

بهینه‌سازی فاکتورهای مؤثر در رشد باکتری *Escherichia coli* تولید کننده پروتئین نو ترکیب β NGF با استفاده از روش سطح پاسخ

پوریا غلامی تیلکو^۱، زهرا حاجی حسن^{۲*}، نوید نظری^۳، حمید مقیمی^۴

۱- دانشجوی کارشناسی ارشد بخش زیست فناوری میکروبی، دانشکده زیست شناسی و قطب تبار زایی موجودات زنده، پردیس علوم، دانشگاه تهران

۲- استادیار گروه مهندسی علوم زیستی دانشکده علوم و فنون نوین، دانشگاه تهران

۳- دانشجوی کارشناسی ارشد گروه مهندسی علوم زیستی، دانشکده علوم و فنون نوین، دانشگاه تهران

۴- استادیار بخش زیست فناوری میکروبی، دانشکده زیست شناسی و قطب تبار زایی موجودات زنده، پردیس علوم، دانشگاه تهران

* تهران، صندوق پستی ۱۵۶۱-۱۴۳۹۵

hajihasan@ut.ac.ir

چکیده - تولید پروتئین‌های نو ترکیب در میزبان باکتریایی /ی کلای در چند دهه اخیر بسیار رواج پیدا کرده است. مطالعات و آزمایش‌های بسیار زیادی در زمینه بهینه‌سازی و افزایش تولید و بیان پروتئین‌های نو ترکیب در این میزبان انجام گرفته است. از راه‌های افزایش تولید، رسیدن به تراکم بالای سلولی (افزایش غلظت سلولی) و تولید بیشتر پروتئین‌های داخل سلولی از جمله پروتئین نو ترکیب β -NGF می‌باشد. بدین منظور در این پژوهش برای اولین بار با استفاده از گلیسرول و عصاره مخمر به عنوان منابع کربن و نیتروژن و همچنین نمک $MgCl_2$ به عنوان افزایش دهنده رشد، کشت باکتری در تراکم سلولی بالا انجام شد. همچنین تأثیر شرایط کشت شبانه بر رشد باکتری مورد بررسی قرار گرفت. بهینه شرایط با استفاده از روش سطح پاسخ به دست آمد که شامل غلظت $23/18$ گرم بر لیتر گلیسرول، غلظت $44/14$ گرم بر لیتر عصاره مخمر و غلظت 10 mM نمک $MgCl_2$ می‌باشد. همچنین کشت ۱۴ ساعته در دمای 37 درجه سانتی گراد و دور شیکر 180 rpm به عنوان شرایط بهینه رشد معرفی شد. این مطالعه نشان داد که میزان رشد سلولی و تولید پروتئین نو ترکیب β -NGF در شرایط بهینه شده نسبت به محیط کشت پایه افزایش قابل توجهی داشته است.

کلیدواژگان: گلیسرول، عصاره مخمر، روش سطح پاسخ، کشت شبانه، $MgCl_2$.

۱- مقدمه

شناخته شده‌ترین عضو خانواده نوروتروفین‌ها،^۱ شناسایی شد. به علاوه این پروتئین یک هورمون (با مثال‌هایی از فعالیت‌های اتوکرینی^۲ روی سلول‌های B) نیز به حساب می‌آید که اثرگذاری آن را روی سلول‌های غیرعصبی نشان

فاکتور رشد عصبی^۱ ۵۰ سال قبل به عنوان پروتئینی که قابلیت تمایز^۲، بقا، رشد و حفاظت از سلول‌های عصبی مرکزی و محیطی را دارد و همچنین به عنوان

^۱Neurotrophins
^۲autocrine

^۱Nerve Growth Factor
^۲Differentiation

می‌دهد [۱]. غدد بزاقی موش نر بالغ به‌عنوان یکی از منابع طبیعی غنی از NGF شناخته‌شده که شباهت زیادی به NGF انسانی دارد [۲].

ثابت‌شده است که پروتئین NGF در مدل‌های حیوانی با بیماری‌های تخریب عصبی، روند تخریب نورون‌ها را کاهش داده یا از بین می‌برد [۳]. همچنین این پروتئین تولید اعصاب محیطی در موش صحرایی را تقویت کرده و باعث بازگشت حافظه‌ی تخریب‌شده‌ی موش‌های صحرایی پیر می‌شود [۴، ۵]. به‌علاوه این پروتئین عملکرد حافظه‌ی تخریب‌شده‌ی موش‌های صحرایی جوان بالغ را نیز بهبود می‌بخشد [۶]. پروتئین NGF در درمان التهاب ناشی از بیماری‌های خود ایمن مغزی مثل مالتیپل اسکلروزیس از طریق بازسازی غلاف میلینی اطراف اکسون‌ها ایفای نقش می‌کند [۷]. مهم‌ترین عملکرد NGF در تمایز سلول‌های بنیادی نوروونی و در درمان بیماری‌های عصبی مثل آلزایمر است [۸]. علاوه بر ایفای نقش در تمایز سلول‌های عصبی این پروتئین نقش‌های ثانویه‌ی دیگری نیز دارد که از میان آن‌ها می‌توان به التیام بخشدن زخم‌ها در موش‌های سالم و مبتلا به دیابت و درمان بیماری‌های مربوط به قرینه‌ی چشم اشاره کرد [۹، ۱۰].

با توجه به عملکرد فاکتورهای رشد متعلق به خانواده‌ی نوروتروفین‌ها مثل NGF بر روی تکثیر، تمایز، بقا و مرگ سلول‌های عصبی و با توجه به این مسئله که به دست آوردن مقادیر زیادی از این پروتئین از منابع طبیعی‌اش کار مشکل، زمان‌بر و پرهزینه‌ای است، توجه محققان به سمت تولید نوترکیب این پروتئین در میزبان‌های مختلف معطوف شد [۱۱].

کاربرد بسیار گسترده، سرعت و بازده بالای بیان، سیستم‌های متنوع برای بیان پروتئین‌های نوترکیب، ژنتیک شناخته‌شده، نرخ رشد بالا، کشت ارزان و امکان دست

ورزی آسان، به‌عنوان اصلی‌ترین مزیت *E.coli* برای بیان پروتئین‌های نوترکیب شناخته‌شده است [۱۲].

تعدادی از عوامل تأثیرگذار در بازده نهایی تولید پروتئین نوترکیب، ترکیب محیط کشت، زمان القاء پروموتور و تولید اسید استیک می‌باشد. کشت باکتری *E.coli* در تراکم سلولی بالا در شیک فلاسک با استفاده از محیط‌ها و غلظت‌های مختلف IPTG^۱ برای تولید پروتئین‌های متنوعی گزارش شده است [۱۳].

