

فراوانی نسبی ژن کد کننده عامل پنتون والننتین لکوسیدین در استافیلوکوک اورئوس مقاوم به متی‌سیلین جدا شده از خون و زخم در شهر زاهدان

حامد طهماسبی*، محمد بکائیان

گروه میکروب شناسی، دانشگاه علوم پزشکی زاهدان، زاهدان، ایران

تاریخ وصول: ۱۳۹۵/۲/۱۱ تاریخ پذیرش: ۱۳۹۵/۶/۸

مقدمه

زمینه و هدف: پنتون- والننتین لکوسیدین یک توکسین از خانواده گاما توکسین در *استافیلوکوک اورئوس* محسوب می‌شود. ممکن است یک ارتباط بین *استافیلوکوکوس اورئوس* مقاوم به متی‌سیلین و پنتون - والننتین لکوسیدین، که یک سیتوتوکسین مهم خصوصاً در عفونت‌های شدید است، وجود داشته باشد. هدف از این مطالعه، جداسازی و شناسایی ژن عامل لکوسیدین پنتون- والننتین از ایزوله های استافیلوکوکوس اورئوس مقاوم به متی‌سیلین با استفاده از تکنیک PCR از نمونه‌های خون بود.

روش بررسی: در این مطالعه توصیفی- مقطعی، ۸۹ ایزوله *استافیلوکوک اورئوس* از نمونه‌های خون و زخم طی ۶ ماه از بیمارستان علی‌ابن‌ابی‌طالب زاهدان جمع‌آوری شد. در ابتدا نمونه‌های مورد مطالعه به وسیله تست‌های مختلف بیوشیمیایی مورد بررسی قرار گرفتند و بر اساس استانداردهای تشخیصی ایزوله‌های *استافیلوکوک اورئوس* جداسازی شدند. جهت تأیید ایزوله‌های به دست آمده از ژن 16srRNA استفاده شد. حساسیت ایزوله‌ها نسبت به آنتی‌بیوتیک‌ها بر اساس دستورالعمل موسسه استاندارد آزمایشگاهی بالینی بررسی شد. سپس با استفاده از روش سفوکسیتین (۳۰ میکروگرم) دیسک دیفیوژن نمونه‌های مقاوم به متی‌سیلین غربالگری شد و سپس ژن‌های *PVL* و *mecA* به وسیله آزمایش PCR مورد شناسایی قرار گرفت. داده‌های جمع‌آوری شده با استفاده از آزمون اماری مجذورکای تجزیه و تحلیل شدند.

یافته‌ها: از مجموع ۸۹ ایزوله *استافیلوکوک اورئوس* ۲۶ ایزوله از زخم و ۶۳ ایزوله از خون جداسازی شد. بیشترین نمونه‌های به دست آمده از بیماران زن به دست آمد. با توجه به نتایج آزمایش‌های مولکولی، ۴۷ ایزوله (۵۲/۸۲ درصد) دارای ژن *mecA* و مقاوم به متی‌سیلین و ۴۲ ایزوله (۴۷/۲) حساس به متی‌سیلین بودند. همچنین، ۱۶ ایزوله به عنوان حامل ژن *PVL* شناسایی شد که از این میان ۱۳ ایزوله مقاوم به متی‌سیلین و ۳ ایزوله حساس به متی‌سیلین بودند. مقاومت به ونکومايسين در هیچ یک از ایزوله‌ها مشاهده نشد. بیشترین مقاومت نسبت به اریترومايسين و پنی‌سیلین در بین ایزوله‌ها مشاهده شد. سویه‌های دارای مقاومت چندگانه دارای بیشترین فراوانی از نظر ژن *PVL* بودند. همچنین ارتباط معنی داری بین مقاومت و حضور ژن پنتون والننتین مشاهده شد ($p = 0.0043$).

نتیجه‌گیری: با توجه به فراوانی ژن‌های *mecA* و *PVL* در سویه‌های مقاوم و حساس استافیلوکوک اورئوس و پراکنش بالای ژن عامل پنتون والننتین در سویه‌های مقاوم، بر اساس آنالیزهای آماری، می‌توان نتیجه گرفت که ممکن است بین این دو ژن ارتباطی وجود داشته باشد.

واژه‌های کلیدی: پنتون- والننتین لکوسیدین، استافیلوکوک اورئوس، مقاومت آنتی بیوتیکی

* نویسنده مسئول: حامد طهماسبی، زاهدان، دانشگاه علوم پزشکی زاهدان، دانشکده پزشکی، گروه میکروب شناسی

Email: h.tahmasebi87@yahoo.com

مقدمه

و در نتیجه سبب لیز شدن لکوسیت‌ها و نکروز بافت می‌شود(۸). همه این موارد باعث می‌شود که این توکسین در خون بیشترین مقدار آسیب و تخریب لکوسیتی را ایجاد کند در باکتری‌هایی با منشأ استافیلوکوک‌های اورئوس حامل این توکسین، شاهد ضایعات بیشتری خواهیم بود(۹). عدم فاگوسیت شدن استافیلوکوک‌های دارای PVL شانس زنده ماندن آنها در برابر سیستم ایمنی را افزایش داده و شرایط مناسبی را برای مقاومت باکتری در مقابل درمان به وجود می‌آورد(۱۰). سویه‌های استافیلوکوک اورئوس مقاوم به متی‌سیلین (MRSA)^(۱) یکی از مهم‌ترین سویه‌های متعلق به این گونه می‌باشد که به آنتی‌بیوتیک‌های متعددی از کلاس‌های بتالاکتامی و سفالوسپورینی مقاومت پیدا کرده‌اند. در برخی موارد، حضور ژن‌های عامل مقاومت، مانند *mecA* که مقاومت به متی‌سیلین را کد می‌کند، ممکن است با ژن‌های عامل توکسین در سویه‌های مقاوم همراه شوند(۱۱). در دهه ۱۹۸۰ مقاومت به متی‌سیلین شایع شد و به سرعت رو به افزایش نهاد، به طوری که در این سال‌ها MRSA به عنوان یکی از مشکلات مهم بالینی و اپیدمیولوژیک در بیمارستان‌ها درآمد(۱۲). طبق آماري که سازمان پیشگیری و کنترل بیماری‌های عفونی (CDC)^(۳) در سال ۲۰۰۴ منتشر نمود ۵۹/۵ درصد از مراکز بهداشتی درمانی ایالات متحده حداقل یک‌بار، موردی از MRSA را گزارش کرده‌اند(۱۳). حضور ژن *mecA* منجر به

