



تشخیص مولکولی تریکوموناس گالینه با استفاده از تکثیر ژن 5.8S rRNA به روش PCR در کبوتران خانواده کلمبیده (Columbidae)

مریم سلطانی عینی^۱، موسی توسلی^{۲*}، علی قریشی^۳

۱. دانشجوی دکتری تخصصی، گروه پاتوبیولوژی، دانشکده دامپزشکی، دانشگاه ارومیه، ارومیه- ایران.

۲. استاد، گروه پاتوبیولوژی، دانشکده دامپزشکی، دانشگاه ارومیه، ارومیه- ایران.

۳. دانشیار، گروه پاتوبیولوژی، دانشکده دامپزشکی، دانشگاه چارلز استوارت، واگا-واگا-استرالیا.

پذیرش: ۳ مرداد ماه ۹۵

دریافت: ۱۰ شهریور ماه ۹۴

چکیده

تریکوموناس گالینه تک‌یاخته‌نازک‌کداری است که عامل ایجاد تریکومونیاز پرنده‌گان می‌شود. این انگل گسترش جهانی دارد و آلودگی با این انگل در اکثر پرنده‌گان بدون علامت است. در حال حاضر تشخیص ارگانیزم با استفاده از روش‌های آزمایشگاهی شامل گسترش مرطوب، کشت و روش‌های مولکولی است. در این مطالعه بر آن شدیم تا با استفاده از روش مولکولی Polymerase Chain Reaction (PCR) و بر اساس تکثیر ژن 5.8S rRNA تریکوموناس گالینه، آلودگی کبوتران را بررسی و نتایج آن را با روش گسترش مرطوب مقایسه کنیم. نمونه‌ها از ۷۲ قطعه کبوتر خانواده کلمبیده که شامل ۲ قطعه قمری خانگی، ۸ قطعه کبوتر چاهی و ۶۲ قطعه کبوتر اهلی با استفاده سواپ استریل از محوطه دهانی و چینه‌دان گرفته شد و هر نمونه به دو قسمت تقسیم کردند. یک قسمت آن فوراً با آزمایش گسترش مرطوب و با میکروسکوپ نوری مورد مطالعه قرار گرفت که به طور کلی ۱۸ نمونه با این روش مثبت تشخیص داده شد. قسمت دیگر نمونه به منظور انجام واکنش PCR اختصاصی با استفاده از یک جفت پرایمر از ناحیه حفاظت شده ژن ریپوزومی 5.8S تریکوموناس گالینه مورد استفاده قرار گرفت که ۲۴ نمونه با این روش مثبت تشخیص داده شد. با توجه به نتایج مولکولی به دست آمده با استفاده از پرایمرهای Trich-1F و Trich-1R اندازه باندهای حاصل از PCR کبوتران خانواده کلمبیده، ۳۹۰ جفت باز مشاهده شد؛ همچنین می‌توان گفت که تست PCR حساسیت و اختصاصیت بالاتری نسبت به آزمایش گسترش مرطوب دارد.

واژه‌های کلیدی: تریکوموناس گالینه، تشخیص مولکولی، ژن 5.8SrRNA، کبوتران خانواده کلمبیده، PCR.

مقدمه

تریکوموناس گالینه اساساً در قسمت‌های بالایی سیستم گوارش و تنفس (دهان، سینوس‌ها، گلو، مری و چینه‌دان) پرنده‌گان مستقر است و بسته به سویه، می‌تواند در سایر ارگان‌ها مانند کبد، استخوان، سینوس‌های مجامه، ریه، کیسه‌های تنفسی، حفره صفاقی و پانکراس نیز راه یابد. پرنده‌گان بالغ حاملان این انگل هستند و عوارض زیادی از خود نشان نمی‌دهند و عوارض بیشتر در جوجه‌های پرنده‌گان دیده می‌شود (۳). انتقال تریکوموناس گالینه در

تریکوموناس گالینه تک‌یاخته‌نازک‌کداری است که در سراسر جهان منتشر شده و عامل ایجاد تریکومونیاز در پرنده‌گان است (۱). کبوتران اهلی و وحشی به ویژه کبوتران خانواده کلمبیده میزبان اصلی آن هستند. این انگل در سایر پرنده‌گان نظیر بوقلمون، بلدرچین، انواع فنج، گنجشک، قناری‌ها و همچنین در پرنده‌گان شکاری همچون باز و قوش نیز دیده شده است (۲).





