



Design of DNA vaccine containing genes encoding *sicl* of Enterotoxigenic *Escherichia coli* (ETEC) and Enterohemorrhagic *Escherichia coli* (EHEC)

ARTICLE INFO

Article Type
Original Research

Authors

Fatemeh Jafari Parsa¹
Shohreh Zare²
Seyed Ali Mirhosseini³
Jafar Amani^{3*}

1- Department of Genetics, Faculty of Basic Sciences, Islamic Azad University, Tehran Science and Research Branch, Tehran, Iran

2- Department of Genetics and Biotechnology, Pishva Faculty of Biological Sciences, Varamin Branch, Islamic Azad University, Varamin, Iran

3- Applied Microbiology Research Center, Institute of Biology and Poisoning System, Baqiyatallah University of Medical Sciences, Tehran, Iran

*Correspondence

Address: Research Center, Systems Biology and Poisonings Institute, Baqiyatallah University of Medical Sciences, Vanak Sq, Molasadra St. Tehran-Iran. P.O. Box 19395-5487. Tel: +98 21 82482556, Fax: +98 21 82482549. Email: jafar.amani@gmail.com

Article History

Received: September 13, 2020

Accepted: March 6, 2021

ePublished: December 20, 2020

ABSTRACT

Introduction: Enterotoxigenic *Escherichia coli* (ETEC) and Enterohemorrhagic *Escherichia coli* O157:H7, the most common strains, are causes diarrhea that can kill hundreds of thousands of children annually. The development of an effective combination vaccine for enterohemorrhagic *Escherichia coli* and Enterotoxigenic *Escherichia coli* is very important.

Materials and Methods: In this study, the *sicl* gene was amplified and Subcloned as a DNA vaccine. The sequence of antigen encoding genes was evaluated from the genebank and their epitopes were evaluated to design of primer for the synthetic chimeric gene and was amplified by PCR. Subcloning of a multipartal chimeric gene in eukaryotic expression vector was performed to make a DNA vaccine and finally the protein was purified by nickel chromatography and evaluated by Western blotting.

Results: The immunoblotting results of the expression of SICL chimeric protein indicated the presence of a 76 kDa band in the form of insoluble particles after 12 hours induction. Purification of the recombinant protein using His tag sequence and confirmation of the purified protein with the recombinant protein specific antibody demonstrated the accuracy of the protein expression.

Discussion & Conclusion: Protein expression, purification and verify by western blotting showed that this recombinant chimeric protein (SICL) can be expressed in eukaryotic host.

Keywords: Vaccine DNA, Chimeric protein, Enterotoxigenic *Escherichia coli*, Enterohemorrhagic *Escherichia coli*

نتایج: نتایج ایمونوبلات بیان پروتئین کایمریک SICL به شکل ذرات نامحلول ۱۲ ساعت پس از القا نمایانگر وجود یک باند ۷۶ کیلو دالتونی است. خالص کردن پروتئین نوترکیب با استفاده از ترادف هیستیدینی داخل ژن و تایید پروتئین تخلیص شده با آنتی بادی اختصاصی پروتئین نوترکیب، درستی بیان پروتئین را نشان داد.

کلیدواژه‌ها: DNA واکسن، اشریشیاکلی انتروتوکسیژنیک، اشریشیاکلی انتروهومورازیک، پروتئین کایمریک

تاریخ دریافت: ۹۹/۰۶/۲۳

تاریخ پذیرش: ۹۹/۱۲/۱۶

*نویسنده مسئول: jafar.amani@gmail.com

مقدمه

در میان گونه‌های اشریشیاکلی اسهال‌زا، اشریشیاکلی انتروهومورازیک (EHEC) و اشریشیاکلی انتروتوکسیژنیک (ETEC) از عوامل عمده و مهم در ایجاد اسهال اندمیک و اپیدمیک از طریق تولید سم در سراسر دنیا هستند [۱] اشریشیاکلی انتروتوکسیژنیک با تولید سم موجب مسمومیت غذایی در مسافران و اشریشیاکلی انتروهومورازیک با ترشح توکسین شیگا موجب اسهال خونی می‌شود [2].

بیماری‌زایی سویه ETEC به دلیل تولید انتروتوکسین حساس به حرارت LT و انتروتوکسین مقاوم به حرارت ST است که LT با تحریک آدنیلات سیکلاز و ST با تحریک گوانیلات سیکلاز سبب تحریک ترشح آب و کلرید و یا مهار و جذب کلریدکلسیم در روده و باعث اسهال آبکی همراه با تب، استفراغ و درد شکمی می‌شود [3]. سم حساس به حرارت (LT)، از دسته سموم AB₅ است که دارای زیر واحد A کاتالیتیکی و زیر واحد B پنتامری غیرسمی به عنوان زیر واحد اتصال هستند زیر واحد B به عنوان یک کاندیدای واکسن در طراحی واکسن‌های زیر واحد مورد توجه پژوهشگران قرار گرفته و نتایج نشان داده که به کارگیری این عامل

طراحی DNA واکسن حاوی ژن‌های کدکننده SICL

آنتی‌ژن‌های باکتری اشریشیاکلی

انتروتوکسیژنیک (ETEC) و اشریشیاکلی

انتروهومورازیک (EHEC)

فاطمه جعفری پارسا

گروه ژنتیک، دانشکده علوم پایه، دانشگاه آزاد اسلامی واحد علوم

تحقیقات تهران، ایران

شهره زارع

گروه ژنتیک و بیوتکنولوژی، دانشکده علوم زیستی پیشوا، دانشگاه

آزاد اسلامی واحد ورامین، ایران

سیدعلی میرحسینی

مرکز تحقیقات میکروبیولوژی کاربردی، انستیتو سیستم بیولوژی و

مسمومیتها، دانشگاه علوم پزشکی بقیه الله (عج)، تهران، ایران

جعفر امانی

مرکز تحقیقات میکروبیولوژی کاربردی، انستیتو سیستم بیولوژی و

مسمومیتها، دانشگاه علوم پزشکی بقیه الله (عج)، تهران، ایران

چکیده

مقدمه: اشریشیاکلی انتروتوکسیژنیک عامل اسهال باکتریایی، مرگ سالانه صدها هزار کودک بوده و اشریشیا کلی انتروهومورازیک O157:H7، عامل اسهال خونی است. از این رو تولید یک واکسن ترکیبی موثر برای اشریشیاکلی انتروهومورازیک و اشریشیاکلی انتروتوکسیژنیک بسیار اهمیت دارد.