لکوسیدین پنتون والننتین (PVL)^(۱) یکی از فاکتورهای بیماری‌زا در باکتری استافیلوکوک اورئوس می‌باشد(۱). پانتون و والننتین توکسین پنتون والننتین را در سال ۱۹۳۲ در سویه‌های استافیلوکوک اورئوس ۷₈ شناسایی کردند. این توکسین از یک بیمار مبتلا به فورونکوزیس جدا شده بود(۳ و ۲). پنتون والننتین یک لکوسیدین و توکسین گاما در استافیلوکوکوس اورئوس می‌باشد که شامل اجزای مختلفی از جمله دو جزء پروتئینی S (38KDa) و F (32KDa) است که به وسیله ژن‌های *LukS.PV* و *Lukf.PV* کنترل و بیان می‌شود(۴). PLV علیه غشای خارجی سلول‌های مورفونوکلئور، مونوسیت‌ها و ماکروفاژهای انسانی وارد عمل شده و متناسب با غلظت توکسین، باعث باز شدن کانال‌های کلسیم، نکروز و هم‌چنین آپوپتوزیس لکوسیت‌های انسانی می‌گردد(۵). سویه‌های استافیلوکوکوس اورئوسی که از نظر حضور PVL مثبت هستند، به مراتب از شدت بیشتری در امر بیماری‌زایی برخوردار هستند، به طوری که این توکسین با ایجاد مقاومت در مقابل فاگوسیتوز قدرت تهاجمی استافیلوکوک را افزایش می‌دهد(۶). پنتون- والننتین لکوسیدین در برخی موارد با ضایعات پوستی و آبسه‌های پوستی و عفونت‌های نکروتیک شدید همراه می‌باشند(۷). این توکسین علیه گلبول‌های سفید پلی‌مورفونوکلئور و ماکروفاژها عمل میکند و باعث افزایش قدرت نفوذپذیری غشاء سلولی

1- Valentine(PLV) Leucocidin Panton
2- methicillin-resistant Staphylococcus aureus
3- Centers for Disease Control and Prevention

بروز استافیلوکوک اورئوس‌های مقاوم به متی‌سیلین می‌شود (۱۴). ژن *mecA* بر روی یک المنت ژنتیکی سیار قرار دارد که به آن کاست کروموزومی *mec* استافیلوکوکی می‌گویند (۱۵). ژن *mecA* باعث بیان شدن پروتئین PBP2a در باکتری شده و مانع اتصال آنتی‌بیوتیک به باکتری شده و در نتیجه اثر آن را خنثی می‌کند (۱۷ و ۱۶). این ویژگی خاص کاست ژنی ممکن است زمینه انتقال برخی ژن‌ها همراه با ژن *mecA* را ایجاد کند (۱۸). حضور برخی ژن‌های عامل توکسین‌ها در کنار ژن‌های عامل مقاومت مانند *mecA* در برخی سویه‌های مقاوم به متی‌سیلین دیده شده است که احتمال این امر را افزایش می‌دهد (۲۰ و ۱۹). به دلیل حضور فعال باکتری استافیلوکوک اورئوس مقاوم به متی‌سیلین در برخی باکتریمی‌های خطرناک و همچنین احتمال وجود ارتباط این ژن با ژن *PVL*، هدف از این مطالعه شناسایی ژن‌های *mecA* و *PVL* در استافیلوکوکوس اورئوس جدا شده از نمونه‌های کشت خون بود.

روش بررسی

در این مطالعه توصیفی-مقطعی، طی یک دوره ۶ ماهه ۱۸۹ نمونه خون و ۹۳ نمونه از زخم و خون بیماران مشکوک به باکتریمی و عفونت‌های باکتریایی بستری در بخش‌های مختلف و بیماران مراجعه کننده به مراکز درمانی دانشگاه علوم پزشکی شهر زاهدان در سال ۱۳۹۴ جمع‌آوری شد. روش نمونه‌گیری بر اساس روش آسان و دردسترس و غیرتصادفی

صورت گرفت و معیار ورود و خروج هم عفونت‌های ایجاد شده در زخم و خون به وسیله باکتری‌ها تعیین شد. نمونه‌های جمع‌آوری شده خون داخل بطری‌های کشت خون (biomerieux فرانسه) ریخته و بعد از انکوبه‌گذاری ۲۴ ساعته در دمای ۳۷ درجه سانتی‌گراد، بر روی محیط شکلات آگار (Merck آلمان) کشت داده شد و مجدداً با شرایط فوق گرم‌خانه‌گذاری شد. نمونه‌های زخم هم بعد از کشت بر روی محیط بلاداگار با ۵ درصد خون گوسفندی مورد بررسی کلنی قرار گرفت. کلنی‌های به دست آمده داخل میکروتیوب‌های پلاستیکی درب دار که حاوی محیط ترانسپورت BHI (Merck آلمان) با ۱۰ درصد گلیسرول بود، تلقیح و برای انجام آزمایش‌های تکمیلی و تشخیصی دقیق‌تر به آزمایشگاه میکروبی‌شناسی دانشکده پزشکی دانشگاه علوم پزشکی زاهدان منتقل شد و تا زمان انجام آزمایش‌ها، نمونه‌ها در دمای ۲۰- درجه سانتی‌گراد نگهداری شد.

نمونه‌های به دست آمده بر روی محیط Blood Agar (Merck آلمان) پایه که با ۵ درصد خون تازه گوسفندی غنی شده بود، به صورت خطی کشت داده شد و به مدت ۲۴ ساعت در دمای ۳۷ درجه انکوبه شد. پس از مشاهده کلنی‌ها، رنگ‌آمیزی گرم انجام و کوکسی‌های گرم مثبت جداسازی شدند. با استفاده از تست‌های بیوشیمیایی استاندارد، شناسایی ایزوله‌های استافیلوکوکوس اورئوس انجام شد. در نهایت ۱۷۰ ایزوله استافیلوکوک اورئوس بعد از انجام

میکروگرم، کلیندامایسین ۲ میکروگرم، ریفامپین ۵ میکروگرم (همگی Mast انگلستان) با استفاده از روش Kirby-Bauer Disk Diffusion، انجام شد. در این روش، برای به حداقل رساندن آلودگی، دیسک‌ها با فواصل مناسب به وسیله دستگاه Disc Dispenser (Mast انگلستان) روی سطح پلیت قرار داده شد. بعد از ۲۴ ساعت گرمخانه گذاری در دمای ۳۵°C، قطر هاله‌های عدم رشد با استفاده از آخرین نسخه CLSI مورد بررسی قرار گرفتند.

به منظور استخراج DNA، ابتدا ایزوله‌های بالینی که به وسیله تست‌های بیوشیمیایی اولیه و رشد و عدم رشد در محیط‌های اختصاصی تأیید شده را روی محیط Blood agar (Merck آلمان) با ۵ درصد خون گوسفند، کشت مجدد داده شد و در دمای ۳۷ درجه سانتی‌گراد به مدت ۲۴ ساعت انکوبه شد. سپس یک کلنی از هر ایزوله کشت داده شده به ۵ میلی‌لیتر محیط کشت Loria Bertani Broth (Merck آلمان) که قبلاً درون لوله‌های درب دار شیشه‌ای به تعداد ایزوله‌ها تقسیم و شماره‌گذاری شده بودند، تلقیح شد و در دمای ۳۷ درجه سانتی‌گراد به مدت ۲۰ ساعت انکوبه گردید. ۱/۵ سی سی از محیط کشت حاوی باکتری را، درون میکروتیوب‌های درب‌دار سپس ۱/۵ سی‌سی پلاستیکی (Biofill کره) ریخته شد. در این پژوهش از کیت‌های استخراج DNA شرکت سینا ژن ایران استفاده شد و طبق پروتوکل ارائه شده به وسیله شرکت سازنده، سایر مراحل انجام گرفت. محصولات به دست آمده DNA بعد از کنترل کیفی به وسیله

آزمایش‌های افتراقی از مجموع ۴۷۰ نمونه جمع‌آوری شده به دست آمد.