ترکیبات محیط کشت سلول باید به‌دقت فرموله شده و تحت نظارت باشد، زیرا ممکن است اثرات متابولیکی قابل توجهی هم‌روی رشد سلول و هم در تولید پروتئین داشته باشد [۱۴]. بنابراین، هدف از این مطالعه بهبودسازی محیط کشت به‌منظور دستیابی به رشد سلولی بیشتر و بیان بالاتر پروتئین نوترکیب β -NGF در میزبان *BL21(DE3)* *E.coli* می‌باشد.

۲- مواد و روش‌ها

۲-۱- تهیه‌ی محیط کشت

از محیط LB broth به همراه ۱٪ کانامایسین به عنوان محیط کشت پایه استفاده شد. محیط کشت تهیه شده برای رشد باکتری‌ها، شامل گلیسرول به‌عنوان منبع کربن (شرکت *biobasic*) و عصاره‌ی مخمر به‌عنوان منبع نیتروژن (شرکت *QUELAB*) است که با استفاده از روش سطح پاسخ (RSM) غلظت‌های این دو منبع بررسی شدند. همچنین به هریک از غلظت‌ها ۵ g/l NaCl و ۱۰ mM MgCl₂ (ضروری برای رشد در ترکم سلولی بالا) افزوده و با استفاده از آب مقطر به حجم رسانده شدند. در پایان pH همه نمونه‌ها بین ۷/۴-۷/۶ تنظیم گردید.

۲-۲- سویه‌ی باکتری و وکتور pET390(+)

در این پژوهش از سویه‌ی *E.coli BL21(DE3)* (میزبان

^۱Isopropyl β -D-1-thiogalactopyranoside
^۲Response surface methodology (RSM)

^۱Multiple Sclerosis
^۲Alzheimer's Disease

۶-۲- بیان پروتئین نو ترکیب β -NGF انسانی در سوبیه باکتریایی *BL21(DE3)* و تأیید آن با استفاده از تکنیک دات بلات^۳

میزان ۱٪ از کشت شبانه‌ی سوبیه‌ی *E. coli BL21(DE3)* دارای وکتور pET39b:: β NGF به صورت جداگانه در محیط LB و محیط کشت بهینه‌شده توسط روش سطح پاسخ حاوی آنتی بیوتیک کانامایسین در دمای ۳۷ درجه سانتی‌گراد کشت داده شد. پس از رسیدن OD به ۰/۶ در طول موج ۶۰۰ نانومتر القا توسط ۱ میلی‌مولار IPTG صورت گرفت و پس از اتمام مدت زمان بیان، سلول‌ها در دمای ۴ درجه سانتی‌گراد سانتریفیوژ و جمع‌آوری شدند. سپس کل محتوای پروتئینی تولیدشده توسط افزودن اوره ۸ مولار (شرکت Merck آلمان) استخراج گردید. نمونه‌های پروتئینی استخراج‌شده روی کاغذ نیترو سلولز (شرکت Millipore آمریکا) لکه‌گذاری شدند و کاغذ توسط بافر بلوکه کننده‌ی TBS-T (Tris-HCl, NaCl, Tween20) بلوکه شد. پس از انجام سه مرحله شستشو با بافر TBS-T، آنتی‌بادی مونوکلونال ضد His-tag متصل به آنزیم HRP^۴ (شرکت Sigma آمریکا) با رقت ۱:۱۰۰۰ مورد استفاده قرار گرفت. در پایان، کاغذ با سوبسترای رنگی DAB (شرکت Biobasic کانادا) در حضور پر اکسید هیدروژن به‌عنوان سوبسترای آنزیم در محیط تاریک انکوبه شد.

۳- نتایج

۳-۱- تحلیل داده‌های حاصل از بهینه‌سازی شرایط

کشت شبانه

مدت زمان، دما و دور شیکر کشت شبانه در میزان رشد سلولی کشت اصلی مؤثر می‌باشد. نمودار رشد باکتری با تأثیر این عوامل رسم گردید (شکل ۱).

باکتریایی) ترانسفورم شده با وکتور pET39b(+) (ناقل بیانی) خریداری‌شده از شرکت *Nova gene* آمریکا استفاده شد.

۳-۲- شرایط کشت شبانه

به منظور تهیه کشت شبانه یک کلونی تک به محیط کشت LB تلقیح شد و سوسپانسیون تهیه و به تمامی نمونه‌ها مقدار یکسانی تلقیح شد. به منظور بررسی تأثیر مدت زمان و شرایط کشت شبانه بر رشد سلولی، کشت شبانه در زمان‌ها (۱۰، ۱۲، ۱۴، ۱۶ ساعت) و شرایط مختلف (دور شیکر ۱۵۰ و ۱۸۰ rpm - دمای ۲۵ و ۳۷ درجه سانتی‌گراد) انجام گرفت.

۴-۲- بررسی رشد (تراکم سلولی)