کیوترها مستقیم است و از راه دهان و تغذیه با شیره تغذیه‌ای والدین صورت می‌گیرد؛ همچنین آلودگی پرندگان شکاری می‌تواند از طریق مصرف سایر پرندگان آلوده به تریکوموناس باشد (۲).

بیماری بیشتر در پرندگان جوان دیده می‌شود و اغلب هم‌کشنده است. این انگل سویه‌های متفاوتی از تحت حاد تا فوق حاد دارد و می‌تواند بسته به حساسیت پرنده منجر به ایجاد بیماری با شدت‌های متفاوت گردد. پرندگان آلوده ممکن است تغذیه نکنند و از این رو کاهش وزن، ژولیدگی پرها، ضعف و بی‌حالی قبل، از مرگ در آن مشاهده کرد و نیز ممکن است مایعات زرد مایل به سبز در دهان پرنده دیده شود. با ادامه روند بیماری و مزمن شدن آن توده‌های نکروزه سخت پنیری در ناحیه حلق و مری پرندگان پدید می‌آید که موجب اشکال در عمل بلع و تنفس می‌گردد. ضایعات ممکن است حتی سینوس‌های سر را نیز درگیر کنند و در موارد نادر حتی نفوذ به احشا و تشکیل نواحی نکروزه در کبد، طحال، پانکراس، قلب، ریه‌ها و کیسه‌های هوایی نیز دیده شده است. کیوترهایی که پس از ابتلا به یک سویه حاد نجات یافته‌اند، در برابر آلودگی ایمن می‌شوند (۴).

مواد و روش کار

از ۷۲ قطعه کیوتر خانواده‌ی کلمبیده ۲ قطعه قمری خانگی، ۸ قطعه کیوتر چاهی و ۶۲ قطعه کیوتر اهلی - که از فروردین ۱۳۹۲ تا خرداد ۱۳۹۴ که از مناطق مختلف شهرستان ارومیه و همچنین کیوتران ارجاعی به بخش انگل‌شناسی دانشکده دامپزشکی ارومیه - نمونه محوطه دهانی و چینه‌دان با سوآپ استریل اخذ شد و هر نمونه به دو قسمت تقسیم گردید. یک قسمت به منظور انجام آزمایش گسترش مرطوب برای تشخیص انگل تریکوموناس فوراً مورد استفاده قرار گرفت و قسمت دیگر در ۱/۵ میلی‌لیتر بافر نگه‌دارنده PBS استریل PH=7/2 قرار داده شد و به آزمایشگاه انگل‌شناسی دانشکده دامپزشکی دانشگاه ارومیه به منظور انجام PCR اختصاصی برای تشخیص انگل منتقل گردید. نمونه‌های جمع‌آوری شده با روش گسترش مرطوب و PCR مورد بررسی قرار گرفتند. در آزمایش گسترش مرطوب ترشحات اخذ شده از محوطه دهانی پرندگان در یک قطره سرم فیزیولوژی حل و در زیر میکروسکوپ نوری با بزرگ‌نمایی $\times 40$ مورد بررسی قرار گرفتند. برای جداسازی DNA نمونه‌هایی که در PBS استریل نگهداری شده بودند، از کیت استخراج DNA (ساخت شرکت سیناژن، ایران) استفاده شد. DNA های استخراج شده تا زمان انجام آزمایش PCR در فریزر با دمای -20°C - درجه سانتی‌گراد قرار داده گرفتند.

بیماری بیشتر در پرندگان جوان دیده می‌شود و اغلب هم‌کشنده است. این انگل سویه‌های متفاوتی از تحت حاد تا فوق حاد دارد و می‌تواند بسته به حساسیت پرنده منجر به ایجاد بیماری با شدت‌های متفاوت گردد. پرندگان آلوده ممکن است تغذیه نکنند و از این رو کاهش وزن، ژولیدگی پرها، ضعف و بی‌حالی قبل، از مرگ در آن مشاهده کرد و نیز ممکن است مایعات زرد مایل به سبز در دهان پرنده دیده شود. با ادامه روند بیماری و مزمن شدن آن توده‌های نکروزه سخت پنیری در ناحیه حلق و مری پرندگان پدید می‌آید که موجب اشکال در عمل بلع و تنفس می‌گردد. ضایعات ممکن است حتی سینوس‌های سر را نیز درگیر کنند و در موارد نادر حتی نفوذ به احشا و تشکیل نواحی نکروزه در کبد، طحال، پانکراس، قلب، ریه‌ها و کیسه‌های هوایی نیز دیده شده است. کیوترهایی که پس از ابتلا به یک سویه حاد نجات یافته‌اند، در برابر آلودگی ایمن می‌شوند (۴).