جهت بررسی استافیلوکوکس اورئوس مقاوم به متی‌سیلین، بعد از تهیه محلول نیم مک فارلند و کشت بر روی محیط Mueller Hinton agar (Merck آلمان) با ضخامت ۵ میلی‌متر دیسک سفوکسیتین ۳۰ میکروگرم و اوگزاسیلین ۱ میکروگرم (هر دو MAST انگلستان) را با یک پنس استریل بر روی محیط قرار داده و به مدت ۲۴ ساعت انکوبه شد. بر اساس جدیدترین معیار CLSI در صورتی که قطر هاله ایجاد شده نسبت به دیسک سفوکسیتین بیشتر از ۲۱ میلی‌متر باشد به عنوان استافیلوکوک اورئوس حساس به سفوکسیتین در نظر گرفته شدند و در صورتی که قطر هاله نسبت به دیسک سفوکسیتین کمتر از ۲۱ میلی‌متر باشد، ایزوله استافیلوکوک اورئوس مقاوم به سفوکسیتین و قطر هاله ایجاد شده نسبت به دیسک اوگزاسیلین بیشتر از ۲۱ میلی‌متر باشد به عنوان استافیلوکوک اورئوس حساس به اوگزاسیلین در نظر گرفته شدند (۲۷). در این مطالعه از سویه استافیلوکوک اورئوس ATCC33591 به عنوان سویه استاندارد کنترل مثبت و از سویه استاندارد استافیلوکوک اورئوس ATCC25923 به عنوان کنترل منفی استفاده شد (۲۸).

الگوی تعیین حساسیت آنتی‌بیوتیکی ایزوله‌های بالینی به ۸ آنتی‌بیوتیک بتالاکتام شامل ونکومایسین ۳۰ میکروگرم، سفازولین ۳۰ میکروگرم، اریترومایسین ۱۵ میکروگرم، پنی سیلین ۱۰ واحد، تتراسایکلین ۳۰ میکروگرم، سیپروفلوکساسین ۵

الکتروفورز ژل آگارز ۱ درصد، در دمای ۲۰- برای انجام کارهای مولکولی ذخیره سازی شد.

پرایمرها از شرکت ژن فناوران (ایران) که به وسیله شرکت دانمارکی TAG Copenhagen ساخته شد، تهیه گردید. در این پژوهش از پرایمرهای با الگوی نوکلئوتیدی

Luk-PV-1 (5'-ATCATTAGGTAATAATGCTGGACATGATCCA-3')

و Luk-PV-2 (5'-GCATCAAGTGTATTGGATAGCAAAAGC-3') به

طول ۴۳۳ جفت باز برای ژن *PVL* لکوسیدین

پنتون-والنتین استفاده شد. هم‌چنین برای

تکثیر ژن *mecA* توالی نوکلئوتیدی

MecA1 (5'-GTAGAAATGACTGAACGTCGGATAA-3') و

MecA2 (5'-CCAATCCACATTGTTTCGGTCTAA-3') به

طول ۳۱۰ جفت باز مورد استفاده قرار گرفت. برای

تأیید ایزوله‌های به دست آمده از نظر

مثبت بودن جنس و نوع هم از پرایمرهای

Staph756F (5'-AACTCTGTTATTAGGAAGAACA-3') و

Staph750R (5'-CCACCTTCCTCCGGTTTGTACC-3') به

طول ۷۵۶ جفت باز برای تکثیر ژن *16S rRNA* بهره

گرفته شد.

برای انجام واکنش MultiplexPCR، ۵۰

میکرولیتر از محلول نهایی شامل؛ ۲ میکرولیتر از DNA

الگو، ۱ میکرولیتر از هر پرایمر با غلظت ۱۰ پیکومولار و

۲۵ میکرولیتر از مستر میکس (Ampliqon دانمارک)

استفاده شد. برای رساندن به حجم نهایی از آب مقطر

دیونیزه استفاده شد (۱۴). سپس آزمون PCR برای

ژن‌های *lukS/F-PV*، *16S rRNA* و *mecA* با استفاده از

دستگاه ترموسایکلر (BioRad آمریکا)، انجام شد.

سیکل‌های دمایی مورد استفاده در این آزمون برای

ژن‌های فوق به ترتیب واسرشتگی اولیه ۹۴ درجه ۱۰

دقیقه، واسرشتگی ثانویه ۹۴ درجه ۳۰ ثانیه، اتصال

پرایمر ۵۷ درجه سانتی‌گراد ۴۵ ثانیه و طویل‌سازی

اولیه در ۷۲ درجه سانتی‌گراد به مدت ۷۵ ثانیه در ۲۵

سیکل انجام شد. در این مطالعه از روش Multiplex PCR

برای بالا بردن سرعت و دقت کار، استفاده شد. در

این آزمون از سویه‌های استاندارد استافیلوکوک

اورئوس ATCC25923 برای کنترل منفی ژن‌های *lukS/F-*

PV و *mecA* استفاده شد.

به دلیل استفاده از تکنیک Multiplex و مشاهد

بهتر باندها به صورت تفکیک شده و بدون اسمیر از

ژل آگارز ۳ درصد استفاده شد. برای این کار ۵

میکرولیتر از محصول نهایی PCR در ژل آگارز ۳

درصد در بافر ۵X/۰ به مدت ۴۵ دقیقه الکتروفورز

گردید. برای دادن خاصیت فلورسانت به ژل هنگام

تهیه ژل به آن ۵ میکرولیتر محلول (Gel Red Biotium)

آمریکا) اضافه شد. نتیجه نهایی به وسیله دستگاه

Gel Documentation system CCD (کیاژن ایران) بررسی و

مورد تجزیه و تحلیل قرار گرفت. از مارکر

۱۰۰ bp فرمنتاز (Thermofisher آمریکا) برای تخمین

اندازه باندهای مورد نظر استفاده شد.

داده‌های جمع‌آوری شده با استفاده از

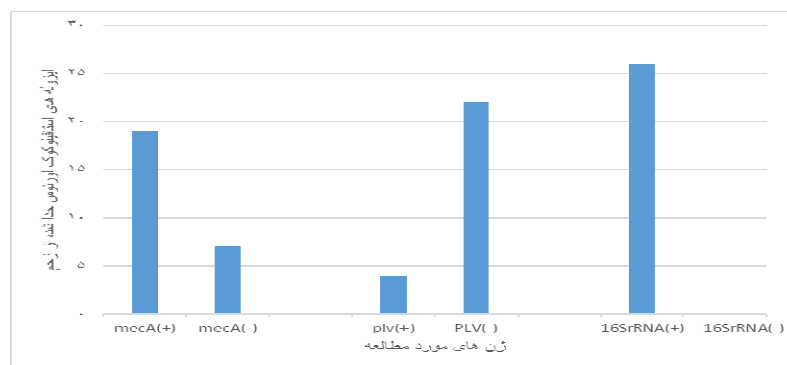
نرم‌افزار SPSS و آزمون‌های آماری مربع کای تجزیه

و تحلیل شدند.