مواد و روش‌ها: در این مطالعه تکثیر و همسانه‌سازی ژن sicl، به عنوان یک DNA واکسن صورت گرفت. ترادف ژن‌های کدکننده آنتی‌ژن از بانک ژنی ارزیابی و اپی توپهای آنها به منظور طراحی پرایمر برای ژن کایمری سنتتیک بررسی شد و تکثیر آن از طریق PCR صورت گرفت، زیر همسانه سازی ژن کایمریک چند قسمتی در وکتور بیانی یوکاریوتیک به منظور ساخت DNA واکسن انجام شد و در آخر پروتئین با روش کروماتوگرافی نیکل تخلیص و با وسترن بلات ارزیابی شد.

E. coli اتروتوکسیژنیک (EPEC) مثبت شد [۱۰]. شیوع این ارگانیزم در فصول مختلف متفاوت است. بیشترین شیوع E.coli O157:H7 در تابستان (۹۳٪) اتفاق می‌افتد. شیوع E.coli O157:H7 در نمونه‌های گوشت خام در دو استان ایران (فارس و خوزستان) بررسی که چهارده مورد (۴/۷٪) از ۲۹۵ نمونه برای E.coli O157:H7 مثبت بودند که فقط یک مورد به عنوان سروتپ E.coli O157:H7 تعیین شد [۱۱].

باکتری اشریشیاکلی اتروهومورازیک می‌تواند با تولید اینتیمین از طریق ایجاد ضایعات A/E در اثر اتصال به سلول‌های اپی‌تلیال روده میزبان، سبب بیماری در میزبان شود [۱۲، ۱۳]. اتصال مستقیم بین اینتیمین و Tir نیز ثابت شده است و ارتباط Tir و اینتیمین سرآغاز پاسخ‌های سلول میزبان برای ایجاد ضایعات هیستوپاتولوژیکی A/E است [۱۴، ۱۵]. براین اساس در این مطالعه، به منظور تولید پروتئین نوترکیب، همسانه‌سازی و بیان ژن کایمیریک *stx1* (LT، CfaB، Intimin، Stx) مدنظر قرار گرفت که بخش B حدود ۷۵ اسیدآمینه، Intimin بخش DE4 حدود ۲۸۲ اسیدآمینه، *cfaB* یکی از مونومرها، حدود ۱۴۷ اسیدآمینه و LTB بخش B حدود ۸۲ اسیدآمینه را تشکیل می‌دهند. ترادف ژن‌های کد کننده آنتی ژن از بانک ژنی ارزیابی و اپی توپهای آنها به منظور طراحی پرایمر برای ژن کایمیری سنتتیک بررسی شد و تکثیر آن از طریق PCR صورت گرفت، زیر همسانه سازی ژن کایمیریک چند قسمتی در وکتور بیانی یوکاریوتیک به منظور ساخت DNA واکسن انجام شد و در آخر پروتئین با روش کروماتوگرافی نیکل تخلیص و با وسترن بلات ارزیابی شد.

مواد و روش‌ها

سویه Enterotoxigenic E.coli BL21(DE3)، E.coli (اینویترورژن-امریکا)، E.coli DH5a (اینویترورژن-امریکا)، وکتور pcDNA3.1 (انستیتو پاستور-ایران) وکتور pET-28a (نواژن-ایران) و محیط LB (Luria Bertoni) مایع و آگار برای کشت استفاده شد.

بیماری‌زای مهم می‌تواند پاسخ‌های خنثی کننده و حفاظتی سیستم ایمنی را در پی داشته باشد [۴].

عوامل کلونیزه کننده که باعث اتصال ETEC به سلول میزبان می‌شوند متنوع هستند CFA/I تقریباً در ۱/۳ سویه‌های ETEC یافت می‌شود و از حدود ۱۰۰۰ نسخه زیر واحد CfaB به همراه یک یا چند زیر واحد CfaE تشکیل شده است مطالعات نشان داده که استفاده از عوامل کلونیزاسیون و توکسوئید، ایمنی قابل قبولی را در افراد سبب می‌شود. بر همین اساس، واکسن ETEC باید حاوی آنتی‌ژن‌های CF باشد که در بیشتر سویه‌ها یافت می‌شود [۵].

