

شناسایی کنه‌ها و گونه‌های تیلریا و بائیزیا در بزها با دوروش بیولوژی ملکولی و گسترش خونی: مطالعه استانی در شهرستان مشهد

مجید خداوردی ازغندی^۱ غلامرضارزمی^{۲*}

(۱) دانش آموخته، دانشکده دامپزشکی دانشگاه فردوسی مشهد، مشهد-ایران
(۲) گروه پاتوبیولوژی، دانشکده دامپزشکی دانشگاه فردوسی مشهد، مشهد-ایران
(دریافت مقاله: ۲۴ آبان ماه ۱۳۹۳، پذیرش نهایی: ۲۰ دی ماه ۱۳۹۳)

چکیده

زمینه مطالعه: بائیزوز و تیلریوز از بیماری‌های مهم انگلی تک یاخته‌ای هستند که توسط کنه‌های سخت منتقل شده و باعث بروز زیان‌های اقتصادی در صنعت دامپروری می‌گردند. **هدف:** این مطالعه با هدف شناسایی مولکولی آلودگی بائیزیا و تیلریا در بزها و کنه‌های ناقل در شهرستان مشهد انجام گرفت. **روش کار:** ۱۰۰ نمونه خون بز و همچنین تعداد ۲۴۹ کنه سخت از گله‌های با تاریخچه آلودگی به پیروپلاسموز، جمع‌آوری شدند. نمونه‌ها در شرایط سرد به آزمایشگاه منتقل گردید. از نمونه‌های خون گسترش تهیه شده و با گیمسان رنگ آمیزی گردید و با میکروسکوپ نوری مورد آزمایش قرار گرفتند. کنه‌ها با استفاده از کلیدهای تشخیص موجود شناسایی شدند. کنه‌ها بر حسب جنس و گونه و جنسیت به مجموعه‌های ۵ تایی تقسیم گردید. نمونه‌های خون، غدد بزاقی و تخمدان کنه‌ها، با استفاده از پرایمرهای اختصاصی دو تک یاخته تیلریا و بائیزیا مورد آزمایش PCR قرار گرفتند. **نتایج:** در این مطالعه، در بررسی میکروسکوپی گسترش‌های خونی، هیچ‌گونه نمونه مشکوک به اجرام پیروپلاسمایی مشاهده نشد. از مجموع ۲۴۶ کنه به ترتیب ریپی سفالوس تورائیکوس ۱۲۷ (۵۱/۶٪)، درماستور مارژیناتوس ۶۷ (۲۷/۲٪)، هیالوما مارژیناتوم ۴۴ (۱۷/۹٪)، ریپی سفالوس سنگوئینوس ۴ (۱/۶٪)، هیالوما آنتولیکوم ۲ (۰/۸٪)، هیالوما آسپاتیکوم ۱ (۰/۴٪)، همافیزالین سولکاتا ۱ (۰/۴٪) شناسایی شدند. کنه غالب در منطقه ریپی سفالوس تورائیکوس تشخیص داده شد. نتایج آزمایشات ملکولی نشان دهنده عدم آلودگی همه نمونه‌های خون بز به تیلریا و بائیزیا بودند. تنها در غدد بزاقی کنه هیالوما مارژیناتوم آلودگی به تیلریا تشخیص داده شد. **نتیجه‌گیری نهایی:** بر اساس نتایج میکروسکوپی و ملکولی هیچ‌گونه آلودگی تیلریایی و بائیزیایی در بزهای شهرستان مشهد بدست نیامد. همچنین در این مطالعه کنه ریپی سفالوس تورائیکوس کنه غالب آلوده‌کننده در بزهای این شهرستان بود. نتایج ملکولی فقط آلودگی غدد بزاقی هیالوما مارژیناتوم را به تیلریا تأیید نمود.