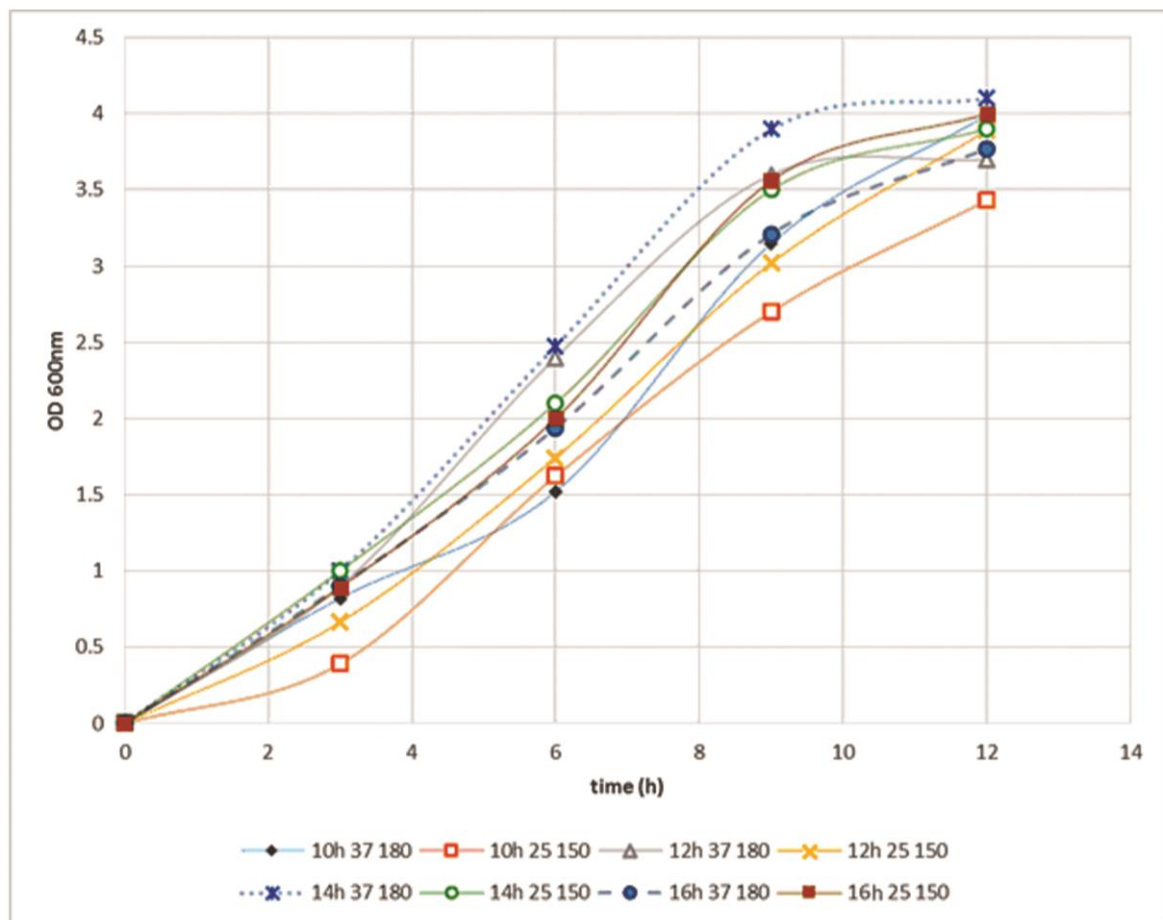
تمامی آزمایش‌ها در ارلن‌های ۱۰۰ میلی‌لیتری حاوی ۲۰ میلی‌لیتر محیط کشت انجام شدند. به هر محیط کشت ۱٪ حجمی حجمی تلقیح از کشت شبانه صورت گرفت و نمونه‌ها در شیکر انکوباتور با دمای ۳۷ درجه و دور شیکر ۱۸۰ rpm قرار داده شدند. به منظور بررسی رشد، در فواصل زمانی معین جذب تمامی نمونه‌ها در طول موج ۶۰۰ nm به وسیله دستگاه UV-Vis Spectrophotometer (Thermo ساخت آمریکا) قرائت شد و نمودار رشد آن‌ها رسم گردید.

۵-۲- طراحی آزمایش CCD^۵

در این پژوهش برای طراحی آزمایش‌ها و بهینه‌سازی میزان منابع کربن و نیتروژن محیط، از طراحی آزمایش به روش سطح پاسخ (RSM) توسط نرم‌افزار (Statease, DESIGN EXPERT ۷/۰ USA) استفاده شد. همچنین با استفاده از منحنی برجسته، برهمکنش دو متغیر بر روی پاسخ مشخص شد.

^۳Dot blot
^۴Horse Radish Peroxidase

^۵Cell density
^۵Central composite design



شکل ۱ نمودار رشد باکتری‌ها با شرایط کشت شبانه متفاوت (نتایج حاصل سه بار تکرار می‌باشد). نمودارها نشان دهنده تأثیر زمان‌های کشت (۱۰، ۱۲، ۱۴، ۱۶ ساعت)، دما (۲۵، ۳۷ درجه سانتی‌گراد) و دور شیکر متفاوت (۱۵۰ و ۱۸۰ rpm) بر منحنی رشد باکتری‌ها می‌باشد

از شکل مشاهده می‌شود رشد باکتری‌ها در حضور غلظت ۱۰ mM نمک $MgCl_2$ به‌ویژه بعد از ۴ ساعت نسبت به حالتی که نمک به محیط افزوده نشده است، بسیار سریع‌تر انجام می‌شود. لذا در بقیه مراحل کار $MgCl_2$ با غلظت ۱۰ mM به محیط کشت باکتری‌ها افزوده شد.

۳-۳- تحلیل داده‌های حاصل از بهینه‌سازی محیط کشت به روش RSM

از عوامل مؤثر در تولید کشت با تراکم سلولی بالا در *E. coli*، غلظت عصاره مخمر و گلیسرول (منبع کربن و نیتروژن) بوده که به‌عنوان فاکتورهای اصلی برای بهینه‌سازی انتخاب شدند و آزمایش‌ها مطابق روش CCD

همان‌طور که ملاحظه می‌شود نتایج نشان می‌دهد که کشت ۱۴ ساعته در دمای ۳۷ درجه و دور شیکر ۱۸۰ rpm از نقطه نظر رشد سریع‌تر و تراکم سلولی بالاتر (OD max) بهترین شرایط برای ادامه کار می‌باشد.

۳-۲- تأثیر $MgCl_2$ بر رشد باکتری

وجود نمک $MgCl_2$ برای رشد باکتری در تراکم بالا ضروری است. به‌منظور تأیید این ادعا، دو محیط کشت به صورت جداگانه شامل محیط کشت بهینه کامل و محیط کشت بهینه فاقد نمک تهیه و باکتری به آن تلقیح شد. نمودار رشد باکتری‌ها رسم گردید (شکل ۲). همان‌طور که

