

بررسی ارتباط پلی مورفیسم های rs13092160 و rs13075270 ژن های CCR1 و CCR3 با بیماری بهجت

مهديه محمدزاده پیربازاری^۱، شهره زارع کاریزی^{۱*}، رضا میرفخرایی^۲

(۱) گروه ژنتیک، دانشکده علوم زیستی، دانشگاه آزاد اسلامی، واحد ورامین-پیشوا، ورامین، ایران
(۲) گروه ژنتیک پزشکی، دانشکده پزشکی، دانشگاه شهید بهشتی، تهران، ایران

تاریخ پذیرش: ۱۳۹۶/۱۲/۱۹

تاریخ دریافت: ۱۳۹۶/۹/۱۳

چکیده

مقدمه: بیماری بهجت یک بیماری خودایمنی است که می تواند قسمت های مختلف بدن را درگیر کند. این بیماری با زخم های پوستی، دهانی و چشمی تظاهر می کند. علت این بیماری ناشناخته است. عوامل مختلفی از جمله عوامل محیطی و ژنتیکی در بروز این بیماری نقش دارند. در این مطالعه ارتباط دو پلی مورفیسم rs13092160 و rs13075270 در ژن های CCR1 و CCR3 با استعداد ابتلا به بیماری بهجت در جمعیت ایران مورد بررسی قرار می گیرد.

مواد و روش ها: در این مطالعه ۱۰۰ بیمار مبتلا به بیماری بهجت و ۱۰۰ فرد سالم، انتخاب شدند. پس از نمونه گیری و استخراج DNA پلی مورفیسم های ژن های گیرنده CCR1 و CCR3 با روش PCR-RFLP بررسی شدند. یافته ها با استفاده از نرم افزار SPSS نسخه ۲۲ با سطح معنی داری $P < 0.05$ آنالیز شدند.

یافته های پژوهش: فراوانی ژنوتیپ CT پلی مورفیسم rs13092160 در گروه بیمار و کنترل به ترتیب ۱۸ درصد و ۲۳ درصد، ژنوتیپ TT برابر با ۸۲ درصد و ۷۷ درصد بود. فراوانی ژنوتیپ CC پلی مورفیسم rs13075270 در گروه بیمار و کنترل به ترتیب ۱ درصد و ۵ درصد، ژنوتیپ CT برابر با ۸۰ درصد و ۱۹ درصد و ژنوتیپ TT برابر با ۱۹ درصد و ۷۶ درصد بود.

بحث و نتیجه گیری: در چندشکلی rs13075270 ژنوتیپ CT با استعداد ابتلا به بیماری بهجت ارتباط دارد ($P < 0.05$). چند شکلی rs13092160 اختلاف معناداری در بین افراد با بیماری بهجت و افراد کنترل نشان نداد.

واژه های کلیدی: بیماری بهجت، گیرنده کموکاین ها، بیماری های خودایمنی، چندشکلی

* نویسنده مسئول: گروه ژنتیک، دانشکده علوم زیستی، دانشگاه آزاد اسلامی، واحد ورامین-پیشوا، ورامین، ایران.

Email: shohrehzare@yahoo.com

Copyright © 2019 Journal of Ilam University of Medical Science. This is an open-access article distributed under the terms of the Creative Commons Attribution international 4.0 International License (<https://creativecommons.org/licenses/by-nc/4.0/>) which permits copy and redistribute the material, in any medium or format, provided the original work is properly cited.

مقدمه

بیماری بهجت اختلالی است خودایمنی که با زخم های عودکننده دهان، ناحیه تناسلی، درگیری چشم، مفاصل، پوست، عروق و سیستم ایمنی همراه است. اولین بار پزشک ترک به نام پروفیسور «هولوسی بهجت» این بیماری را در سال ۱۹۳۷ گزارش کرد (۱). شیوع این بیماری در کشورهایی که در مسیر جاده ابریشم هستند از جمله: ترکیه، ایران، ژاپن و عراق بیشتر است (۲،۳). شایع ترین زمان آغاز بیماری دهه دوم یا سوم زندگی فرد می باشد (۴). تست پوستی پاترژی که یکی از معیارهای تشخیص بیماری بهجت است، با ایجاد خراشیدگی در قسمت داخلی ساعد توسط سوزن صورت می گیرد (۵).