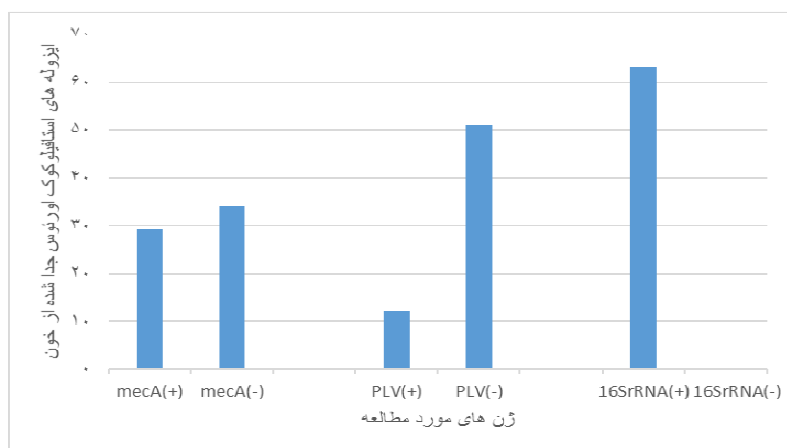
یافته ها

از ۱۸۹ نمونه خون گرفته شده از بیماران مشکوک به باکتری می و ۹۳ نمونه زخم مشکوک به عفونت های استافیلوکوکی، ۸۹ ایزوله استافیلوکوک اورئوس جداسازی شد. بیشترین نمونه های زخم گرفته شده از مردان و بیشترین نمونه خون گرفته شده از زنان به دست آمد. از مجموع این ۸۹ ایزوله استافیلوکوک اورئوس، ۶۳ ایزوله از خون و ۲۶ ایزوله از زخم جداسازی شدند جدول ۱. در غربالگری اولیه به وسیله روش دیسک دیفیوژن سفوکسیتین (۳۰ میکروگرم) نمونه ها برای مقاومت به متی سیلین مورد بررسی قرار گرفتند. برای تأیید کردن همه ایزوله های به دست آمده از نظر جنس و گونه از ژن *16S rRNA* استفاده شد. که از ۸۹ ایزوله شناسایی شده به وسیله تست های بیوشیمیایی و محیط کشت های اختصاصی، استافیلوکوک اورئوس بودند. (نمودار ۱ و ۲). هم چنین بعد از انجام آزمایش های مولکولی که به صورت Multiplex PCR انجام گرفت، ۴۷ ایزوله دارای ژن *mecA* و ۴۲ ایزوله فاقد این ژن بودند. از نظر حضور ژن *PVL* هم، ۱۶

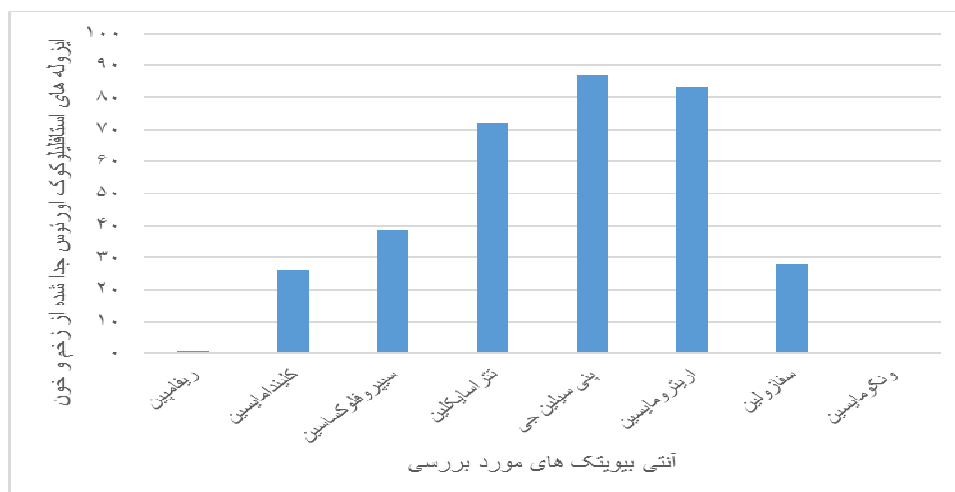
ایزوله دارای این ژن که ۱۳ ایزوله هر دور ژن *mecA* و *PVL* را با هم داشتند، شکل ۱. بیشترین مقاومت آنتی بیوتیکی مربوط به پنی سیلین که مقاومتی بیش از ۹۵ درصد مشاهده شد و کمترین مقاومت مربوط به آنتی بیوتیک و نکومایسین بود که هیچ ایزوله بالینی مقاوم به این آنتی بیوتیک نبودند، نمودار ۳. بیشترین مقاومت آنتی بیوتیکی مربوط به نمونه های گرفته شده خون و سپس زخم بود. ایزوله هایی که از نظر ژن *mecA* و *PVL* مثبت بودند به تمامی آنتی بیوتیک های مورد استفاده برای تعیین حساسیت آنتی بیوتیکی به جر و نکومایسین مقاوم بودند، نمودار ۳. در بررسی های انجام شده تنها ۳ ایزوله استافیلوکوک اورئوس حساس به متی سیلین دارای ژن *PVL* بودند. علاوه بر این، از ایزوله هایی که فاقد ژن *PVL* بودند، ۱۹ ایزوله دارای ژن *mecA* و ۴۴ ایزوله فاقد ژن *mecA* بودند (نمودار ۲ و ۱). با بررسی آماری مشخص شد که ارتباط معنی داری بین ایزوله هایی که مقاومت فنوتیپی و ژنوتیپی دارند و ژن *PVL* وجود دارد (جدول ۲).



نمودار ۱: توزیع فراوانی ژن های *16SrRNA*، *mecA* و *PVL* در ایزوله های استافیلوکوک اورئوس جدا شده از زخم



نمودار ۲: توزیع فراوانی ژن های 16SrRNA ، mecA و PVL در ایزوله های استافیلوکوک اورئوس جدا شده از خون



نمودار ۳: توزیع فراوانی حساسیت آنتی بیوتیک های مختلف در ایزوله های استافیلوکوک اورئوس جدا شده از زخم و خون

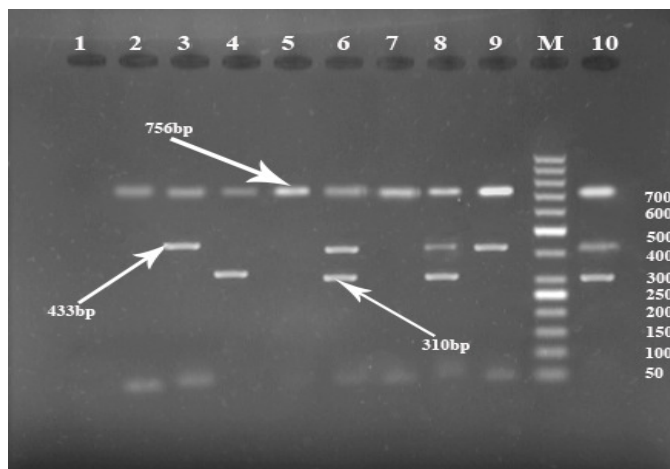
جدول ۱: الگوی فراوانی ایزوله های استافیلوکوک اورئوس بر اساس جنسیت و نمونه جدا شده