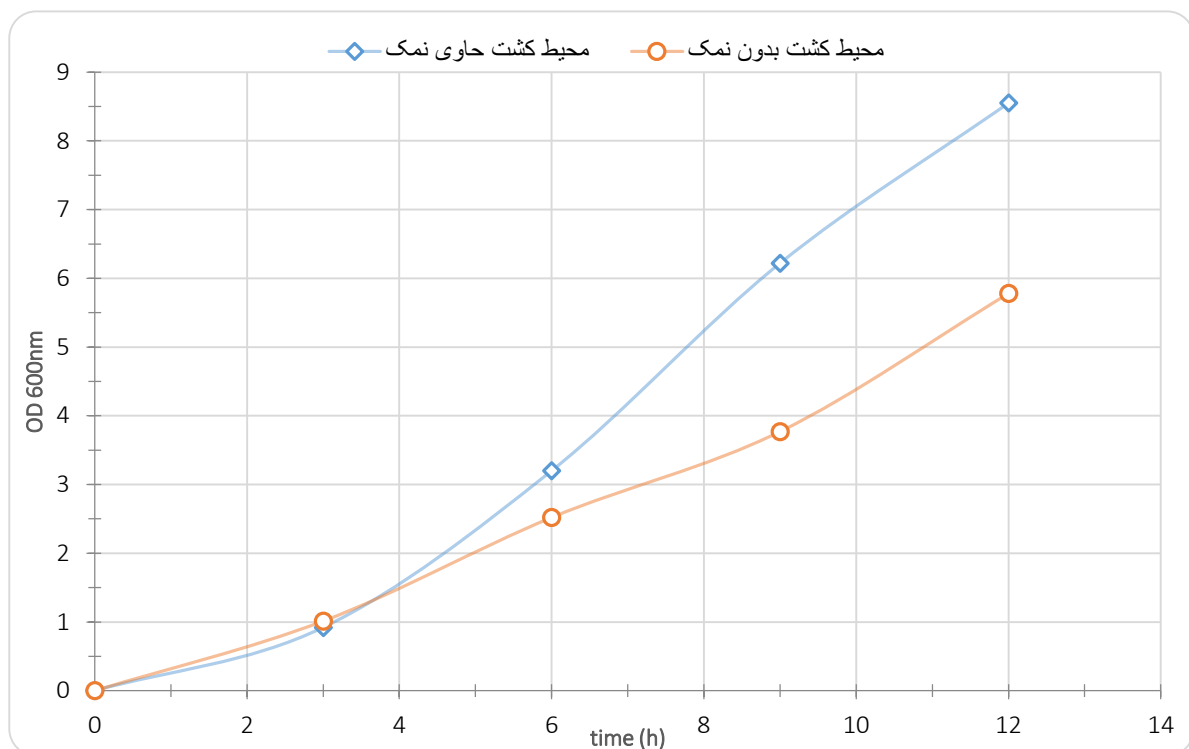
High cell-density

سطح پاسخ برای این دو عامل در قالب ۱۳ آزمایش با ۵ نقطه مرکزی طراحی شد.

اثر هر دو متغیر و اثرات متقابل آن‌ها بر روی پاسخ از طریق انجام آزمایش‌ها در ۵ سطح مختلف و به صورت غیر تصادفی برای هر دو متغیر مورد مطالعه قرار گرفتند. مقدار تراکم سلولی بالا (جذب ۶۰۰nm) به عنوان پاسخ به کمک نرم افزار ۷/۰ EXPERT DESIGN آنالیز شد

(جدول ۱).

مقدار p-Value برای تره‌های غلظت عصاره مخمر (A)، غلظت گلیسرول (B) و توان دوم غلظت عصاره مخمر (A^2) و حاصل ضرب غلظت عصاره مخمر در غلظت گلیسرول (AB) کمتر از ۰/۰۵ است، در نتیجه اهمیت این تره‌ها در تولید بهینه تراکم سلولی، قابل ملاحظه است.



شکل ۲ منحنی رشد باکتری، در حضور و عدم حضور غلظت ۱۰ mM نمک $MgCl_2$

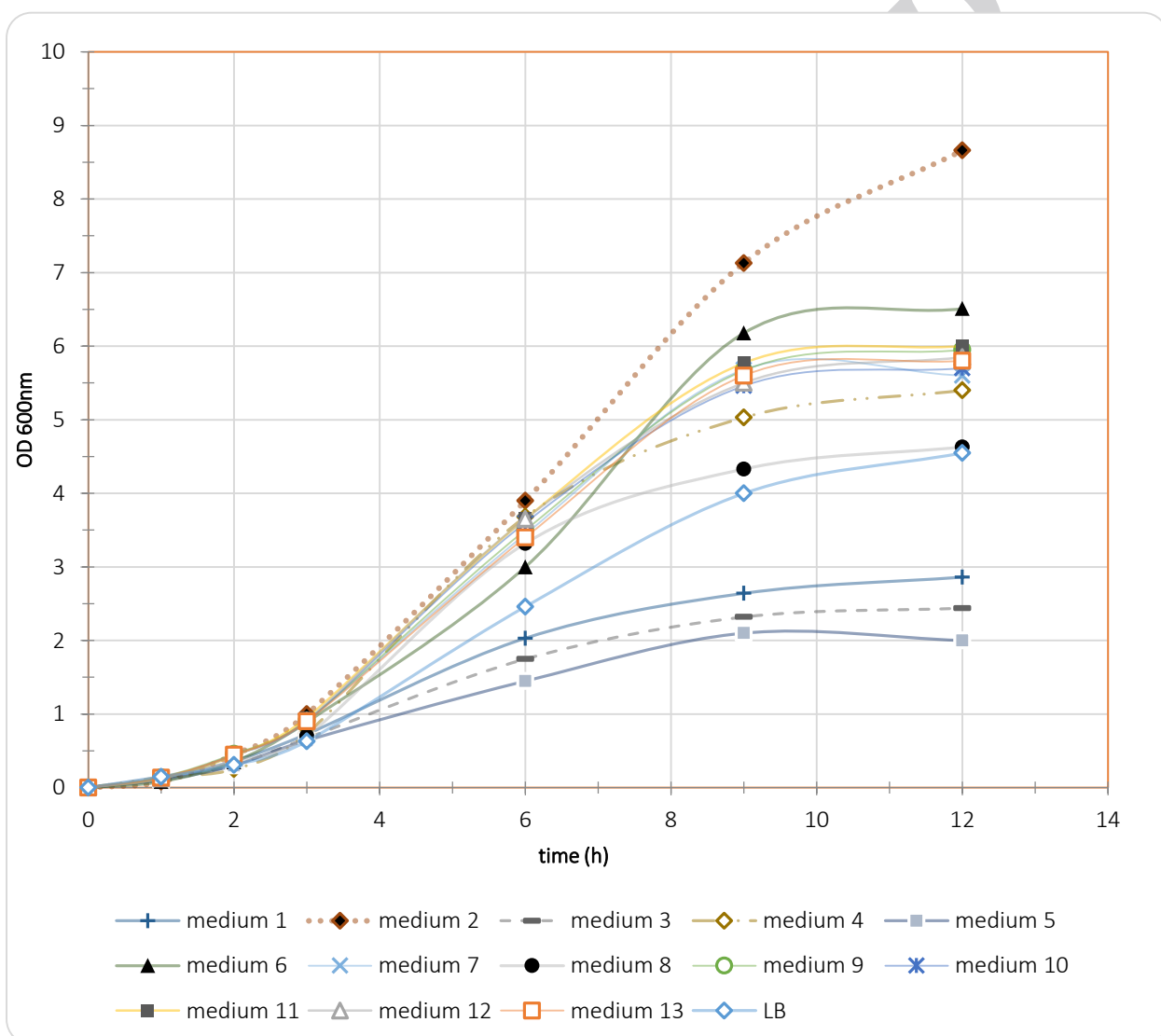
جدول ۱ آنالیز انحراف معیار تراکم سلولی بالا