علت دقیق این بیماری مبهم است اما عوامل محیطی و ژنتیکی به ویژه HLA-B51 با استعداد ابتلا به بیماری بهجت همراه است (۶). شواهد زیادی از جمله افزایش میزان ایمونوگلوبین ها، وجود آنتی بادی های گردش، کاهش فعالیت سلول های (Natural killer cells) و افزایش ترشح سایتوکاین ها در زمان التهاب، بیماری بهجت را به عنوان یک بیماری خود ایمنی مطرح می کند (۷).

کموکاین ها خانواده ای از سایتوکاین های التهابی با اندازه کوچک هستند که نقش عمده آن ها در فراخوانی سلول های سیستم ایمنی میزبان به جایگاه عفونت و تنظیم رفت و آمد لوکوسیت ها و سایر لنفوسیت ها بین محل التهاب و ارگان های لنفاوی ثانویه می باشد (۸). کموکاین ها بر اساس جایگاه دو ریشه سیستمی نزدیک انتهای N پپتید در توالی های آمینواسیدی خود به چهار زیر خانواده CC، CXC، CX و CX3X تقسیم بندی می شوند. هر کموکاین عمدتاً به چند رسپتور متصل می شود. کموکاین های دارای موتیف CC، دو سیستمی نزدیک انتهای آمینی دارند که بدون هیچ فاصله ای در کنار هم قرار گرفته اند. گیرنده های کموکاین CC (CCRs) عمدتاً از طریق یک پروتئین غشایی به نام G پروتئین ها سیگنال می دهند (۹،۱۰). برای رسیدن به محل التهاب، لوکوسیت های در حال گردش باید از جریان خون خارج شوند. سرعت آهسته چرخش لوکوسیت ها روی

سلکتین ها، برخورد با کموکاین ها را افزایش می دهد که روی سطح راسی اندوتلیوم توسط گلیکوزآمینوگلیکان ها بیان شده اند (۱۱). اتصال کموکاین ها به گیرنده های خود باعث تغییر تمایل اینتگرین 2- β به ویژه CD11b/CD18 روی سطح سلول لوکوسیت ها و اتصالش به ضد لیگاندهای Ig خود نظیر ICAM می شود. این برهم کنش ها اتصال محکم لوکوسیت ها را به اندوتلیوم فراهم می آورند. با ورود لوکوسیت ها به منبع التهاب، یک محیط غنی از سایتوکاین ایجاد می شود که منجر به حذف هجوم آنتی ژن ها می شود (۱۲،۱۳). CCR3 از نوع گیرنده های CC بوده و دارای لیگاندهای مهمی نظیر: MIP-1 α ، Eotaxin و RANTES است که در کموکاسی ماست سل ها و اتوزینوفیل ها دخالت دارد (۱۴). لیگاندهای مهمی به گیرنده CCR1 از جمله: پروتئین التهابی ماکروفاژی 1- α (MIP-1 α)، تنظیم فعال سازی، بیان و ترشح لنفوسیت های T طبیعی (RANTES) و پروتئین کموکاتیک منوسیت-1 (MCP-1) متصل می شوند. این گیرنده در کاهش TH2 و مهاجرت منوسیت ها نقش دارد (۱۴،۱۵). تحقیقات نشان می دهد ژن های مختلفی از جمله: CCR1 و CCR3 با استعداد ابتلا به بیماری بهجت ارتباط دارند (۱۶).

هم چنین مطالعاتی که در گذشته صورت گرفته، ارتباط معنی داری بین پلی مورفیسم های rs13075270 و rs13092160 ژن های CCR1 و CCR3 و افزایش استعداد ابتلا به بیماری بهجت نشان داده اند (۷،۱۷). هدف از این مطالعه بررسی ارتباط پلی مورفیسم های rs13092160 و rs13075270 ژن های CCR1 و CCR3 با استعداد ابتلا به بیماری بهجت برای اولین بار در ایران می باشد.

مواد و روش ها

نمونه گیری: در این مطالعه موردی-شاهدی ۲۰۰ نفر برای پلی مورفیسم های rs13092160 و rs13075270 ژن های CCR1 و CCR3 تعیین ژنوتیپ شدند. ۱۰۰ بیمار مبتلا به بهجت (۴۴ نفر مرد و ۵۶ نفر زن) وارد مطالعه شدند. بیماران از ۱۴ تا ۶۵ سال (میانگین سنی آن ها ۳۵/۷ سال و انحراف معیار

درجه بود. محصولات PCR روی ژل آگارز ۱/۵ درصد الکتروفورز و پس از رنگ آمیزی با اتیدیوم بروماید زیر نور UV بررسی شدند. تعیین ژنوتیپ ها با استفاده از تکنیک PCR-RFLP انجام گرفت.