ایزوله بالینی استافیلوکوک اورئوس		جنس بیمار
تعداد = ۸۹		
خون تعداد=۶۳	زخم تعداد=۲۶	
۲۳ (۳۶/۵)	۱۷ (۶۵/۳۸)	مرد تعداد(درصد)
۴۰ (۶۳/۴۹)	۹ (۳۴/۶۱)	زن تعداد(درصد)

جدول ۲: الگوی فراوانی نسبی مقاومت آنتی بیوتیکی و پراکنش ژنتیکی *mecA* و *LPV* در ایزوله های بالینی استافیلوکوک اورئوس

سطح معنی داری	MRSS* (<i>mecA</i> -) (n=47)				MRSA* (<i>mecA</i> +) (n=42)				کد آنتی بیوتیک	آنتی بیوتیک
	<i>lukS/F-PV</i> (-) (تعداد=44)		<i>lukS/F-PV</i> (+) (تعداد=3)		<i>lukS/F-PV</i> (-) (تعداد=29)		<i>lukS/F-PV</i> (+) (تعداد=13)			
	مقاوم (درصد)	حساس (درصد)	مقاوم (درصد)	حساس (درصد)	مقاوم (درصد)	حساس (درصد)	مقاوم (درصد)	حساس (درصد)		
۰/۰۲۹	۰	(۱۰۰)۳۷	۰	(۱۰۰)۳	۰	(۱۰۰)۲۹	۰	(۱۰۰)۱۳	VA30C	ونکومايسين
۰/۰۰۳۴	(۲۷/۰۲)۱۰	(۸۹/۱۸)۳۳	۰	(۱۰۰)۳	(۳۱/۰۳)۹	(۷۱/۴۲)۲۱	(۶۹/۲۳)۹	(۳۰/۷۶)۴	CZ30C	سفازولين
۰/۰۰۱	(۹۰/۹)۴۰	(۹/۰۹)۴	(۱۰۰)۳	۰	(۹۶/۵۵)۳۸	(۳/۴)۱	(۹۲/۳)۱۲	(۷/۶)۱	E15C	اريترومايسين
۰/۰۰۴۵	(۹۷/۷۲)۴۳	(۲/۲)۱	(۱۰۰)۳	۰	(۱۰۰)۲۹	۰	(۱۰۰)۱۳	۰	PG10C	پنی سيلين-جی
۰/۰۰۵۱	(۷۰/۴۵)۳۱	(۲۹/۵۷)۱۲	(۱۰۰)۳	۰	(۱۰۰)۲۹	۰	(۶۹/۲۳)۹	(۳۰/۷۶)۴	T30C	تتراسايكلين
۰/۰۰۳۹	(۹۳/۸۱)۴۱	(۶/۸)۳	(۶۶/۶۶)۲	(۳۳/۳۳)۱	(۷۵/۸۶)۲۲	(۲۴/۱۳)۷	(۹۲/۳)۱۲	(۷/۶)۱	CIP5C	سيپروفلوکساسيد
۰/۰۰۲۹	(۱۳/۶۳)۶	(۸۶/۳۶)۳۸	۰	(۱۰۰)۳	(۴۴/۸۲)۱۳	(۵۵/۱۷)۱۶	(۵۳/۸۴)۷	(۶۱/۵۳)۸	CD2C	کليندامايسين
۰/۰۰۱۹	۰	(۱۰۰)۴۴	۰	(۱۰۰)۳	۰	(۱۰۰)۲۹	(۷/۶)۱	(۹۲/۳)۱۲	RP5C	ريفامپين

* MRSA: methicillin-resistant Staphylococcus aureus
 * MRSS: methicillin-susceptible Staphylococcus aureus
 * *lukS/F-PV*: Pantone-Valentine Leukocidin gen
 * *mecA*: methicillin-resistant Staphylococcus aureus gen



شکل ۱: تصویر الکتروفورز محصولات PCR ژن های *16SrRNA*, *LPV* و *mecA* با اندازه های ۷۵۶، ۳۳۳ و ۳۱۰ جفت باز نمونه های زخم و خون استافیلوکوک اورئوس.

۱: کنترل منفی. ۲ تا ۹: نمونه های مثبت و منفی و از نظر حضور ژن های مورد بررسی. M: مارکر ۵۰ جفت بازی. ۱۰: کنترل مثبت.

بحث

بدن می گذارند زمانی است که سویه های تولید کننده توکسین در خون یا زخم های سطحی و عمقی ایجاد عفونت می کنند. در این زمان علاوه بر دیدن عفونت های گسترده و توزیع سریع آن در بدن، شاهد

استافیلوکوک اورئوس از باکتری هایی می باشد که توانایی تولید توکسین های متنوعی را دارا می باشد (۲۱). بیشترین آسیبی که برخی توکسین ها بر

شوکه‌های سپتیک و واکنش‌های سریع از جانب سیستم ایمنی نیز خواهیم بود (۲۲). این توکسین‌ها گاهی علاوه بر این که شدت بیماری‌زا بودن باکتری چندین برابر افزایش می‌دهند، از قدرت عملکردی بالایی به باکتری در برابر آنتی‌بیوتیک‌ها برخوردار بوده و زمینه ساز ظهور سویه‌های جدید می‌شود (۲۱). بیشتر سویه‌های استافیلوکوک اورئوس، خصوصاً سویه MRSA، یکی از توکسین‌های توکسین‌اگزوفولیاتیو، انتروتوکسین‌های استافیلوکوکی، توکسین ۱ سندروم شوک توکسیک و توکسین لوکوسیدین پنتون والنن را تولید می‌کنند. مطالعه‌های متعدد نشان داده است که در سویه‌های استافیلوکوک اورئوس حساس به متی‌سیلین (MSSA)، هم می‌توان شاهد وجود ژن‌های مولد توکسین بود، اما در سویه‌هایی که دارای مقاومت به متی‌سیلین هستند به نسبت سویه‌های حساس دارای شدت بیماری‌زایی بالا و قدرت تهاجم بیشتری هستند، این امر را می‌توان در برخی توکسین‌های خاص از جمله توکسین لوکوسیدین پنتون والنن مشاهده کرد (۲۴).