اشریشیاکلی اتروهومورازیک سویه O157H7 در انسان موجب بروز عفونت‌های روده‌ای، اسهال بدون خون‌ریزی تا التهاب شدید روده و حتی سندروم خون‌ریزی دهنده ادرار و کولیت همورازیک می‌شود. انتقال باکتری به انسان از طریق آب و غذای آلوده بوده و اصلی‌ترین مخزن این باکتری روده گاو و گوسفند است. این باکتری با اتصال به سلول‌های اپی‌تلیال روده میزبان، آسیب‌های تخریبی شدید (A/E) ایجاد و بعد از اتصال با تولید اتروتوکسین Stx آسیب‌زایی بیشتری می‌کند. سم Stx بازیر واحد B به گیرنده سلول متصل وبا زیر واحد AI و فعالیت N-گلیکوزیدازی، مانع از ساخت پروتئین در میزبان می‌شود و سلول به سمت تخریب پیش خواهد رفت. تخریب سلول‌های اندوتلیال کلیه موجب ازکارافتادن کلیه و در موارد شدید، موجب مرگ فرد مبتلا خواهد شد [۶]. در چندین مطالعه مشخص شده است که Stx می‌تواند کلونیزاسیون باکتری را به پیش برسد [۷]. فراوانی شیوع این باکتری در مناطق مختلف کشور متفاوت است. عوامل متعددی از جمله سن، وزن، زمان تولد، فصل، منطقه جغرافیایی یا محل اقامت و غیره می‌توانند به وقوع و نسبت پاتوژن روده‌ای خاص کمک کند [۸]. در مطالعه‌ای از بین ۱۲۵۷۲ نمونه ادرار کودکان بستری در بیمارستان مفید تهران، ۳۷۸ مورد باکتری E.coli جدا شد که فقط ۹ نمونه برای EHEC مثبت بود [۹]. مطالعه‌ای دیگر در شهر بابل نمونه‌های مدفوع از ۲۰۰ کودک زیر ۵ سال که به دلیل ورم معده و روده مراجعه به بیمارستان داشتند جمع‌آوری شد، ۶۸ مورد (۳۴٪) برای اشریشیاکلی اسهال‌زا مثبت بودند که ۱۸ مورد (۹٪)

کشت و ذخیره سویه‌های باکتریایی

در شرایط استریل یک لوپ از باکتری در داخل ۵ میلی‌لیتر محیط کشت LB مایع در دمای ۳۷ درجه سانتی‌گراد کشت شبانه داده شد. سپس، باکتری رشد یافته به همراه ۲۰ درصد گلیسرول استریل، پس از یکنواخت سازی کامل، در فریزر در دمای -۷۰ درجه سانتی‌گراد نگهداری شدند.

بهینه‌سازی ژن کایمیریک *sic1* و واکنش زنجیره‌ای پلیمرازی (PCR):

بر اساس توالی ژن کایمیریک *sic1* سنتز شده [۱۶، ۱۷] آغازگرهای رفت و برگشت طراحی شد. آغازگر رفت با توالی 5' CATTCTAAGCTTATGGCGACTGTGCGAAGGG 3' دارای جایگاه برش آنزیم Hind III و آغازگر برگشت با توالی 5' ATATATCTCGAGTCAGTGGTGGTGGTGGTGGT 3' دارای جایگاه برش آنزیم Xho I بود و طول محصول PCR ۱۹۹۸ جفت باز است. تکثیر ژن کایمر با واکنش PCR با آنزیم Pfu دارای خاصیت تصحیح‌کنندگی با غلظت ۱۰ پیکو مول بر میکرولیتر از هر آغازگر ۰٫۵ میکرولیت پلاسمید، 10 میلی مولار از dNTP و بافر PCR (۱۰X) همراه با کوفاکتور 4 MgSO در دمای اتصال ۶۲ درجه سانتی‌گراد بهینه‌سازی شد. محصول واکنش با DNA نشانگر ۱Kb روی ژل آگارز ۱٪ الکتروفورز شد. با استفاده از کیت خالص سازی (GeNet Bio)، محصول PCR خالص و جداسازی انجام شد.

هضم آنزیمی محصول PCR

محصول واکنش زنجیره‌ای پلیمر برای انجام واکنش الحاق و تهیه سازواره‌ای نوترکیب به کمک آنزیم‌های EcoRI و Hind III، مورد هضم آنزیمی قرار گرفت، واکنش به مدت ۲ ساعت در دمای ۳۷ درجه سانتی‌گراد قرار گرفت و محصول واکنش زنجیره‌ای پلیمراز (ژن *sic1*) روی ژل آگارز یک درصد الکتروفورز شد و قطعه به دست آمده از ژل جداسازی و با استفاده از کیت تخلیص (GeNetBio)، خالص سازی صورت گرفت.

آماده‌سازی وکتور بیان *pcDNA3.1* و اتصال ژن *sic1*

وکتور *pcDNA3.1* (انستیتو پاستور-ایران) نیز به روش قبل با دو آنزیم Xho I و Hind III هضم و روی ژل آگارز یک درصد آشکار و در نهایت خالص سازی صورت گرفت. الحاق قطعه هدف با پلاسمید برش خورده توسط (T4 DNA Ligase) (شرکت

فرمتناز- روسیه)، با نسبت مولی یک به سه انجام و به مدت ۲ ساعت در دمای ۲۲ درجه سانتی‌گراد قرار داده شد. سپس انتقال ناقل نوترکیب به درون باکتری مستعدشده *E.coli*(DH5a) به روش شوک حرارتی انجام گرفت. به منظور اطمینان از درستی کلون‌های بدست آمده، واکنش زنجیره‌ای پلیمراز برای تک کلونی‌های بدست آمده انجام شد و نتایج روی ژل آگارز یک درصد بررسی شد. پس از تخلیص پلاسمید از تک کلونی‌های منتقل شده به محیط کشت لوریا برتانی (LB) مایع مورد هضم آنزیمی دوگانه قرار گرفت و محصول روی ژل آگارز یک درصد الکتروفورز شد.

انتقال ژن به سلول HEKT293 (ترانسفکشن) و تهیه لیزات سلولی

با استفاده از کیت ترانسفکشن (TurboFect Transfection Reagent- آمریکا) بر مبنای روش‌های بیوشیمیایی، عمل انتقال توسط توربوفکت به سلول یوکاریوت (HEK 293T) انجام شد. وکتور نوترکیب فاقد توالی سیگنال پپتید بوده، انتظار این بود که پروتئین موردنظر داخل سلول باشد، بنابراین لیزات سلولی از سلول‌ها در مرحله‌نمایی رشد تهیه شد.