واژه‌های کلیدی: بائیزیا، بز، شناسایی ملکولی، تیلریا

مقدمه

دو بیماری تیلریوز و بائیزوز در اغلب نواحی ایران در بین نشخوارکنندگان کوچک و بزرگ شایع بوده و تعدادی از کنه‌های سخت بعنوان ناقلین اصلی مطرح هستند (۲، ۵). بیماری‌های مزبور با علائم تب بی‌اشتهایی، ضعف، کم‌خونی در نشخوارکنندگان همراه است. زردی و هموگلوبینوری کمتر در بزها رخ می‌دهد. تورم غدد لنفاوی یکی از علائم بارز تیلریوز است. درجات مرگ و میر و واگیری می‌تواند بالا باشد (۱۷). دو گونه اصلی بائیزیا اویس و بائیزیا موتازی در گوسفند، باعث آلودگی بزها می‌گردند. بائیزیا کراسا در ایران و بعضی کشورها از جمله ترکیه گزارش شده که عفونت زاست اما احتمالاً برای بزها غیر بیماری‌زا می‌باشد (۴). بائیزیا تیلوری از هند گزارش شده که برای بزها بیماری‌زا است (۱۷). گونه‌های بائیزیا اویس و بائیزیا موتازی از گونه‌های بیماری‌زا و شایع گوسفند و بز ایران است (۴، ۹، ۱۱).

تیلریوز در بزها کمتر مورد مطالعه قرار گرفته است و بیشتر تحقیقات درباره تیلریوز در گوسفند انجام شده است. آلودگی بزها با گونه‌های تیلریا نشخوارکنندگان کوچک کمتر معمول بوده و بزها نسبت به بعضی گونه‌های بیماری‌زا در گوسفند مقاوم هستند (۲، ۱۷، ۱۸). گونه‌های بیماری‌زا

در گوسفند و بز شامل تیلریا گونه چین، تیلریا لستوکاردی (هیرسی) و گونه‌های غیر بیماری‌زا شامل تیلریا سپراتا، تیلریا اویس است. در ایران دو گونه تیلریا اویس و تیلریا لستوکاردی (تیلریا هیرسی) در گوسفند گزارش شده است. عفونت به تیلریا لستوکاردی بیماری شدیدی در گوسفند ایجاد نموده به طوری که میزان واگیری و تلفات خیلی بالا می‌باشد اما عفونت با تیلریا اویس تنها ممکن است باعث کاهش تولید فرآورده‌های دامی شود (۱۷، ۱۸).

در ایران وجود بیماری‌های تیلریوز و بائیزوز در بز بر مبنای مشاهدات در مانگاهی توسط دامپزشکان جای تردید دارد و نیازمند اطلاعات دقیق اپیدمیولوژیک در خصوص وضعیت این بیماری‌ها در بز می‌باشد. پرورش بز در نواحی گرم و خشک و کوهستانی استان خراسان از اهمیت بالایی برخوردار است و بطور تقریبی جمعیت بزها حدود یک چهارم جمعیت گوسفندان استان بوده و در کنار گوسفندان در گله‌های نگهداری می‌شوند. بدلیل نحوه نگهداری، بیماری‌های عفونی از جمله بائیزوز و تیلریوز به راحتی بین این دو جمعیت هم‌زمان انتشار می‌یابد به طوری که کنترل و پیشگیری بیماری‌های عفونی شایع بین این دو دام بدون اطلاع دقیق از میزان شیوع و بروز بیماری در هر دو جمعیت امکان‌پذیر نیست. از