هم‌اکنون مهم‌ترین و سریع‌ترین روش برای تشخیص تریکوموناس گالینه، تشخیص میکروسکوپی انگل با آزمایش گسترش مرطوب است که حساسیت این روش تقریباً ۶۰ درصد گزارش شده است (۵). مطالعه میکروسکوپی کشت‌های اختصاصی حاوی انگل، حساسیت را به ۸۵ تا ۹۵ درصد رسانده است (۶-۸). در هر صورت کیفیت آزمایش‌های تشخیصی به میزان زیادی بستگی به تخصص و تجربه فردی که با میکروسکوپ کار می‌کند و همچنین کیفیت نمونه دارد؛ بنابراین نیاز به بهبود روش‌های تشخیص بسیار ضروری به نظر می‌رسد (۶ و ۷). از روش‌های مولکولی متفاوتی برای تشخیص این انگل استفاده شده است که از میان آن‌ها می‌توان به PCR و Fluorescent in suit hybridization

هم‌اکنون مهم‌ترین و سریع‌ترین روش برای تشخیص تریکوموناس گالینه، تشخیص میکروسکوپی انگل با آزمایش گسترش مرطوب است که حساسیت این روش تقریباً ۶۰ درصد گزارش شده است (۵). مطالعه میکروسکوپی کشت‌های اختصاصی حاوی انگل، حساسیت را به ۸۵ تا ۹۵ درصد رسانده است (۶-۸). در هر صورت کیفیت آزمایش‌های تشخیصی به میزان زیادی بستگی به تخصص و تجربه فردی که با میکروسکوپ کار می‌کند و همچنین کیفیت نمونه دارد؛ بنابراین نیاز به بهبود روش‌های تشخیص بسیار ضروری به نظر می‌رسد (۶ و ۷). از روش‌های مولکولی متفاوتی برای تشخیص این انگل استفاده شده است که از میان آن‌ها می‌توان به PCR و Fluorescent in suit hybridization



50mMBorate, (50mMTris, در بافر الکتروفورز در بافر (0.5×)TBE 1mMEDA) در جریان ثابت ۸۰ ولت به انجام رسید و ژل پس از الکتروفورز با دستگاه ترانس لومیناتور در زیر نور UV بررسی شد.

نتایج

از ۷۲ قطعه کبوتر، تعداد ۲۴ پرنده شامل ۲ قطعه قمری خانگی با نام علمی *Spilopelia senegalensis*، ۳ قطعه کبوتر چاهی با نام علمی *Columba livia* و ۱۹ قطعه کبوتر اهلی با نام علمی *Columba livia domestica* با روش آزمایش گسترش مرطوب و روش مولکولی، مثبت تشخیص داده شدند.

با انجام آزمایش PCR، تعداد ۲۴ نمونه شامل: ۲ نمونه قمری خانگی و ۳ نمونه کبوتر چاهی و ۱۹ نمونه از کبوتران اهلی، مثبت تشخیص داده شدند.

با انجام آزمایش گسترش مرطوب تعداد ۱۸ نمونه، مثبت تشخیص داده شد. از موارد مثبت ۲ نمونه قمری خانگی، ۳ نمونه کبوتر چاهی و ۱۳ نمونه کبوتر اهلی بودند. با توجه به نتایج به دست آمده، باندهای تشکیل شده حاصل از PCR در تمام نمونه‌ها، با وزن ۳۹۰ جفت باز مشاهده شده است (شکل ۱).