واکنش RFLP شامل ۵ میکرولیتر محصول PCR، ۰/۲ میکرولیتر آنزیم محدودالانتر، ۱ میکرولیتر بافر مناسب و ۳/۸ میکرولیتر آب مقطر می باشد. انکوباسیون نمونه ها در دمای ۳۷ درجه سانتی گراد به مدت ۲۴ ساعت صورت گرفت. محصولات PCR بعد از اثر آنزیم های محدودالانتر اختصاصی با الکتروفورز ژل پلی اکریل آمید از هم جدا شدند و پس از رنگ آمیزی با نیترا ت نقره، نتایج مورد ارزیابی قرار گرفتند.

محصول PCR برای پلی مورفیسم rs13092160 طولی معادل ۲۵۲ جفت باز دارد که برش آنزیمی با MnlI، در افراد واجد ژنوتیپ CC ایجاد سه قطعه ۵۶، ۹۴ و ۱۰۲ جفت بازی، در افراد با ژنوتیپ CT ایجاد چهار قطعه ۵۶، ۹۴، ۱۰۲ و ۱۹۶ جفت بازی و در افراد با ژنوتیپ TT ایجاد دو قطعه ۵۶ و ۱۹۶ جفت بازی می کند(شکل شماره ۱).

محصول PCR پلی مورفیسم rs13075270 طولی معادل ۲۷۱ جفت باز داشت. برش آنزیمی با MvaI، در افراد واجد ژنوتیپ CC ایجاد چهار قطعه ۴۴، ۶۳، ۶۵ و ۹۹ جفت بازی، در افراد دارای ژنوتیپ CT ایجاد پنج قطعه ۴۴، ۶۳، ۶۵، ۹۹ و ۱۰۹ جفت بازی و در افراد دارای ژنوتیپ TT ایجاد سه قطعه ۶۳، ۹۹ و ۱۰۹ جفت بازی می کند(شکل شماره ۲).

بررسی آماری: آنالیز آماری داده ها با استفاده از نرم افزار آماری SPSS (نسخه ۲۲) انجام شد. توزیع ژنوتیپ های هر پلی مورفیسم و فراوانی آلی در دو گروه بیمار و کنترل بر اساس تعادل هاردی-واینبرگ محاسبه شد و با استفاده از آزمون مربع کای مورد سنجش قرار گرفت. هم چنین در مورد هر پلی مورفیسم برای دو گروه شاهد و بیمار، میزان نسبت شانسی (OR) با فاصله اطمینان ۹۵ درصد محاسبه و میزان P کمتر از ۰/۰۵ به عنوان سطح معنی داری در نظر گرفته شد.

۱۰/۴۷۱ (سال) سن داشتند. طول مدت بیماری از یک تا ۳۲ سال با میانگین ۶/۴۷ سال و انحراف معیار ۸۴/۴ سال بود. سن شروع بیماری از ۱۳ تا ۶۴ سال با میانگین ۲۹ سال و انحراف معیار ۸/۹۳۵ سال بود.

تمام بیماران توسط روماتولوژیست برای بررسی علائم بالینی، طبق معیارهای بین المللی معاینه شدند(۱۸). هم زمان ۱۰۰ فرد سالم فاقد بیماری بهجت یا سایر بیماری های خود التهابی که از نظر جغرافیایی، سن و جنس با بیماران مشابه بودند و رابطه خویشاوندی با یکدیگر یا بیماران نداشتند، به عنوان گروه کنترل وارد مطالعه شدند. نمونه های کنترل و بیمار از بیماران مراجعه کننده به آزمایشگاه ژنتیک پزشکی تهران(دکتر اکبری) انتخاب شدند. هم چنین از تمام افراد مورد مطالعه پس از دادن آگاهی، رضایت نامه دریافت شد.

تعیین ژنوتیپ ها: ۵ سی سی خون محیطی از ورید افراد مورد مطالعه را به لوله های حاوی EDTA (به ازای هر ۱ سی سی خون ۱۰۰ میکرولیتر EDTA ۲۰ میلی مولار pH=۸) منتقل کرده و تا زمان استخراج در فریزر -۲۰ درجه سانتی گراد نگهداری شد. نمونه DNA هر دو گروه با کیت M&D (شرکت تدبیر فن آزما، ایران) استخراج شد. پرایمرهای اختصاصی رفت و برگشت، جهت بررسی پلی مورفیسم های تک نوکلئوتیدی مورد نظر با استفاده از نرم افزار Gene Runner طراحی شد(جدول شماره ۱).

