می‌شوند. این جستجو تا رسیدن به تعداد نسل تعریف شده توسط کاربر ادامه می‌یابد. در مرحله‌ی پنجم، بهترین کروموزوم‌های هر نسل جدید در جستجوهای محلی به عنوان کروموزوم‌های کاندید برای تئیجه جستجوی محلی انتخاب می‌شوند. در مرحله‌ی ششم کروموزوم‌های کاندید با کد CFD ارزیابی می‌شوند تا کروموزوم برنه‌ه در جستجوی محلی مشخص شود. در مرحله‌ی هفتم، از کروموزوم برنه‌ه به عنوان مبنای بازتولید نسل جدید از کروموزوم‌ها استفاده می‌شود و به این ترتیب با بهبود نسل جدید همگرایی بهبود می‌یابد.

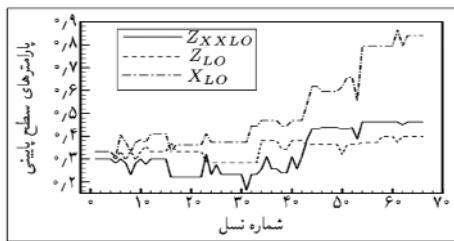
البته برای استقلال بیشتر الگوریتم فوق از تصمیمات کاربر می‌توان کروموزوم‌های کاندید (بازندگتر) هر نسل را در جستجوی محلی به صورت ضمنی، با کد CFD ارزیابی کرد، به طوری که اگر در چند



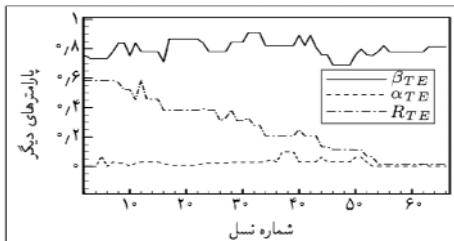
شکل ۹. توزیع فشار بر سطوح مقاطع آبرودینامیکی مینا و طراحی.



شکل ۱۰. روند تغییرات پارامترهای مربوط به سطح بالایی مقاطع آبرودینامیکی برای بهترین‌های هر نسل.



شکل ۱۱. روند تغییرات پارامترهای مربوط به سطح پایینی مقاطع آبرودینامیکی برای بهترین‌های هر نسل.



شکل ۱۲. روند تغییرات پارامترهای مربوط به لبه‌ی حمله و فرار مقاطع آبرودینامیکی برای بهترین‌های هر نسل.

طول و انحنای بیشترین ضخامت روی سطح بالایی و طول بیشترین ضخامت روی سطح پایینی تغییرات بیشتری نسبت به سایر پارامترهای طراحی داشته‌اند و لذا نقش بیشتری در بهینه‌سازی حاضر ایفا کرده‌اند.

۵. نتیجه‌گیری

در تحقیق حاضر از قابلیت شبکه‌های عصبی در تعلم نسل‌های تولید شده با الگوریتم زنگنه و استفاده از تخمین این شبکه‌ها در ارزیابی

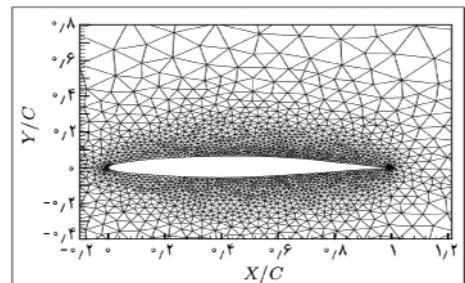
جدول ۲. مشخصات مقاطع آبرودینامیکی مینا و طراحی شده.

	مقاطع آبرودینامیکی			
	C_D	C_L	$\frac{C_L}{C_D}$	
مینا	۰.۹۸۴	۰.۳۶۶۷	۳۷/۴۲	
طراحی	۰.۰۵۲	۰.۵۱	۹۸	

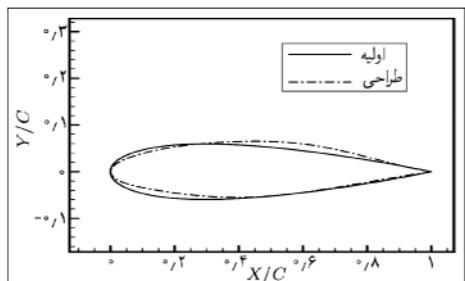
مقاطع آبرودینامیکی نهایی به همراه شبکه‌ی محاسباتی اطراف آن در شکل ۷ ارائه شده است که مطابق آن، شبکه‌ی محاسباتی در اطراف مقاطع آبرودینامیکی نهایی از کیفیت مناسبی برخوردار است. شکل ۸ مقاطع آبرودینامیکی طراحی شده را به همراه مقاطع آبرودینامیکی مینا نشان می‌دهد. توزیع فشار بر روی سطوح مقاطع آبرودینامیکی مینا و مقاطع آبرودینامیکی طراحی شده نیز در شکل ۹ نمایش داده شده است.

چنان‌که مشاهده می‌شود، اختلاف توزیع فشار بر سطوح مقاطع آبرودینامیکی مینا و طراحی شده به‌گونه‌یی است که در مقاطع آبرودینامیکی طراحی شده موج شوک بسیار ضعیف‌تری روی سطح بالایی تشکیل شده است. روند تغییرات پارامترهای طراحی برای بهترین‌های هر نسل از الگوریتم زنگنه، به صورت به‌هنگار در شکل‌های ۱۰ تا ۱۲ نشان داده شده است.