آزمایش PCR روی تمام نمونه‌ها انجام گرفت. برای انجام PCR از یک جفت پرایمر به نام‌های Trich-1F و Trich-1R که از ژن 5.8SrRNA مشتق شده، استفاده که ترادف نوکلئوتیدی این پرایمرها به شرح زیر است (۴):

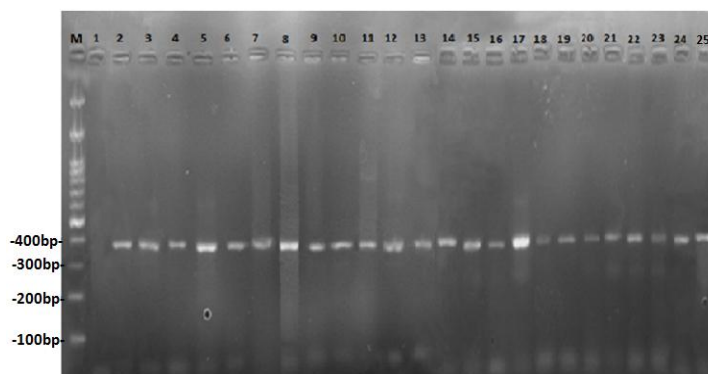
Trich-1Forward:

(5-ATGAGTCAACACACGCCATCAG-3)

Trich-1Reverse:

(5-CACCTGGACGTCTGTGACCTTC-3)

واکنش‌های PCR در حجم نهایی ۲۵ میکرولیتر حاوی ۲ میکرولیتر DNA الگو، ۲۰۰ میکرومول Taq dNTPs، ۱/۵ میکرومول MgCl₂، ۱/۵ واحد DNA پلی‌مراز (شرکت سیناژن، ایران) و ۱ میکرولیتر پرایمرها انجام شد. هر واکنش PCR شامل ۳۵ سیکل بود که مرحله دناتوراسیون (denaturation) در ۹۴ درجه سانتی‌گراد به مدت ۶۰ ثانیه، آنیلینگ (annealing) در ۵۰ درجه سانتی‌گراد به مدت ۳۰ ثانیه و اکستنشن (extension) در ۷۲ درجه سانتی‌گراد به مدت ۳۰ ثانیه انجام پذیرفت و مرحله اکستنشن نهایی در دمای ۷۲ درجه سانتی‌گراد به مدت ۵ دقیقه نیز صورت گرفت. یک مرحله دناتوراسیون نیز، پیش از شروع سیکل‌ها در ۹۵ درجه سانتی‌گراد به مدت ۲ دقیقه انجام شد. سرانجام، پس از پایان PCR، ۸ میکرولیتر از محصول PCR روی ژل آگاروز ۱/۵ درصد حاوی اتیدیوم برماید منتقل گردید و



شکل ۱- تشخیص تریکوموناس گالینه با روش PCR و پرایمرهای Trich-1F و Trich-1R، خط M به عنوان نشانگر، خط ۱ کنترل منفی و خطوط ۲ الی ۲۰ باندهای مربوط به نمونه‌های کبوتران اهلی، خطوط ۲۱ و ۲۲ باندهای مربوط به قمری خانگی و خطوط ۲۳، ۲۴ و ۲۵ باندهای مربوط به نمونه‌های کبوتر چاهی هستند.





بحث

پلی مورفیسم بودن ارگانیسیم‌ها مورد مطالعه قرار می‌گیرد (۱۳).

پژوهش‌های فیلوژنتیک خانواده تریکومونادیده تنوع در بین گونه‌ها در ناحیه ITS1/5.8S/ITS2 را نشان داده است (۱۴ و ۱۵)؛ همچنین در پژوهش‌های صورت گرفته بر روی تریکوموناس گالینه کبوتران جزیره مورس بین ایزوله‌های تریکوموناس گالینه در ناحیه ITS1/5.8/ITS2 rDNA هیچ نوع تفاوتی مشاهده نشد و توالی ژنی یکسانی داشتند؛ اما تنوع ژنوتیپی معنی‌دار بین ایزوله‌ها وجود داشت که به نظر می‌رسد این تنوع ژنوتیپی به توزیع جغرافیایی پرندگان مرتبط باشد (۹).

در آزمایشگاه‌های تشخیصی روش گسترش مرطوب متداول‌ترین روش برای تشخیص تریکوموناس گالینه در پرندگان است. در بعضی موارد خطای شخص آزمایش کننده و ابزار آزمایشگاهی باعث کاهش اعتبار آزمایش گسترش مرطوب می‌شود. به طور کلی در شرایط معمول به ویژه زمانی که تعداد انگل در نمونه گرفته شده کم باشد در اکثر موارد آزمایش گسترش مرطوب منفی کاذب گزارش می‌شود؛ بنابراین تنها استناد به انجام آزمایش گسترش مرطوب برای تشخیص کافی نیست. با توجه به نتایج به دست آمده از این پژوهش می‌توان گفت که روش مولکولی واکنش زنجیره‌ای پلیمرز (PCR) حساسیت و اختصاصیت بالاتری نسبت به آزمایش گسترش مرطوب دارد.