واکنش زنجیره ای پلیمرز در حجم ۱۵ میکرولیتر حاوی ۱۰۰ نانوگرم DNA ژنومیک، ۱/۵ میکرولیتر بافر PCR با(غلظت IX)، ۰/۵ میلی مولار از هر dNTP، ۱/۳ میلی مولار $MgCl_2$ ، ۵ پیکومول از هر پرایمر و ۱ واحد آنزیم Taq DNA پلیمرز(مواد مصرفی تهیه شده از شرکت سیناژن، تهران) انجام شد. برنامه PCR با تنظیم شرایط بهینه برای هر دو جفت پرایمر جهت بررسی دو پلی مورفیسم ژن های CCR1 و CCR3 انجام شد. واسرشت شدگی یک دقیقه در ۹۴ درجه، اتصال پرایمر یک دقیقه در ۶۴ درجه، طولی شدن یک دقیقه در ۷۲ درجه. این مراحل ۳۰ سیکل تکرار گردید. در ضمن واسرشت شدگی ابتدایی ۵ دقیقه در ۹۴ درجه و طولی شدن نهایی ۱۰ دقیقه در ۷۲

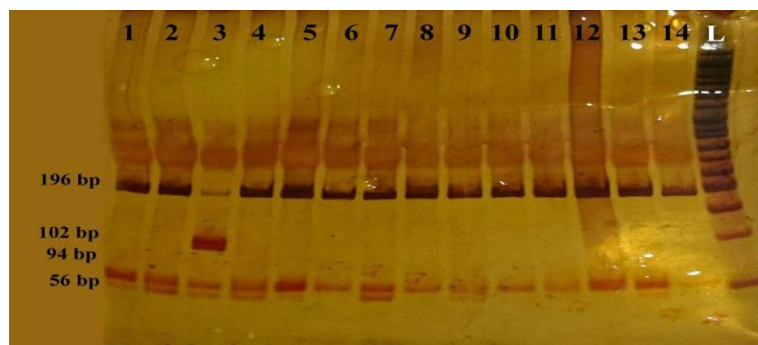
یافته های پژوهش

در پلی مورفیسم rs13092160 از تعداد ۱۰۰ نفر بیمار بررسی شده ۱۸ نفر (۱۸ درصد) دارای ژنوتیپ CT و ۸۲ نفر (۸۲ درصد) دارای ژنوتیپ TT بودند. از تعداد ۱۰۰ نفر در گروه کنترل نیز، ۲۳ نفر (۲۳ درصد) دارای ژنوتیپ CT و ۷۷ نفر (۷۷ درصد) دارای ژنوتیپ TT بودند. نتایج نشان داد که وجود ژنوتیپ CT یک عامل مستعدکننده برای بیماری بهجت می باشد. فراوانی آلل C در گروه بیمار و کنترل به ترتیب معادل ۸۲ نفر (۴۱ درصد) و ۲۹ نفر (۱۴/۵ درصد) و فراوانی آلل T در گروه بیمار و کنترل به ترتیب ۱۱۸ نفر (۵۹ درصد) و ۱۷۱ نفر (۸۵/۵ درصد) بود. هم چنین ریسک خطر $OR=4.098$ با ضریب اطمینان (CI) ۹۵ درصد برابر با $۶۴۹/۶-۲/۵۲۵$ و ارزش احتمالی $P=0.001$ نشان دهنده مستعد بودن افراد دارای آلل C برای ابتلا به بیماری بهجت بود. بدین معنا که افراد دارای آلل C $۰.۹۸/۴$ برابر شانس بیشتری برای ابتلا به بیماری بهجت نسبت به افراد فاقد این آلل داشتند (جدول شماره ۳). بررسی آماری نشان دهنده وجود تعادل هاردی-واینبرگ در جمعیت مورد مطالعه بود.