وسترن بلائینگ بمنظور تایید محصول پروتئینی در لاین سلولی

پس از تهیه لیزات سلولی به آن Sample بافر اضافه و روی ژل SDS-PAGE ۱۲ درصد الکتروفورز شده و روی غشای نیتروسولولوزی با استفاده از بافر انتقال (گلاسیسین ۳۹ میلی مولار، تریس ۴۸ میلی مولار، اتانول ۲۰ درصد) منتقل شد. کاغذ نیتروسولولوز در داخل بافر بلوکه‌کننده برای پوشش نواحی فاقد پروتئین (۵ گرم skim milk در ۱۰۰ میلی لیتر PBS (1X)) ۲ ساعت در ۳۷ درجه سانتی‌گراد شناور شد. در هر مرحله کاغذ نیتروسولولوز با بافر PBST (بافر PBS واجد ۰/۰۵ توئین ۲۰) شستشو داده شد. سپس آنتی بادی مونوکلونال Anti-His tag با رقت مناسب در داخل بافر PBS (1X) تهیه و روی غشا نیتروسولولوز اضافه شد و به مدت یک ساعت در انکوباتور ۳۷ درجه سانتی‌گراد قرار گرفت. در ادامه محلول DAB (دی آمینو بنزیدین) به عنوان سوبسترا روی غشای نیتروسولولوز ریخته شده و پس از ظهور باندها واکنش با آب مقطر مهار شد. نتایج بیانگر تولید و حضور پروتئین مورد نظر در سلول یوکاریوتیک بود.

بیان پروتئین نو ترکیب

پلاسمید نو ترکیب به منظور بیان ژن کایمیریک به میزبان بیانی E.coli BL21(DE3) انتقال داده شد و با استفاده از آغازگرهای اختصاصی (آغازگرهای رفت و برگشت) واکنش کلونی PCR انجام شد. کلونی های نو ترکیب حاوی ژن کایمر به محیط LB مایع حاوی آنتی بیوتیک کانامایسین منتقل شد و یک شب در انکوباتور شیکردار در دمای ۳۷ درجه سانتیگراد کشت داده شد بعد از اینکه کدورت رشد باکتری در طول موج ۶۰۰ نانومتر به ۰/۶ رسید القا با استفاده از IPTG (۱ میلی مولار) انجام و به مدت ۲ ساعت در دمای ۳۷ درجه سانتیگراد انکوباسون صورت گرفت.

تعیین حلالیت پروتئین

به منظور تخریب دیواره سلولی روش های شیمیایی، مکانیکی و آنزیمی اعمال شد. به رسوب سلولی حاصل از بیان ۲ میلی لیتر بافر لیز کننده (کلرید سدیم ۳۰۰ میلی مولار، سدیم دی هیدروژن فسفات ۵۰ میلی مولار) (pH:8) و آنزیم لیزوزیم (۵۰ میکرولیتر) اضافه و یک ساعت در دمای اتاق نگهداری شد و سپس ورتکس با Glass Bead و شکسته شدن سلول ها، به مدت ۵ دقیقه با بیشترین سرعت سانتریفیوژ و محلول رویی به عنوان فاز محلول (Native) جمع آوری شد. به رسوب حاصل از مرحله قبل ۲ میلی لیتر بافر لیز کننده (بافر اوره ۸ مولار، تریس-HCl ۱۰ میلی مولار، سدیم دی هیدروژن فسفات ۱۰۰ میلی مولار) (pH:8) اضافه و به مدت یک ساعت در دمای ۳۷ درجه سانتیگراد انکوبه شد بعد از ۵ دقیقه با بیشترین سرعت سانتریفیوژ محلول رویی به عنوان فاز نامحلول (Denature) جمع آوری شد. دو نمونه فوق روی ژل آکرل آمید ۱۲ درصد الکتروفورز شد.

تخلیص پروتئین نو ترکیب

بوسیله ستون کروماتوگرافی میل ترکیبی نیکل (Ni-NTA) و با روش دناتوراسیون (Denature) انجام گرفت. تخلیص پروتئین S1CL نیز با کمک His-tag انتهایی آمینی (که به دنبال کلون کردن ژن در ناقل pET28a به ابتدای آمینی پروتئین اضافه می شود) انجام پذیرفت. در روش دناتوره از بافرهای حاوی اوره ۸ مولار با شیب pH استفاده می شود.

بهینه سازی تخلیص پروتئین نو ترکیب

ابتدا کشت باکتری در مقیاس بالا انجام شد و مقادیر متفاوت اوره ۸ مولار و گرادیان pH مربوط به بافر Denature (بافر شستشو) مورد استفاده در ستون Ni-NTA بکار گرفته شد رسوب حاصل از سانتریفیوژ محلول باکتری با ۲ میلی لیتر اوره ۸ مولار (pH:8) همگن سازی شد و بعد از ورتکس glass beads محلول رویی به ستون Ni-NTA انتقال داده شد سپس ستون به ترتیب با ۵ میلی لیتر بافر شستشو دهنده (pH:5/7)، ۲ میلی لیتر بافر استخراج (pH:4/7)، ۵۰ میکرولیتر از بافر احیا کننده روی ستون ریخته و خروجی های ستون روی ژل SDS-PAGE ۱۲ درصد الکتروفورز شد.

تعیین غلظت پروتئین

پروتئین بیان شده از روش برادفورد و با استفاده از آلبومین سرم گاوی (BSA) تعیین غلظت شد.