عبارت	مجموع مربعات	مربع میانگین	F-Value	P-Value Probe>F
A	۲۸/۶۵	۲۸/۶۵	۱۰۱/۶۲	۰/۰۰۰۱
B	۳/۱۹	۳/۱۹	۱۱/۳۲	۰/۰۰۹۹
A^2	۳/۶۷	۳/۶۷	۱۳/۰۲	۰/۰۰۶۹
B^2	۰/۷۷	۰/۷۷	۳/۶۶	۰/۰۹۷۱
AB	۲/۰۲	۲/۰۲	۷/۱۵	۰/۰۲۸۲

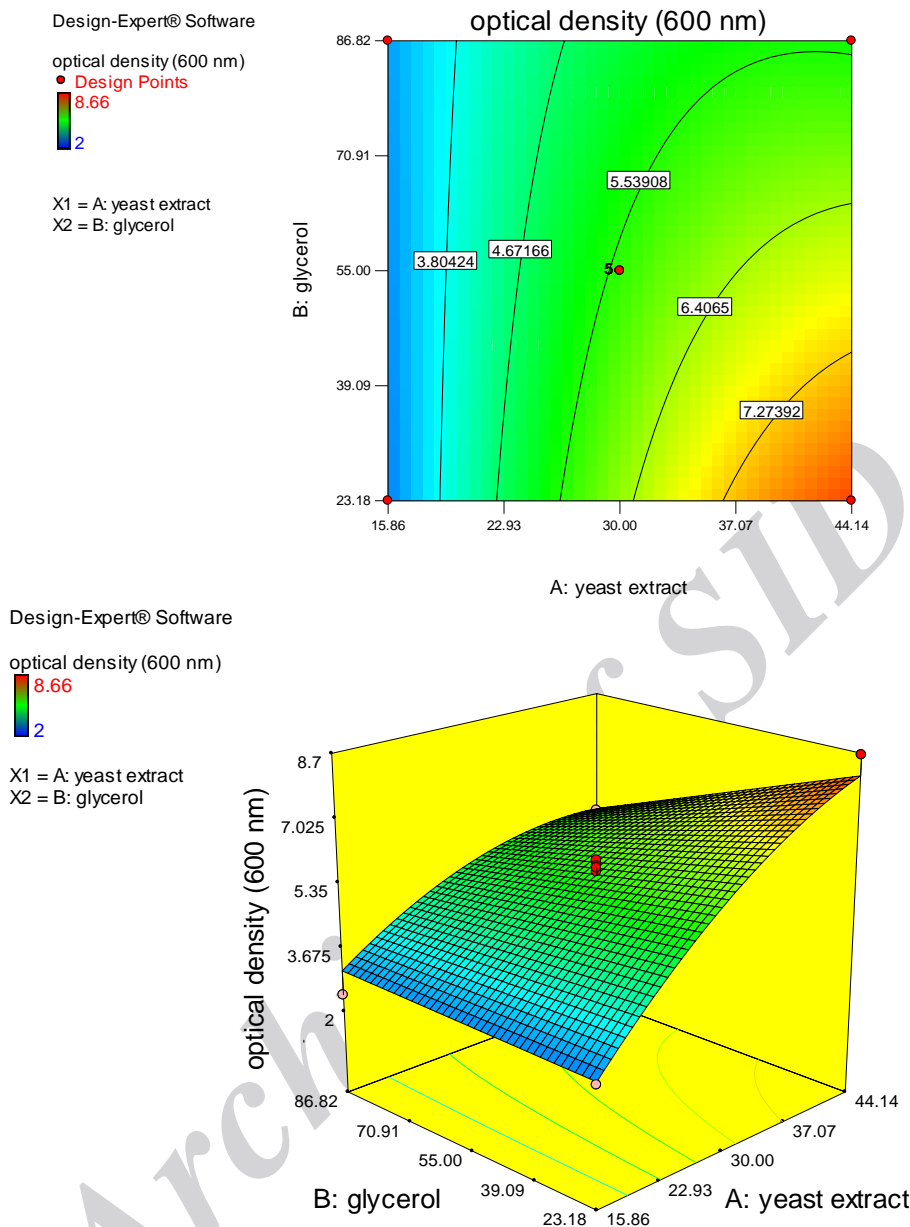
مخمر) تا ۴۴/۱۴ گرم در لیتر تراکم سلولی افزایش می‌یابد و پس از آن افزایش غلظت تأثیری بر سرعت رشد ندارد، اما با بالا بردن میزان غلظت کربن (بیشتر از ۲۳/۱۸ گرم بر لیتر) تراکم سلولی کاهش می‌یابد. همان‌طور که مشاهده می‌شود بیشترین میزان رشد در غلظت ۴۴/۱۴ گرم در لیتر عصاره مخمر و ۲۳/۱۸ گرم در لیتر گلیسرول دیده می‌شود (شکل‌های ۳ و ۴).

ترم B^2 با مقدار بالاتر از ۰/۰۵ توسط نرم‌افزار حذف می‌شود. همچنین مقدار $R\text{-Squared}$ (R^2)=۰/۹۶۲۸ (ضریب تشخیص^۱) برای معادله به‌دست‌آمده، نشان‌دهنده همپوشانی مناسب داده‌های آزمایشگاهی و مقادیر پیش‌بینی‌شده توسط مدل ارائه‌شده برای تولید بهینه توده زیستی است.

نتایج رشد سلول‌های باکتری در محیط‌های کشت تهیه شده، نشان می‌دهند که با افزایش غلظت نیتروژن (عصاره



شکل ۳ منحنی رشد باکتری‌ها در محیط کشت‌های حاوی مقادیر متفاوت گلیسرول و عصاره مخمر (نتایج حاصل سه بار تکرار می‌باشد)



شکل ۴ الف- نمایش دویعدی تأثیر غلظت‌های عصاره مخمر و گلیسرول بر میزان چگالی نوری (تراکم سلولی). ب- نمایش سه‌بعدی تأثیر غلظت‌های عصاره مخمر و گلیسرول بر میزان چگالی نوری

(شکل ۵).