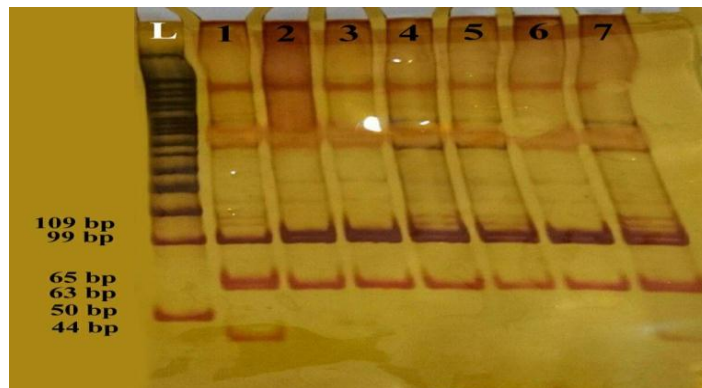
در پلی مورفیسم rs13075270 از تعداد ۱۰۰ نفر بیمار بررسی شده ۱۸ نفر (۱۸ درصد) دارای ژنوتیپ CT و ۸۲ نفر (۸۲ درصد) دارای ژنوتیپ TT بودند. از تعداد ۱۰۰ نفر در گروه کنترل نیز، ۲۳ نفر (۲۳ درصد) دارای ژنوتیپ CT و ۷۷ نفر (۷۷ درصد) دارای ژنوتیپ TT بودند. نتایج نشان داد که در هر دو گروه، فراوانی ژنوتیپ هموزیگوت TT بیشترین بود و ارتباط معنی داری بین ژنوتیپ TT و استعداد ابتلا به بیماری بهجت دیده نشد ($P=0.381$). فراوانی آلل C در گروه بیمار و کنترل به ترتیب معادل ۱۸ نفر (۹ درصد) و ۲۳ نفر (۱۱/۵ درصد) و فراوانی آلل T در گروه بیمار و کنترل به ترتیب ۱۸۲ نفر (۹۱ درصد) و ۱۷۷ نفر (۸۸/۵ درصد) بود. هم چنین ریسک خطر $OR=0.761$ با ضریب اطمینان (CI) ۹۵ درصد برابر با $۱/۴۵۹-۰/۳۹۷$ و ارزش احتمالی $P=0.410$ نشان دهنده عدم اختلاف معنادار میان آلل C و T این پلی مورفیسم در دو گروه بیماران بهجت و کنترل بود (جدول شماره ۲). در پلی مورفیسم rs13075270 یک نفر (۱ درصد) دارای ژنوتیپ CC، ۸۰ نفر (۸۰ درصد)

جدول شماره ۱. توالی پرایمر، نوع آنزیم محدودالانتر و طول محصول PCR جهت بررسی چندشکلی های rs13092160 و rs13075270

| نام پلی مورفیسم | آنزیم | توالی پرایمر | طول محصول PCR (bp) |
|-----------------|-------|----------------------------------------------------------------------------------------|--------------------|
| rs13092160 | MnlI | Forward: 5'- ATTCACCTTTATGTGGCTGCTCATC-3' Reverse: 5'-TCCAATCAGCTAGATAGACATGACA- 3' | ۲۵۲ |
| rs13075270 | MvaI | Forward: 5'- TGTGAGATGTCCCTGTTGCCTAATC-3' Reverse: 5'-TGGGGCACACTGTCTGCATGACGAA-3' | ۳۷۱ |



شکل شماره ۱. ژل آکریل آمید نمایان سازی محصولات PCR-RFLP جایگاه rs13092160. سایز مارکر ۵۰ جفت بازی است. باندهای شماره ۱، ۲ و ۴ تا ۱۴ ژنوتیپ TT دارند. باند شماره ۳ ژنوتیپ CT دارد.



شکل شماره ۲. ژل آگریل امید نمایان سازی محصولات PCR-RFLP جایگاه rs13075270
سایز مارکر ۵۰ جفت بازی است. باندهای شماره ۱ ژنوتیپ CC، شماره ۲ تا ۶ ژنوتیپ TT و شماره ۷ ژنوتیپ CT را دارند.

جدول شماره ۲. توزیع ژنوتیپی و آلی پلی مورفیسم rs13092160

| P | فراوانی آلل در گروه کنترل | | فراوانی آلل در گروه بیمار | | آلل |
|-------|------------------------------|-------|------------------------------|------|--------|
| | تعداد | درصد | تعداد | درصد | |
| ۰/۴۱۰ | ۲۳ | %۱۱/۵ | ۱۸ | %۹ | C |
| | ۱۷۷ | %۸۸/۵ | ۱۸۲ | %۹۱ | T |
| ۰/۳۸۱ | فراوانی ژنوتیپ در گروه کنترل | | فراوانی ژنوتیپ در گروه بیمار | | ژنوتیپ |
| | | %۲۳ | | %۱۸ | T/C |
| | | %۷۷ | | %۸۲ | T/T |