وسترن بلا تینگ به منظور تأیید پروتئین بیان شده

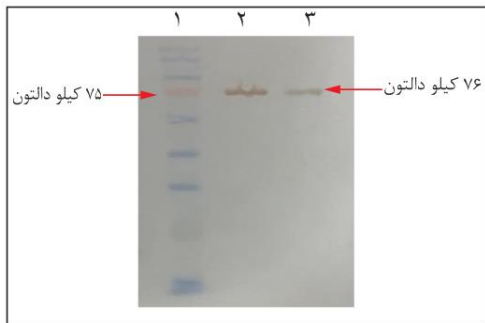
بیان پروتئین تخلیص شده با تکنیک وسترن بلا تینگ توسط آنتی بادی Anti-His tag متصل با HRP تأیید شد. پروتئین طبق روش وسترن بلا تینگ روی غشای سلولوزی قرار گرفت که نتایج بیانگر تولید و حضور پروتئین بیان شده است.

نتایج

همسانه سازی ژن sic1

سازه ژنی sic1 کلون شده در pET28a استخراج پلاسمید شد، واکنش زنجیره ای پلیمرز توسط پرایمرهای اختصاصی ژن sic1 انجام شد محصول PCR روی ژل آگارز به طول 2000 bp مشاهده شد. گرادیان دمایی واکنش PCR با آنزیم PFU برای دقت بالا در تصحیح و تکثیر ژن انجام شد (شکل ۱). به منظور تخلیص وکتور pcDNA3.1 از میزبان E.coli DH5a استفاده شد. پس از تکثیر ژن sic1 و تخلیص پلاسمید، با دو آنزیم XhoI و Hind III مورد هضم قرار گرفتند (شکل ۲). الحاق ژن sic1 به پلاسمید برش خورده، توسط آنزیم T4 DNA ligase انجام و عمل تراریختی در میزبان E.coli DH5a به وسیله روش شوک حرارتی انجام شد.

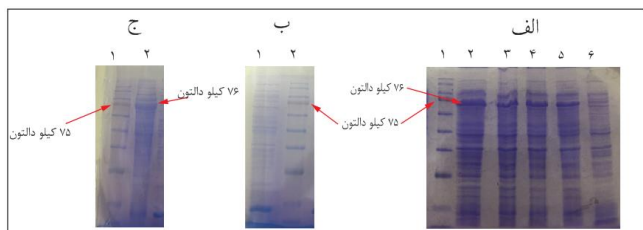
روی غشای سلولوزی قرار گرفت که نتایج بیانگر تولید و حضور پروتئین مورد نظر در سلول یوکاریوتیک بود. (شکل ۲).



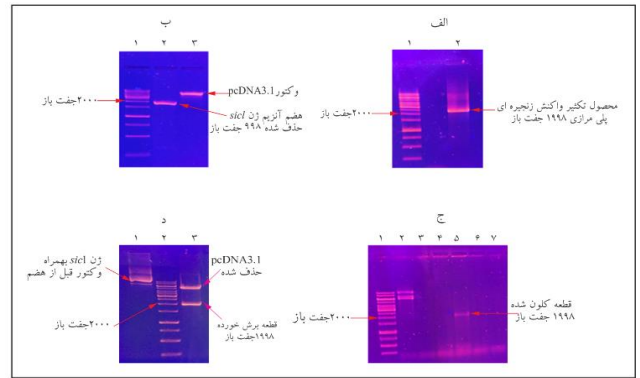
شکل ۲) تایید محصول پروتئینی با تکنیک وسترن بلاتینگ در لاین سلولی (ترنسفکشن).

چاهک ۱: نشانگر وزن پروتئین، چاهک ۲: کنترل مثبت، چاهک ۳: نمونه بعد از بیان که یک باند در محدوده ۷۶ کیلودالتون مشاهده میشود.

به منظور بررسی بیان ژن نو ترکیب *sic1*، پس از کشت سلولها و القاء با IPTG بیان روی ژل SDS-PAGE ۱۲ درصد حضور یک باند در محدوده ۷۶ کیلو دالتون را نشان داد. به منظور بررسی حلالیت پروتئین، القاء بیان در یکی از کلونها، انجام شد. پس از شکستن باکتریها و جداسازی فاز محلول و نامحلول هر یک از این فازها به صورت جداگانه روی ژل SDS-PAGE بررسی و همان گونه که مشاهده می شود پروتئین مورد نظر در فاز نامحلول بیان می شود و بیانگر آن است که پروتئین تشکیل اجسام انکلوژنی می دهد (شکل ۳).



شکل ۳) نتایج بیان قطعه ژنی *sic1* در ناقل pET28a با استفاده از IPTG یک میلی مولار روی SDS-PAGE ۱۲ درصد، تعیین وضعیت حلالیت در فاز محلول، تعیین وضعیت حلالیت در فاز نامحلول



شکل ۱) واکنش زنجیره ای پلیمرز با آنزیم، هضم آنزیمی ژن *sic1* و وکتور pcDNA3.1، آنالیز اولیه کلون ها توسط آزمایش کلونی PCR، هضم آنزیمی پلاسمید استخراج شده

الف) واکنش زنجیره ای پلیمرز با آنزیم Taq DNA پلیمرز، چاهک ۱: نشانگر اندازه گیری DNA، چاهک ۲: نمایاگر تصویر ژن *sic1*