در این مطالعه که بر روی سویه‌های استافیلوکوک اورئوس مقاوم به متی‌سیلین (MRSA) انجام شد، ردیابی ایزوله‌های‌هایی که قادر به تولید توکسین لوکوسیدین پنتون- والنن بودند، با موفقیت به نتیجه رسید. از نتایج به دست آمده در این پژوهش و با توجه به آنالیزهای آماری صورت گرفته، وجود ارتباط بین برخی توکسین‌ها و ژن‌های عامل مقاومت به برخی آنتی‌بیوتیک‌ها مشاهده شد. در بررسی‌های

اولیه بیشترین میزان ایزوله‌های جدا شده از زنان و از نمونه‌های خون بود. همچنین در این بررسی مشاهده شد که بیشترین نمونه‌های به دست آمده از نظر حضور ژن عامل لوکوسیدین پنتون- والنن متعلق نمونه‌های گرفته شده از زخم می‌باشد. از این نظر با نتایج گزارش شده به وسیله ملاعباس‌زاده و همکاران در تبریز و هوایی و همکاران در اصفهان کاملاً همخوانی داشت. این امر ممکن است به دلیل ویژگی ذاتی این توکسین باشد که در بخش‌هایی که حضور برخی گلبول‌های سفید مانند نوتروفیل‌ها افزایش پیدا می‌کند، می‌تواند حضور فعال‌تری داشته باشد و با لیز این سلول‌های تدافعی بدن از مرگ باکتری جلوگیری کند. با حضور فعال نوتروفیل در زخم و روند آبخاری التهاب این سلول‌ها می‌توان نتایج مطالعه‌های اخیر را توجیه کرد. بیشترین ایزوله‌های دارای ژن عامل مقاومت به متی‌سیلین هم از نمونه‌های زخم جداسازی شد که از این نظر با مطالعات ملاعباس‌زاده و همکاران در تبریز و هوایی و همکاران در اصفهان همخوانی ندارد (۲۸ و ۲۷). این موضوع را می‌توان به تفاوت سویه‌های جداسازی شده بر اساس تغییر الگوی جغرافیایی نسبت داد. چون در برخی مواقع با تغییر شرایط جغرافیایی مناطق مختلف و ظهور برخی جهش‌های مخرب و مفید برای حفظ بقای باکتری، ویژگی‌های باکتری را دستخوش تغییر قرار می‌دهد. در تعیین حساسیت آنتی‌بیوتیکی به طیف مختلفی از آنتی‌بیوتیک‌ها، هیچ گونه مقاومتی در برابر ونکومايسين مشاهده نشد که از این نظر با مطالعه

همکاران در لاتویا بیش از نیمی از ایزوله‌های استافیلوکوکوس اورئوس، واجد ژن *PVL* بودند و بیش از ۱۰ درصد از آنها *MSSA* بودند که از این نظر با نتایج به دست آمده در مطالعه حاضر هم‌خوانی دارد (۳۲). براوون و همکاران در آمریکا نشان دادند که بیش از ۷ درصد از نمونه‌های سویه استافیلوکوکوس اورئوس مورد بررسی دارای *LukSF/PV* است که از این نظر با پژوهش حاضر مطابقت دارد (۳۳).

در این مطالعه با بررسی‌های انجام شده و تجزیه و تحلیل‌های آماری، ارتباط معنی‌داری بین مقاومت‌های آنتی‌بیوتیکی و حضور ژن عامل تولید پنتون والننتین دیده شد، به طوری که با استناد به برخی آزمون‌های آماری، در سویه‌هایی که از نظر الگوی فنوتیپی به چندین آنتی‌بیوتیک مقاوم بودند (MDR)، از نظر حضور ژن *PVL* دارای فراوانی بیشتری بودند. این امر در سویه‌هایی که از نظر حضور ژن *mecA* مثبت بودند نیز مشاهد شد. این احتمال می‌رود که سویه‌های MDR استافیلوکوک که علاوه بر پنی‌سیلین و متی‌سیلین به برخی سفالوسپورین‌ها هم مقاوم شده‌اند، المنت‌های ژنی را به وسیله کاست ژنی *MCCmec* منتقل کنند که علاوه بر ایجاد مقاومت، می‌تواند ژن‌های عامل توکسین را نیز بین سویه‌های حساس منتقل کند. به این ترتیب وقتی سویه‌های حساس ژن‌های مقاومت را دریافت می‌کنند، زمینه برای دریافت ژن‌های تولید توکسین هم آماده می‌شود و در کنار مقاومت آنتی‌بیوتیکی، زمینه‌ساز

علیزاده و همکاران و امینی و همکاران هر دو در رفسنجان مطابقت نداشت (۳۰ و ۲۹). از لحاظ مقاومت به سایر آنتی‌بیوتیک‌ها از ۸۹ ایزوله مورد مطالعه ۲۸ (۳۱/۴۶ درصد) ایزوله به سفازولین، ۸۳ ایزوله به اریترومايسين (۹۱/۰۱ درصد)، ۸۷ ایزوله به پنی‌سیلین (۹۷/۷۵ درصد)، ۷۲ ایزوله به اریترومايسين (۸۰/۸۹ درصد)، ۳۹ ایزوله به سیپروفلوکساسین (۴۳/۸۲ درصد)، ۲۶ ایزوله به کلیندامایسین (۲۹/۲۱ درصد) و یک ایزوله (۱/۱ درصد) هم به ریفامپین مقاومت داشتند. همچنین بیشترین مقاومت آنتی‌بیوتیکی مربوط به پنی‌سیلین بود که بیش از ۹۰ درصد از ایزوله‌های جدا شده به این آنتی‌بیوتیک مقاومت داشتند. اریترومايسين و تتراسایکلین آنتی‌بیوتیک‌هایی بودند که بعد از پنی‌سیلین بیشترین مقاومت را نسبت به درمان از خود نشان دادند. این موارد با مشاهده‌های بازی و همکاران که در عربستان سعودی انجام شده است، هم‌خوانی دارد (۳۱). در مطالعه حاضر از بین ۸۹ ایزوله به دست آمده و شناسایی شده به عنوان استافیلوکوک اورئوس، ۴۷ ایزوله (۵۲/۸ درصد) از ایزوله‌ها دارای ژن *mecA* بودند. همچنین از نظر حضور ژن *LukSF/PV* در مجموع ۱۶ ایزوله (۱۷/۹۷ درصد) مثبت گزارش شدند که از این بین ۱۳ ایزوله دارای ژن *mecA* و ۳ ایزوله فاقد ژن *mecA* بودند. در مقایسه نتایج به دست آمده در این مطالعه با مطالعه‌های انجام شده در داخل و خارج کشور می‌توان با نتایج هم‌خوان و ناهم‌خوانی مواجه شد. در بررسی انجام شده به وسیله کوپان و

بروز بیماری‌های پوستی شدیدی هم می‌شوند (۲۴-۲۶). در مطالعه خسروی و همکاران شیوع ژن PVL در ایزوله‌های MRSA برابر با ۲/۷ درصد و در ایزوله‌های MSSA برابر با ۳/۳ درصد گزارش شد که با نتایج به دست آمده در این مطالعه مطابقت نداشت (۳۴). به طور کلی تفاوت نتایج به دست آمده در این بررسی می‌تواند به دلیل وجود اختلاف منطقه جغرافیایی و همچنین تغییر سویه‌ها و حتی زیر سویه‌ها در مناطق مختلف، باشد.