منابع

- 1- Stabler, R.M; *Trichomonas gallinae*: a review. *Exp.Parasitol*; 1954; 3: 368-402.
- 2- Lemahieu, P. and Dehondt, G; *Trichomonosis bij kanaries*. *Vlaams.Diergen. Tijds*; 1977; 46: 442-3.

آلودگی با تریکوموناس گالینه در پرندگان به طور معمول می‌تواند بدون علامت باشد و یا به صورت بیماری شدید نمایان شود؛ همچنین وجود سویه‌های مختلف با آسیب‌های بافتی متفاوت نیز در شدت بیماری موثر است که بعضی سویه‌ها باعث مرگ و میر بالا در کبوتران و قمری‌ها می‌شود (۹). علائم کلینیکی تریکوموناس گالینه در کبوتران به ندرت دیده می‌شود و کبوترانی که آزمایش گسترش مرطوب آن‌ها به طور مداوم مثبت باشد احتمال کمتری برای زنده ماندن در فاصله ۲ سال را دارند (۱۰).

در پژوهش‌های دیگر شیوع تریکوموناس گالینه در کبوتران ایران بین ۳۲/۳۷٪ الی ۵۷٪ گزارش شده است (۱۱ و ۱۲). پژوهش حاضر نشان می‌دهد علاوه بر آلودگی کبوتران اهلی، آلودگی قمری و کبوتران چاهی نیز به تریکوموناس گالینه وجود دارد.

با توجه به شیوع بالای تریکوموناس گالینه در پرندگان به ویژه در کبوتران، تشخیص سریع و درمان به موقع آلودگی اهمیت زیادی دارد. روش‌های مختلف برای تشخیص تریکومونیا از ارزیابی شده است. تشخیص قطعی آلودگی با استفاده از روش‌های آزمایشگاهی است که شامل آزمایش گسترش مرطوب، کشت و آزمایش‌های مولکولی است که در حال حاضر مهم‌ترین و کاربردی‌ترین روش مولکولی، PCR است.

امروزه با پیشرفت تکنولوژی، روش‌های مولکولی در تشخیص و تعیین هویت انگل‌ها بیشترین استفاده را دارد. با توجه به اهمیت تریکوموناس گالینه پژوهش‌های اندکی در زمینه تفاوت ژنتیکی بین پرندگان خانواده کلمبیده صورت گرفته است. شناسایی توالی rDNA به دست آمده از یک ارگانیسیم می‌تواند در شناسایی میزان تفاوت ژنتیکی بین ارگانیسیم‌ها مهم باشد؛ بنابراین به طور بالقوه در تشخیص سویه و یا گونه‌ها به ویژه در پژوهش‌های اپیدمیولوژیکی مفید است؛ همچنین نواحی ITS1/5.8S/ITS2 به طور معمول برای شناسایی