ب) هضم آنزیمی ژن *sic1* و وکتور pcDNA3.1. چاهک ۲: نمونه ژن *sic1*، و چاهک ۳: نمایاگر تصویر وکتور pcDNA3.1 که هردو توسط آنزیم های محدودکننده XhoI و Hind III برای ایجاد انتهای چسبیده، هضم شده و بصورت خطی درآمده است. ج) آنالیز اولیه کلون ها توسط آزمایش کلونی PCR، چاهک ۱: نشانگر اندازه گیری DNA، چاهک ۳: کنترل منفی، چاهک ۵: عمل الحاق ژن *sic1* به وکتور به درستی انجام شده است و چاهک ۴-۶-۷ کلون ها صحیح نبوده است. د) هضم آنزیمی پلاسمید استخراج شده، چاهک ۱: ژن *sic1* به همراه وکتور چاهک ۳: محصول هضم آنزیمی

بیان، تخلیص و تایید پروتئین کایمر

به منظور تایید همسانه هایی که حاوی ژن *sic1* هستند واکنش کلونی PCR با پرایمر اختصاصی انجام شد (شکل ۱). هضم آنزیمی پلاسمیدهای همسانه به منظور تایید همسانه سازی با آنزیم هایی که برای همسانه سازی استفاده شد (شکل ۱).

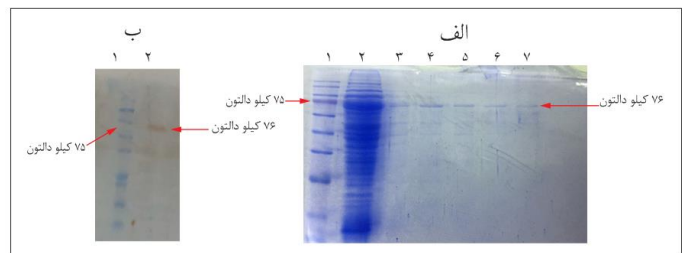
برای بیان در سلول یوکاریوتیک ابتدا لیزات سلولی از سلولها در مرحله نمایی رشد تهیه و به آنها بافر نمونه اضافه شد و روی ژل SDS-PAGE ۱۲ درصد بررسی و طبق روش وسترن بلاتینگ

بحث

باکتری‌های بیماری‌زای روده‌ای مانند ETEC و EHEC از عوامل عمده ایجاد اسهال هستند. درمان‌های موجود شامل "آب رسانی" و درمان آنتی‌بیوتیکی به دلیل مشکلات بهداشتی و نیز ایجاد مقاومت آنتی‌بیوتیکی پاسخگوی نرخ بالای بیماری نیست همچنین این موضوع که سم این باکتری‌ها عامل اصلی بیماری‌زایی آن‌ها است، اثبات شده است. از این رویک برنامه واکسیناسیون مناسب می‌تواند باعث کاهش مرگ‌ومیر ناشی از این بیماری باشد ETEC عامل ۴۵-۲۵ درصد موارد اسهال مسافران هستند [۱۹]. سویه ETEC نیز با استفاده از عوامل کلونیزه کننده و سموم روده‌ای می‌تواند در میزبان تکثیر شده و باعث ایجاد اسهال شود [۲۰]. کاندیدای واکسن مناسب علیه ETEC باید توانایی ایجاد پاسخ ایمنی مخاطی در روده را داشته باشد. استفاده از عامل کلونیزاسیون و توکسوئید، ایمنی قابل قبولی در افراد سبب می‌شود. واکسن ETEC باید حاوی آنتی‌ژن‌های CF باشد که در بیشتر سویه‌ها یافت می‌شود [۱۲۰]. شیوع باکتری سویه EHEC O157:H7 در انگلستان از سال ۱۹۹۴ تا ۲۰۰۰ تقریباً به دو برابر رسیده است. آلودگی به این باکتری محدود به کشورهای غربی نشده و پراکندگی آن در سراسر جهان از جمله ایران نیز گزارش شده است عمده این آلودگی‌ها مربوط به گوشت و شیر آلوده است [۲۱] گاهی این میکروارگانیسم به صورت غیر علامت‌دار در دستگاه گوارش گاوها زندگی می‌کنند. و می‌تواند به صورت دائم از دستگاه گوارش این حیوانات دفع شود. استفاده از فضولات دامی برای مصارف کشاورزی (کودهای طبیعی) نقش مؤثری در انتشار باکتری دارد [۱۸]. این باکتری‌ها روند بیماری‌زایی مشابهی دارند و در دو مرحله به ایجاد ضایعات و ایجاد بیماری می‌پردازند. در مرحله اول با استفاده از فیمبریا، به سلول‌های میزبان متصل و عملکرد سلول را مختل و علائم بیماری را ایجاد میکند. در مرحله بعد با تولید سموم میکروبی روی سلول‌های مجاور و همچنین با منتقل شدن این سموم به بافت‌های دورتر (نظیر کلیه)، سایر علائم را از خود بروز می‌دهند [۲۲]. با ایجاد اختلال در مرحله اول مانع از اتصال باکتری‌ها به میزبان شده و می‌توان انتظار داشت که مراحل بعدی بیماری نیز رخ ندهد.

الف) نتایج بیان قطعه ژنی sic1 در ناقل pET28-a با استفاده از IPTG یک میلی مولار روی ژل SDS-PAGE ۱۲ درصد. چاهک ۱: نشانگر وزن پروتئین، چاهک ۲، ۳، ۴ و ۵: عصاره پروتئینی باکتری کلونی شماره ۲ O/N پس از القا. چاهک ۶: عصاره پروتئینی باکتری حاوی پلاسمید sic1 pET28-a پیش از القا. ب) تعیین وضعیت حالیت. چاهک ۱: نشانگر وزن پروتئین. چاهک ۲: عصاره پروتئینی باکتری در فاز محلول. ج) تعیین وضعیت حالیت، چاهک ۱: نشانگر وزن پروتئین چاهک ۲: عصاره پروتئینی باکتری در فاز نامحلول.