آزمایش قرار گرفتند (۱۶). در مرحله اول این روش، با استفاده پرایمرهای یونیورسال برگرفته از ژن 18 S RNA با توالی (F) 3'-CACAGGGAGGTAGTGACAAG-5' (R) و 3'-AAGAATTTACCTCTGACAG 5'-آلودگی نمونه‌ها به جنس تیلریا و بابزیا تعیین گردید. محصول PCR مربوط به بابزیا بر روی ژل آگاروز ۱٪/۱۷، باندی با سایز ۴۰۲-۳۸۹ جفت باز و در محصول PCR مربوط به تیلریا باندی با سایز ۴۳۰-۴۲۶ جفت باز را تشکیل می‌دهند. در مرحله دوم محصول PCR نمونه‌های مثبت تیلریا یا پرایمرهای اختصاصی مربوط به تیلریا لستوکاردی به توالی (F) 3'-ATTGCTTGTGTCCTCCG-5' و 3'-AAGAATTTACCTCTGACAG-5' (R) و تیلریا اویس به توالی (F) 3'-TTGCTTTTGCTCCTTACGAG-5' و 3'-AAGAATTTACCTCTGACAG-5' (R) و نمونه‌های مثبت بابزیا یا پرایمرهای اختصاصی بابزیا اویس به توالی (F) 3'-GTCTGCGCGGCCTTTGCG 5'- و 3'-AAGAATTTACCTCTGACAG 5'- بابزیا موتازی به توالی (F) 3'-CGCGATTCCGTTATTGGAG-5' و 3'-AAGAATTTACCTCTGACAG 5'- مورد آزمایش قرار گرفتند. در آزمایش PCR از (PCR PreMix تولید شرکت BIO NEER) استفاده شد. به هر لوله ۱۱ μL از هر کدام از پرایمرها، ۱۱ μL از DNA و در انتها ۱۷ μL آب مقطر اضافه شد تا حجم نهایی به ۲۰ μL رسید. برنامه Semi nested PCR در دو مرحله یکسان بود و روی دستگاه ترموسیکلر (Bio Rad Mj-Mini) به شرح ذیل تنظیم گردید: واسرشت اولیه به مدت ۵ دقیقه در ۹۵°C، سپس ۳۵ چرخه حرارتی طبق برنامه‌ای شامل ۴۵ ثانیه واسرشت در ۹۵°C، اتصال پرایمرها به الگوبه مدت ۴۵ ثانیه در ۵۶°C و تکثیر به مدت ۴۵ ثانیه در ۷۲°C و آخرین چرخه ۱۰ دقیقه در ۷۲°C بود. در هر آزمایش PCR حداقل یک تیوب واجد خون غیر آلوده به عنوان کنترل منفی و خون آلوده به عنوان کنترل مثبت استفاده گردید.

نتایج

در بررسی میکروسکوپی گسترش‌های خونی رنگ آمیزی شده، از ۱۰۰ نمونه خونی اخذ شده در هیچیک از نمونه‌ها، آلودگی به پیروپلاسم مشاهده نشد. از مجموع ۲۴۶ کنه جمع آوری شده به ترتیب کنه‌های ریپی سفالوس تورانیکوس و درماستور مارژیناتوس و هیالوما مارژیناتوم دارای بیشترین فراوانی بودند (جدول ۱). با انجام آزمایش PCR-Seminested نمونه‌های خون بز، هیچگونه آلودگی بابزیایی و تیلریایی در بزها مشاهده نگردید. نتایج مولکولی انجام شده روی نمونه‌های DNA استخراج شده از غدد بزاقی و تخمدان‌های کنه‌های جمع‌آوری شده از بزهای خونگیری شده، مؤید یک مورد آلودگی به تیلریا (جنس) در غدد بزاقی کنه هیالوما مارژیناتوم در مرحله اول آزمایش PCR-Seminested بود (تصویر ۱). نتیجه این نمونه در مرحله دوم آزمایش با استفاده از

آنجائی که تاکنون مطالعات بسیار اندکی در خصوص بابزیوز و تیلریوز در بزهای ایران از جمله خراسان صورت گرفته است در این مطالعه سعی گردید آلودگی به بابزیا و تیلریا در بزها و کنه‌های ناقل در شهرستان مشهد با روش مولکولی مورد شناسایی قرار گیرد تا براساس این اطلاعات بتوان برنامه ریزی صحیح در جهت کنترل و پیشگیری بابزیوز و تیلریوز در گوسفند و بز در شهرستان مشهد انجام داد.