- vaginalis* from vaginal secretions. J.Clin.Microbiol; 1989; 27: 1230-3.
- 9- Gaspar da Silva, D; Barton, E; Bunbury, N; Lunness, P; Bell, D.J. and Tyler, K.M; Molecular identity and heterogeneity of *Trichomonad* parasites in a closed avian population. Infect.Genet.Evol; 2007; 7(4):433-40.
 - 10- Bunbury, N; Jones, C.G; Greenwood, A. and Bell, D.J; Epidemiology and conservation implications of *Trichomonas gallinae* infection in the endangered Mauritian pink pigeon. Biol.Conserv; 2008; 141:153-61.
 - 11- Nematollahi, A; Ahmadi, A; Ebrahimi, M. and Mohammadpour, H; Prevalence of *Haemoproteus columbae* and *Trichomonas gallinae* in pigeons (*Columba domestica*) in Isfahan, Iran. J. Parasit. Dis; 2012; 36(1):141-2.
 - 12- Borji, H; Razmi, G.H; Moghaddas, E; Azad, M. and Movassaghi, A.H; Prevalence and pathological lesion of *Trichomonas gallinae* in pigeons of Iran. J. Parasit. Dis; 2011; 35(2): m186-9.
 - 13- Zingales, B; Stolf, B.S; Souto, R.P; Fernandes, O. and Briones, M.R; Epidemiology, biochemistry and evolution of *Trypanosoma cruzi*
 - 3- Narcisi, E.M; Sevoian, M. and Honigberg, B.M; Pathologic Changes in Pigeons Infected with a Virulent *Trichomonas gallinae* Strain (Eiberg). Avian Dis.; 1991; 35(1): 55-61.
 - 4- Forzan, M.J; Vanderstichel, R; Melekhovets, Y.F. and McBurney, S; Trichomoniasis in finches from the Canadian Maritime provinces An emerging disease. Can. Vet. J; 2010; 51(4): 391-6.
 - 5- Fouts, A.C. and Kraus, S.J; *Trichomonas vaginalis*: reevaluation of its clinical presentation and laboratory diagnosis. J. Infect. Dis; 1980; 141(2): 137-43.
 - 6- Gelbart, S.M; Thomason, J.L; Osypowski, P.J; James, J.A. and Hamilton, P.R; Comparison of Diamond's medium modified and Kupferberg medium for detection of *Trichomonas vaginalis*. J. Clin. Microbiol; 1989; 27(5): 1095-6.
 - 7- Gelbart, S.M; Thomason, J.L; Osypowski, P.J; Kellett, A.V; James, J.A. and Broekhuizen, F.F; Growth of *Trichomonas vaginalis* in commercial culture media. J. Clin. Microbiol; 1990; 28(5): 962-4.
 - 8- Schmid, G; Matheny, L; Zaidi, A. and Kraus, S; Evaluation of six media for the growth of *Trichomonas*





lineages based on ribosomal RNA sequences. Mem. Inst; 1999; 94: 159-64.

- 14- Felleisen, R.S; Comparative sequence analysis of 5.8S rRNA genes and internal transcribed spacer (ITS) regions of trichomonadid protozoa. Parasitology; 1997; 115: 111-9.
- 15- Kleina, P; Bettim-Bandinelli, J; Bonatto, S.L; Benchimol, M. and Bogo, M.R; Molecular phylogeny of *Trichomonadidae* family inferred from ITS1, 5.8S rRNA and ITS-2 sequences. Int. J. Parasitol; 2004; 34: 963-70.





Molecular detection of *Trichomonas gallinae* by using of 5.8S rRNA gene by PCR reaction in *Columbidae* birds

Soltanieini, M.¹; Tavassoli, M.^{2*}; Ghorashi, A.³

1. PhD student, Department of Pathobiology, Faculty of Veterinary Medicine, Urmia University, Urmia- Iran.
2. Professor, Department of Pathobiology, Faculty of Veterinary Medicine, Urmia University, Urmia- Iran.
3. Associate Professor, Department of Pathobiology, Faculty of Veterinary Medicine, Charles Sturt University, Wagga Wagga- Australia.

Received: 1 September 2015

Accepted: 23 May 2016

Summary

Trichomonas gallinae is flagellated protozoan that caused avian trichomonosis. This organism is widespread in clombiforms. In most cases infection with *T.gallinae* in birds can be asymptomatic. Currently, diagnosis of the organism is by laboratory assays included wet spread, in vitro culture and molecular methods. In this study, using by Polymerase Chain Reaction (PCR) method and based on 5.8S rRNA gene amplification *T.gallinae* examined and the results compared with wet test. This study carried out for investigation of trichomonase contamination of 72 pigeon of clombidae family that included 2 Laughing Dove (*Spilopelia senegalensis*), 8 Rock Dove (*Columba livia*) and 62 Domestic Pigeon (*Columba livia domestica*). In this examination the samples were gathered from mouth and larynx of those pigeons by soap and then each sample was divided into two parts. Immediately a part of it was inspected via wet spread slide method that 18 positive samples were detected with this method. Another part of sample was used for specific PCR reaction using a primer pair of 5.8S ribosomal gene protected region was used *T.gallinae* with this method 24 positive samples were detected. The molecular results showed that PCR with primers Trich-1Fand Trich-1R yielded 390-base pair amplicon. As well as it can be said the PCR test is higher sensitivity and specificity than wet test.

Keywords: *Trichomonas gallinae*, Molecular detection, 5.8SrRNA gene, *Columbidae* birds, PCR.

* Corresponding Author E-mail: mtavassoli2000@yahoo.com