ظهور لکه در هر دو نمونه نشان‌دهنده واکنش آنتی‌بادی ضد his-tag با پروتئین NGF تولید شده (حاوی دنباله پلی هیستیدین) می‌باشد. با مقایسه شدت رنگ لکه‌ها می‌توان به‌صورت تقریبی چنین استنباط کرد که میزان بیان در نمونه‌های کشت داده‌شده در محیط بهینه‌شده بیشتر از نمونه‌های کشت داده‌شده در محیط LB می‌باشد.

۳-۴- بررسی بیان

سویه باکتری *BL21(DE3)* که با وکتور pET39b::hNGF ترانسفورم شده است در غلظت ۲۳/۱۸ گرم در لیتر گلیسرول و ۴۴/۱۴ گرم در لیتر عصاره مخمر و ۱۰mM نمک $MgCl_2$ کشت داده شد. از کشت باکتری در محیط LB نیز به‌عنوان کنترل استفاده گردید. با استفاده از تکنیک دات بلات صحت بیان ارزیابی شد



شکل ۵ نتیجه آزمایش دات بلات با استفاده از آنتی‌بادی مونوکلونال ضد his-tag. نمونه ۱ پروتئین‌های استخراج‌شده از باکتری‌های کشت داده‌شده در محیط LB برات (نمونه کنترل) و نمونه ۲ پروتئین‌های استخراج‌شده از باکتری‌های کشت داده‌شده در محیط کشت بهینه

۴- بحث

تا سال ۱۹۸۲ که برای اولین بار انسولین انسانی نوترکیب با استفاده از باکتری *E. Coli* به تولید رسید، تنها منبع تولید پروتئین‌های دارویی از جمله فاکتورهای رشد و پروتئین‌های خونی مختلف، منابع طبیعی آن‌ها نظیر خون یا بافت‌های حیوانی بود. پس از آن نیز تولید نوترکیب پروتئین‌های دارویی قابل تولید، اغلب به میزان بسیار اندک و با هزینه بسیار بالایی انجام می‌شد [۱۵].

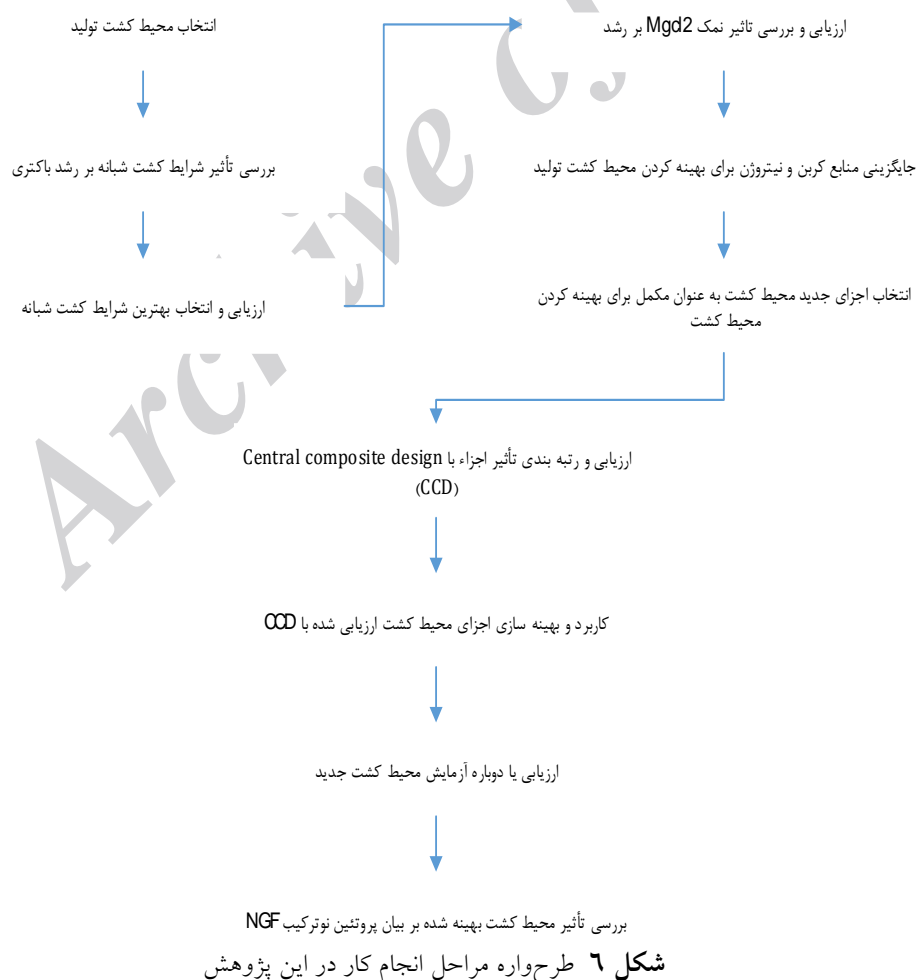
بهینه‌سازی شرایط رشد، تولید پروتئین‌های نوترکیب در *E. coli* را به میزان قابل توجهی افزایش خواهد داد که از آن جمله می‌توان به استفاده از سیستم‌های کشت سلولی با چگالی بالا که می‌تواند غلظت سلول را به بیش از ۱۰۰ گرم ماده خشک در یک لیتر برساند، اشاره کرد. همچنین مطالعات متعددی در مورد سیستم‌های تخمیر انجام‌شده است که نشان می‌دهند ترکیب مواد مغذی و متغیرهای تخمیر مانند دما و pH می‌تواند در ترجمه mRNA، فعالیت پروتئولیتیک، ترشح و سطح تولید پروتئین نوترکیب تأثیرگذار باشند [۱۶]. دست‌کاری‌های خاصی در محیط کشت به منظور ارتقاء انتشار پروتئین به محیط بیرون بدون ایجاد لیز سلولی نیز انجام شده است. با این وجود، سیستم‌های کشت سلولی با چگالی بالا از اشکالات متعددی از جمله: در دسترس بودن محدود اکسیژن محلول در تراکم سلولی بالا و سطح بالای دی‌اکسید کربن که می‌تواند باعث کاهش نرخ رشد و

تحریک تشکیل استات شود برخوردار می‌باشند [۱۷، ۱۸]. چاپرون‌ها ترکیبات شیمیایی با وزن مولکولی کم هستند، از جمله گلیسرول، که برای جلوگیری از تشکیل تجمع اینکلوزن بادی‌ها در طول فولدینگ در آزمایشگاه استفاده می‌شوند. گلیسرول با توجه به گسترش تعاملات آب‌گریز می‌تواند به‌عنوان تثبیت‌کننده واسطه‌های فولدینگ پروتئین، عمل کند [۱۹، ۲۰]. در یک گزارش از Savari و همکاران اثرات چاپرون‌های شیمیایی مانند گلیسرول و اتانول در تولید هورمون رشد نوترکیب در محلول مورد بررسی قرار گرفته است که نتایج آن تأیید می‌کنند که گلیسرول باعث افزایش حلالیت پروتئین نوترکیب هورمون رشد در *E. coli* شده است [۲۱]. به‌تازگی، مطالعات آزمایشگاهی در سلول‌های ترانسفکت شده نشان داده است که گلیسرول می‌تواند فولدینگ اشتباه دلتا F508 در CFTR در سیستمیک فایبروزیس را از طریق ایجاد یک واسطه، تصحیح کند [۲۲].