مواد و روش کار

با استناد به آمار دامی اداره دامپزشکی خراسان رضوی، جمعیت بز شهرستان مشهد به تعداد ۳۲۲۷۵ رأس می‌باشد. در این مطالعه نمونه برداری از بزها از چهار منطقه جغرافیایی شامل منطقه کارده در شمال، منطقه میامی و جاده سرخس در شرق، ابارشک و جاده نیشابور در جنوب غرب و آبقد و گوارشک در غرب شهرستان مشهد، از اول خرداد تا پایان تیر همزمان با اوج پارازیتمی این بیماریها به مدت دو ماه، از ۱۳ گله دارای سابقه رخداد بیماری در گوسفندان، با توجه به کانون‌های بیماری مورد تأیید اداره دامپزشکی و تأیید دامداران در بروز همه ساله بیماری در گله‌ها، نمونه برداری انجام گرفت. ابتدا بزها از نظر حضور علائم بالینی این دو بیماری مورد معاینه قرار گرفته و پس از ثبت اطلاعات مورد نیاز، خونگیری از ورید و داج انجام شد و ۳ cc خون اخذ و به لوله حاوی EDTA منتقل گردید. همزمان از خون ورید مارژینال گوش نیز گسترش نازک تهیه گردید. در مجموع از مناطق مختلف شهرستان تعداد ۱۰۰ نمونه خون جمع آوری شد. بلافاصله بعد از خونگیری، با بازرسی تمامی قسمت‌های بدن هر بز، کنه‌های موجود از روی دام خونگیری شده، عمدتاً از زیر دم و اطراف شاخ، برداشت شده و تعداد ۲۴۶ کنه از بزها جمع آوری شد. نمونه‌های خون و کنه در یخدان قرار گرفتند و به آزمایشگاه دانشکده دامپزشکی انتقال داده شد و آنگاه نمونه‌های خون در فریزر با دمای ۲۰- تا زمان انجام آزمایشات نگهداری گردید. گسترش‌های خونی تهیه شده پس از انتقال به آزمایشگاه رنگ آمیزی شده و با عدسی روغنی میکروسکوپ نوری، ۳۰ شان میکروسکوپی از هر گسترش مورد بررسی قرار گرفت. تعداد کنه‌های هر گله به تفکیک نر و ماده شمارش گردید و سپس جنس و گونه کنه‌های جمع‌آوری شده با استفاده از کلیدهای تشخیص کنه‌های سخت شناسایی گردید (۱۹). کنه‌های شناسایی شده بر حسب جنس و گونه، به مجموعه‌های ۵ تایی تقسیم شدند و غدد بزاقی و تخمدان کنه‌های جمع‌آوری شده با استفاده از ابزار حشره شناسی و لوپ آزمایشگاهی خارج گردید. در مجموع ۴۸ مجموعه غده بزاقی و تخمدان جمع‌آوری و تا زمان آزمایش در دمای ۲۰- نگهداری گردید.

DNA نمونه‌های خون در EDTA و غدد بزاقی و تخمدان‌های استخراج شده کنه‌ها با استفاده از کیت تجاری (شرکت سینازن - تهران) مطابق دستور العمل کیت، مورد استخراج قرار گرفتند. نمونه‌های DNA استخراج شده با روش Semi nested-PCR با روش شایان و رهبری مورد



جدول ۱. فراوانی کنه‌های جمع‌آوری شده از بزهای شهرستان مشهد.

جنس و گونه کنه	نر	ماده	جمع	درصد فراوانی
ریبی سفالوس تورانیکوس	۵۶	۷۱	۱۲۷	۵۱/۶
درماستور مارژیناتوس	۳۲	۳۵	۶۷	۲۷/۲
هیالوما مارژیناتوم	۲۰	۲۴	۴۴	۱۷/۹
ریبی سفالوس سینگوینوس	۴	۰	۴	۱/۶
هیالوما آتالیوکیوم	۲	۰	۲	۰/۸
هیالوما آسیاتیوم	۱	۰	۱	۰/۴
همافیالیس سولکاتا	۱	۰	۱	۰/۴
جمع	۱۱۶	۱۳۰	۱۴۶	۱۰۰



تصویر ۱. نتایج آزمایش مرحله اول Seminested-PCR غدد بزاقی کنه‌های جمع‌آوری شده از جمعیت بز شهرستان مشهد. ستون ۱: کنترل منفی، ستون M: مارکر، ستون ۲: کنترل مثبت (واجد محصول ۴۳۰ جفت باز)، ستون ۳: نمونه مثبت.

پرایمرهای اختصاصی تیلریا و اویس و لستوکاردی منفی بودند.

بحث

تاکنون مطالعات بسیار اندکی در خصوص بابزیوز و تیلریوز در بزها صورت گرفته در صورتیکه مطالعات نسبتاً زیادی در گوسفند انجام یافته که همگی حکایت از آلودگی بابزیایی و تیلریایی در گوسفند دارند (۶، ۱۰، ۱۳، ۱۴، ۱۵، ۲۰) و بیشتر نتایج حاصله از تحقیقات این بیماریها در گوسفندان به بزها تعمیم داده شده است.