جدول شماره ۳. توزیع ژنوتیپی و آلی پلی مورفیسم rs13075270

| P | فراوانی آلل در گروه کنترل | | فراوانی آلل در گروه بیمار | | آلل |
|-------|------------------------------|-------|------------------------------|------|--------|
| | تعداد | درصد | تعداد | درصد | |
| ۰/۰۰۱ | ۲۹ | %۱۴/۵ | ۸۲ | %۴۱ | C |
| | ۱۷۱ | %۸۵/۵ | ۱۱۸ | %۵۹ | T |
| ۰/۰۰۱ | فراوانی ژنوتیپ در گروه کنترل | | فراوانی ژنوتیپ در گروه بیمار | | ژنوتیپ |
| | | %۵ | | %۱ | C/C |
| | | %۱۹ | | %۸۰ | T/C |
| | | %۷۶ | | %۱۹ | T/T |

بحث و نتیجه گیری

پلی مورفیسم های مختلفی در ژن های CCR3 و CCR1 گزارش شده اند که با بیماری های مختلف از جمله بیماری بهجت مرتبط می باشند. از جمله این پلی مورفیسم ها rs13075270 و rs13092160 را می توان نام برد. مطالعات بسیار محدودی در مورد ارتباط چندشکلی rs13092160 با بیماری بهجت وجود دارد. پلی مورفیسم rs13092160(C/T) روی کروموزوم ۳ و در موقعیت نوکلئوتید ۴۶۲۱۳۳۰۰

قرار گرفته است. این پلی مورفیسم در منطقه اینترون قرار دارد و اهمیت کلینیکی آن نامعلوم است. تاکنون مطالعه ای روی مکانیسم و نحوه عملکرد این پلی مورفیسم صورت نگرفته است.

در مطالعه Hou و همکاران در سال ۲۰۱۲ به بررسی پلی مورفیسم rs13092160 و ارتباط آن با بیماری بهجت پرداختند. در این تحقیق افراد بیمار و کنترل از طریق Real Time PCR مورد بررسی قرار گرفتند. بیان ژن های CCR3 و CCR1 در افرادی که

افزایش پیدا کرده بود(۱۹). مطالعات انجام شده در مناطق مختلف جهان تناقضاتی را در زمینه سطح معنی داری این پلی مورفیسم ها نشان دادند. این تفاوت در نتایج می تواند به دلیل ارتباط رخداد پلی مورفیسم ها در جمعیت های مختلف باشد. با توجه به شیوع پایین برخی از آلل ها در جمعیت مورد مطالعه، احتمال یافتن ژنوتیپ هموزیگوت موتانت نیز کاهش می یابد. به ویژه اگر حجم نمونه مورد بررسی کم باشد. ثانیاً ایران کشوری است که علاوه بر جمعیت زیاد اقوام مختلفی را هم در خود جای داده است و هر قوم می تواند فراوانی آللی مخصوص را داشته باشد. بنا بر این نادیده گرفتن این موضوع می تواند گاهی اوقات نتایج خلاف واقع را نشان دهد. در پلی مورفیسم rs13092160 فراوانی آلل C در افراد بیمار و کنترل به ترتیب ۹ و ۱۱/۵ درصد و فراوانی آلل T در افراد بیمار و کنترل به ترتیب ۹۱ و ۸۸/۵ درصد است. در پلی مورفیسم rs13075270 فراوانی آلل C در افراد بیمار و کنترل به ترتیب ۴۱ و ۱۴/۵ درصد و فراوانی آلل T در افراد بیمار و کنترل به ترتیب ۵۹ و ۸۵/۵ درصد است.

بنا بر این در صورتی که بتوان حجم نمونه زیادی را با در نظر گرفتن این عوامل مورد بررسی قرار داد، می توان با اطمینان بیشتری در مورد معنی دار بودن یا نبودن این پلی مورفیسم ها با بیماری بهجت در بیماران ایرانی بحث نمود.

هم چنین در این مورد نباید برهم کنش ژن ها بر هم و محیط نادیده گرفته شود.

سپاسگزاری

در این مقاله از همکاری کارکنان آزمایشگاه ژنتیک پزشکی دکتر اکبری و آزمایشگاه تحقیقاتی ژنیران، تشکر و قدردانی می شود.