به علاوه گلیسرول چاپرون شیمیایی است که به‌عنوان عنصر حفاظتی برای پروتئین در برابر دناتوره شدن توسط افزایش هیدراتاسیون نسبی در اطراف پروتئین عمل می‌کند. در مطالعه Leandro و همکاران نشان داده شده است که گلیسرول به‌عنوان یک مراقب شیمیایی باعث افزایش تولید و عملکرد آنزیم موتانت فنیل آلانین هیدروکسیلاز می‌شود [۲۰]. در تحقیقات Lin و همچنین Cao و همکاران نشان داده شده است که گلیسرول با

مطالعه نشان داده شد که در محیطی که تنها یون منیزیم حضور دارد، در غلظت‌های پایتتر از ۱۰ mM از یون Mg^{+2} ریبوزوم‌ها غیر فعال خواهند شد [۲۷]، لذا در مطالعه حاضر، با توجه به حضور یون‌ها و نمک‌های دیگری در محیط (بطور مثال NaCl) تأثیر یون منیزیم بر رشد مورد بررسی قرار گرفت، و از همان غلظت مورد اشاره در مقالات یعنی ۱۰ میلی مولار استفاده گردید. بنابراین در این پژوهش پس از بررسی میزان تأثیر یون منیزیم، از عصاره مخمر به عنوان منبع اصلی نیتروژن اضافی و از گلیسرول به عنوان منبع کربن و چاپرون شیمیایی برای بهبود فولدینگ پروتئین استفاده شد. لازم به ذکر است که کل مراحل انجام کار در این پژوهش در فلوچارت ترسیم شده در شکل ۶ به نمایش گذاشته شده است.

توجه به اثراتش بر سوخت‌وساز سلول به عنوان منبع کربن نیز استفاده می‌شود [۲۴،۲۳]. گزارش‌های بسیاری نیز نشان می‌دهد که عصاره مخمر اغلب به عنوان منبع ازت اضافی برای بهبود بیان پروتئین‌های نو ترکیب مورد استفاده قرار گرفته است [۲۶،۲۵]، که البته با توجه به غنی بودن، به عنوان منبع کربن نیز در نظر گرفته می‌شود [۲۴]. به علاوه افزودن نمک‌هایی چون $MgCl_2$ به محیط کشت نیز بی‌تأثیر نمی‌باشد بطوریکه سلول‌های باکتری در عدم حضور $MgCl_2$ رشد کندتری دارند و برای رسیدن به تراکم سلولی بالا افزودن یون منیزیم ضروری می‌باشد. علاوه بر این، در مطالعه ای که در سال ۲۰۱۴ توسط *Nierhaus* انجام شد به نقش بسیار موثر یون منیزیم در پروتئین‌سازی اشاره شده است. در این



- binding proteins (kallikreins) and an hypothetical structure of the high molecular weight complex of epidermal growth factor with its binding protein, *Protein Science* 2, ۱۲۲۹-۱۲۴۱.
- [3] Sahdev, S., Khattar, S. K., and Saini, K. S. (2008) Production of active eukaryotic proteins through bacterial expression systems: a review of the existing biotechnology strategies, *Molecular and cellular biochemistry* 307, 249-۲۶۴.
- [4] Sun, W., Sun, C., Lin, H., Zhao, H., Wang, J., Ma, H., Chen, B., Xiao, Z., and Dai, J. (2009) The effect of collagen-binding NGF- β on the promotion of sciatic nerve regeneration in a rat sciatic nerve crush injury model, *Biomaterials* 30, ۴۶۴۹-۴۶۵۶.
- [5] Fischer, W., Sirevaag, A., Wiegand, S. J., Lindsay, R. M., and Björklund, A. (1994) Reversal of spatial memory impairments in aged rats by nerve growth factor and neurotrophins 3 and 4/5 but not by brain-derived neurotrophic factor, *Proceedings of the National Academy of Sciences* 91, 8607-8611.
- [6] Jakubowska-Doğru, E., and Gümüşbaş, U. (2005) chronic intracerebroventricular NGF administration improves working memory in young adult memory deficient rats, *Neuroscience letters* 382, 45-50.
- [7] Althaus, H. H. (2004) Remyelination in multiple sclerosis: a new role for neurotrophins?, *Progress in brain research* 146, ۴۱۵-۴۳۲.
- [8] Heese, K., Low, J. W., and Inoue, N. (2006) Nerve growth factor, neural stem cells and Alzheimer's disease, *Neurosignals* 15, 1-12.
- [9] Kawamoto, K., and Matsuda, H. (2004) Nerve growth factor and wound healing, *Progress in brain research* 146, 369-384.
- [10] Lambiase, A., Sacchetti, M., and Bonini, S. (2012) Nerve growth factor therapy for corneal disease, *Current opinion in ophthalmology* 23, ۲۹۶-۳۰۲.
- [11] Bruce, G., and Heinrich, G. (1989) Production and characterization of biologically active recombinant human nerve growth factor, *Neurobiology of aging* 10, 89-94.
- نتایج بررسی حاضر نشان داد که با افزایش غلظت کرین تا ۲۳/۱۸ گرم بر لیتر رشد افزایش می‌یابد اما پس از آن افزایش غلظت منبع کرینی اثر مهاری بر رشد دارد. این نتایج با نتایج به‌دست آمده توسط دانشمندان دیگر نیز مطابقت دارد [۲۹،۲۸]. از طرف دیگر، با افزایش غلظت عصاره مخمر تا ۴۴/۱۴ گرم بر لیتر رشد افزایش می‌یابد و پس از آن افزایش بیشتر غلظت عصاره مخمر تأثیری بر روی رشد باکتری‌ها ندارد که این نتیجه در تحقیقات Yang و همکاران نیز به‌دست آمده بود [۳۰].
- بنابراین بهترین شرایط محیط کشت غلظت ۲۳/۱۸ گرم بر لیتر گلیسرول، غلظت ۴۴/۱۴ گرم بر لیتر عصاره مخمر و غلظت ۱۰ mM نمک $MgCl_2$ و ۵ گرم بر لیتر NaCl می‌باشد که برای بیان پروتئین β NGF از آن استفاده شد. نتایج دات بلات با استفاده از آنتی‌بادی ضد his-tag تولید به میزان قابل قبولی را در نمونه‌های کشت داده‌شده در محیط بهینه نشان داد. شایان ذکر است که به‌منظور تأیید دقیق‌تر میزان تولید پروتئین تولیدی، مراحل خالص‌سازی و تعیین غلظت پروتئین الزامی می‌باشد.