در این بررسی در ارزیابی میکروسکوپی گسترش‌های خونی رنگ آمیزی شده هیچگونه آلودگی به بیروپلاسم‌ها مشاهده نشد، همچنین همه نمونه‌ها در آزمایش PCR نیز منفی بودند. تاکنون مطالعات معدودی درباره این بیماریها در بزهای ایران انجام شده است. در مطالعه انجام شده در سال ۱۳۷۵ در شهرستان مشهد، میزان آلودگی بابزی در ۳۸۵ نمونه برداری شده ۱۴/۸٪ گزارش شد که از این میزان ۱۴٪ آلوده به بابزی‌اویس و ۵/۰٪ آلوده به بابزی‌اموتازی بود (۱۲). در این مطالعه تعیین‌گونه‌های بابزی صرفاً بر مبنای مشاهدات میکروسکوپی بوده است. در مطالعه دیگری در استان مازندران، بر مبنای مشاهده میکروسکوپی گسترش‌های خونی

تهیه شده، میانگین آلودگی بزها به بابزی، ۲۲/۲۷٪ تعیین گردید (۱۵). در مطالعه دیگری پس از نمونه برداری از ۷۱۵ گوسفند و بز کوچ رو در اصفهان طی دو سال، میزان آلودگی گوسفندها و بزها به بابزی به ترتیب ۲۱/۲۶٪ و ۱۵/۶٪ گزارش گردید (۸). مقایسه نتایج این مطالعات با نتایج مطالعه حاضر مبنی بر عدم مشاهده آلودگی بابزی در بزها و وجود تفاوت بسیار فاحشی است که نیاز به مطالعه بیشتر دارد.

تاکنون مطالعه میکروسکوپی و مولکولی در خصوص آلودگی تیلریایی در بزهای ایران انجام نشده است. به همین دلیل امکان مقایسه آن با مطالعات مشابه وجود نداشت. در حالیکه در کشور ترکیه میزان آلودگی تیلریایی در بزها با روش میکروسکوپی طی دو مطالعه ۲/۸۸٪ تا ۵/۶۲٪ و با روش مولکولی ۱۱/۲٪ تعیین شد و در همین مطالعات با روش مولکولی، میزان آلودگی بزها به بابزی‌اویس ۰/۷٪ و میزان آلودگی به تیلریا اویس ۹/۹٪ گزارش گردید (۱۰۳). همچنین میزان آلودگی تیلریایی در بزهای پاکستان با روش میکروسکوپی ۳/۸٪ گزارش شده است (۷).

در مطالعه حاضر فون کنه‌ای بزهای نمونه برداری شده مورد مطالعه قرار گرفت. نتایج بدست آمده نشان دهنده آلودگی بالای بزها به ریپی سفالوس تورانیکوس، درماستور مارژیناتوس و هیالوما مارژیناتوم بودند. نتایج بدست آمده با نتایج مطالعات انجام شده در شهرستان مشهد که سه گونه ریپی سفالوس سنگوینوس، هیالوما مارژیناتوم و درماستور بعنوان کنه‌های غالب در نشخوارکنندگان کوچک مشهد گزارش گردیدند (۱۱، ۱۲) تاحدودی مشابه است، اگرچه در مطالعه حاضر کنه غالب ریپی سفالوس تورانیکوس می باشد.

در این مطالعه فقط در غدد بزاقی کنه هیالوما مارژیناتوم آلودگی به جنس تیلریا تعیین گردید. با توجه به عدم واکنش مثبت نسبت به پرایمرهای اختصاصی گونه‌های تیلریا گوسفند، این کنه در مراحل قبلی زندگی خود آلوده به گونه‌ای از تیلریا مربوط به میزبان دیگر شده است. در یک مطالعه مولکولی که اخیراً روی کنه‌های ناقل تیلریا و بابزی در گوسفندان استان خراسان انجام شد، کنه ریپی سفالوس تورانیکوس و کنه هیالوما مارژیناتوم بعنوان ناقلین تیلریا در گوسفندان مورد تأیید قرار گرفته است (۱۰). از آنجائیکه شناسایی گونه‌ها و ناقلین بیماری بابزیوز و تیلریوز در بزها به روش مولکولی برای اولین بار در این استان صورت گرفته است پیشنهاد می‌گردد مطالعات مشابهی با استفاده از روش‌های مولکولی در مناطق مختلف استان خراسان رضوی و ایران برای مقایسه با نتایج بدست آمده در این مطالعه صورت گیرد.