References

1. Mazzocchi G, Matarangolo A, Rubino R, Inglese M, Cata A. Behçet syndrome from pathogenesis to novel therapies. Clin Exp Med 2016;16:1-2. doi: 10.1007/s10238-014-0328-z.

ژنوتیپ CT دارند، افزایش پیدا کرده بود. rs13092160 از طریق افزایش میزان mRNA و پروتئین، با افزایش استعداد ابتلا به بیماری بهجت نقش دارد(۱۹).

در تحقیق حاضر در هر دو گروه بیمار و کنترل فراوانی ژنوتیپ هموزیگوت TT بیشترین است. با توجه به نتایج آزمون مربع کای میزان P برابر با ۰/۳۸۱ و بزرگ تر از مقدار ۰/۰۵ است که نشان می دهد ارتباط معنادار میان پلی مورفیسم rs13092160 با استعداد ابتلا به بیماری بهجت وجود ندارد.

مطالعات محدودی روی پلی مورفیسم (C/T) rs13075270 صورت گرفته است. پلی مورفیسم rs13075270 روی کروموزوم ۳ و در موقعیت نوکلئوتیدی ۴۶۲۱۲۲۹۸ قرار دارد. این پلی مورفیسم در اینترنت قرار گرفته و اهمیت کلینیکی آن نامعلوم است. تاکنون مطالعه ای روی مکانیسم و عملکرد این پلی مورفیسم صورت نگرفته است. نتایج تحقیق حاضر نشان می دهد که در گروه بیمار فراوانی ژنوتیپ هتروزیگوت CT و در گروه کنترل فراوانی ژنوتیپ هموزیگوت TT بیشتر از سایر ژنوتیپ ها است. اختلاف معنادار میان پلی مورفیسم rs13075270 با استعداد ابتلا به بیماری بهجت دیده شد ($\chi^2=74.453$, $P<0.05$). بنا بر این می توان نتیجه گرفت که وجود ژنوتیپ CT یک عامل مستعدکننده برای بیماری بهجت است.

در مطالعه و همکاران در سال ۲۰۱۲ به بررسی ارتباط پلی مورفیسم rs13075270 با استعداد ابتلا به بیماری بهجت پرداختند. در این تحقیق افراد بیمار و کنترل از طریق Real Time PCR مورد بررسی قرار گرفتند. نتایج نشان داد که rs13075270 روی بیان ژن های CCR1 و CCR3 اثر می گذارد. بیان ژن های CCR1 و CCR3 در افراد واجد ژنوتیپ CT

2. Wozniacka A, Jurowski P, Omulecki A, Kot M, Dzikowska B. Behçets disease leaves the silk road. Adv Dermatol Allergol Pos 2014;31:417. doi: 10.5114/pdia.2014.40943.