نتیجه‌گیری

این مطالعه که با هدف قرار دادن سویه‌های MRSA و ردیابی هم‌زمان ژن‌های *mecA* و *PVL* انجام شد، نشان از فراوانی ژن عامل توکسین لکوسیدین پنتون- والتین در ایزوله‌های جدا شده از نمونه‌های بالینی را داشت. البته به دلیل مقطعی بودن این مطالعه و عدم دسترسی به جامعه آماری گسترده و محدودیت‌های رخ داده در امر نمونه‌گیری، نمی‌توان نتایج حاصل از این بررسی را قانع کننده دانست و نیاز به مطالعه‌های بیشتر در بازه‌های زمانی بلندمدت، حس می‌شود. با از بین بردن این محدودیت‌ها علاوه بر این که می‌توان این ارتباط را در سویه‌های مقاوم با قطعیت بالاتری اثبات کرد، با شناسایی این سویه‌ها راه کارهای درمانی بهتر و سریع‌تری را در برابر باکتری‌های مقاوم می‌توان اتخاذ کرد.

تقدیر و تشکر

این مقاله حاصل قسمتی از طرح تحقیقاتی مصوب معاونت محترم تحقیقات و فناوری بوده و از محل بودجه طرح‌های تحقیقاتی این معاونت تأمین اعتبار شده است. نویسندگان این مقاله از مسئولین محترم آزمایشگاه میکروبی‌شناسی دانشکده پزشکی دانشگاه علوم پزشکی زاهدان و هم‌چنین از کارشناسان بخش میکروبی‌شناسی بیمارستان علی‌ابن‌ابی‌طالب زاهدان به دلیل همکاری آنان، کمال تشکر را دارند.

REFERENCES

1. Dash N, Panigrahi D, Al Zarouni M, Yassin F, Al-Shamsi M. Incidence of community-acquired methicillin-resistant *Staphylococcus aureus* carrying Pantone-Valentine leucocidin gene at a referral hospital in United Arab Emirates. *APMIS: Acta Pathologica, Microbiologica, Etimmunologica Scandinavica* 2014; 122(4): 341-6.
2. Turner CE, Sriskandan S. Pantone-Valentine leucocidin expression by *Staphylococcus aureus* exposed to common antibiotics. *The Journal of Infection* 2015; 71(3): 338-46.
3. Shrestha B, Singh W, Raj VS, Pokhrel BM, Mohapatra TM. High prevalence of Pantone-Valentine leucocidin (PVL) genes in nosocomial-acquired *Staphylococcus aureus* isolated from tertiary care hospitals in Nepal. *BioMed Research International* 2014; 20(14): 350-790.
4. Day NP. Pantone-Valentine leucocidin and staphylococcal disease. *The Lancet Infectious diseases* 2013; 13(1): 5-6.
5. Hu Q, Cheng H, Yuan W, Zeng F, Shang W, Tang D, et al. Pantone-Valentine leucocidin (PVL)-positive health care-associated methicillin-resistant *Staphylococcus aureus* isolates are associated with skin and soft tissue infections and colonized mainly by infective PVL-encoding bacteriophages. *J Clin Microbiol* 2015; 53(1): 67-72.
6. Vandroux D, Brulliard C, Hoarau N, Allou N, Allou-Coolen N, Antok E, et al. Pantone-Valentine leucocidin-positive methicillin susceptible *Staphylococcus aureus* necrotizing pneumonia at Reunion Island. *Med Mal Infect* 2015; 45(7): 297-300.
7. Cakir Aktas N, Erturan Z, Karatuna O, Karahasan Yagci A. Pantone-Valentine leucocidin and biofilm production of *Staphylococcus aureus* isolated from respiratory tract. *Journal of Infection in Developing Countries* 2013; 7(11): 888-91.
8. Sheikh HQ, Aqil A, Kirby A, Hossain FS. Pantone-Valentine leucocidin osteomyelitis in children: a growing threat. *Br J Hosp Med(Lond)* 2015; 76(1): 18-24.
9. Mesrati I, Saidani M, Ennigrou S, Zouari B, Ben Redjeb S. Clinical isolates of pantone-valentine leucocidin- and gamma-haemolysin-producing staphylococcus aureus: prevalence and association with clinical infections. *The Journal of Hospital Infection* 2010; 75(4): 265-8.
10. Otto M. Pantone-Valentine leucocidin antibodies for the treatment of MRSA skin infections?. *Expert Rev Anti Infect Ther* 2011; 9(4): 389-92.
11. Ozekinci T, Dal T, Yanik K, Ozcan N, Can S, Tekin A, et al. Pantone-Valentine leucocidin in community and hospital-acquired strains. *Biotechnol Biotechnol Equip* 2014; 28(6): 1089-94.
12. Dormanesh B, Sirosbakhshat S, Khodaverdi Darian E, Afsharkhas L. Methicillin-Resistant staphylococcus aureus isolated from various types of hospital infections in pediatrics: pantone-valentine leucocidin, staphylococcal chromosomal cassette mec sccmec phenotypes and antibiotic resistance properties. *Jundishapur Journal of Microbiology* 2015; 8(11): 11341.
13. Havaei SA, Ahmadpour M, Poursina F, Ruzbahani M, Assadbeigi B. The prevalence of pantone-valentine leucocidin gene in staphylococcus aureus isolated from alzahra hospital Isfahan, Iran. *J Isfahan Med Sch* 2015; 32(31) :219-29.
14. Seyedmonir E, Yilmaz F, Içgen B. MecA gene dissemination among staphylococcal and non-staphylococcal isolates shed in surface waters. *Bulletin of Environmental Contamination and Toxicology* 2015; 95(1): 131-8.
15. Nastase E, Dorneanu O, Vremera T, Logigan C, Miftode E, Dorobat CM. MecA and pvl genes detection in *Staphylococcus aureus* strains isolated from lower respiratory tract infections. *Revista Medico-Chirurgicala a Societatii de Medici si Naturalisti Din Lasi* 2010; 114(4): 1162-8.
16. Kitao T, Ishimaru M, Nishihara S. Detection of biofilm-producing and methicillin resistance genes in *Staphylococcus epidermidis* isolated from healthy humans and in blood culture tests. *Journal of Infection and Chemotherapy* 2010; 16(3): 170-3.
17. Martins A, Riboli DFM, Camargo CH, Pereira VC, de Almeida Sampaio R, de Souza da Cunha MdLR. Antimicrobial resistance and persistence of *Staphylococcus epidermidis* clones in a Brazilian university hospital. *Diagnostic Microbiology and Infectious Disease* 2013; 77(2): 164-8.
18. Argudín MA, Vanderhaeghen W, Butaye P. Antimicrobial resistance and population structure of *Staphylococcus epidermidis* recovered from pig farms in Belgium. *The Veterinary Journal* 2015; 203(3): 302-8.