خالص سازی پروتئین نوترکیب به روش دناتوره (مقادیر متفاوت از بافر لیزکننده حاوی اوره ۲ مولار) انجام و با استفاده از ستون کروماتوگرافی Ni-NTA در گرادیان pH تخلیص و نمونه‌های خروجی از ستون روی ژل SDS-PAGE بررسی شد. درستی پروتئین نوترکیب تولید شده با وسترن بلات و استفاده از آنتی‌بادی ضد هیستیدین بررسی و با عدم مشاهده باند غیر اختصاصی تایید شد. غلظت پروتئین نوترکیب به روش براردفورد با منحنی استاندارد ارزیابی و محاسبه شد (شکل ۴).



شکل ۴) الکتروفورز پروتئین نوترکیب خالص شده با ستون Ni-

NTA روی ژل اکریل آمید، تایید محصول پروتئینی

با تکنیک وسترن بلاتینگ

الف) الکتروفورز پروتئین نوترکیب خالص شده با ستون Ni-NTA روی ژل اکریل آمید. چاهک ۱: نشانگر وزن پروتئین نمونه، چاهک ۲: پروتئین قبل از تخلیص، چاهک ۳: خروجی ستون، چاهک ۴: شستشو با بافر شستشو pH: ۵/۵، چاهک ۵ تا ۷: شستشو با بافر استخراج، چاهک ۸: شستشوی ستون با بافر احیا کننده. ب) تایید محصول پروتئینی با تکنیک وسترن بلاتینگ.

جداسازی هر چهار قسمت از یکدیگر هستند. ساختار پروتئین کایمر حاصل به کمک نرم افزار I-TASSER بررسی شد و نتایج حاصل نشان داد که از نظر پایداری و همچنین ساختار mRNA و نیز ساختار دوم و سوم پروتئین در وضعیت مناسبی دارد سپس همسانه‌سازی و بیان ژن کایمریک (sicl (Intimin, CfaB, LT) ، صورت گرفت و پروتئین کایمر نو ترکیب SICL تولید و بیان ژن کایمر هم داخل رده سلولی بررسی و هر دو توسط وسترن بلائینگ مورد تایید قرار گرفتند. در اهداف بعدی می‌توان برای تولید و بهینه‌سازی DNA واکسن از این یافته‌ها بهره برد.

تشکر و قدردانی

بدینوسیله از دانشگاه علوم پزشکی بقیه الله (عج) مرکز تحقیقات میکروبیولوژی کاربردی که ما را در انجام این پژوهش یاری نمودند صمیمانه تشکر می‌نمایم

منابع

1. Sears, C.L. and J.B. Kaper, Enteric bacterial toxins: mechanisms of action and linkage to intestinal secretion. *Microbiological reviews*, 1996. 60(1): p. 167.
2. Clarke, S.C., Diarrhoeagenic *Escherichia coli*—an emerging problem? *Diagnostic microbiology and infectious disease*, 2001. 41(3): p. 93-98.
3. Brooks, G.F., J.S. Butel, and S.A. Morse, *Jawetz, Melnick, & Adelberg's medical microbiology 2004*: Lange Medical Books/McGraw-Hill, Medical Pub. Division.
4. Karaman, S., J. Cunnick, and K. Wang, Expression of the cholera toxin B subunit (CT-B) in maize seeds and a combined mucosal treatment against cholera and traveler's diarrhea. *Plant cell reports*, 2012. 31(3): p. 527-537.
5. Bourgeois, A.L., T.F. Wierzbica, and R.I. Walker, Status of vaccine research and development for enterotoxigenic *Escherichia coli*. *Vaccine*, 2016. 34(26): p. 2880-2886.
6. Schüller, S., Shiga toxin interaction with human intestinal epithelium. *Toxins*, 2011. 3(6): p. 626-639.
7. Mohawk, K.L., et al., Neutralizing antibodies to Shiga toxin type 2 (Stx2) reduce colonization of mice by Stx2-expressing *Escherichia coli* O157: H7. *Vaccine*, 2010. 28(30): p. 4777-4785.
8. Al Jarousha, A.M.K., M.A. El Jarou, and I.A. El Qouqa, Bacterial enteropathogens and risk factors associated with childhood diarrhea. *The Indian Journal of Pediatrics*, 2011. 78(2): p. 165-170.
9. Navidinia, M., et al., Study prevalence of verotoxigenic *E. coli* isolated from urinary tract infections (UTIs) in