در شکل‌های مزبور مقادیر پارامترها بین صفر و ۱ به‌هنگار شده‌اند، به‌طوری که حد بالا و پایین مقادیر پارامترها در جدول ۱ به‌ترتیب برابر صفر و ۱ در نظر گرفته شده و مقدار حقیقی پارامترها به صورت خطی در این فضای نگاشته شده است. همچنین پارامترهای شعاع لبه‌ی حمله،



شکل ۷. شبکه‌ی محاسباتی در اطراف مقاطع آبرودینامیکی نهایی.



شکل ۸. نمایش مقاطع آبرودینامیکی مینا و طراحی شده.

دیگر، شبکه‌ی عصبی تعلیم‌یافته با صرف زمان رایانه‌یی ناچیز نسبت به کدهای CFD، قادر به شناسایی بعضی کروموزوم‌های جدید با برازنگی بالا است. روش ارائه شده برای بهینه‌سازی یک مقطع آیرودینامیکی در شرایط جریان حدود صوت مورد استفاده قرار گرفته و موجب کاهش زمان رایانه‌یی حداقل به میزان ۵۰٪ در کل فرایند بهینه‌سازی شده است.

نسل‌های بعدی به منظور کاهش مراجعه به کد CFD و در تیجه کاهش زمان رایانه‌یی استفاده شده است. طبق تحقیق حاضر، گرچه شبکه‌ی عصبی تعلیم‌یافته قادر به تخمین مقدار دقیق برازنگی کروموزوم‌ها در ناحیه‌های جدید از فضای طراحی (تعلیم‌نیافته) نیست، در بیشتر موارد برازنگی کروموزوم‌ها را نسبت به یکدیگر تشخیص می‌دهد. به عبارت

پابلوشت

1. evolutionary algorithms
2. genetic algorithm
3. shape function
4. design candidates
5. successive refinement method
6. linear and torsional spring analogy methods

منابع

1. Anderson, W.K. and Venkatarishnan, V. "Aerodynamic design optimization on unstructured grids with a continuous adjoint formulation", AIAA Paper 97-0643 (1997).
2. Baysal, O. and Eleshaky, M.E., "Aerodynamic design optimization using sensitivity analysis and computational fluid dynamic", *AIAA Journal*, **30**(3), pp. 718-725 (1992).
3. Hamalainen, J.P.; Makinen R.A.E.; Tarvainen, p. and Toivanen, J. "Evolutionary shape optimization in CFD with industrial applications", ECCOMAS 2000, Barcelona, (11-14 September 2000).
4. Goldberg, D.E. "Genetic algorithm in search, optimization, and machine learning", Addison-Wesley, (1989).
5. Oyama, A.; Liou, M.S. and Obayashi, Sh., "Transonic axial-flow blade shape optimization using evolutionary algorithms and three-dimensional navier-stokes solver", AIAA 2002-5642 (2002).
6. Lanteri, S. "Parallel solutions of compressible flows using overlapping and non-overlapping mesh partitioning strategies", *parallel Comput.*, **22**(7), pp. 943-968 (1996).
7. Lis, J. "Parallel genetic algorithm with the dynamic control parameter", In *Proceeding of IEE International Conference on Evolutionary Computation*, pp. 324-329 (1996).
8. Arakawa, M. and Hagiwara, I. "Development of adaptive real range (ARRange) genetic algorithm", *JSME Intl. J., Series C*, **41**(4), pp. 969-977 (1998).
9. Sobieczky, H., "Parametric airfoils and wings", Recent Development of Aerodynamic Design Methodologies Inverse Design and Optimization, Friedr. Vieweg & Sohn Verlagsgesellschaft, Germany, pp. 72-74, (1999).
10. فولادی، نعمت‌الله. و جهانگیریان، علیرضا. «راهی یک روش جدید در جابه‌جایی شبکه‌ی سازمان با مرز متحرک». پنجمین کنفرانس انجمن هوا-فضای ایران، اصفهان، (۱۳۸۲).
11. Stolcis, L. and Johnston, L.J. "Solution of euler equations on unstructured grids for two-dimensional compressible flows", *The Aeronautical Journal*, **94**(936), pp. 181-195 (1990).
12. Jahangirian, A. and Johnston, L.J. "Unstructured grid generation and flow adaptation for external aerodynamic flows", In Numerical Methods for Fluid Dynamics V, Morton K. and Baines M., (Eds), Oxford University Press (1995).
13. Deb, K. "Multi-objective optimization using evolutionary algorithms", John Wiley & Sons, (2001).
14. Davis, L., "Handbook of genetic algorithms", Van Nostrand Reinhold, New York (1990).
15. فولادی، نعمت‌الله. و جهانگیریان، علیرضا. «طراحی معکوس اشکال آیرودینامیکی با مدل‌سازی عددی جریان و استفاده از الگوریتم زنتیک»، سیزدهمین کنفرانس سالانه‌ی مهندسی مکانیک ایران، اصفهان، (۱۳۸۴).
16. Greenman, R.M.; Stepniewski, S.W.; Jorgensen, C.C. and Roth, K.R. "Designing compact feed-forward neural models with small training data set", *Journal of Aircraft*, **39**(3) (2002).
17. فولادی، نعمت‌الله. «طراحی بهینه‌ای فویل با مدل‌سازی عددی جریان و استفاده از الگوریتم زنتیک و شبکه‌های عصبی»، پایان‌نامه‌ی کارشناسی ارشد، دانشکده‌ی مهندسی هواناضا، دانشگاه صنعتی امیرکبیر بهار (۱۳۸۳).