۵- سپاسگزاری

تحقیق حاضر با حمایت مالی ستاد توسعه و علوم سلول های بنیادی تحت شماره طرح ۱۱/۲۵۸۰۲ به سرپرستی دکتر زهرا حاجی حسن انجام شده است. همچنین نویسندگان از دانشگاه تهران به دلیل حمایت مالی به‌منظور انجام این پروژه تشکر و قدردانی می‌نمایند.

۶- منابع

- [1] Levi-Montalcini, R. (1987) the nerve growth factor: 35 years later (Nobel lecture), *Angewandte Chemie International Edition in English* 26, 707-716.
- [2] Bax, B., Ferguson, G., Blaber, M., Sternberg, M. J., and Walls, P. H. (1993) Prediction of the three-dimensional structures of the nerve growth factor and epidermal growth factor

- production of high levels of soluble recombinant human growth hormone using Taguchi method, Protein expression and purification 114, 128-135.
- [22] Sato, S., Ward, C. L., Krouse, M. E., Wine, J. J., and Kopito, R. R. (1996) Glycerol reverses the misfolding phenotype of the most common cystic fibrosis mutation, *Journal of Biological Chemistry* 271, 635-638.
- [23] Lin, E. (1976) Glycerol dissimilation and its regulation in bacteria, *Annual Reviews in Microbiology* 30, 535-578.
- [24] Cao, W., Li, H., Zhang, J., Li, D., Acheampong, D. O., Chen, Z., and Wang, M. (2013) Periplasmic expression optimization of VEGFR2 D3 adopting response surface methodology: Antiangiogenic activity study, *Protein expression and purification* 90, 55-66.
- [25] Shin, C. S., Hong, M. S., Bae, C. S., and Lee, J. (1997) Enhanced production of human mini-proinsulin in fed-batch cultures at high cell density of *Escherichia coli* BL21 (DE3)[pET-3aT2M2], *Biotechnology progress* 13, ۲۴۹-۲۵۷.
- [26] Lee, C., Sun, W., Burgess, B., Junker, B., Reddy, J., Buckland, B., and Greasham, R. (1997) Process optimization for large-scale production of TGF- α -PE40 in recombinant *Escherichia coli*: effect of medium composition and induction timing on protein expression, *Journal of Industrial Microbiology and Biotechnology* 18, 260-266.
- [27] Nierhaus, KH. (2014) Mg²⁺, K⁺, and the Ribosome, *Journal of Bacteriology* 196, 3817-3819.
- [28] جابری انصاری ف، حاجی حسن ز، جلیلی ح. (۲۰۱۵) تولید پروتئین نو ترکیب β -NGF در باکتری اشریشیا کلی با استفاده از شیر خرم، زیست فناوری دانشگاه تربیت مدرس ۶، ۶۰-۷۰.
- [29] Vuillemin, M., Malbert, Y., Laguerre, S., Remaud-Siméon, M., and Moulis, C. (2014) Optimizing the production of an α -(1 \rightarrow 2) branching sucrose in *Escherichia coli* using statistical design, *Applied microbiology and biotechnology* 98, 5173-5184.
- [30] Yang, Y., Zhang, D., Liu, S., Jia, D., Du, G., [12] Sahdev, S., Khattar, S. K., and Saini, K. S. (2008) Production of active eukaryotic proteins through bacterial expression systems: a review of the existing biotechnology strategies, *Molecular and cellular biochemistry* 307, 249-264.
- [13] Wang, H., Xiao, Y., Fu, L., Zhao, H., Zhang, Y., Wan, X., Qin, Y., Huang, Y., Gao, H., and Li, X. (2010) High-level expression and purification of soluble recombinant FGF21 protein by SUMO fusion in *Escherichia coli*, *BMC biotechnology* 10, 14.
- [14] Sarduy, E. S., Muñoz, A. C., Trejo, S. A., and Planes, M. d. I. A. C. (2012) High-level expression of Falcipain-2 in *Escherichia coli* by codon optimization and auto-induction, *Protein expression and purification* 83, 59-69.
- [15] Williams, D. C., Van Frank, R. M., Muth, W. L., and Burnett, J. P. (1982) Cytoplasmic inclusion bodies in *Escherichia coli* producing biosynthetic human insulin proteins, *Science* ۲۱۵, ۶۸۷-۶۸۹.
- [16] Lee, S. Y. (1996) Plastic bacteria? Progress and prospects for polyhydroxyalkanoate production in bacteria, *Trends in Biotechnology* 14, 431-438.
- [17] Yee, L., and Blanch, H. (1992) Recombinant protein expression in high cell density fed-batch cultures of *Escherichia coli*, *Nature Biotechnology* 10, 1550-1556.
- [18] Kramer, W., Elmecker, G., Weik, R., Mattanovich, D., and Bayer, K. (1996) Kinetic Studies for the Optimization of Recombinant Protein Formation, *Annals of the New York Academy of Sciences* 782, 323-333.
- [19] Alibolandi, M., and Mirzahoseini, H. (2011) Chemical assistance in refolding of bacterial inclusion bodies, *Biochemistry research international* 2011.
- [20] Leandro, P., Lechner, M. C., de Almeida, I. T., and Konecki, D. (2001) Glycerol increases the yield and activity of human phenylalanine hydroxylase mutant enzymes produced in a prokaryotic expression system, *Molecular genetics and metabolism* 73, 173-178.
- [21] Savari, M., Esfahani, S. H. Z., Edalati, M., and Biria, D. (2015) Optimizing conditions for

and Chen, J. (2012) Expression and fermentation optimization of oxidized polyvinyl alcohol hydrolase in *E. coli*, Journal of industrial microbiology & biotechnology 39, ۹۹-۱۰۴.

Archive of SID