زیر واحد B دو سم LT و Stx دارای فعالیت ادجوانتی هستند که باعث تحریک مضاعف سیستم ایمنی و استفاده هم‌زمان آن‌ها این اثر را بیش‌تر خواهد نمود [۷] به نظر می‌رسد آنتی‌بادی‌های مخاطی فاکتورهای لازم و نه کافی برای کاهش کلونیزاسیون در روده گاو باشند و بنابراین بخشی از کمبود کارایی واکسن‌ها به فقر آنتی‌بادی ویژه آنتی‌ژن در سطوح مخاطی روده‌ای مربوط است [۲۱]. با توجه به اهمیت نقش کلیدی توکسین‌های نامبرده (StxB, Intimin, CfaB, LtB) در پاتوژنیسته عوامل باکتریائی بیماری‌های روده‌ای و مطالعاتی که نشان دهنده پاسخ‌های حفاظتی مناسب ناشی از ایمنی‌زایی مناسب توسط آن‌ها هست، طراحی و به کارگیری یک کاندید واکسن با ساختار ژنی چند گانه در برگیرنده ناحیه اتصالی این ژن‌ها بر مبنای مطالعات بیوانفورماتیکی مورد توجه قرار گرفت. در زمینه واکسن‌های مبتنی بر اسیدهای نوکلئیک در مورد اجزای فوق این مطالعه جدید و کاربردی است. در مطالعه فیروززبراهیمی و همکاران در سال ۲۰۱۸ یک واکسن نو ترکیب حاوی پروتئین‌هایی از باکتری هایشیگلا دیسانتری EHEC,ETEC در باکتری *E.coli* بیان و ایمنی هومورال آن در موش مورد بررسی قرار گرفت که مشخص شد کاندیدای خوبی می‌تواند باشد [۲۳]. در مطالعه‌ای در سال ۲۰۱۸ شهرام نظریان و همکاران پروتئین کایمر نو ترکیب EspA-Stx2b-Intimin را تولید و ایمنی‌زایی آن را علیه *E.coli* O157H7 ارزیابی نمودند که پاسخ ایمنی هومورال در موش را تقویت نمود. در مطالعه‌ای در سال ۲۰۱۷ آیتک نوین روز و همکاران یک پروتئین کایمر متشکل از *E.coli* O157H7 OmpA-LTB را تولید و ایمنی‌زایی آن را بررسی نمودند [۲۴]. در مطالعه‌ای در سال ۲۰۰۹ تیسسیا بنتانکور و همکاران DNA یک واکسن بر علیه Enterohemorrhagic *Escherichia coli* تولید نمودند و ایمنی‌زایی آن را در موش بررسی کردند [۲۵].

نتیجه‌گیری

با توجه به بررسی‌های مطالعات سال‌های گذشته مشاهده شد که پژوهش انجام شده با استفاده از DNA واکسن کاربردی و جدید است. در این مطالعه برای جداسازی قطعات ژنی از لینکر استفاده و بررسی‌های بیوانفورماتیکی نشان داد که قادر به

18. McNeilly, T.N., et al., *Escherichia coli* O157: H7 colonization in cattle following systemic and mucosal immunization with purified H7 flagellin. *Infection and immunity*, 2008. 76(6): p. 2594-2602.
19. Svennerholm, A.-M. and J. Tobias, Vaccines against enterotoxigenic *Escherichia coli*. *Expert review of vaccines*, 2008. 7(6): p. 795-804.
20. Odumosu, O., et al., AB toxins: a paradigm switch from deadly to desirable. *Toxins*, 2010. 2(7): p. 1612-1645.
21. Aslani, M.M. and S. Bouzari, An epidemiological study on Verotoxin-producing *Escherichia coli* (VTEC) infection among population of northern region of Iran (Mazandaran and Golestan provinces). *European journal of epidemiology*, 2003. 18(4): p. 345-349.
22. Nataro, J.P. and J.B. Kaper, Diarrheagenic *Escherichia coli*. *Clinical microbiology reviews*, 1998. 11(1): p. 142-201.
23. Ebrahimi, F., et al., Designing a Recombinant Vaccine Containing Three Bacterial Proteins of EHEC, ETEC, and shigella Dysentery Antigens in *E. coli* and Evaluation of its Humoral Immunity in *Mic*. *Journal of Mazandaran University of Medical Sciences*, 2018. 27(157): p. 1-16.
24. Novinrooz, A., et al., In-silico design, expression, and purification of novel chimeric *Escherichia coli* O157: H7 OmpA fused to LTB protein in *Escherichia coli*. *PLoS One*, 2017. 12(3): p. e0173761.
25. Bentancor, L.V., et al., A DNA vaccine encoding the enterohemorrhagic *Escherichia coli* Shiga-like toxin 2 A2 and B subunits confers protective immunity to Shiga toxin challenge in the murine model. *Clin Vaccine Immunol*, 2009. 16(5): p. 712-8.
- an Iranian children hospital. *The open microbiology journal*, 2012. 6: p. 1.
10. Moshtagian, F., M. Alipour, and Y. Yahyapour, Prevalence of *Escherichia coli* pathotypes among children with diarrhea in Babol, Northern Iran. *Int J Enteric Pathog*, 2016. 4(3): p. 1-4.
11. Rahimi, E., H.R. Kazemeini, and M. Salajegheh. *Escherichia coli* O157: H7/NM prevalence in raw beef, camel, sheep, goat, and water buffalo meat in Fars and Khuzestan provinces, Iran. in *Veterinary Research Forum*. 2012. Faculty of Veterinary Medicine, Urmia University, Urmia, Iran.
12. DeVinney, R., D.G. Knochel, and B.B. Finlay, Enteropathogenic *Escherichia coli*: cellular harassment. *Current opinion in microbiology*, 1999. 2(1): p. 83-88.
13. Orden, J., et al., Typing of the *eae* and *espB* genes of attaching and effacing *Escherichia coli* isolates from ruminants. *Veterinary microbiology*, 2003. 96(2): p. 203-215.
14. Torres, A.G., X. Zhou, and J.B. Kaper, Adherence of diarrheagenic *Escherichia coli* strains to epithelial cells. *Infection and immunity*, 2005. 73(1): p. 18-29.
15. Khalouie, F., et al., Immunogenic evaluation of chimeric recombinant protein against ETEC, EHEC and *Shigella*. *Molecular Biology Research Communications*, 2017. 6(3): p. 101.
16. Jeshvaghani, F.S., et al., Oral immunization with a plant-derived chimeric protein in mice: Toward the development of a multipotent edible vaccine against *E. coli* O157: H7 and ETEC. *Immunobiology*, 2019. 224(2): p. 262-269.
17. Karimi Rahjerdi, A., et al., Immunogenic Evaluation of Bivalent Vaccine Candidate against Enterohemorrhagic and Enterotoxigenic *Escherichia coli*. *Iranian Journal of Immunology*, 2019. 16(3): p. 200-211.