تشکر و قدردانی

از کارشناسان بخش انگل‌شناسی آقایان آذری و عشرتی که در عملیات آزمایشگاهی پروژه کمک ارزنده‌ای نمودند، تشکر می‌گردد.



References

1. Altay, K., Aktas, M., Dumanli, N. (2007) Theileria infections in small ruminants in the east and southeast Anatolia. *Türkiye Parazitoloj Derg.* 31: 268-271.
2. Anwar, M. (1974) Geographical distribution of blood protozoan parasites of ruminants in Iran. *Bull Off Int Epizoot.* 81: 793-798.
3. Fahri, S., Serpil, N., Bayram, A.Y., Ayse, C., Zafer, K. (2009) Epidemiological studies on sheep and goat theileria infection Ankara. *Kafkas Univ Vet Fak Derg.* 56: 127-129.
4. Hashemi-Fesharaki, R., Uilenberg, G. (1981) *Babesia crassa* n.sp. (*Sporozoa, Babesiidae*) of domestic sheep in Iran. *Vet Q.* 3: 1-8.
5. Hashemi-Fesharaki, R. (1997) Tick-borne disease of sheep and goats and their related vectors in Iran. *Parasitology.* 39: 115-117.
6. Heidarpour-Bami, M., Haddadzadeh, H.R., Kazemi, B., Khazraïinia, P., Bandehpour, M., Aktas, M. (2009) Molecular identification of ovine *Theileria* species by a new PCR-RFLP method. *Vet Parasitol.* 161: 171-177.
7. Nausheen, I., Qayyum, M., Hussain, M., Qasim Khan, M. (2010) Prevalence of tick infestation and theileriosis in sheep and goat. *Pak Vet J.* 30: 178.
8. Noaman, V., Jahangirnezhad, A.A., Nabinezhad, A.A.R. (2005) A study on prevalence and identification of *Babesia* spp. in immigrant sheep & goats and nomadic people of isfahan province. *Pajouhesh va Sazandegi.* (In Persian). 18: 35-41.
9. Ranjbar-Bahadori, S., Eckert, B., Omidian, Z., Shirazi, N.S., Shayan, P. (2011) *Babesia ovis* as the main causative agent of sheep babesiosis in Iran. *Parasitol Res.* 110: 1531.
10. Rashidi, A., Razmi, G.R. (2012) Molecular detection of *Theileria* spp. in sheep and vector ticks in the North Khorasan Province, Iran. *Trop Anim Health Prod.* 45: 299-303.
11. Razmi, G.R., Naghibi, A., Aslani, M., Fathivand, M., Dastjerdi, K. (2002) An Epidemiological study on ovine babesiosis in the mashhad suburb area, province of khorasan, Iran. *Vet Parasitol.* 108: 109-115.
12. Razmi, G.R., Naghibi, A., Aslani, M.R., Dastjerdi, K., Hossieni, H. (2003) An epidemiological study on Babesia infection in small ruminants in Mashhad suburb, Khorasan Province, Iran. *Small Rumin Res.* 50: 39-44.
13. Razmi, G.R., Eshrati, H., Rashtibaf, M. (2006) Prevalence of *Theileria* spp. infection in sheep in South Khorasan province, Iran. *Vet Parasitol.* 140: 239-43.
14. Sadeghi Dehkordi, Z., Zakeri, S., Nabian, S., Bahonar, A., Ghasemi, F., Noorollahi, F. (2010) Molecular and biomorphometrical identification of ovine babesiosis in Iran. *Iran J Parasitol.* 5: 21-30.
15. Ziapour, P., Esfandiari, B., Youssefi, M.R. (2008) Study of the prevalence of babesiosis in domesticated animals with suspected signs in Mazandaran province, North of Iran, During 2008. *J Anim Vet Adv.* 10: 712-714.
16. Shayan, P., Rahbari, S. (2005) Simultaneous differentiation between *Theileria* spp. and *Babesia* spp. On stained blood smear using PCR. *Parasitol Res.* 97: 281-286.
17. Soulsby, E.J.L. (1982) *Helminths Arthropods and Protozoa of Domesticated Animals.* London: Baillier Tindall and Cassel Ltd. London, UK.
18. Smith, M.C., Sherman, D.M. (2009) *Goat Medicine.* (2nd ed.) Wiley-Blackwell. Iowa. New York, USA.
19. Walker, A., Camicas, J., Bouattour, A., Estrada-pana, A. (2004) *Ticks of Domestic Animals in the Mediterranean Region.* (1st ed.) University of Zaragoza Press. Zaragoza, Spain.
20. Zaeemi, M., Haddadzadeh, H., Khazraïinia, P., Kazemi, B., Bandehpour, M. (2011) Identification of different *Theileria* species (*Theileria lestoquardi*, *Theileria ovis*, and *Theileria annulata*) in naturally infected sheep using nested PCR-RFLP. *Parasitol Res.* 108: 837-43.