3. Cho SB, Cho S, Bang D. New insights in the clinical understanding of Behçets disease. *Yon Med J* 2012;53:35-42. doi: 10.3349/ymj.2012.53.1.35.
4. Bang D, Oh S, Lee KH, Lee ES, Lee S. Influence of sex on patients with Behçets disease in Korea. *Adam Behçe Dis* 2004;2: 59-63. doi: 10.1007/0-306-48382-3_10
5. Ozdemir M, Balevi S, Deniz F, Mevlitoglu I. Pathergy reaction in different body areas in Behçets disease. *Clin Exp Dermatol* 2007;32:85-7. doi: 10.1111/j.1365-2230.2006.02284.x
6. Ombrello MJ, Kirino Y, Bakker PI, Gul A, Kastner DL, Remmers EF. Behcet disease-associated MHC class I residues implicate antigen binding and regulation of cell mediated cytotoxicity. *Proce National Acad Sci* 2014;111:8867-72. doi: 10.1073/pnas.1406575111
7. Takeuchi M, Kastner DL, Remmers EF. The immunogenetics of Behçets disease a comprehensive review. *J Autoimmunity* 2015;64:137-48. doi: 10.1016/j.jaut.2015.08.013
8. Charo IF, Ransohoff RM. The many roles of chemokines and chemokine receptors in inflammation. *New England J Med* 2006;354:610-21. doi: 10.1056/NEJMra052723
9. Kufareva I, Salanga CL, Handel TM. Chemokine and chemokine receptor structure and interactions: implications for therapeutic strategies. *Immunol Cell Biol* 2015;93:372-83. doi: 10.1038/icb.2015.15.
10. Ziarek JJ, Kleist AB, London N, Raveh B, Montpas N, Bonnetterre J, et al. Structural basis for chemokine recognition by a G protein coupled receptor and implications for receptor activation. *Sci Signal* 2017;10: 5756. doi: 10.1126/scisignal.aah5756.
11. Monneau Y, Arenzana F, Lortat H. The sweet spot how GAGs help chemokines guide migrating cells. *J Leuk Biol* 2016;99:935-53. doi: 10.1189/jlb.3MR0915-440R.
12. Podolnikova NP, Kushchayeva YS, Wu Y, Faust J, Ugarova TP. The role of integrins $\alpha M\beta 2$ Mac-1 CD11b/CD18 and $\alpha D\beta 2$ CD11d/CD18 in macrophage fusion. *Am J Pathol* 2016;186:2105-16. doi: 10.1016/j.ajpath.2016.04.001.
13. Hubbard AK, Rothlein R. Intercellular adhesion molecule-1 ICAM-1 expression and cell signaling cascades. *Free Rad Biol Medicine* 2000;28:1379-86.
14. Loetscher P, Pellegrino A, Gong JH, Mattioli I, Loetscher M, Bardi G, et al. The ligands of CXC chemokine receptor 3 I-TAC Mig and IP10 are natural antagonists for CCR3. *J Biol Chem* 2001;276:2986-91. doi: 10.1074/jbc.M005652200
15. Griffith JW, Sokol CL, Luster AD. Chemokines and chemokine receptors positioning cells for host defense and immunity. *Annual Rev Immunol* 2014; 21:32:659-702. doi: 10.1146/annurev-immunol-032713-120145.
16. Scherrer MA, Rocha VB, Garcia LC. Behçets disease review with emphasis on dermatological aspects. *Anais Brasil Dermatol* 2017;92:452-64. doi: 10.1590/abd1806-4841.20177359.
17. Kirino Y, Bertsias G, Ishigatsubo Y, Mizuki N, Tugal I, Seyahi E, et al. Genome wide association analysis identifies new susceptibility loci for Behcets disease and epistasis between HLA-B 51 and ERAP1. *Nature Genet* 2013;45:202. doi: 10.1038/ng.2520
18. Zhang Z. Validation of the International criteria for Behcet's disease (ICBD) in China. *Clin Exp Rheumatol*. 2008;26(50):S6-7.
19. Hou S, Kijlstra A, Yang P. The genetics of Behcets disease in a Chinese population. *Front Med* 2012;6:354-9.

Investigation of the Association between Rs13075270 and Rs13092160 Polymorphisms of CCR1 and CCR3 Genes with Behcet's Disease

Mohammadzadehpirbazari M¹, Zarekarizi S^{1*}, Mirfakhraie R²

(Received: December 4, 2017

Accepted: March 10, 2018)

Abstract

Introduction: Behcet's disease is an autoimmune disease that can affect various parts of the body. This disease manifests itself with skin, oral and ocular lesions. Although it is an idiopathic disease, various factors, including environmental and genetic factors, contribute to the onset of it. In this study, the association between two polymorphisms, namely rs13075270 and rs13092160 of CCR1 and CCR3 genes and susceptibility to Behcet's disease were investigated in Iranian population.

Materials & Methods: Totally, 100 patients with Behcet's disease and 100 healthy individuals were selected in this study. After DNA sampling and extraction, polymorphisms of CCR1 and CCR3 receptor genes were examined using PCR-RFLP method. The findings were analyzed in SPSS software (Version 22). P-value less than 0.05 were considered statistically significant.

Findings: According to the results, the frequencies of CT genotype of rs13092160 polymorphism in the patient and control groups were 18% and 23%, respectively; moreover, the frequencies of TT genotype were 82% and 77%, respectively. Furthermore, the frequencies of CC genotype of rs13075270 polymorphism were 1% and 5%, the frequencies of CT genotype were 80% and 19%, and TT genotype were 19% and 76% in the patient and control groups, respectively.

Discussion & Conclusions: In rs13075270 polymorphism, CT genotype is associated with Behcet's disease ($P < 0.005$). Moreover, there is no significant difference between the patients with Behcet's disease and the control group regarding the rs13092160 polymorphism.

Keywords: Autoimmune diseases, Behcet's disease, Chemokine receptor, Polymorphism

1. Dept of Genetics, Faculty of Biological Sciences, Islamic Azad University, Varamin-Pishva Branch, Varamin, Iran

2. Dept of Medical Genetics, Faculty of Medicine, Shahid Beheshti University, Tehran, Iran

* Corresponding author Email: shohrehzare@yahoo.com