19. Vanderhaeghen W, Vandendriessche S, Crombé F, Dispas M, Denis O, Hermans K, et al. Species and staphylococcal cassette chromosome mec (SCCmec) diversity among methicillin-resistant non-Staphylococcus aureus staphylococci isolated from pigs. *Veterinary Microbiology* 2012; 158(1-2): 123-8.
20. Higashide M, Kuroda M, Ohkawa S, Ohta T. Evaluation of a cefoxitin disk diffusion test for the detection of mecA-positive methicillin-resistant Staphylococcus saprophyticus. *International Journal of Antimicrobial Agents* 2006; 27(6): 500-4.
21. Muttaiyah S, Coombs G, Pandey S, Reed P, Ritchie S, Lennon D, et al. Incidence, risk factors, and outcomes of Pantone-Valentine leukocidin-positive methicillin-susceptible Staphylococcus aureus infections in Auckland, New Zealand. *J Clin Microbiol* 2010; 48(10): 3470-4.
22. Yoong P. Immunomodulation by the Pantone-Valentine leukocidin can benefit the host during Staphylococcus aureus infections. *Virulence* 2013; 4(1): 92-6.
23. Grumann D, Nubel U, Broker BM. Staphylococcus aureus toxins--their functions and genetics. Infection, genetics and evolution. *Journal of Molecular Epidemiology and Evolutionary Genetics in Infectious Diseases* 2014; 21(5) :83-92.
24. Imani Fooladi AA, Ashrafi E, Tazandareh SG, Koosha RZ, Rad HS, Amin M, et al. The distribution of pathogenic and toxigenic genes among MRSA and MSSA clinical isolates. *Microbial Pathogenesis* 2015; 8(1): 60-6.
26. Srinivasan A, Bankowski MJ, Seifried SE, Jinno S, Perkins R, Singh S, et al. A probe-based method for confirmation of methicillin-resistant Staphylococcus aureus and detection of Pantone-Valentine leukocidin and tst virulence genes. *Diagnostic Microbiology and Infectious Disease* 2011; 70(4): 541-3.
26. Hu DL, Omoe K, Inoue F, Kasai T, Yasujima M, Shinagawa K, et al. Comparative prevalence of superantigenic toxin genes in methicillin-resistant and methicillin-susceptible Staphylococcus aureus isolates. *Journal of Medical Microbiology* 2008; 57(9): 1106-12.
27. Molla-abbaszadeh H, Moba yen H, Mirzaei H. Identification of pantone valentine leukocidin (pvl) genes in staphylococcus aureus isolated from in-patients of emam reza and shohada hospitals of tabriz by real-time PCR. *Iranian Journal of Medical Microbiology* 2013; 6(4): 72-80.
28. Havaei SA, Ahmadpour M, Poursina F, Ruzbahani M, Assadbeigi B. The prevalence of pantone-valentine leukocidin gene in staphylococcus aureus isolated from alzahra hospital, Isfahan, Iran. *J Isfahan Med Sch* 2015; 32(31)-219-29.
29. Kord Z, Amini K, Parviz M. Determining the Frequency of pantone-valentine leukocidin (pvl), and collagen-binding protein (can) in staphylococcus aureus strains isolated from clinical specimens and antibiotic resistance: a short report. *J Rafsanjan Univ Med Sci* 2015; 14(8): 701-8.
30. Alizadeh S, Amini K. Identification of Virulence Gene Pantone Valentine Leukocidin (PVL) and Resistance to Methicillin (mecA) in Staphylococcus Aureus Isolated from Clinical Specimens: A Short Report. *J Rafsanjan Univ Med Sci* 2015; 14(5): 427-34.
31. Bazzi AM, Rabaan AA, Fawarah MM, Al-Tawfiq JA. Prevalence of Pantone-Valentine leukocidin-positive methicillin-susceptible Staphylococcus aureus infections in a Saudi Arabian hospital. *J Infect Public Health* 2015; 8(4): 364-8.
32. Tseng CW, Biancotti JC, Berg BL, Gate D, Kolar SL, Muller S, et al. Increased Susceptibility of humanized nsg mice to pantone-valentine leukocidin and staphylococcus aureus skin infection. *PLoS Pathogens* 2015; 11(11): 1005-292.
33. Brown ML, O'Hara FP, Close NM, Mera RM, Miller LA, Suaya JA, et al. Prevalence and sequence variation of pantone-valentine leukocidin in methicillin-resistant and methicillin-susceptible staphylococcus aureus strains in the United States. *J Clin Microbiol* 2012; 50(1): 86-90.
34. Khosravi AD, Hoveizavi H, Farshadzadeh Z. The prevalence of genes encoding leukocidins in Staphylococcus aureus strains resistant and sensitive to methicillin isolated from burn patients in Taleghani Hospital, Ahvaz, Iran. *Burns* 2012; 38(2): 247-51.

The Study of Pantone Valentin Leukocidin (PVL) Gene in Methicillin-resistant Staphylococcus Aureus Isolated from Blood and Wound in Zahedan, Iran

Tahmasebi H¹, Bokaeian M

¹Department of Microbiology, Zahedan University of Medical Science, Zahedan, Iran

Received: 30 Apr 2016

Accepted: 29 Aug 2016

Abstract

Background & aim: Pantone-Valentine leukocidin (PVL) is a *Staphylococcus aureus* gamma toxin. There may be a link between Methicillin-Resistant *Staphylococcus aureus* and Pantone-Valentine leukocidin (PVL), as an important cytotoxin found particularly in severe infections. The purpose of this study was to isolate and identify *Staphylococcus aureus* virulence Pantone-Valentine leukocidin (PVL) and methicillin resistance genes in clinical samples using PCR techniques.

Methods: In the present cross-sectional study, 89 isolates were collected from blood samples and detected as *Staphylococcus aureus* during the period of 6 months at Ali Ebne AbiTaleb Hospital, Zahedan, Iran. Initially, the case study examples were examined by biochemical tests. Then, based on recognized standards, *Staphylococcus aureus* isolates were isolated. Afterwards, isolates obtained were confirm by using 16srRNA gene. Subsequently, the antibiotic susceptibility of all isolates to methicillin was determined using Cefoxitin(30µg) disk diffusion and agar screening methods. Finally, the PCR method was used to determine PVL and mecA genes. All results were analyzed by the Chi-square test.

Results: Out of the total 89 isolates of *Staphylococcus aureus* blood isolates, 26 isolates from wounds and 63 were isolated. Most samples were obtained from female patients. According to the molecular analysis, 47 isolates (82/52%) were mecA gene and resistant to methicillin and 42 strains (47/2%) was methicillin-sensitive. Resistance to vancomycin wasn't observed in isolates. Erythromycin and Penicillin had the highest prevalence of antibiotic resistance among isolates, respectively. Multi-resistant strains were the most PLV genes frequent. A significant relationship was observed between the resistance and the presence of Pantone Valentin ($P \geq 0 / 05$).

Conclusions: Due to the frequency of mecA and PLV genes in resistant and susceptible strains of *Staphylococcus aureus*, and also the distribution of Pantone Valentin gene in resistant strains; therefore, based on the statistical analysis, we can conclude that there may be a connection between these two factors ($P \geq 0 / 05$).

Keywords: Pantone-Valentine leucocidin(PVL), *Staphylococcus aureus*, Antibiotic resistance

Corresponding author: Tahmasebi H, Department of Microbiology, Zahedan University of Medical Science, Zahedan, Iran

Email: h.tahmasebi87@yahoo.com

Please cite this article as follows:

Tahmasebi H, Bokaeian M. The Study of Pantone Valentin Leukocidin (PVL) Gene in Methicillin-resistant *Staphylococcus Aureus* Isolated from Blood and Wound in Zahedan, Iran. *Armaghane-danesh* 2016; 21 (6): 591-604.