Identification of *Babesia* and *Theileria* species in goats and ticks with smear observation and molecular examination in Mashhad, Khorasan Razavi province, Iran

Khodaverdi Azghandi, M.¹, Razmi, Gh.R.^{2*}

¹Graduated from the Faculty of Veterinary Medicine, Ferdowsi University of Mashhad, Mashhad-Iran

²Department of Pathobiology, Faculty of Veterinary Medicine, Ferdowsi University of Mashhad, Mashhad-Iran

(Received 15 November 2014, Accepted 10 January 2015)

Abstract:

BACKGROUND: Babesiosis and Thosis are parasitic tick-borne diseases that cause a lot of economic loss in livestock industry. **OBJECTIVES:** The purpose of the present study was to detect *Babesia* and *Theileria* infection in goats and vector ticks in goats in Mashhad. **METHODS:** One hundred blood samples of goats and 246 ticks were collected from some suspected flocks with history of piroplasmosis. The samples were transported to laboratory under cold condition. Blood smears were prepared and stained by Geimsa method and examined with a light microscope at $\times 1000$ magnitude. The collected ticks were separated into tick pools of five according to their species and sex. The blood, salivary gland and ovaries of tick samples were examined using specific primers of *Babesia*.spp and *Theileria*.spp by semi nested-PCR. **RESULTS:** Piroplasm bodies were not observed in any blood samples of goat in Mashhad. In a total of 246 collected ticks, seven species were identified as follows: *R. turanicus* 127(51.6%), *D. marginatus* 67 (27.2%), *Hy. marginatum* 44 (17.9%), *R. sanguinicus* 4(1.6%), *Hy. anatolicum* 2(0.8%), *Hy. asiaticum* 1(0.4%) and *Heam. sulcata* 1(0.4%). Dominant tick species of goats in Mashhad suburb were *R. turanicus* and *D. marginatus*. The results of PCR showed that none of the blood samples were infected with *Babesia* spp. and *Theileria* spp. Also, *Theileria* infectoin was detected in a sample salivary glands of *Hy. marginatum*. **CONCLUSIONS:** Based on microscopic and molecular results, no *Theileria* spp. and *Babesia* spp. infection were detected in goats. *R. turanicus* was the dominant tick species and *Theileria* spp. infection was detected in one sample of *Hy. marginatum*.

Key words: *Babesia*, goat, molecular identification, *Theileria*

Figure Legends and Table Captions

Table 1. Frequency of collected hard ticks in goats of Mashhad area.

Figure 1. The Result of semi-nested PCR-examination (first stage) on Tick's Salivary glands .lane 1, negative control, (M) Lane M, 100 bp DNA ladder marker, Lane2, positive control DNA sample of *Theileria* spp (430 bp), lane 3: DNA samples of salivary glands



*Corresponding author's email: razmi@um.ac.ir, Tel: 051-38763851, Fax: 051-38763852

J. Vet. Res. 70, 1:1-5, 2015